

Quakes

Grupo: Americo Freitas, Arleks dos Santos e Luciano Ozorio

2022-05-08

Summary

```
summary(quakes)
```

```
##          lat          long          depth          mag
## Min.    :-38.59   Min.    :165.7   Min.    : 40.0   Min.    :4.00
## 1st Qu. :-23.47   1st Qu. :179.6   1st Qu. : 99.0   1st Qu. :4.30
## Median :-20.30   Median :181.4   Median :247.0   Median :4.60
## Mean   :-20.64   Mean    :179.5   Mean    :311.4   Mean    :4.62
## 3rd Qu. :-17.64   3rd Qu. :183.2   3rd Qu. :543.0   3rd Qu. :4.90
## Max.    :-10.72   Max.    :188.1   Max.    :680.0   Max.    :6.40
##
## stations
## Min.    : 10.00
## 1st Qu. : 18.00
## Median : 27.00
## Mean    : 33.42
## 3rd Qu. : 42.00
## Max.    :132.00
```

```
cor(quakes)
```

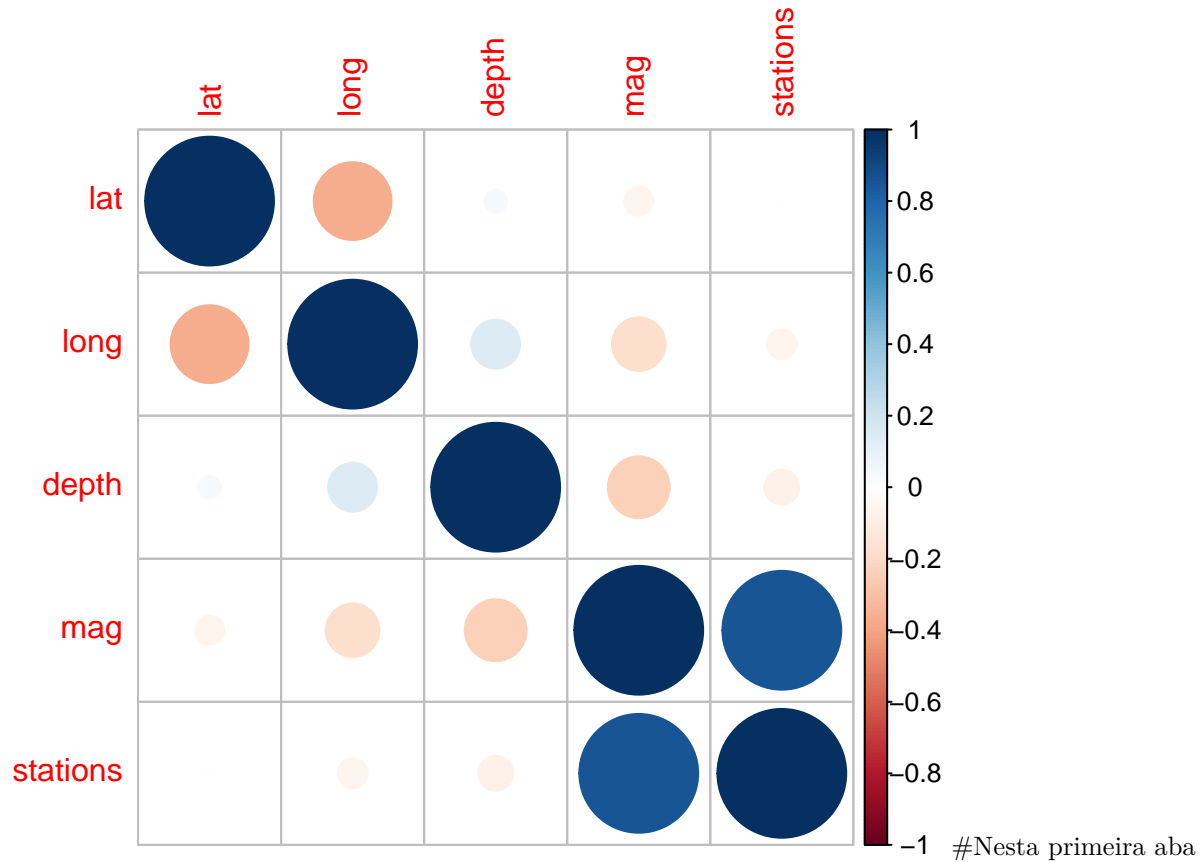
```
##          lat          long          depth          mag          stations
## lat      1.000000000 -0.36454404  0.03102583 -0.05046165 -0.002220645
## long     -0.364544037  1.000000000  0.14444341 -0.17306726 -0.053512460
## depth     0.031025831  0.14444341  1.000000000 -0.23063770 -0.073515097
## mag       -0.050461651 -0.17306726 -0.23063770  1.000000000  0.851182422
## stations -0.002220645 -0.05351246 -0.07351510  0.85118242  1.000000000
```

#Para melhorar a visualização dessa matriz de correlação com a função corrplot. #Quanto maior o círculo maior a correlação entre as variáveis. #Além disso, quanto mais azul escuro, mais próxima a correlação fica de 1, #que significa que além de forte a correlação é positiva. #Equivalentemente quanto mais próximo de vermelho escuro, mais próxima a #correlação fica de -1, que significa que além de forte a correlação é negativa.

```
library(corrplot)
```

```
## corrplot 0.92 loaded
```

```
corrplot(cor(quakes), method = "circle")
```



```
mod = lm(mag ~ ., data = quakes)
summary(mod)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = mag ~ ., data = quakes)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -0.62156 -0.13401 -0.00419  0.12857  0.79298
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  5.731e+00  1.878e-01  30.514 < 2e-16 ***
## lat         -7.690e-03  1.308e-03  -5.879 5.63e-09 ***
## long        -9.452e-03  1.096e-03  -8.627 < 2e-16 ***
## depth       -2.726e-04  2.878e-05  -9.473 < 2e-16 ***
## stations     1.531e-02  2.795e-04  54.777 < 2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 0.1928 on 995 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.7719, Adjusted R-squared:  0.7709
## F-statistic: 841.6 on 4 and 995 DF,  p-value: < 2.2e-16
```

```
mod1=step(mod, direction = "backward")
```

```
## Start: AIC=-3287.54
## mag ~ lat + long + depth + stations
##
##           Df Sum of Sq      RSS      AIC
## <none>                36.974 -3287.5
## - lat           1      1.284  38.258 -3255.4
## - long           1      2.765  39.739 -3217.4
## - depth          1      3.335  40.309 -3203.2
## - stations      1    111.500 148.474 -1899.3
```

```
summary(mod1)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = mag ~ lat + long + depth + stations, data = quakes)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -0.62156 -0.13401 -0.00419  0.12857  0.79298
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  5.731e+00  1.878e-01  30.514 < 2e-16 ***
## lat         -7.690e-03  1.308e-03  -5.879 5.63e-09 ***
## long        -9.452e-03  1.096e-03  -8.627 < 2e-16 ***
## depth       -2.726e-04  2.878e-05  -9.473 < 2e-16 ***
## stations     1.531e-02  2.795e-04  54.777 < 2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 0.1928 on 995 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.7719, Adjusted R-squared:  0.7709
## F-statistic: 841.6 on 4 and 995 DF, p-value: < 2.2e-16
```

```
#####Análise de Resíduos
```

```
anares <- rstandard(mod)
par(mfrow=c(2,2))
aov(mod)
```

```
## Call:
## aov(formula = mod)
##
## Terms:
##              lat          long        depth  stations Residuals
## Sum of Squares    0.41268    6.85144    6.32537 111.50030  36.97406
## Deg. of Freedom      1          1          1          1      995
##
## Residual standard error: 0.1927689
## Estimated effects may be unbalanced
```

```
av=aov(mod)
av
```

```
## Call:
```

```
## aov(formula = mod)
##
## Terms:
##          lat      long    depth  stations Residuals
## Sum of Squares  0.41268  6.85144  6.32537 111.50030  36.97406
## Deg. of Freedom      1        1          1         1    995
##
## Residual standard error: 0.1927689
## Estimated effects may be unbalanced
```

```
plot(av)
```

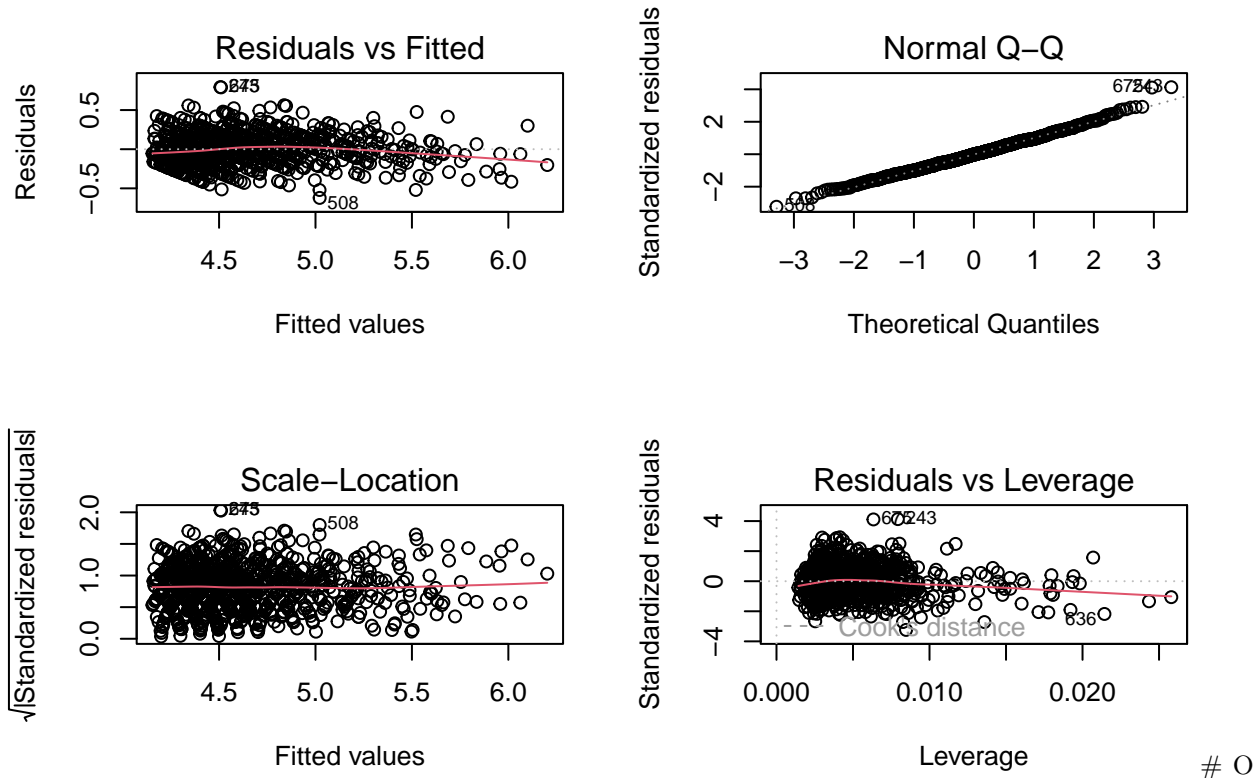
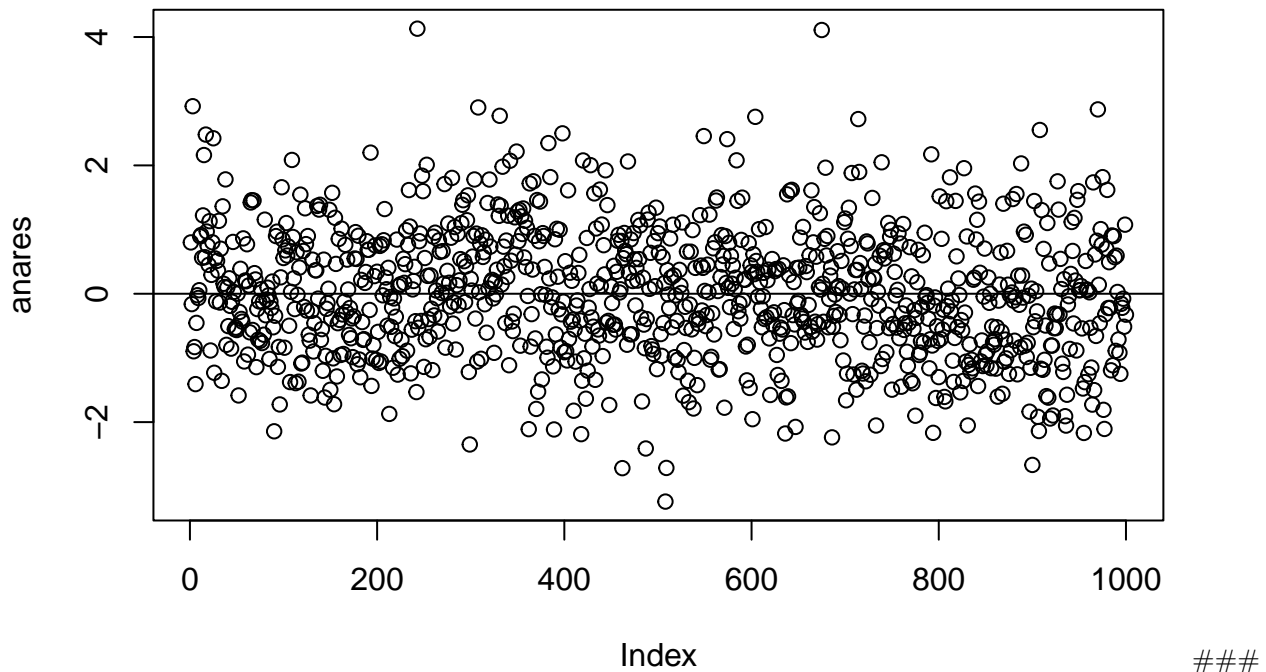


gráfico (Residual vs. Fitted) mostra indícios da presença de não-linearidades no modelo # O gráfico Q-Q dos resíduos padronizados, é usado para verificação da normalidade dos resíduos. No nosso caso, tomamos como hipótese nula a normalidade dos resíduos.

```
plot(anares)
abline(0,0)
```



Teste formais de Normalidade

```
library(nortest)
ad.test(anares)
```

```
##
##  Anderson-Darling normality test
##
## data:  anares
## A = 0.50785, p-value = 0.1992
```

#A hipótese nula para o teste AD é que os dados seguem uma distribuição normal. Nesse caso, nosso valor p é 0.1992. Como isso não está abaixo do nosso nível de significância (digamos 0,05), não temos evidências suficientes para rejeitar a hipótese nula. É seguro dizer que nossos dados seguem uma distribuição normal.

```
shapiro.test(anares)
```

```
##
##  Shapiro-Wilk normality test
##
## data:  anares
## W = 0.99617, p-value = 0.01446
```

#O valor p do teste acaba sendo 0.01446 . Como esse valor é menor que 0,05, temos evidências suficientes para dizer que os dados da amostra não vêm de uma população com distribuição normal.

Teste formal de Homocedasticidade

```
library(zoo)
```

```
##
## Attaching package: 'zoo'
## The following objects are masked from 'package:base':
##
##   as.Date, as.Date.numeric
```

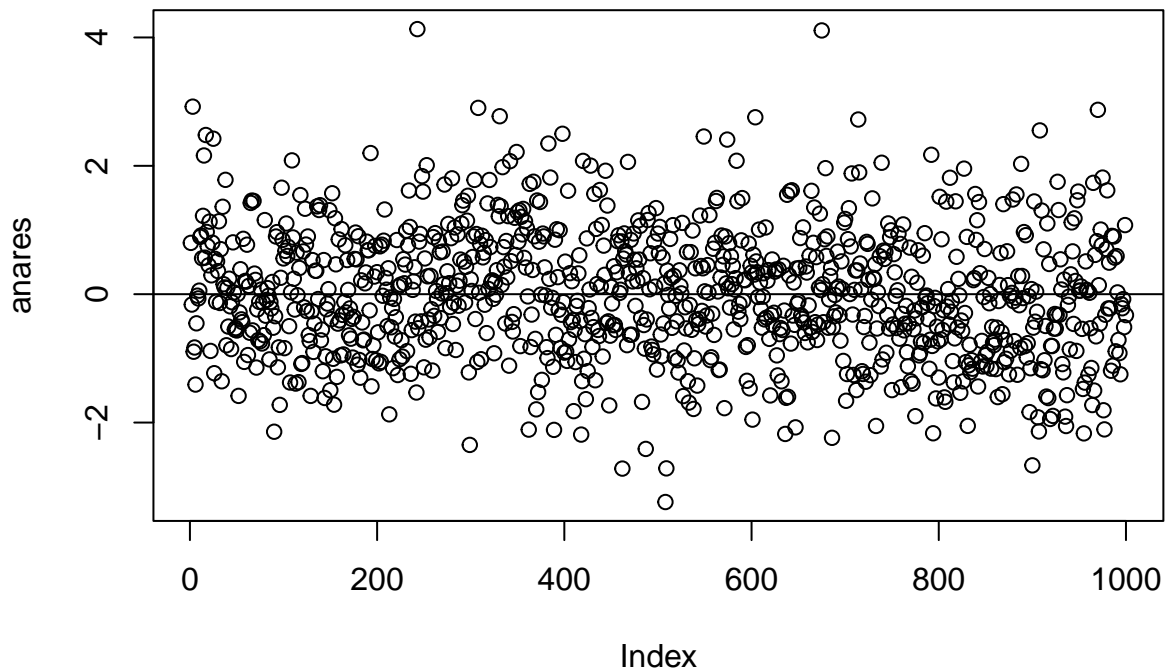
```
library(lmtest)
bptest(mod)
```

```
##
## studentized Breusch-Pagan test
##
## data: mod
## BP = 6.7019, df = 4, p-value = 0.1525
```

#A estatística de teste é 6.7019 e o valor p correspondente é 0.1525 . Como o valor de p não é menor que 0,05, não rejeitamos a hipótese nula. Não temos evidências suficientes para dizer que a heterocedasticidade está presente no modelo de regressão.

Teste de Autocorrelação - Gráfico

```
plot(anares)
abline(0,0)
```



Teste formal de Autocorrelação

```
dwtest(mod)
```

```
##
## Durbin-Watson test
##
## data: mod
## DW = 1.9414, p-value = 0.1751
## alternative hypothesis: true autocorrelation is greater than 0
```

#A partir da saída, podemos ver que a estatística de teste é 1.9414 e o valor p correspondente é 0.1751 . Como esse valor de p é maior que 0,05, não podemos rejeitar a hipótese nula e concluir que os resíduos nesse modelo de regressão não são autocorrelacionados.

“““