

# Simulation de particules sur architectures parallèles

Il s'agit de paralléliser à l'aide d'OpenMP puis d'OpenCL une application de simulation de particules dans un domaine en trois dimensions, en calculant des interactions à courte distance entre particules. Le déroulement de la simulation pourra être visualisé en « temps réel » grâce à un rendu OpenGL des particules. Une version séquentielle naïve du code vous est fournie, ainsi que la partie visualisation, de façon à ce que vous puissiez uniquement vous focaliser sur l'accélération des calculs en parallèle.

## 1 Premiers pas

### 1.1 On essaye tout de suite !

Copiez le répertoire `~rnamyst/etudiants/pmg/Particules` sur votre compte. Dans le répertoire `fichiers/`, il vous faut d'abord générer le Makefile automatique à l'aide de `cmake` :

```
mkdir build
(cd build ; cmake ..)
```

Ensuite vous pouvez compiler :

```
(cd build ; make)
```

Si tout va bien, le binaire `bin/atoms` est construit. **Affichez l'aide en ligne** en tapant `./bin/atoms -h`. Affichez la liste des périphériques disponibles avec l'option `-l`. Voici un exemple d'affichage obtenu :

```
[rnamyst@happycl] ./bin/atoms -l
[INFO] 2 OpenCL platforms detected
[INFO] Platform 0: Intel(R) OpenCL (Intel(R) Corporation)
[INFO] --- Device 0 : CPU [Intel(R) Xeon(R) CPU E5-2680 v2 @ 2.80GHz] (mem size: 62.99GB, max wg: 8192)
[INFO] Platform 1: NVIDIA CUDA (NVIDIA Corporation)
[INFO] --- Device 1 : GPU [Tesla K20c] (mem size: 5.00GB, max wg: 1024)
[INFO] --- Device 2 : GPU [Quadro K5000] (mem size: 4.00GB, max wg: 1024)
```

Puisque seuls les CPU nous intéressent dans un premier temps, c'est le « *Device 0* » qui sera notre cible dans les exécutions qui suivent. Attention, sur votre machine, ce n'est peut-être pas le numéro 0...

Pour lancer une exécution séquentielle (option `-s`) sur le *Device 0* en affichant le mouvement des particules de manière interactive (option `-o`), on utilisera la commande suivante :

```
./bin/atoms -v -s 0 -o 0
```

Normalement, un ensemble d'une centaine d'atomes apparaît dans une fenêtre OpenGL. Vous pouvez alors :

- changer l'angle de vue à la souris (cliquer-déplacer) ;
- taper `>` (resp. `<`) pour zoomer (resp. dézoomer) ;
- taper `+` (resp. `-`) pour accélérer (resp. ralentir) la simulation ;
- taper `m` pour activer/désactiver le mouvement des atomes ;
- taper `q` ou la touche *Escape* pour quitter l'application.

### 1.2 Structure de la simulation

Le code source de la simulation est organisé au sein d'une bibliothèque rassemblant les fonctions de simulation et de visualisation des particules. Le fichier `main.c` du programme sert à analyser les options de la ligne de commande, à éventuellement charger la configuration initiale depuis un fichier, et à lancer la boucle principale de la simulation. La bibliothèque est organisée de la façon suivante :

<code>sotl.c</code>	Point d'entrée principal de la bibliothèque, ce fichier rassemble les fonctions appelables depuis le programme principal. Il est également en charge de découvrir les accélérateurs disponibles (pour OpenCL) et d'initialiser la bibliothèque.
<code>atom.c</code>	Gestion des atomes.
<code>domain.c</code>	Gestion du domaine 3D contenant les atomes.
<code>seq.c</code>	Implémentation séquentielle de la simulation. C'est probablement le premier fichier à regarder, à modifier pour comprendre son fonctionnement, etc.
<code>openmp.c</code>	Fichier dans lequel vous implémenterez la version OpenMP de la simulation. Les fonctions de ce module seront appelées lorsque l'option <code>--omp</code> sera utilisée en ligne de commande (voir aide en ligne du programme).
<code>window.c</code>	Initialisation d'OpenGL et boucle principale de rafraichissement d'écran.
<code>vbo.c</code>	Gestion des points et des triangles destinés à l'affichage OpenGL. Normalement, vous n'aurez pas besoin de consulter/modifier ce module. On peut même très bien vivre sans l'avoir regardé...
<code>ocl.c</code>	Initialisation et gestion des différentes structures liées à OpenCL. Il est utile d'y jeter un oeil pour comprendre quels sont les <i>buffers</i> alloués sur la carte graphique pour les besoins de cette simulation.
<code>ocl_kernels.c</code>	Ensemble des « <i>wrappers</i> » permettant d'exécuter les noyaux OpenCL.
<code>physics.cl</code>	Code OpenCL des noyaux qui s'exécuteront sur la carte graphique.

Pour vous familiariser avec le cœur de l'application, regardez dans `sotl.c` la fonction `sotl_main_loop` et suivez les fonctions appelées dans `seq.c`.

### 1.3 Positions et coordonnées des atomes

Pour calculer le résultat des interactions entre atomes, on mémorise pour chaque atome sa position  $(x, y, z)$  et sa vitesse  $(dx, dy, dz)$ . Pour simplifier, on considère que la vitesse d'un atome est calibrée de manière à ce qu'à chaque itération de la simulation,  $(dx, dy, dz)$  représente le vecteur qu'il faut ajouter à la position d'un atome pour obtenir sa position à l'itération suivante.

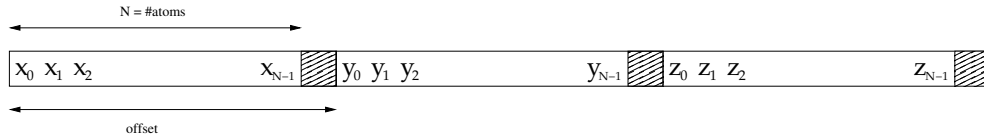


FIGURE 1 – Pour améliorer la performance des accès mémoire sur les accélérateurs, les tableaux `pos_buffer` et `speed_buffer` sont agencés de la manière illustrée ci-dessus : une première tranche contient les coordonnées  $x$  ( $dx$  pour `speed_buffer`), une seconde contient les  $y$  et la troisième contient les  $z$ . La taille totale de chaque tranche est agrandie de manière à correspondre à un multiple de 16 éléments. Le nombre d'atomes d'un ensemble `set` d'atomes est `set.natoms`. La taille totale d'une tranche est contenue dans `set.offset`.

L'application mémorise la position des atomes et leur vitesse dans deux tableaux distincts, respectivement nommés `pos` et `speed` dans la structure `atom_set` (définie dans `atom.h`).

### 1.4 Mouvement des particules

Regardez le code de la fonction `seq_move` (dans `seq.c`) : c'est celle-ci qui met à jour, à chaque itération, les positions de tous les atomes en fonction de leur vitesse. Notez qu'il s'agit d'une addition de vecteurs...

### 1.5 Visualisation

Pour les besoins de la visualisation, un *buffer* OpenGL nommé `vbo_buffer` (« *Vertex Buffer Object* ») contient les coordonnées de chaque point utilisé pour afficher un atome. Ce tableau contient une suite de triplets  $(x, y, z)$  (chaque coordonnée étant de type `float`). Les `vertices_per_atom`  $\times 3$  floats forment donc les coordonnées du premier atome, etc<sup>1</sup>.

1. Cette façon de stocker les coordonnées n'est pas forcément idéale pour les noyaux OpenCL que nous écrirons ultérieurement, mais elle est imposée par OpenGL.

## 1.6 Exercice 1 : Rebond sur les parois du domaine

Dans chaque fichier de configuration, en plus des coordonnées des atomes, sont définies les coordonnées de deux points `min_ext` et `max_ext` délimitant le parallélogramme rectangle contenant tous les atomes.

Afin de garantir que les atomes restent dans ce parallélogramme, nous allons les faire rebondir sur les parois à chaque fois qu'ils entrent en collision avec l'une d'elles.

Écrivez la fonction `seq_bounce` qui teste, pour chaque atome, la collision avec l'un des bords. Si le centre d'un atome franchit un bord, il faut inverser la composante vitesse qui est orthogonale à ce bord. Par exemple, pour tester le rebond sur le sol, il faut pour chaque atome comparer  $y$  et  $y_{min\_ext}$  et, en cas de collision, multiplier la composante vitesse  $dy$  par  $-1$ .

## 1.7 Exercice 2 : action de la gravité

La gravité est une force, son action contribue à l'accélération de toute particule en accélérant de  $g$  sa vitesse verticale vers le bas. Intégrer la gravité à votre simulation. On entrera la lettre `g` pour mettre en action la gravité lors de la simulation.

Pour le fun. Le vecteur `extern float normalized_vert[3]` désigne la verticale lorsque l'on bouge le domaine à la souris. Utilisez ce vecteur pour appliquer la gravité en fonction de la position du domaine à l'écran.

## 1.8 Potentiel de Lennard Jones

De nombreux phénomènes physiques entrent en jeu lorsqu'il s'agit de modéliser les interactions entre atomes au sein d'un gaz, d'un solide ou d'un liquide (cf [http://fr.wikipedia.org/wiki/Potentiel\\_interatomique](http://fr.wikipedia.org/wiki/Potentiel_interatomique)).

Nous nous intéresserons ici au potentiel de Lennard-Jones, qui capture à la fois les phénomènes d'attractions entre atomes lorsqu'ils sont distants, et les phénomènes de répulsion lorsqu'ils sont trop proches (effets quantiques). L'intensité  $F_{ij}$  de la force exercée par un atome  $j$  sur un atome  $i$  est donnée par la formule suivante :

$$F_{ij} = \begin{cases} 24 \frac{\epsilon}{r} \left( \left( \frac{\sigma}{r} \right)^6 - \left( \frac{\sigma}{r} \right)^{12} \right) & \text{si } r \leq r_c \\ 0 & \text{sinon.} \end{cases} \quad (1)$$

ou  $r$  est la distance entre  $i$  et  $j$ .  $\sigma$  et  $\epsilon$  sont des constantes choisies en fonction des caractéristiques physiques du matériau simulé. Notez que  $\sigma$  représente la distance à laquelle l'interaction entre les atomes est nulle.

Lorsque la distance entre deux atomes excède un seuil nommé *rayon de coupure* ( $r_c$ ), les forces sont négligées.

$$\vec{F}_{i*} = \sum_{j \neq i} F_{ij} \cdot \hat{u}_{ij} \text{ avec } \hat{u}_{ij} = \frac{\vec{ij}}{r} \quad (2)$$

L'implémentation des interactions entre atomes est effectuée dans la fonction `seq_force`. Notez que les distances entre atomes sont effectuées pour tous les couples d'atomes, d'où un temps d'exécution en  $O(n^2)$ . Notez aussi que, bien qu'il aurait suffi de calculer qu'une seule fois l'intensité de la force pour chaque paire d'atomes, elle est ici calculée deux fois, une fois par atome. Pourquoi selon vous ?

Essayez cette implémentation séquentielle avec un fichier de configuration contenant un nombre modéré d'atomes, tel que `choc1.conf` :

```
./bin/atoms -v -s 0 -o 0 conf/choc1.conf
```

Appuyez sur `f`, puis sur `m...`

## 2 Parallélisation avec OpenMP

Inspirez-vous des fonctions de `seq.c` pour implémenter celles de la version OpenMP. Parallélisez les fonctions<sup>2</sup> au niveau des boucles. Dans un second temps on essaiera de réduire les appels au pragma

---

2. Pas seulement la fonction `seq_force`

**parallel.**

Testez visuellement votre nouvelle version (avec le fichier `choc1.conf` par exemple), puis mesurez les performances en mode *batch*. Par exemple :

```
./bin/atoms -v --omp 0 -i 10 -n 1k
```

Modifiez les couleurs des atomes de façon à colorier les atomes selon le threads qui les a traités. Visualiser l'effet des différentes politiques de scheduling.

Ensuite on travaillera sur la localité des accès aux données : il s'agira de mettre en œuvre une stratégie de type « *first touch* » pour placer physiquement les données à proximité des cœurs qui les écrivent.