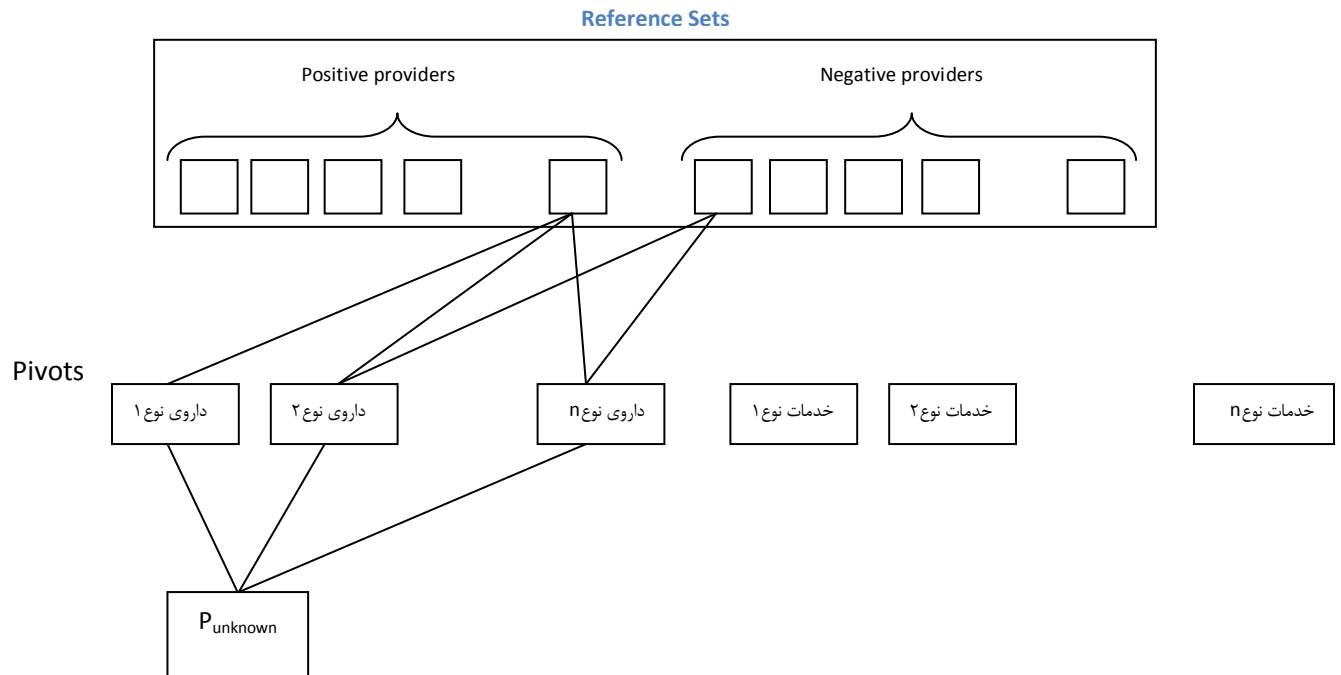


بخش اول: تشکیل بردار رفتار



= بردار رفتار p_1

(میزان تجویز داروی نوع 1 و میزان تجویز داروی نوع 2 و ... و میزان تجویز داروی نوع n و میانگین خدمات HCPCS1 و میانگین خدمات HCPCS2 و ... و میانگین خدمات HCPCS_n)

= بردار رفتار p_2

(میزان تجویز داروی نوع 1 و میزان تجویز داروی نوع 2 و ... و میزان تجویز داروی نوع n و میزان HCPCS1 و میزان HCPCS2 و ... و میانگین خدمات HCPCS_n)

...

= بردار رفتار p_N

(میزان تجویز داروی نوع 1 و میزان تجویز داروی نوع 2 و ... و میزان تجویز داروی نوع n و میزان HCPCS1 و میزان HCPCS2 و ... و میانگین خدمات HCPCS_n)

بخش دوم : معیارهای مشابهت/ استخراج ویژگی ؟

ما میانگین K نزدیکترین عضو هر مجموعه را گرفته و سه ویژگی تولید میکنیم :

- مشابهت منفی (negative-similarity) : میانگین شباهت به K نزدیکترین عضو مجموعه مرجع منفی
- مشابهت مثبت (positive-similarity) : میانگین شباهت به K نزدیکترین عضو مجموعه مرجع مثبت
- نسبت مشابهت منفی و مثبت (neg-sim-ratio) : نسبت ویژگی های ۱ و ۲ بهم

تکرار این محاسبات برای هر دو نوع محور ، ۶ ویژگی مقداردهی شده واقعی تولید میکند :

۱. مشابهت منفی HCPCS

۲. مشابهت مثبت HCPCS

۳. نسبت مشابهت HCPCS (کد درمان)

۴. مشابهت منفی دارو

۵. مشابهت مثبت دارو

۶. نسبت مشابهت دارو

بخش سوم : محاسبه مشابهت میان بردارهای رفتار

بخش چهارم: تعیین برچسب $P_{unknown}$