Nama: Ananda Fitri Karimah

NIM : 1301170774

Kelas : IFIK - 41- 01

## A. Analisis

Genetic Algorithm (GA) ini adalah algotima yang di dasar kan, atau di konsepkan berdasarkan genetika yang ada pada biologi. Sehingga tahapan-tahapan yang adapun dinamakan seperti saat ingin mengawinkan 2 genetika yang akan di sebut *crossover* kedepannya pada laporan ini. Pada tugas kecerdasan buatan kali ini diberikan sebuah fungsi untuk mencari nilai minimum.

$$f(x_1, x_2) = \left(4 - 2.1x_1^2 + \frac{x_1^4}{3}\right)x_1^2 + x_1x_2 + (-4 + 4x_2^2)x_2^2$$

dengan batasan  $-3 \le x_1 \le 3$  dan  $-2 \le x_2 \le 2$ .

## B. Strategi Penyelesaian Masalah

Strategi penyelesaian masalah yang untuk mendapatkan nilai optimal pada permasalahan ini dengan menggunakan metode *genetic algorithm* (GA), algoritma ini banyak dipilih dikarenakan variasi yang banyak sehingga kita sebagai pengamat bisa mendapatkan sampel yang banyak dan bervariasi. Selain itu pula *genetic algorithm* (GA) ini dalam menyelesaikan masalahnya tidak di selesaikan per satu masalah, namun diselesaikan secara jamak/populasi. Adapun tahapan pemecahan masalahnya adalah berikut

- 1. Cari kromosom dengan panjang yang telah di tentukan terlebih dahulu, dan sebanyak populasi yang telah di tentukan pula, disini saya <u>set kromosom dengan</u> panjang 6 dan populasi sebanyak 4.
- 2. Carilah nilai phenotype x1 dan x2 per masing-masing kromosom, dikarenakan saya memilih untuk memakai biner sebagai isi dari kromosom maka rumus yang digunakan adalah berikut.

$$x = r_{min} + \frac{r_{max} - r_{min}}{\sum_{i=1}^{N} 2^{-i}} (g_1 * 2^{-1} + g_1 * 2^{-2} + \dots + g_N * 2^{-N})$$

- 3. Setelah mendapatkan nilai phenotype masukkan x1 dan x2 kedalam fungsi.
- 4. Lalu, nilai yang dihasil kan oleh fungsi dimasukkan kedalam rumus fitness, dikarenakan fungsi disini untuk mencari nilai minimum, makan rumus fitness yang di gunakan adalah

• Minimizing the objective function 
$$f = \frac{1}{h+a} \qquad \qquad f = \frac{1}{h_1 + h_2 + \dots + h_n + a}$$

- 5. Lalu, dilanjutkan dengan pencarian parent. Disini terdapat banyak metode, disini saya memilih <u>menggunakan metode Roullette Wheel Selection</u>, dengan memilih probabilitas kromosom yang paling tinggi diantara yang kromosom yang lain.
- 6. Setelah mendapatkan parent, selanjutnya adalah tahap crossover. Metode slicing saya disini dengan <u>cara merandom angka dari 0 sampai panjang dari kromosom saya</u>, sehingga setiap perulangan slicing akan bervariasi dan lebih

optimal. <u>Parent yang saya set disini adalah 2</u>. Sebenarnya dengan banyaknya parent dapat membuat variasi dari data akan banyak dan mengoptimalkan hasil yang akan didapatkan

```
def randomindex (randomslice) :
    import random
    listrandomslice = []
    for i in range (randomslice) :
        p = random.randrange(1,7)
    return p

    crossover pada indeks ke- 3
    Hasil crossover =
    [0, 1, 1, 0, 0, 1]
    [1, 0, 0, 1, 1, 1]
```

- 7. Lalu, setelah mendapatkan crossover dari parent 1 dan parent 2, <u>saya memutasi</u> anak dari hasil crossover dengan cara merandom lagi angka dari komputer dengan keluaran angka desimal, sehingga apabila angka random yang dikeluarkan itu adalah angka dari 0 sampai dengan probabilitas mutasi maka, biner yang 0 akan diubah menjadi 1 dan sebaliknya
- 8. Lalu regenerasi dengan cara mengganti kromosom parent dengan kromosom anak yang telah dimutasi kedalam variable bersama dengan kromosom yang tidak terpilih menjadi parent. Disini saya <u>set regenerasi sebanyak sekali</u>, dan setelah ini dipilih kromosom dengan fitness teroptimal(disini minimum adalah yang optimal).

```
KESIMPULAN:
Dengan Fitness = -0.5064942892444926
sehingga adalah kromosom terbaik
Jatuh pada kromosom ke - 3
dengan x1 = [0, 0, 1]
dengan x2 = [0, 0, 0]
```

## C. Hasil Running Program

```
| Rromosom ke-2 = [1, 0, 0, 1, 1, 1] |
| Phenothype x1 ke-2 = 1.285714285142856 |
| Phenothype x2 ke-2 = 2.0 |
| Fitness individu ke-2 = 0.018837051102317 |
| Rromosom ke-3 = [1, 0, 1, 0, 1, 1] |
| Phenothype x1 ke-3 = 0.428571428514284 |
| Phenothype x2 ke-3 = -0.285714285714285 |
| Fitness individu ke-3 = 0.428571428514284 |
| Phenothype x2 ke-3 = -0.285714285714285 |
| Fitness individu ke-3 = 0.08518598998666 |
| Rromosom ke-4 = [0, 0, 0, 0, 0, 0] |
| Phenothype x1 ke-4 = -3.0 |
| Phenothype x1 ke-4 = -3.0 |
| Phenothype x2 ke-4 = -2.0 |
| Fitness individu ke-3 = -0.085649717514124294 |
| Total Probabilitas = 0.4042373336935036 |
| Haail Probabilitas = 0.404237333693504 |
| Haail Crossover = 0.040823507405699 |
| Letak Parent 1 = 0.04182507405699 |
| Letak Parent 2 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 2 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 2 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 3 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 4 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 5 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 6 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 7 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent 9 = 0.04082507405699 |
| Letak Parent
```

```
| Recompose | Figure | Color |
```