# language: pt
#encoding: utf-8

## Funcionalidade: Valida retorno de pedidos AOLWS (versão 4.3.3)

Eu como usuário Quero acessar o servico AOLWS Para validar retorno de relacionados ao pedido efetuado features/requests feature:10 @data\_validar\_retorno\_amostras Cenário: Validar se as amostras enviadas são idênticas às recebidas Dado que eu realize uma solicitação features/step\_definitions/requestaolws.rb:10 Quando receber a resposta da solicitação Então os dados são validados com sucesso features/step\_definitions/requestaolws.rb:17 undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError) ./features/page/Comum.rb:667:in `validar\_amostras'
./features/step\_definitions/requestaolws.rb:19:in `/^os dados são validados com sucesso\$/' features/requests.feature:13:in `Então os dados são validados com sucesso'./features/page/Comum.rb:667:in `validar\_amostras' ./features/step\_definitions/requestaolws.rb:19:in `/^os dados são validados com sucesso\$/' features/requests.feature:13:in `Então os dados são validados com sucesso' ./features/page/Comum.rb:667:in `validar\_amostras' ./reatures/page/comum.rb:ob/:in Validar\_amostras /features/step\_definitions/requestaolws.rb:19:in `/^os dados são validados com sucesso\$/' features/requests.feature:13:in `Então os dados são validados com sucesso' #O restante abaixo guarda o código de retorno cada qual em sua posição
retornocodigo1 = Nokogiri::XML(\$resposta\_solicitacao.body)
retornocodigo2=retornocodigo1.xpath('//exame')[0]["exame"].to\_s 666 667 #puts retornocodigo2
retornocodigo3=retornocodigo1.xpath('//exame')[1]["exame"].to\_s 668 @data\_validar\_retorno\_amostras\_com\_leucocitos Cenário: Validar se ocorre retorno de dados para amostra com leucócitos Dado que eu realize uma solicitação com atributos leucocitos preenchido Quando receber a resposta do pedido realizado features/step\_definitions/requestaolwsleuco.rb:9 Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso features/step\_definitions/requestaolwsleuco.rb:16 undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError) ./features/page/Comum.rb:717:in `validar retorno leucocitos' ./features/step\_definitions/requestaolwsleuco.rb:18:in '/os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso\$/' features/requests.feature:19:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso' ./features/page/Comum.rb:717:in `validar\_retorno\_leucocitos' ./features/step\_definitions/requestaolwsleuco.rb:18:in `/^os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso\$/ features/requests.feature:19:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso ./features/page/Comum.rb:717:in `validar\_retorno\_leucocitos' ./features/step\_definitions/requestaolwsleuco.rb-18:in `/^os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso\$/'features/requests.feature:19:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos são validados com sucesso' # Acessar a tag solicitação com xpath na sua posição inicial, # depois acessar o atributo incluido enviocodigo3=enviocodigo2.xpath('//solicitacao')[0]["incluido"].to\_s #retirar espaços
enviocodigo4=enviocodigo3.gsub(/\s+/,"") @data\_validar\_retorno\_amostras\_sem\_leucocitos Cenário: Validar se ocorre retorno de dados para amostra sem leucócitos Dado que eu realize uma solicitação com atributos leucocitos vazio Quando receber a resposta do pedido realizado para leucocitos em branco  $features/step\_definitions/requestaolwsleucovazio.rb:8$ Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso features/step\_definitions/requestaolwsleucovazio.rb:15 undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError) ./features/page/Comum.rb:736:in `validar\_retorno\_leucocitos\_branco'
./features/step\_definitions/requestaolwsleucovazio.rb:17:in `/os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:25:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso\$/'
features/page/Comum.rb:736:in `validar\_retorno\_leucocitos\_branco'
./features/step\_definitions/requestaolwsleucovazio.rb:17:in `/os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:25:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso\$/' ./features/page/Comum.rb:736:in `validar\_retorno\_leucocitos\_branco'
./features/step\_definitions/requestaolwsleucovazio.rb:17:in `\^os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso\$/' features/requests.feature:25:in `Então os dados referente a solicitação com atributo leucocitos em branco são validados com sucesso' # Acessar a tag solicitação com xpath na sua posição inicial, # depois acessar o atributo incluido 735 enviocodigo4=enviocodigo3.xpath('//solicitacao')[0]["incluido"].to\_s #retirar espaços enviocodigo5=enviocodigo4.gsub(/\s+/,"") @data validar retorno amostras leucocitos um caractere Cenário: Validar se ocorre retorno de dados para amostra com leucócitos preenchido com um caractere Dado que eu realize uma solicitação com atributos leucocitos contendo um caractere Quando receber a resposta do pedido realizado para leucocitos preenchido com um caractere features/step\_definitions/requestaolwsleucoumcaractere.rb:15 Então os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError) ./features/page/Comum.rb:755:in `validar\_retorno\_leucocitos\_um\_caractere' ./features/page/Comum.rb:755:in 'validar\_retorno\_leucocitos\_um\_caractere'.
/features/step\_definitions/requestaolwsleucoumcaractere.rb:17:in '/os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:31:in 'Então os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso'
./features/page/Comum.rb:755:in 'validar\_retorno\_leucocitos\_um\_caractere'
./features/step\_definitions/requestaolwsleucoumcaractere.rb:17:in '/os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:31:in 'Então os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso'
./features/spage/Comum.rb:755:in 'validar\_retorno\_leucocitos\_um\_caractere'
./features/step\_definitions/requestaolwsleucoumcaractere.rb:17:in '/os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:31:in 'Então os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso\$/'
features/requests.feature:31:in 'Então os dados para atributo leucocitos contendo um caractere são validados com sucesso\$/'

```
# Acessar a tag solicitação com xpath na sua posição inicial,
# depois acessar o atributo incluido
enviocodigo?=enviocodigo6.xpath('//solicitacao')[0]["incluido"].to_s
                   #retirar espaços
enviocodigo8=enviocodigo7.gsub(/\s+/,"")
@data_validar_retorno_amostras_sem_tag_leucocitos
Cenário: Validar se ocorre retorno de dados para amostra sem tag leucócito
     Dado que eu realize uma solicitação sem tag leucocitos
      Quando receber a resposta do pedido realizado para leucocitos sem tag
                                                                                                                                                                                                                              features/step_definitions/requestaolwsleusemtag.rb:8
      Então os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso
                                                                                                                                                                                                                             features/step_definitions/requestaolwsleusemtag.rb:15
      undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError)
         ./features/page/Comum.rb:774:in `validar_retorno_amostras_envio_sem_tag_leucocitos'
./features/step_definitions/requestaolwsleusemtag.rb:17:in `/^os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso$/'
features/requests.feature:37:in `Então os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso'
         features/requests.features/sin Entao os dados para atributo leucocitos sem tag sao validados com sucesso ./features/page/Comum.rb:774:in 'validar_retorno_amostras_envio_sem tag_leucocitos' ./features/step_definitions/requestaolwsleusemtag.rb:17:in '/os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso$/' features/requests.features/7:in 'Então os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso' ./features/page/Comum.rb:774:in 'validar_retorno_amostras_envio_sem tag_leucocitos' ./features/step_definitions/requestaolwsleusemtag.rb:17:in '/os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso$/'
          features/requests.feature:37:in `Então os dados para atributo leucocitos sem tag são validados com sucesso
                   # Acessar a tag solicitação com xpath na sua posição inicial, # depois acessar o atributo incluido
         73
                    enviocodigo10=enviocodigo9.xpath('//solicitacao')[0]["incluido"].to_s
                    #retirar espaços
                   enviocodigo11=enviocodigo10.gsub(/\s+/,"")
@data validar inclusao exclusao lotes amostras
Cenário: Validar se lote é incluido e excluído com sucesso, bem como se sua amostra é excluída, e se mnmonico é enviado, e se retorna codigoBarras, iddestino e idac
     Dado que eu realize uma solicitação de inclusão de exame
      Quando receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes
                                                                                                                                                                                                                           features/step definitions/requestincluirexcluirlotes.rb:11
       undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError)
            features/page/Comum.rb:511:in `enviar_solicitacao6_JSON'
          ./features/page/Comum.rb:511:in `cuari_sorintactaoo_goson'.
./features/step_definitions/requestincluirexcluirlotes.rb:20:in `/^receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes$/'
features/requests.feature:43:in `Quando receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes'
./features/page/Comum.rb:511:in `enviar_solicitacao6_JSON'
         ./features/step_definitions/requestincluirexcluir/lotes.rb:20:in '/^receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes$/'
features/requests.feature:43:in 'Quando receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes'
./features/page/Comum.rb:511:in 'enviar_solicitacao6_JSON'
./features/step_definitions/requestincluirexcluirlotes.rb:20:in '/^receber a resposta do pedido realizado para inclusão e exclusão de lotes$/'
features/requests.feature:43:in 'Quando receber a resposta do pedido realizado para inclusão de lotes'
                  # Acessar a tag solicitação com xpath na sua posição inicial,
# depois acessar o atributo incluido
        510
                  $guardacodbarras=guardacod.xpath('//amostra')[0]["codigoBarras"].to_s
      E os dados codigoBarras, idAcondicionamento e idDestino validados com sucesso
                                                                                                                                                                                                                           features/step_definitions/requestincluirexcluirlotes.rb:37
      E o idlote e mnemonico validados com sucesso
      E a amostra do lote enviado é removida com
      sucesso
                                                                           Então o lote é removido com sucesso
                                                                                                                                                                                                                           features/step_definitions/requestincluirexcluirlotes.rb:45
  data_validar_retorno_paciente_acima_60caracteres
      ário: Validar se ocorre retorno de dados com erro, ao enviar solicitação com paciente acima de 60 carac
      Dado que eu realize uma solicitação com paciente acima de 60 caracteres
                                                                                                                                                                                                                           features/step_definitions/requestaolws61caracteres.rb:1
      Quando receber a resposta do pedido enviado com paciente acima de 60
                                                                                                                    Então o retorno exibe mensagem que impede a entrada de paciente com mais que sessenta caracteres
@data validar retorno exame incluido excluido
Cenário: Validar se ocorre retorno de dados com sucesso, ao incluir/excluir e
      Dado que eu realize uma solicitação para inclusão de exame
      Quando receber a resposta do pedido enviado para inclusão de
                                                                                                                                                                                                                features/step_definitions/requestaolwsincluirexcluirexames.rb:16
       undefined method `[]' for nil:NilClass (NoMethodError)
          ./features/page/Comum.rb:891:in `validar idalvaro
         ./features/page/Comum.rb:891:in `validar_idalvaro'
./features/step_definitions/requestaolwsincluirexcluirexames.rb:18:in `/^o retorno for inclusão com sucesso$/'
features/requests.feature:59:in `E o retorno for inclusão com sucesso'
./features/page/Comum.rb:891:in `validar_idalvaro'
./features/step_definitions/requestaolwsincluirexcluirexames.rb:18:in `/^o retorno for inclusão com sucesso$/'
features/requests.feature:59:in `E o retorno for inclusão com sucesso'
./features/page/Comum.rb:891:in `validar_idalvaro'
./features/step_definitions/requestaolwsincluirexcluirexames.rb:18:in `/^o retorno for inclusão com sucesso$/'
          features/requests.feature:59:in `E o retorno for inclusão com sucesso
                  enviocodigo29 = Nokogiri::XML($resposta_solicitacao10_XML_incluiexame.body)
#guarda idalvaro e valida
guardaidalvaro=enviocodigo29.xpath('//solicitacao')[0]["idAlvaro"].to_s
guardaridalvaro-guardaidalvaro.gsub(/\s+/,"")
       890
       891
       892
       893
                    #puts $quardaridalvaro
      E realizo outra solicitação para exclusão de exame
      Então o exame é excluído com sucesso
   lata_validar_retorno_exame_paternidade
      Dado que eu realize uma solicitação para inclusão de exame de paternidade
      Quando receber a resposta do pedido enviado para inclusão de exame de
                                                                                                                                                                                                                     features/step definitions/requ
                                                                                                                      E o retorno do primeiro bloco é descrição igual a mãe, exame igual a pat e incluído igual a true
```

E o retorno do segundo bloco é descrição igual a filho, exame igual a par	t e incluído igual a true	features/step_definitions/requestaolwsincluirpaternidade.rb:19
Então o retorno do terceiro bloco é descrição igual a possível pai, exame	e igual a pat e incluído igual a true	features/step_definitions/requestaolwsincluirpaternidade.rb:25
@data_validar_resultados_exames		features/requests.feature:72
Cenário: Validar se dados dos resultados de exames estão retornando corretamente		
Dado que eu realize uma solicitação para retorno de resultados de		features/step_definitions/requestaolwsresultadoexame.rb:2
exames	Quando receber a resposta da solicitação referente ao resultado do exame	features/step_definitions/requestaolwsresultadoexame.rb:9
Então os dados referentes ao resultado de exames são validados com		features/step_definitions/requestaolwsresultadoexame.rb:15
SUCESSO SUCESSO		