

Alineamiento caso de Atitlán

En NCBI Descargar en .FASTA los siguientes números de acceso:
AAL83528.1 (Mougeotia sp.), AKR07121.1 (Coelastrum sp.)
.AZC47602.1 (Pediastrum boryanum), CBL80842.1 (Lyngbya Limnographis robusta), BAG04611.1 (Mycoris Aeruginosa), CAG15258.1 (Aphanizomeon),
AAF88162.1 (Arabidopsis thaliana), AAH00440.1 (Homo Sapiens),
NP_001285508.1 (Drosophila melanogaster).

Abrir el navegador de DNASTAR y seleccionar "Multiple sequence alignment"

Seleccionar "New project"

Seleccionar "File", luego "Add sequences end-to end" y seleccionar las secuencias descargadas .

Seleccionar "Add" y dirigir a carpeta de descargas con los archivos. Se puede modificar el "Group name" con nombre de especie.

Seleccionar "Align" y luego con el algoritmo deseado, en este caso "Align using MUSCLE"

Las estadísticas serán mostradas en los botones de abajo

Fin