

Mustererkennung - Aufgabenblatt 06

André Hacker und Dimitri Schachmann

1. PCA

Implementierungs

Für diese Aufgabe haben wir die Hauptkomponentenanalyse in Matlab implementiert. Da die Hauptkomponenten schlicht die Eigenvektoren der Kovarianzmatrix der Daten sind, ist die Funktion ganz einfach:

```
% computes the principal components for the given data  
% r = eigenvectors of the covariance matrix  
function r = principalComponents(data)  
    covarMatrix = cov(data);  
    [r eigen_values] = eig(covarMatrix);  
end
```

Wenn man nun die Eigenvektoren hat, dann müssen die Daten in die entsprechende Basis transformiert werden. Dafür haben wir eine Funktion geschrieben, mit der man zusätzlich die Anzahl der Dimensionen auswählen kann. Es wird angenommen, dass die längsten Eigenvektoren ganz rechts in der Matrix sind, also so, wie eig() sie liefert.

```
% transform data to a new basis, given by eigenspace (eigenvectors)  
function r = transformData(eigenspace, data, dim)  
    r = (eigenspace(:,end-dim+1:end)'*data)';  
end
```

Man darf auch nicht vergessen die Daten vor der Analyse zu standardisieren:

```
% Standardize data by subtracting the mean and deviding by the standard  
% deviation  
function r = standardize(samples)  
    m = mean(samples);  
    sd = std(samples);  
    for i = 1:size(samples,1)  
        samples(i,:) = (samples(i,:) - m) ./ sd;  
    end  
    r = samples;  
end
```

Schließlich haben wir das ganze getestet, also die Fisher Diskriminante mit den ursprünglichen (aber normierten) Daten laufen lassen und dann noch 16 mal für jeweil 1 bis 16 Dimensionen anhand der PCA.

```
function new_fisher  
    % —————  
    % TASK 1  
    % —————  
    % Load the data  
    tra = load('pendigits.tra');  
    tes = load('pendigits.tes');
```

```

fid = fopen('task1-results.txt','w');

% We standardize the data to adjust for large differences in absolute
% feature values
tmp = standardize(tra(:,1:end-1));
tra = [tmp tra(:,end)];
tmp = standardize(tes(:,1:end-1));
tes = [tmp tes(:,end)];

% here we learn the fisher discriminant using the training data and test
% it with the test data. We get a matrix of pairwise recognition success
% rates for the pendigits
m = test_fisher(tra, tes);

% calculate the average success rate
sr = fisher_success_rate(m);
fprintf(fid, 'Raw_Data_Mean_Success_Rate: %.3f%%\n', 100*sr);

for dim = 1:16
    save_tra = tra;
    save_tes = tes;

    pcs = principalComponents(tra(:,1:end-1));
    tmp = transformData(pcs, tra(:,1:end-1), dim);
    tra = [tmp tra(:,end)];

    tmp = transformData(pcs, tes(:,1:end-1), dim);
    tes = [tmp tes(:,end)];

    m = test_fisher(tra, tes);
    sr = fisher_success_rate(m);
    fprintf(fid, 'PCA_Dimensions: %.0f_Mean_Success_Rate: %.3f%%\n', dim, 100*sr);
    tra = save_tra;
    tes = save_tes;
end
end

```

Die test.fisher() Funktion ermittelt die durchschnittliche Erfolgsrate mit der Fisher Diskriminante.

```

% compute and test the fisher discriminant
function result = test_fisher(tra, tes)

result = zeros(10,10);

for n = 1:9
    for m = n+1:10
        i = n - 1;
        j = m - 1;
        classes = [i j];
        sampel0 = filterByClass(tra, i);
        sampel0 = sampel0(:,1:end-1);
        sampel1 = filterByClass(tra, j);
        sampel1 = sampel1(:,1:end-1);

```

```

testdata = [filterByClass(tes, i); filterByClass(tes, j)];

% compute multivariate distribution parameters in feature space
mu0 = mean(sampel0);
sigma0 = cov(sampel0);
mu1 = mean(sampel1);
sigma1 = cov(sampel1);

a = fisherDiscriminant(mu0, sigma0, mu1, sigma1);

% compute new mean/variance for 1d distribution on the fisher
% discriminant
psigma0 = a * sigma0 * a';
psigma1 = a * sigma1 * a';
pmu0 = project(mu0, a);
pmu1 = project(mu1, a);

% test with test data
projection = project(testdata(:,1:end-1), a);

% compute the propabilties for each test sample and the two classes.
P = [gaussDensity(pmu0, psigma0, projection) ...
     gaussDensity(pmu1, psigma1, projection) ];

[maxValue maxIndex] = max(P,[],2);

% contains the predicted classes
class = classes(maxIndex)';

% computes the success rate of prediction
success = analyze([class testdata(:,end)]);
result(n,m) = success;
end
end
end

```

Die Fisher Diskriminate wird gewohnt wie folgt berechnet:

```

function direction = fisherDiscriminant( mean1, covar1, mean2, covar2 )
    u = (mean1 - mean2) / (covar1 + covar2);
    direction = u / norm(u);
end

```

Der Vollständigkeit halber sind im folgenden weitere Hilfsfunktionen zu sehen:

```

function p = gaussDensity(mu, sigma, data)
    normalize = 1 / (sqrt(2*pi) * sigma);
    p = zeros(size(data,1), 1);
    for i=1:size(data,1)
        p(i) = normalize * exp( -(data(i)-mu)^2 / (sigma^2) );
    end
end
end

```

```

function r = filterByClass(samples , c)
    r = samples(ismember(samples(:,end),c),:);
end

function p = project(x, a)
    if (size(x,1)>1)
        p = dot(x, repmat(a, size(x,1),1), 2);
    else
        p = dot(x,a);
    end
end

function success = analyze(isVsShould)

    hit = 0;
    miss = 0;

    misses = zeros(10,10);
    hits = zeros(1,10);

    for k = 1:size(isVsShould, 1)
        if isVsShould(k,1) == isVsShould(k,2)
            hit = hit +1;
            hits(isVsShould(k,2)+1) = hits(isVsShould(k,2)+1) + 1;
        else
            miss = miss + 1;
            misses(isVsShould(k,1)+1,isVsShould(k,2)+1) = misses(isVsShould(k,1)+1,isVsShould(k,2)+1);
        end;
    end;

    success = 1-(miss/(hit+miss));
end

function r = fisher_success_rate(s)
    r = 0;
    for n = 1:9
        for m = n+1:10
            r = r + s(n,m);
        end
    end
    r = r / (9*10/2);
end

```

Auswertung

Wir haben festgestellt, dass in diesem Fall die Hauptkomponentenanalyse die, schon ausgezeichneten, Erkennungsraten nicht deutlich verbessert, aber bei geringerem Rechenaufwand auch nicht viel verschlechtert. Die durchschnittlichen Erkennungsraten sind im folgenden zu sehen:

Raw Data Mean Success Rate: 98.408%
 PCA Dimensions: 1 Mean Success Rate: 78.586%
 PCA Dimensions: 2 Mean Success Rate: 85.584%
 PCA Dimensions: 3 Mean Success Rate: 92.128%
 PCA Dimensions: 4 Mean Success Rate: 93.478%
 PCA Dimensions: 5 Mean Success Rate: 94.881%
 PCA Dimensions: 6 Mean Success Rate: 95.474%
 PCA Dimensions: 7 Mean Success Rate: 96.399%
 PCA Dimensions: 8 Mean Success Rate: 97.169%
 PCA Dimensions: 9 Mean Success Rate: 97.653%
 PCA Dimensions: 10 Mean Success Rate: 97.906%
 PCA Dimensions: 11 Mean Success Rate: 97.839%
 PCA Dimensions: 12 Mean Success Rate: 97.960%
 PCA Dimensions: 13 Mean Success Rate: 98.349%
 PCA Dimensions: 14 Mean Success Rate: 98.370%
 PCA Dimensions: 15 Mean Success Rate: 98.401%
 PCA Dimensions: 16 Mean Success Rate: 98.408%

Es ist gut zu sehen, dass die Erkennungsrate für PCA mit allen Dimensionen die gleiche ist, wie die ohne PCA. Das ist verständlich, denn in diesem Fall unterscheiden sich die Daten nur in der Rotation.

Im folgenden noch die paarweisen Erfolgsraten. Erstmal ohne PCA:

	1	2	3	4	5	6	7	8	9
0	0.9807	0.9876	0.9986	0.9986	0.9670	0.9957	0.9835	0.9342	0.9771
1	0	0.9643	0.9914	0.9945	0.9957	0.9971	0.9313	1.0000	0.9043
2	0	0	0.9971	0.9973	0.9785	1.0000	0.9945	0.9971	0.9986
3	0	0	0	0.9986	0.9896	0.9970	0.9771	0.9970	0.9866
4	0	0	0	0	1.0000	0.9900	0.9766	0.9971	0.9971
5	0	0	0	0	0	0.9940	0.9571	0.9642	0.9642
6	0	0	0	0	0	0	0.9914	0.9926	0.9985
7	0	0	0	0	0	0	0	0.9971	0.9557
8	0	0	0	0	0	0	0	0	0.9970

Und jetzt mit PCA und 10 Dimensionen:

	1	2	3	4	5	6	7	8	9
0	0.9807	0.9986	0.9986	0.9959	0.9642	0.9900	0.9807	0.9285	0.9742
1	0	0.9245	0.9757	0.9959	0.9957	0.9914	0.9327	0.9786	0.8757
2	0	0	1.0000	1.0000	0.9943	1.0000	0.9821	0.9929	0.9986
3	0	0	0	0.9957	0.9836	0.9970	0.9714	0.9955	0.9762
4	0	0	0	0	0.9814	0.9957	0.9753	0.9900	0.9971
5	0	0	0	0	0	0.9791	0.9742	0.9419	0.9508
6	0	0	0	0	0	0	1.0000	0.9911	0.9896
7	0	0	0	0	0	0	0	0.9743	0.9529
8	0	0	0	0	0	0	0	0	0.9955

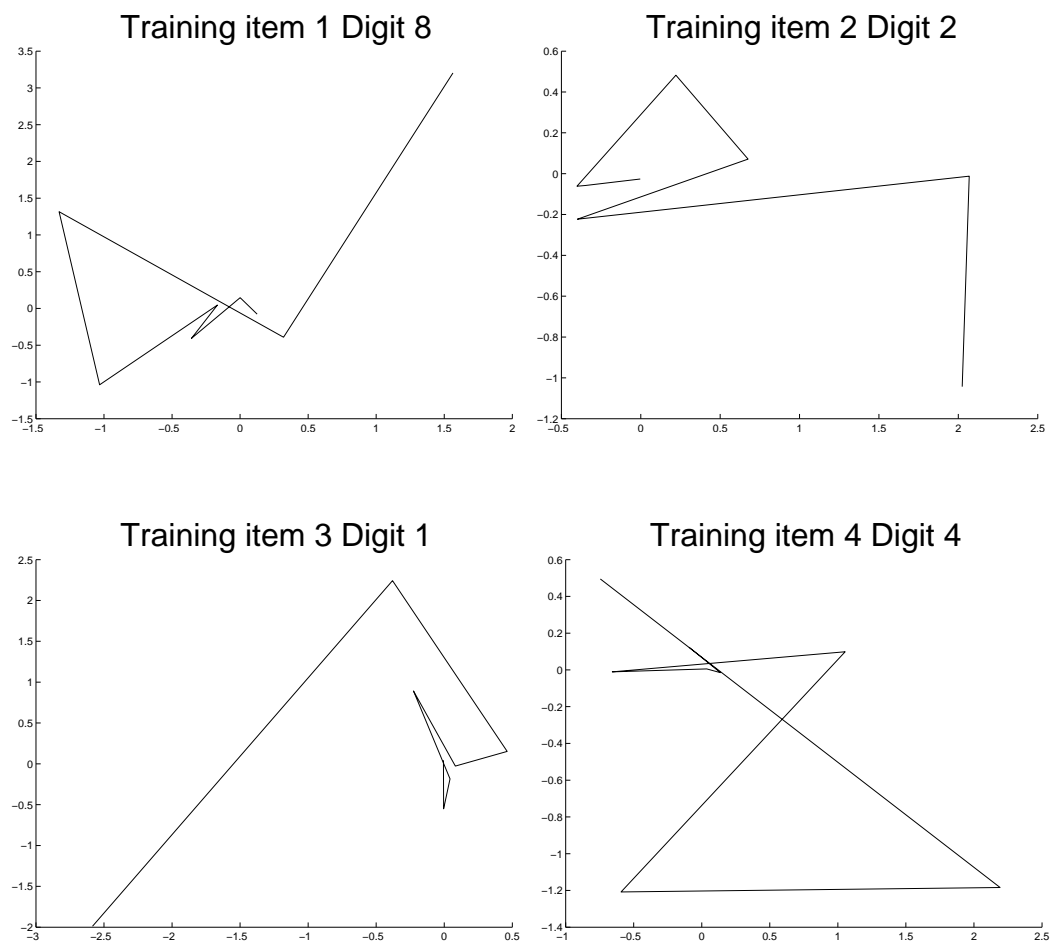
Hier sieht man, dass mit weniger Dimensionen die Erkennungsrate sogar etwas besser sein kann, wie z.B. mit den Ziffern 3 und 2.

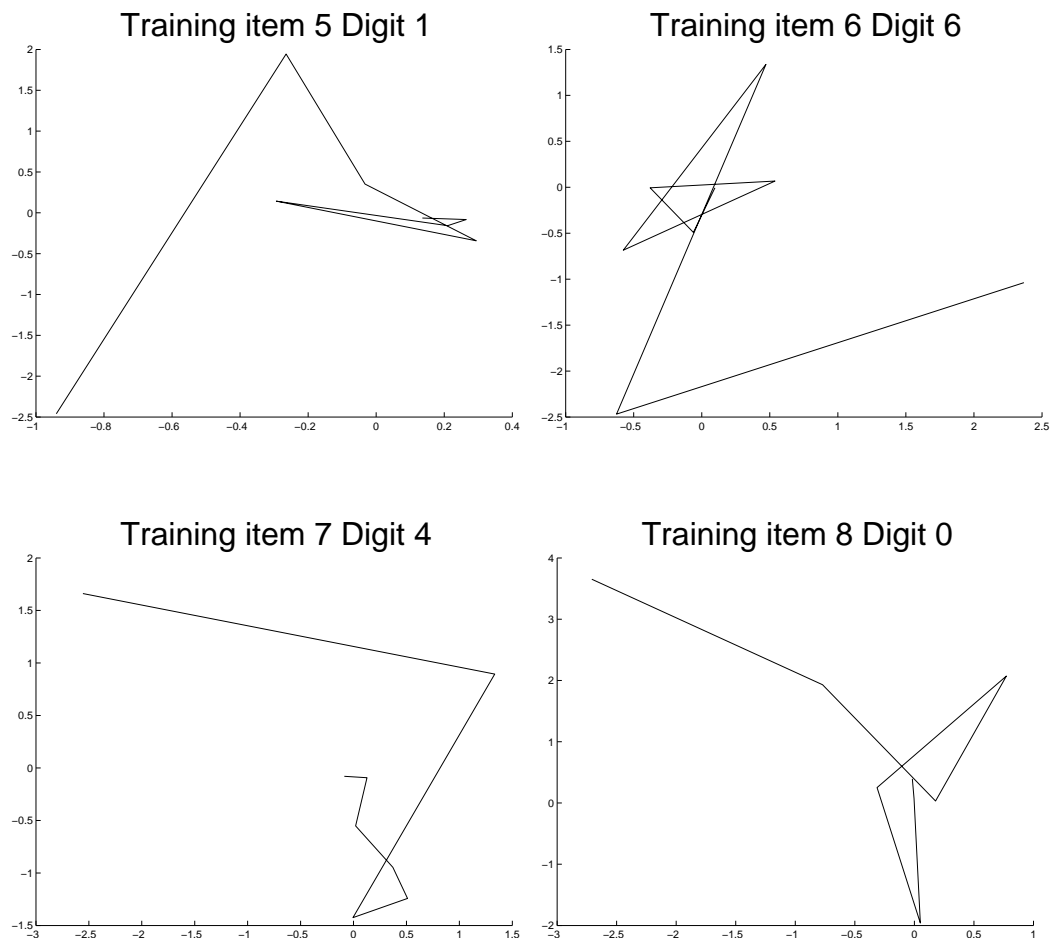
Visualisierung: Wir haben angenommen dass die Visualisierung wie in der Mail von Therese vorgeschlagen zu interpretieren ist.

Das heißt wir berechnen die Hauptachsen für alle Trainingsdaten, transformieren die Trainingsdaten in diese neue Basis und zeigen das Ergebnis als Zahl an. Wir haben Beispielhaft die ersten 8 Beispiele aus den Trainingsdaten visualisiert.

```
% Visualize some digits
pc = principalComponents(tra(:,1:end-1));
tmp = transformData(pc, tra(:,1:end-1), 16);
for i=1:10
    h = figure('NumberTitle','on');
    hold on;
    plot(tmp(i,1:2:end-1), tmp(i,2:2:end));
    title(['Training_item_' mat2str(i) '_Digit_' mat2str(tra(i,end))], 'FontSize', 30);
    print(h, '-deps', ['task1-transformed-digit-' mat2str(i) '.eps']);
end
```

Hier die transformierten ersten 8 Exemplare aus den Trainingsdaten





2. Perceptron

a) Daten generieren

Die Klassifizierung erfolgt aufgrund eines vorgegebenen Gewichts, und somit sind die Daten linear trennbar. Folgender Code erzeugt die Daten:

```
% Create linear separable labled data with bias
% X = random items
% y = label , based on w
% w = random weighth
% dim = dimension
function [X, y, w] = linSepData(rows, dim)
    X = [ones(rows,1) rand(rows, dim-1)*2-1];
    w = rand(1, dim)*2-1;
    y = perceptronPredict(X,w);
end

% Predict using the weight w with threshold 0
function y = perceptronPredict(X, w)
    y = X*w';
    y(y>=0)=1;
    y(y<0)=0;
```

```
end
```

b) Lernen

In unserer Lösung wird in jeder Iteration zuerst geprüft, ob die aktuelle Gewichtung bereits fehlerfrei trennt. Falls nicht, wird **zufällig** einer der falsch zugeordneten Vektoren ausgewählt und anhand von diesem werden die Gewichte angepasst.

Folgender Code löst Aufgabe 2:

```
% -----  
% TASK 2 Perceptron  
% -----  
items = 1000;  
fid = fopen('task2-results.txt','w');  
  
% a) Create test data  
[X, y, w] = linSepData(items, 4);  
  
% b) Learn using Perceptron  
[w2, steps, E] = perceptron(X, y, 10000);  
plotPerceptronError(E, 'task2-perceptron');  
  
% Compare original and learned weight  
fprintf(fid, 'Generated_%d_items\n', items);  
fprintf(fid, 'Required_iterations:_%d\n', steps);  
fprintf(fid, 'Original_weight:_%s\n', mat2str(w,3));  
fprintf(fid, 'Learned_weight:_%s\n', mat2str(w2,3));  
fclose(fid);
```

Hier die relevanten Funktionen:

```
% Learn the weights using PLA  
% w = learned weight  
% steps = number of needed steps  
% E = Error for each iteration  
function [w steps E] = perceptron(X, y, maxSteps)  
w = rand(1, size(X,2))*2-1;  
E = [[1:maxSteps]', zeros(maxSteps,1)]; % Track error for each iteration  
for i=1:maxSteps  
    % Already finished?  
    wrongIds = getWrongClassified(X, y, w);  
    E(i,2) = size(wrongIds,1);  
    if size(wrongIds, 1) == 0  
        break  
    end  
  
    % Weight improvement (for any wrong classified)  
    id = wrongIds(randi(size(wrongIds,1)),:);  
    if y(id) == 1 % false negative (should be 1)  
        w = w + X(id, :);  
    else % false positive  
        w = w - X(id, :);  
    end  
end
```



```

    end
    steps = i;
    E = E(1:i, :);
end

% Predict using the weight w with threshold 0
function y = perceptronPredict(X, w)
    y = X*w';
    y(y>=0)=1;
    y(y<0)=0;
end

% Classify and test whether we all is classified correctly
% if not, we return the indicies of all wrong item
function wrongIds = getWrongClassified(X, y, w)
    % Predict
    p = perceptronPredict(X,w);
    diff = y - p;

    % Get wrong
    % any selects the rows different from 0
    wrongIds= [1:size(X,1)]';
    wrongIds = wrongIds(any(diff,2));
end

% Plot Perceptron Error rate
function plotPerceptronError(E, name)
    h = figure();
    hold on;
    xlabel('Iteration', 'FontSize', 15);
    ylabel('Wrong_classified', 'FontSize', 15);
    plot(E(:,1),E(:,2));
    print(h, '-deps', [name '.eps']);
end

```

Wir erhalten folgende Ausgabe:

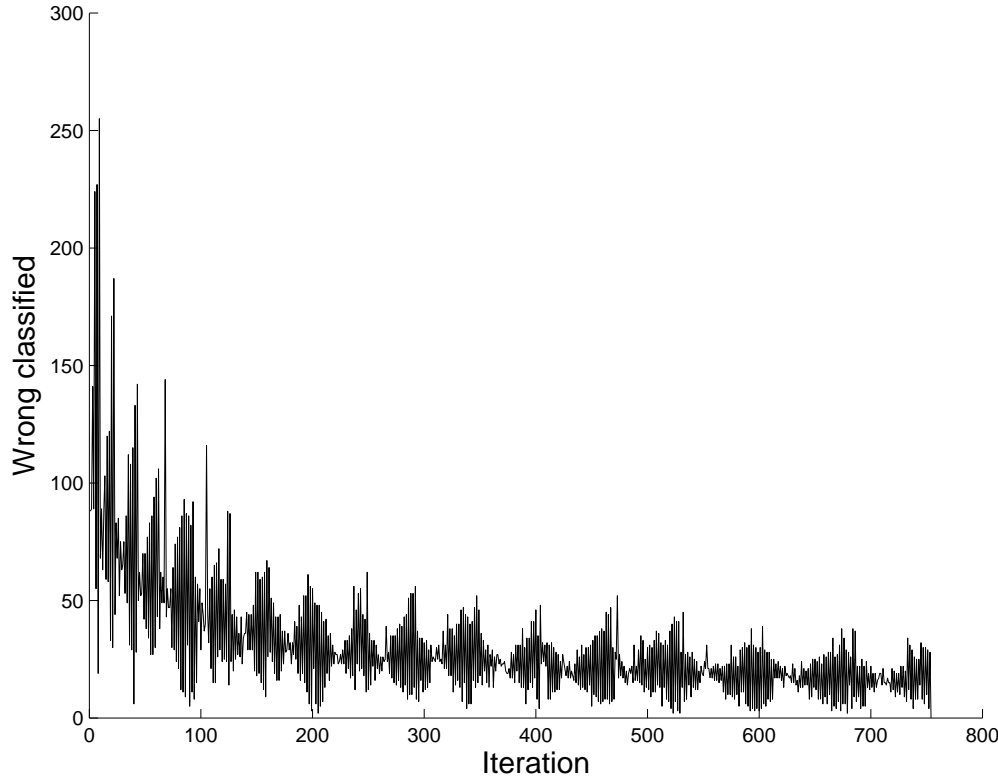
```

Generated 1000 items
Required iterations: 754
Initial weigth: [-0.875 -0.643 -0.323 0.761]
Learned weigth: [-17.9 -13.2 -6.52 15.5]

```

Wir sehen, dass sowohl die Vorzeichen als auch das Verhältnis der Koeffizienten im Wesentlichen übereinstimmen. Da wir einen reellen Raum haben gibt es sehr viele (unendlich viele) Lösungen.

Im folgenden ein Plot der Fehlerrate (hier Anzahl falsch klassifizierter Werte) für jede Iteration. Dieses schwankt natürlich stark in Abhängigkeit von den initialen Gewichten:



3. Perceptron Kantenerkennung

a) Daten generieren

Die möglichen Inputs sind genau durch die möglichen 9-stelligen binären Zahlen beschrieben. Durch Nachdenken erhält man die Gewichte $w = (-1, 1, 1, 1, 1, -10, 1, 1, 1, 1)$ für eine korrekte Klassifizierung.

Folgender Code löst Aufgabe 3 a):

```
% Generate data for task3
function [X, y, w] = task3ImageData()
    X = dec2bin(0:2^9-1) - '0';
    X = [ones(size(X,1),1) X];
    % 0=black, 1=white, mid must be black for edge
    % This is a working weighting:
    w = [-1 1 1 1 1 -10 1 1 1 1];
    y = perceptronPredict(X,w);
end
```

b) Lernen und Testen

Analog zu 2 werden die Gewichte gelernt. Anschließend wird jeder Pixel eines Bildes (außer am Rand) mit der gelernten Schwellenwertfunktion klassifiziert (Kante oder nicht). Dabei wird jeder Pixel einzeln anhand seiner Umgebung klassifiziert, und nicht etwa alle 9 in einem 3×3 Feld.

```

% -----
% TASK 3
% -----
% a) Create correctly classified data
[X, y, w] = task3ImageData();

% b) Learn weights
[w2, steps, E] = perceptron(X, y, 10000);
plotPerceptronError(E, 'task3-perceptron');
fid = fopen('task3a-results.txt','w');
fprintf(fid, 'RequiredIterations:_%d\n', steps);
fprintf(fid, 'Original_weight:_%s\n', mat2str(w,3) );
fprintf(fid, 'Learned_weight:_%s\n', mat2str(w2,3) );
fclose(fid);

detectContour(w2);

...

% Detect contours in a sample image
function detectContour(w)
    % Circle (from Barbara Haupt)
    [xs,ys]=meshgrid(-100:100);
    I=zeros(size(xs));
    I(sqrt(xs.^2+ys.^2)<(0.3*size(xs,1)))=1;
    h = figure;
    imagesc(I); colormap('gray'); axis equal off;
    print(h,'-deps',[ 'task3b-original.eps' ]);

    % Detect contours
    h = figure;
    X = zeros(size(xs));
    for i=2:size(xs,1)-1
        for j=2:size(xs,1)-1
            x = [1, ...
                I(i-1,j-1), ...
                I(i-1,j), ...
                I(i-1,j+1), ...
                I(i,j-1), ...
                I(i,j), ...
                I(i,j+1), ...
                I(i+1,j-1), ...
                I(i+1,j), ...
                I(i+1,j+1)];
            X(i,j) = perceptronPredict(x, w);
        end
    end
    imagesc(X); colormap('gray'); axis equal off;
    print(h,'-deps',[ 'task3b-contours.eps' ]);
end

```

Wir erhalten folgende Ausgabe:

Required iterations: 24

Initial weighth: [-1 1 1 1 1 -10 1 1 1 1]

Learned weighth: [-0.0817 0.312 0.858 0.849 0.446 -7.73 1.52 0.0889 1.16 1.2]

Erneut sehen wir, dass die Vorzeichen und das Verhältnis der Koeffizienten mit unserer naiv gewählten Variante übereinstimmen.

Originalbild:

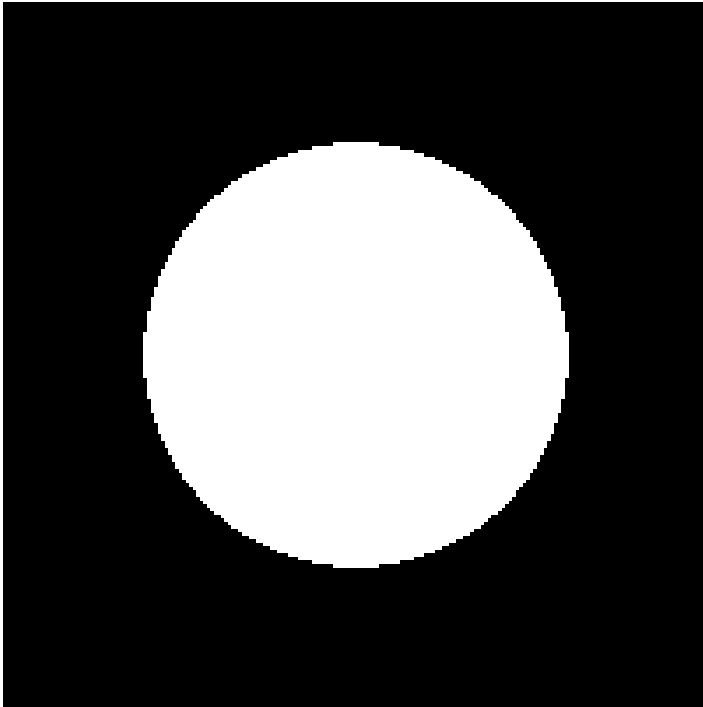
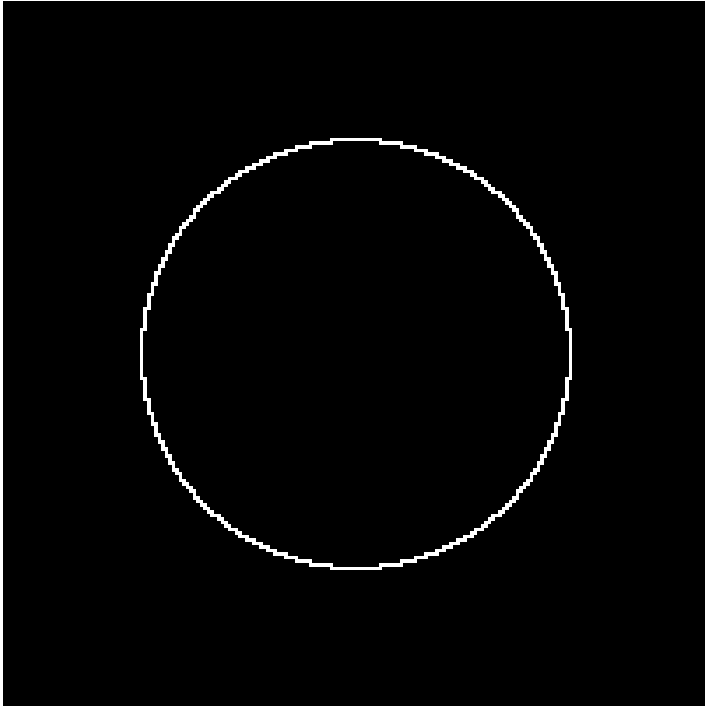


Bild der Kanten:



Fehlerrate beim Lernen der Gewichte:

