0.1 Correlación parcial

Sean b_1 y b_2 dos bines y g_1 y g_2 sus respectivos genes.

La Correlación parcial ([1][2]) $r_{b_1b_2,g_1}$ entre b_1 y b_2 controlando por g_1 se define como:

$$r_{b_1b_2,g_1} = \frac{r_{b_1b_2} - r_{b_1g_1}r_{b_2g_1}}{\sqrt{(1 - r_{b_1g_1}^2)(1 - r_{b_2g_1}^2)}}$$
(1)

Idem controlando por g_2 :

$$r_{b_1b_2,g_2} = \frac{r_{b_1b_2} - r_{b_1g_2}r_{b_2g_2}}{\sqrt{(1 - r_{b_1g_2}^2)(1 - r_{b_2g_2}^2)}}$$
(2)

La Correlación parcial $r_{b_1b_2,g_1g_2}$ entre b_1 y b_2 controlando por g_1 y g_2 se define como:

$$r_{b_1b_2,g_1g_2} = \frac{r_{b_1b_2,g_1} - r_{b_1g_2,g_1}r_{b_2g_2,g_1}}{\sqrt{(1 - r_{b_1g_2,g_1}^2)(1 - r_{b_2g_2,g_1}^2)}}$$
(3)

La Correlación parcial es simétrica, es decir que $r_{b_1b_2,g_1g_2}=r_{b_1b_2,g_2g_1}$. La idea de correlación parcial a segundo orden es fitear b_1 y b_2 como funciones lineales de g_1 y g_2 y ver como correlacionan sus residuos:

$$b_1 \approx \beta_1 g_1 + \beta_2 g_2 + \epsilon \tag{4}$$

$$b_2 \approx \beta_1' g_2 + \beta_2' g_2 + \epsilon' \tag{5}$$

Y después calcular la correlación entre los residuos ϵ y ϵ' . Es la definición posta de correlación parcial.

Sin embargo, ASpli hace cosas diferentes. En primer lugar, deconvoluciona la señal del gen de la señal del bin. Con eso, podemos comparar dos bines a lo largo del tiempo y ver si se usan de forma diferencial a lo largo del tiempo (si se incluyen coordinamente, excluyen, etc). Para deconvolucionar ASpli hace:

$$b_{ijk}^{A} = \frac{b_{ijk}}{\frac{g_{jk}}{\overline{g_{ik}}}} \tag{6}$$

Y para analizar uso diferencial compara una condición, usualmente la primera, contra el resto, y pide que cumpla cierta condición:

$$log(b_{ijk}^A) - log(b_{ij1}^A) > condiction$$
 (7)

Bibliography

- [1] Liang Cheng and Sika Zheng, Studying alternative splicing regulatory networks through partial correlation analysis, Open Access Genome Biology, 2009.
- $[2]\,$ Yiming Zuo et al., Biological network in gerence using low order prtial correlation, Methods, 2009.