## Universidad de Sonora

### Actividad 11: Apocalipsis Zombie



#### Andrés Ignacio Rodríguez Mendoza

Se implementan modelos para simular la evolución de sistemas biológicos en función del tiempo sometidos a parámetros de conversión entre clases. Cada elemento del sistema pertenece a una clase. Se impone la conservación (en un periodo corto de tiempo) del número de individuos para mantener congruencia en el sistema; ésto es, así como sale un elemento de una clase entra en otra, dado que los modelos sólo mudan elementos de una clase a otra. Se realizan varios modelos variando la cantidad de clases y las interacciones entre ellas.

#### Modelo Básico

Las clases son:

- Susceptible (S)
- $\blacksquare$  Zombie (Z)
- $\blacksquare$  Removido (R)

Los parámetros:

- ullet Elementos de S mudan a R a razón del parámetro  $\delta$ .
- Elementos de R mudan a Z a razón de  $\zeta$ .
- ullet Elementos de S mudan a Z a razón de  $\beta$ .
- ullet Elementos de Z mudan a R a razón de  $\alpha$ .
- La taza de nacimiento II puede despreciarse en un periodo corto de tiempo.

Las ecuaciónes que gobiernan el modelo:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$
  

$$Z' = \beta SZ + \zeta R - \alpha SZ$$
  

$$R' = \delta S + \alpha SZ - \zeta R.$$

#### Modelo con Infección Latente

En el  $Modelo\ B\'{a}sico$  se introduce una nueva clase de individuos, y se modifican las relaciones entre elementos de clases. Las clases son:

- Susceptible (S)
- Infectado (I)
- Zombie (Z)
- $\blacksquare$  Removido (R)

Los parámetros:

ullet Elementos de S mudan a R a razón de  $\delta$ .

- ullet Elementos de I mudan a R a razón de  $\delta$ .
- Elementos de I mudan a Z a razón de  $\rho$ .
- ullet Elementos de R mudan a Z a razón de  $\zeta$ .
- ullet Elementos de S mudan a I a razón de  $\beta$ .
- ullet Elementos de Z mudan a R a razón de  $\alpha$ .

Las ecuaciónes que gobiernan el modelo:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R.$$

#### Modelo con Cuarentena

En el Modelo con Infección Latente se introduce otra clase y se afectan las transiciones. La clase que se agrega es:

• Cuarentena (Q)

Y las transiciones correspondientes a esta clase:

- Elementos de I mudan a Q a razón de  $\kappa$ .
- $\blacksquare$  Elementos de Z mudan a Q a razón de  $\sigma.$
- Elementos de Q mudan a R a razón de  $\gamma$ .

Se adieren estas transiciones a las ecuaciones del modelo y una nueva ecuación correspondiente a Q:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I - \kappa I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - \sigma Z$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R + \gamma Q$$

$$Q' = \kappa I + \kappa Z - \gamma Q.$$

#### Modelo con Tratamiento

Al  $Modelo\ con\ Infección\ Latente\ se\ a\~nade\ un\ nuevo\ factor\ que\ permite\ mover\ elementos\ de\ Z\ a\ S.$  La nueva transición de elemento es:

 $\blacksquare$  Elementos de Z mudan a S a razón de c.

Las ecuaciones quedan:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S + cZ$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - cZ$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R.$$

#### Erradicación Impulsiva

El  $Modelo\ b\'asico$  lo integramos en intervalos periódicos. Entre cada intervalo se elimina cierto porcentaje de elementos de Z hasta que Z=0. Las ecuaciones quedan:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$Z' = \beta SZ + \zeta R - \alpha SZ$$

$$R' = \delta S + \alpha SZ - \zeta R$$

$$Z = -knZ$$

$$t \neq t_n$$

$$t \neq t_n$$

$$t \neq t_n$$

donde  $k \in [0,1)$  es la taza de eliminación y n el número de intervalos requeridos para  $kn \ge 1$ .

### Código

```
# zombie apocalypse modeling
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8
P = 0
            # birth rate
d = 0.0000 # natural death percent (per day)
B = 0.0095 # transmission percent (per day)
G = 0.0001 # resurect percent (per day)
A = 0.0001 # destroy percent (per day)
r = 0.5000 # infection rate
k = 0.0220 # infected on quarentine rate
s = 0.0220 # zombies on quarentine rate
e = 0.0010 # killed because escaping
c = 0.200 # cure effectiveness rate
# Los modelos
def Basic (y, t):
        Si = y[0]
        Ii = y[1]
        Zi = y[2]
        Ri = y[3]
        f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
        f1 = B*Si*Zi + G*Ri - A*Si*Zi
        f2 = d*Si + A*Si*Zi - G*Ri
        return [f0, f2, f1, 0, 0]
def LatentInfection(y, t):
        Si = y[0]
        Ii = y[1]
```

```
Zi = y[2]
        Ri = y[3]
        f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
        f1 = B*Si*Zi - r*Ii - d*Ii
        f2 = r * Ii + G * Ri - A * Si * Zi
        f3 = d*Si + d*Ii + A*Si*Zi - G*Ri
        return [f0, f1, f2, f3, 0]
def Quarantine(y,t):
        Si = y[0]
        Ii = y[1]
        Zi = y[2]
        Ri = y[3]
        Qi = y[4]
        f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
        f1 = B*Si*Zi - r*Ii - d*Ii - k*Ii
        f2 = r*Ii + G*Ri - A*Si*Zi - s*Zi
        f3 = d*Si + d*Ii + A*Si*Zi - G*Ri + e*Qi
        f4 = k*Ii + s*Zi - e*Qi
        return [f0, f1, f2, f3, f4]
def Treatment(y,t):
    Si = y[0]
    Ii = y[1]
    Zi = y[2]
    Ri = y[3]
    f0 = P - B*Si*Zi - d*Si + c*Zi
    f1 = B*Si*Zi - r*Ii - d*Ii
    f2 = r*Ii + G*Ri - A*Si*Zi - c*Zi
    f3 = d*Si + d*Ii + A*Si*Zi - G*Ri
    return [f0, f1, f2, f3, 0]
# initial conditions
S0 = 500.
                             # initial population
I0 = 0
                             # initial infected people
Z0 = 0
                             # initial zombie population
R0 = 0
                             # initial death population
Q0 = 0
                             # initial quarantine population
y0 = [S0, I0, Z0, R0, Q0]
                             \# initial condition vector
                                     # time grid
t = np.linspace(0, 20., 1000)
# solve the DEs and plot
soln = odeint (Basic, y0, t)
S = soln[:, 0]
```

```
R = soln[:, 1]
Z = soln[:, 2]
I = soln[:, 3]
Q = soln[:, 4]
plt.plot(t, S, label='Living')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Population')
plt . ylim (-1,501)
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Basic_Model_Zero_Zombies')
plt.show()
# we change the parameters and initial zombies
Z0 = 2
A = 0.005
y0 = [S0, I0, Z0, R0, Q0]
soln = odeint(Basic, y0, t)
S = soln[:, 0]
R = soln[:, 1]
Z = soln[:, 2]
I = soln[:, 3]
Q = soln[:, 4]
plt.plot(t, S, label='Living')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Population')
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Basic_Model')
plt.show()
soln = odeint(LatentInfection, y0, t)
S = soln[:, 0]
I = soln[:, 1]
Z = soln[:, 2]
R = soln[:, 3]
Q = soln[:, 4]
plt.plot(t, S, label='Living')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Population')
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Latent_Infection')
plt.show()
soln = odeint (Quarantine, y0, t)
S = soln[:, 0]
I = soln[:, 1]
Z = soln[:, 2]
R = soln[:, 3]
Q = soln[:, 4]
```

```
plt.plot(t, S, label='Living')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Population')
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Quarantine')
plt.show()
soln = odeint (Treatment, y0, t)
S = soln[:, 0]
I = soln[:, 1]
Z = soln[:, 2]
R = soln[:, 3]
Q = \operatorname{soln}[:, 4]
plt.title('Zombie_Apocalypse')
plt.plot(t, S, label='Living')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Population')
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Treatment')
plt.show()
# Eradication with impulsive attacks each 2.5 days
A = 0.00545; B = 0.0075; G = 0.09; d = 0.0001
t1 = np. linspace (0, 2.5, 300)
t2 = np. linspace (2.5, 5., 300)
   = np.linspace(5, 7.5, 300)
t3
   = np. linspace (7.5, 10.,300)
soln = odeint(Basic, y0, t1)
S = soln[:, 0]
Z = soln[:, 2]
sol1 = odeint(Basic, [soln[299, 0], soln[299, 1], 0.75*soln[299, 2], 0, 0], t2)
S = np.concatenate((S, sol1[:, 0]))
Z = np.concatenate((Z, sol1[:, 2]))
sol2 = odeint(Basic, [sol1[299, 0], sol1[299, 1], 0.50*sol1[299, 2], 0, 0], t3)
S = np.concatenate((S, sol2[:, 0]))
Z = np.concatenate((Z, sol2[:, 2]))
sol3 = odeint(Basic, [sol2[299, 0], sol2[299, 1], 0.25*sol2[299, 2], 0, 0], t4)
S = np.concatenate((S, sol3[:, 0]))
Z = np.concatenate((Z, sol3[:, 2]))
t = np.concatenate((t1, t2, t3, t4))
plt.plot(t, Z, color= 'g', label='Zombies')
plt.xlabel('Days_from_outbreak')
plt.ylabel('Zombies')
plt.title('Zombie_Apocalypse_-_Eradication')
```

# Gáficas











