

Домашнее задание 4. Биоинформатика. Козубенко Андрей Алексеевич 22215.

1. **Выбранное ПО:** UCSF ChimeraX.

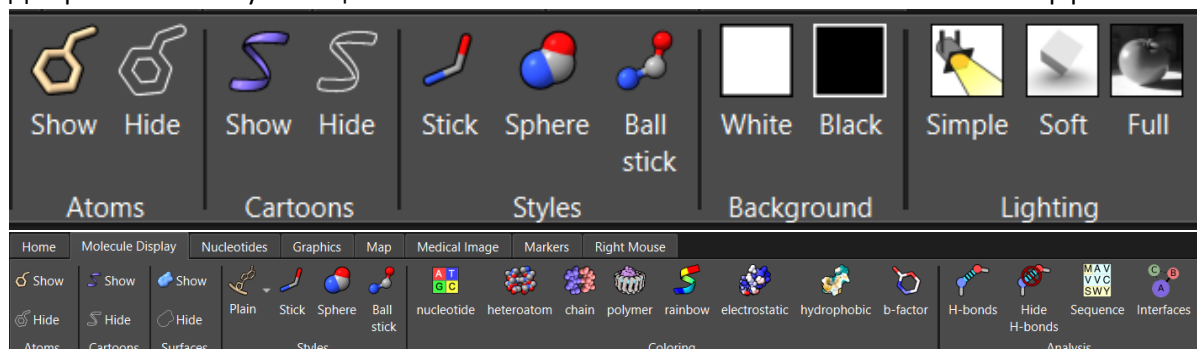
Ссылка на структуру белка: <https://www.rcsb.org/structure/1FHA>

Для визуализации были выбраны файлы: <https://files.rcsb.org/download/1FHA.pdb>,
<https://files.rcsb.org/download/1FHA.pdb1.gz>

2. **Изображения** лежат в паке /images. Изображения с цифрой 1 – из Legacy PDB, с цифрой 2 – из Biological Assembly PDB

3. **Способы получения визуализации в UCSF ChimeraX**

Для различной визуализации можно использовать панели пользовательского интерфейса.



Также различной визуализации можно добиться вводимыми напрямую командами.

Пример команд (id = 1, 2, ...):

- a. `style #!id stick`
 - b. `show #!id cartoons`
 - c. `hide #!id cartoons`
 - d. `hide #!id atoms`
4. **Изображения публикационного качества** лежат в паке /pub_images.