



MÁSTER UNIVERSITARIO EN BIOINFORMÁTICA Y BIOESTADÍSTICA

TRABAJO EN GRUPO

ENUNCIADO

Este trabajo se realizará en grupo (ya creado) pero debéis generar un documento para cada uno de los integrantes del grupo. La solución final que se entregará a finales del mes de enero tendrá el formato "Nombre_Apellido_Trab_PSE.pdf". La entrega se hará a través del REC (registro de evaluación continua).

A medida que avance el curso y los contenidos aprendidos iremos incluyendo apartados y preguntas al trabajo. Cada grupo podrá trabajar **en su carpeta de grupo (del apartado Debate del aula)**. Iré controlando el trabajo de cada uno de los grupos y las intervenciones que hagáis y su nivel de concreción.

El documento tiene que tener formato de informe. Pensad que lo hacéis para una empresa o cliente ficticio no para un entorno educativo.

APARTADOS

- 1.- Buscad un conjunto de datos relacionado con la **Bioestadística**. Puede ser generado por simulación, pueden ser datos incorporados en un paquete de *R* (no se usarán los paquetes IRIS, IRIS3) u otros repositorios. Tenéis que explicar la procedencia de estos datos.
- 2.- Explicad las variables de vuestro fichero, tipo, clasificación, etc... ¡Todo aquello que creáis que es relevante!
- 3.- Pensad un mínimo de cuatro de preguntas objetivo que queráis contestar con estos datos.
- 4.- Haced el análisis descriptivo de los datos. Todo aquello que creáis que es necesario. ¡Resumid los datos a vuestro criterio pero con sentido! Pensad siempre en las preguntas objetivo que queréis contestar. Si debéis recodificar variables.
- 5.- Generad los gráficos que creáis necesarios para resumir de forma gráfica la información que tenéis.

(Hasta aquí los primeros 5 apartados)

- NOTA 1: Recordad que debéis repartiros las tareas y que tod@s debéis estar al corriente de los cambios del documento generado.
- NOTA 2: Los scripts de R también se deben de incluir. Este documento puede ser uno por grupo.
- NOTA 3: Se deberá hacer uso de MARKDOWN y entregarlo en WORD (por si alguien quiere empezar) usando Knitr en RStudio (http://rmarkdown.rstudio.com/).