

## Contacto

- 610282748
- angelsnake95@gmail.com
- <https://www.linkedin.com/in/angel-martin-dominguez-560040155>

## Aptitudes

### Habilidades técnicas:

- Metabarcoding, metagenómica y metatranscriptómica (Kraken2, Bracken, QIIME2).
- Secuenciación NGS (FastQC, SAMtools, Hisat2, SPAdes, etc.).
- Transcriptómica bulk y single-cell (DESeq2, Seurat, clusterProfiler, ChIP-Seeker).
- Anotación (Prokka, Augustus, topGO).

### Habilidades adicionales:

- Proactivo
- Buena comunicación oral
- Resolución de problemas
- Flexibilidad y adaptación
- Organización

## Lenguajes

- Python (avanzado)
- R (avanzado)
- BaSH (terminal)
- HPC (sistema de colas SLURM)
- C++ (básico)
- HTML y PHP (básico)

## Idiomas

- Español: nativo
- Inglés: intermedio B2 (FCE)

# Ángel Martín Domínguez

Soy un biólogo con amplios conocimientos en bioinformática, biología molecular y biotecnología. Mis principales áreas de conocimiento son meta-ómicas, transcriptómica y microbiología. Destaco por mi pasión por la investigación usando herramientas bioinformáticas para solucionar problemas biológicos y mi capacidad de adaptación a cualquier tipo de herramienta y trabajo de laboratorio.

## Experiencia

[Noviembre, 2023 – Enero, 2025] – Estudio metatranscriptómico de la microbiota de mosquitos *Anopheles* en casos de malaria (Universidad Pablo de Olavide, Instituto de Parasitología y Biomedicina “López-Neyra”):

- Análisis taxonómico de la microbiota por medio de Kraken2, Bracken y scripts personalizados de PERL y R (metagenomeSeq).
- Identificación de taxones diferencialmente abundantes entre condiciones de resistencia y susceptibilidad a malaria respecto controles.

[Junio, 2021 – Abril, 2022] – Estudio del pangenoma de *Klebsiella pneumoniae* en busca de genes de resistencia a antibióticos (Universidad Pablo de Olavide):

- Análisis bioinformático del pangenoma de *K. pneumoniae* utilizando scripts personalizados de BaSH, PERL y R.
- Se ha encontrado un megaplásmido de virulencia con un sistema CRISPR-Cas IV-A3 delecionado.

[Septiembre, 2015 – Junio, 2020] – Experiencia práctica durante formación en grado biología (Universidad de Sevilla):

- Tinciones de bacterias, fluorescencia y endosporas (hisopo).
- Cultivos bacterianos en placa y en líquido.
- PCR, Western Blot y Electroforesis en agarosa.

## Formación Académica

[Octubre, 2023 – Enero, 2025] – Máster Análisis Bioinformático Avanzado (Universidad Pablo de Olavide).

[Octubre, 2022 – Junio, 2023] – Diploma Especialización Análisis Bioinformático (Universidad Pablo de Olavide)

[Septiembre, 2020 – Mayo, 2022] – Máster Biotecnología Ambiental, Industrial y Alimentaria, Especialidad en Biotecnología Industrial y Alimentaria (Universidad Pablo de Olavide).

[Septiembre, 2015 – Junio, 2020] – Grado Biología (Universidad de Sevilla).

## Contribuciones

[Junio, 2024] – Presentación de Póster en Jornadas Andaluzas de Bioinformática II (JABI 2024) [\[Link\]](#)  
Tema – Microbiota and mosquito-borne diseases: A metatranscriptomics workflow for the taxonomic and functional profiling of these unexpected guests.