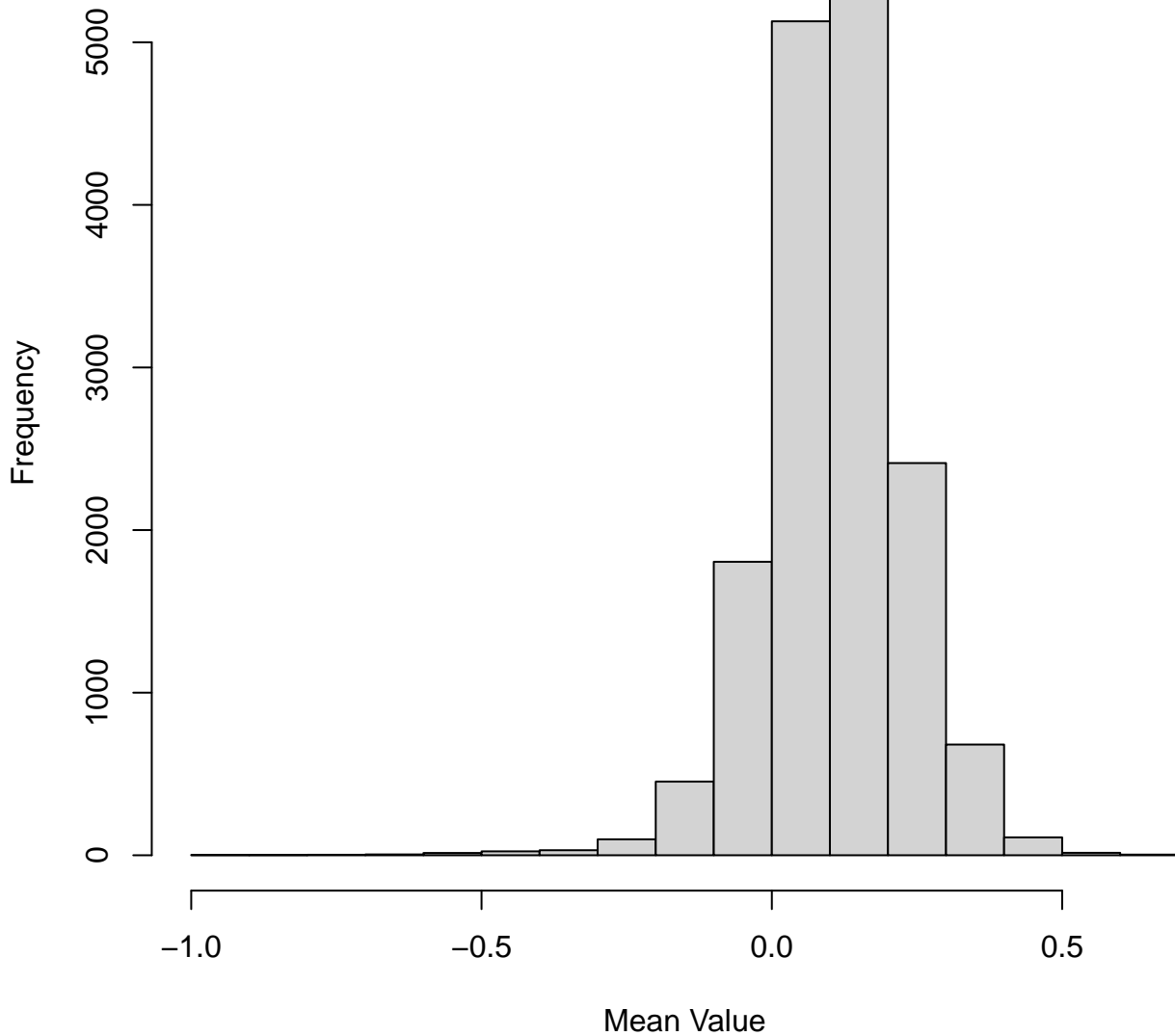


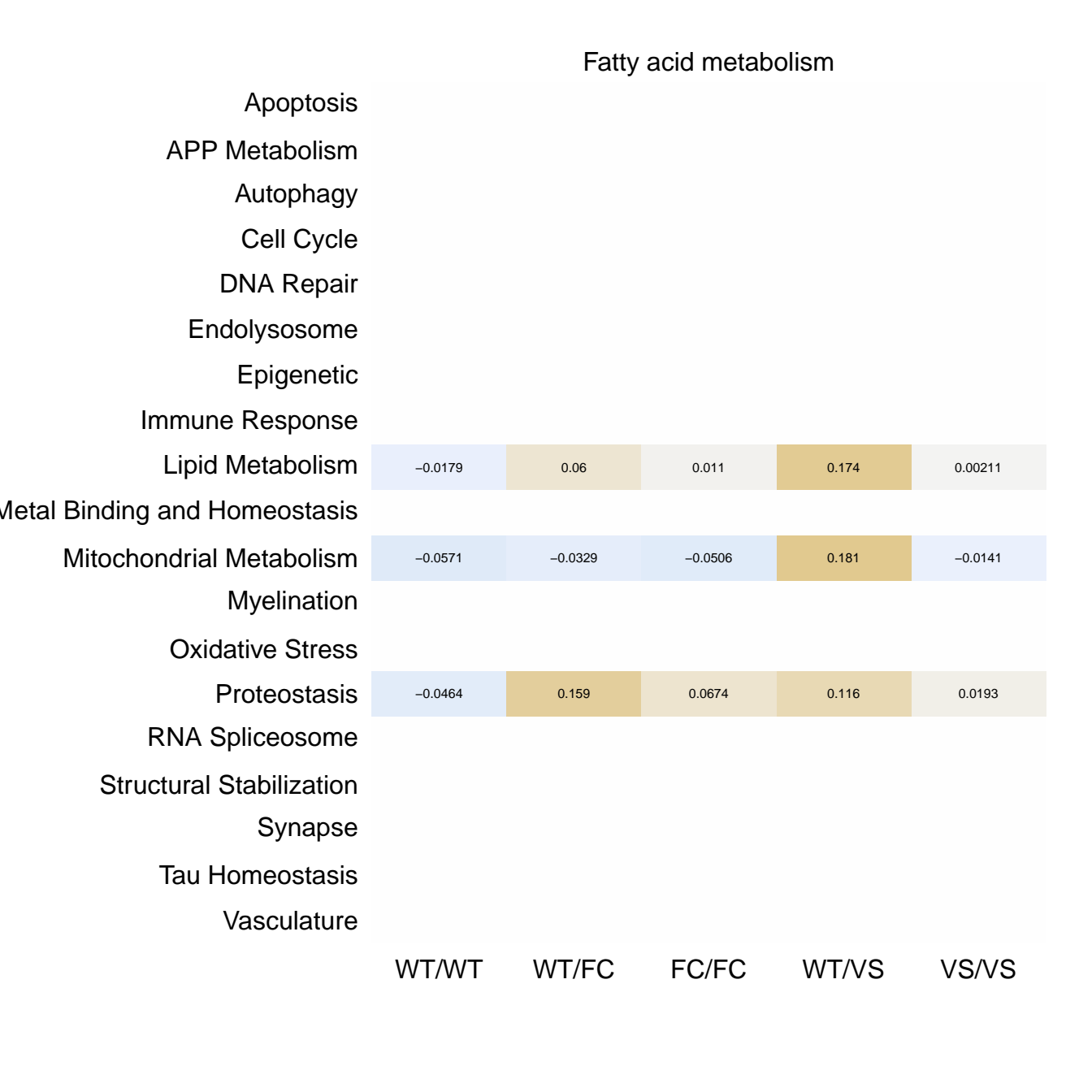
Mean Biodomain–Kegg Intersection Expression



Metabolic pathways					
Apoptosis	0.0318	0.00677	−0.00521	0.179	−0.00294
APP Metabolism					
Autophagy	0.119	0.201	0.196	0.186	0.11
Cell Cycle	0.0289	0.0447	0.0173	0.166	−0.00487
DNA Repair	0.0268	−0.0389	0.0111	0.121	0.00867
Endolysosome	0.0362	0.0649	0.0656	0.121	0.0101
Epigenetic	0.0673	0.0756	0.0996	−0.0311	−0.00481
Immune Response	0.0615	0.0693	0.0799	0.131	0.0417
Lipid Metabolism	0.0555	0.0799	0.0763	0.134	0.026
Metal Binding and Homeostasis	0.038	0.0449	0.0404	0.0952	0.00902
Mitochondrial Metabolism	−0.0605	−0.136	−0.169	0.18	−0.0283
Myelination	0.0389	0.204	0.0742	0.148	0.0215
Oxidative Stress	−0.0439	−0.0951	−0.144	0.189	0.0104
Proteostasis	0.0673	0.117	0.108	0.141	0.0547
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0631	0.0962	0.123	0.0874	0.0346
Synapse	0.0537	0.119	0.12	0.112	0.0299
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0692	0.0666	0.106	0.126	0.0641
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

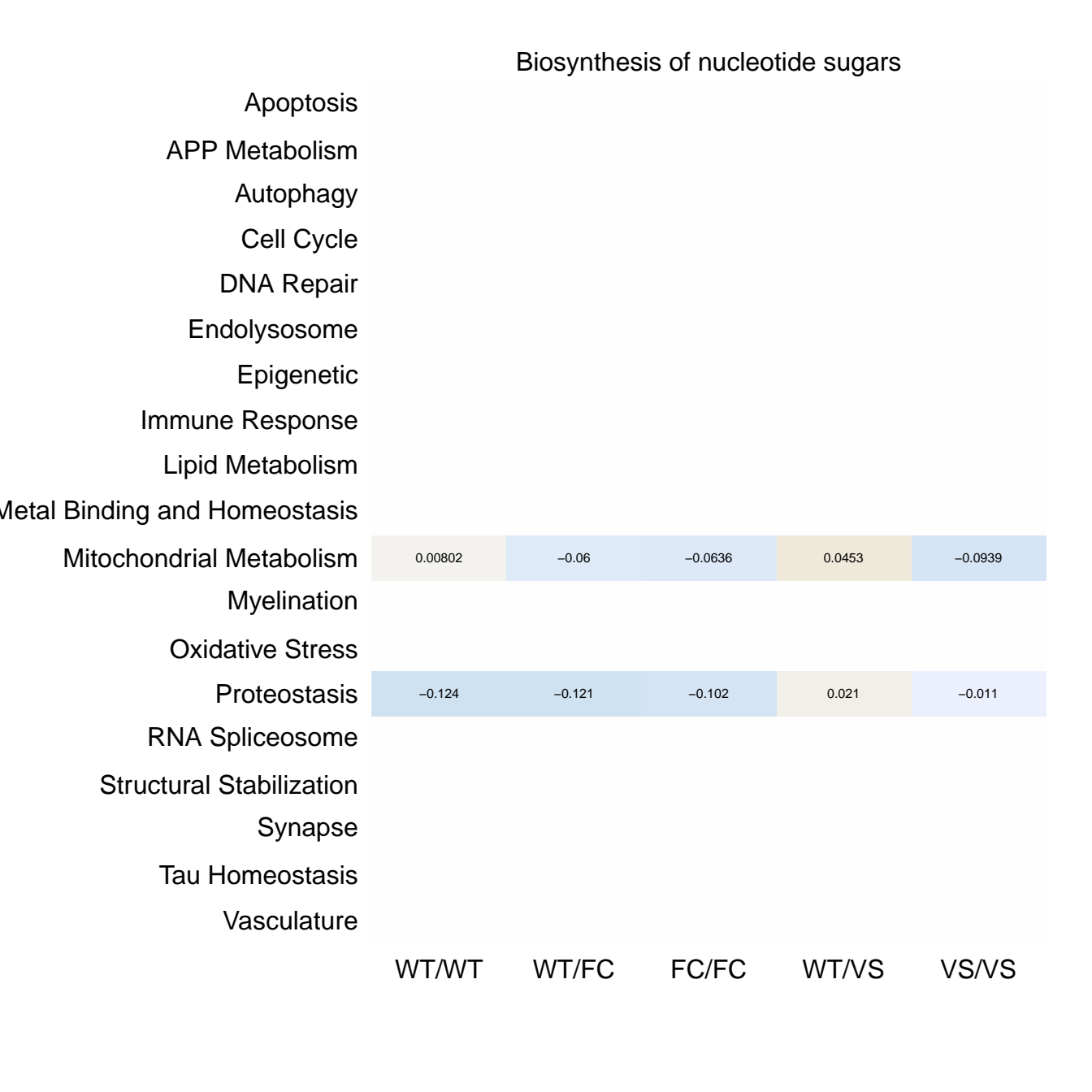
	Carbon metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.024	−0.0556	−0.0053	0.0317	−0.0334
Lipid Metabolism	0.0275	−0.0267	−0.00679	0.138	−0.143
Metal Binding and Homeostasis	0.0307	−0.0293	−0.0586	0.227	−0.0412
Mitochondrial Metabolism	−0.0082	−0.0524	−0.0904	0.238	−0.0369
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0491	−0.201	−0.146	0.262	−0.0447
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	2-Oxocarboxylic acid metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0435	0.00918	0.00327	0.395	0.00579
Mitochondrial Metabolism	0.0437	0.0757	0.00548	0.311	0.0155
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

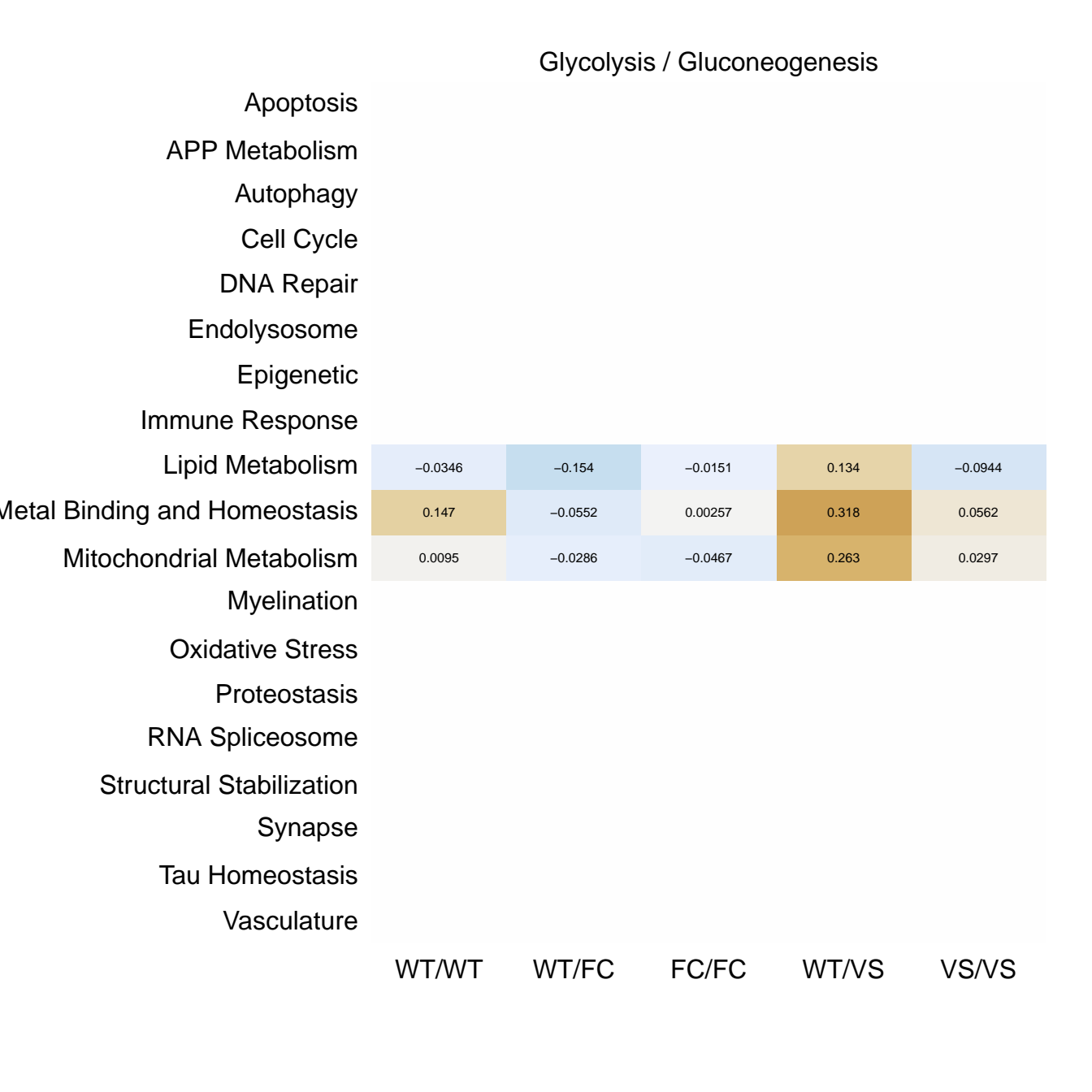


Biosynthesis of amino acids					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.0251	−0.0653	−0.129	0.192	0.024
Lipid Metabolism	0.161	0.176	0.13	0.399	0.0585
Metal Binding and Homeostasis	0.0213	−0.019	−0.0576	0.226	−0.00534
Mitochondrial Metabolism	0.0712	−0.0254	−0.0353	0.35	0.0568
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0174	−0.139	−0.0641	0.304	0.0182
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

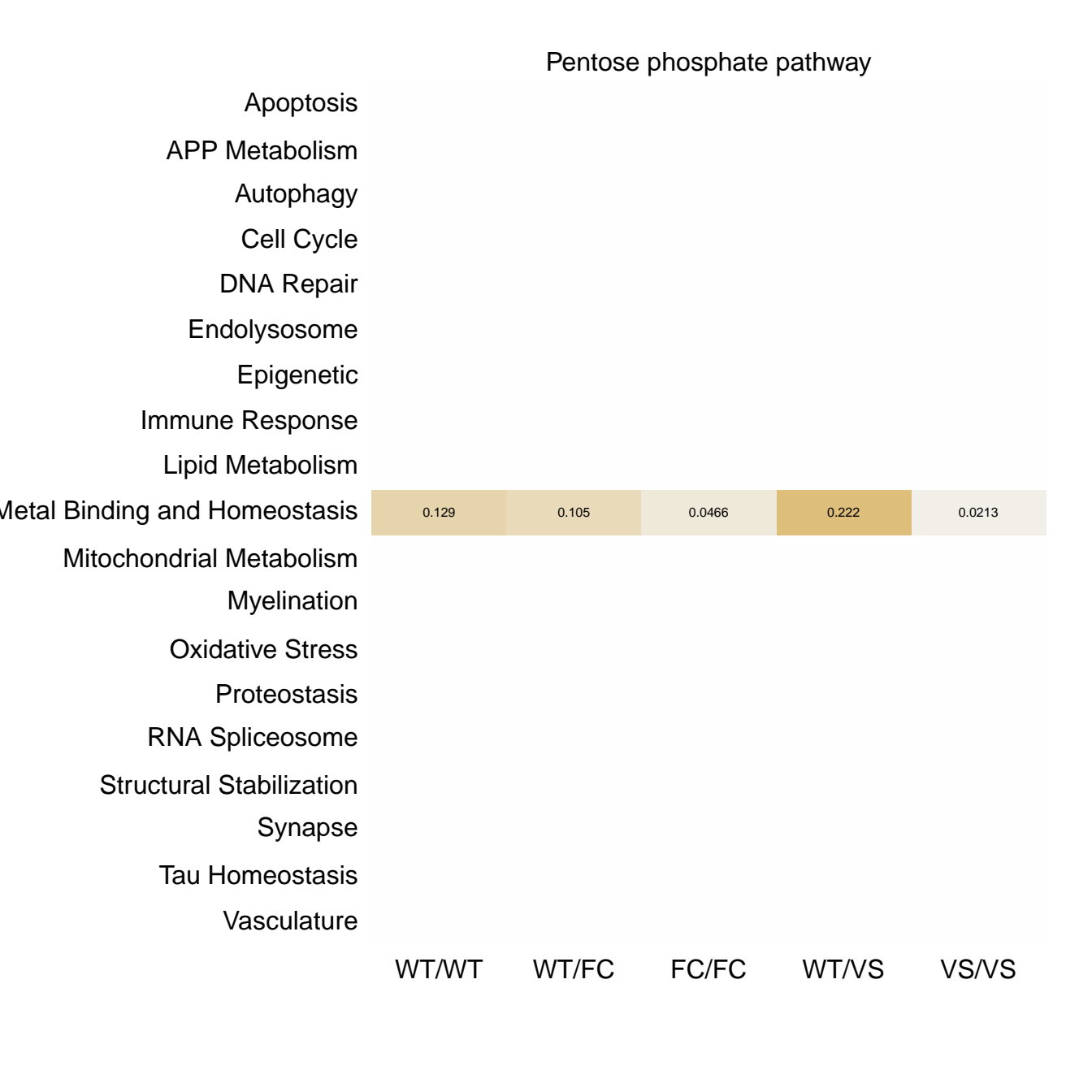
	Nucleotide metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0273	−0.0635	−0.107	0.156	−0.0366
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.047	−0.11	−0.127	0.23	−0.0638
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.0567	−0.167	−0.152	0.166	−0.0424
Mitochondrial Metabolism	0.0207	0.0143	−0.0589	0.128	−0.0656
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.16	0.159	0.0735	0.347	0.126
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.154	0.0929	0.0557	0.281	0.175
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



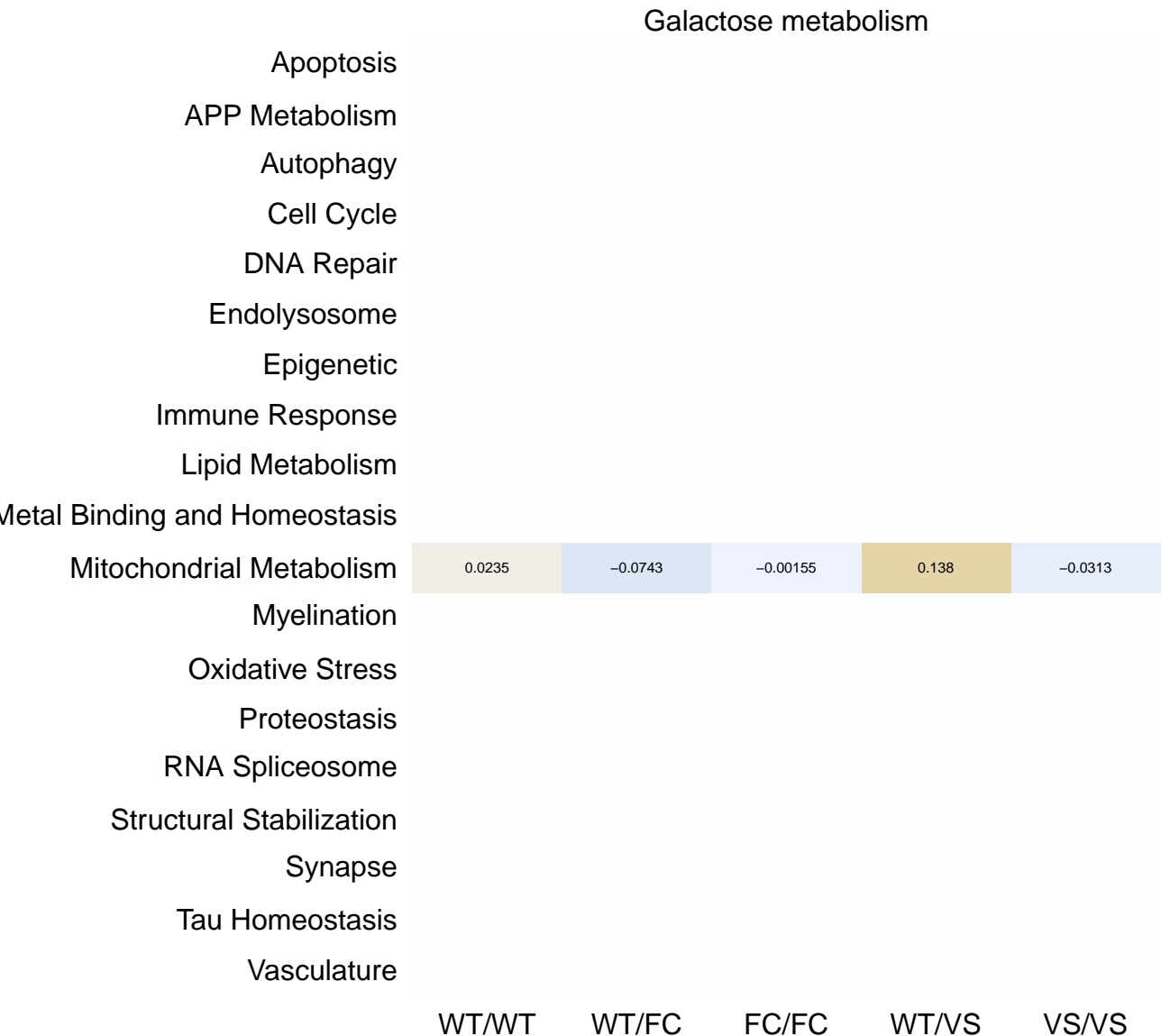
Biosynthesis of cofactors					
Apoptosis	0.056	−0.0903	−0.0938	0.328	0.0766
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.125	0.114	0.0303	0.322	0.0288
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0443	0.0379	−0.0437	0.161	−0.0583
Lipid Metabolism	0.037	−0.0831	−0.106	0.193	−0.00246
Metal Binding and Homeostasis	−0.0132	−0.0882	−0.152	0.15	−0.0373
Mitochondrial Metabolism	0.0681	0.0368	−0.00629	0.251	0.0602
Myelination					
Oxidative Stress	0.00231	0.0156	−0.0901	0.153	−0.00426
Proteostasis	−0.0409	−0.133	−0.0856	0.0778	−0.0774
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0926	−0.0104	−0.049	0.263	0.159
Synapse	0.0561	−0.00711	0.0621	0.153	0.0263
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

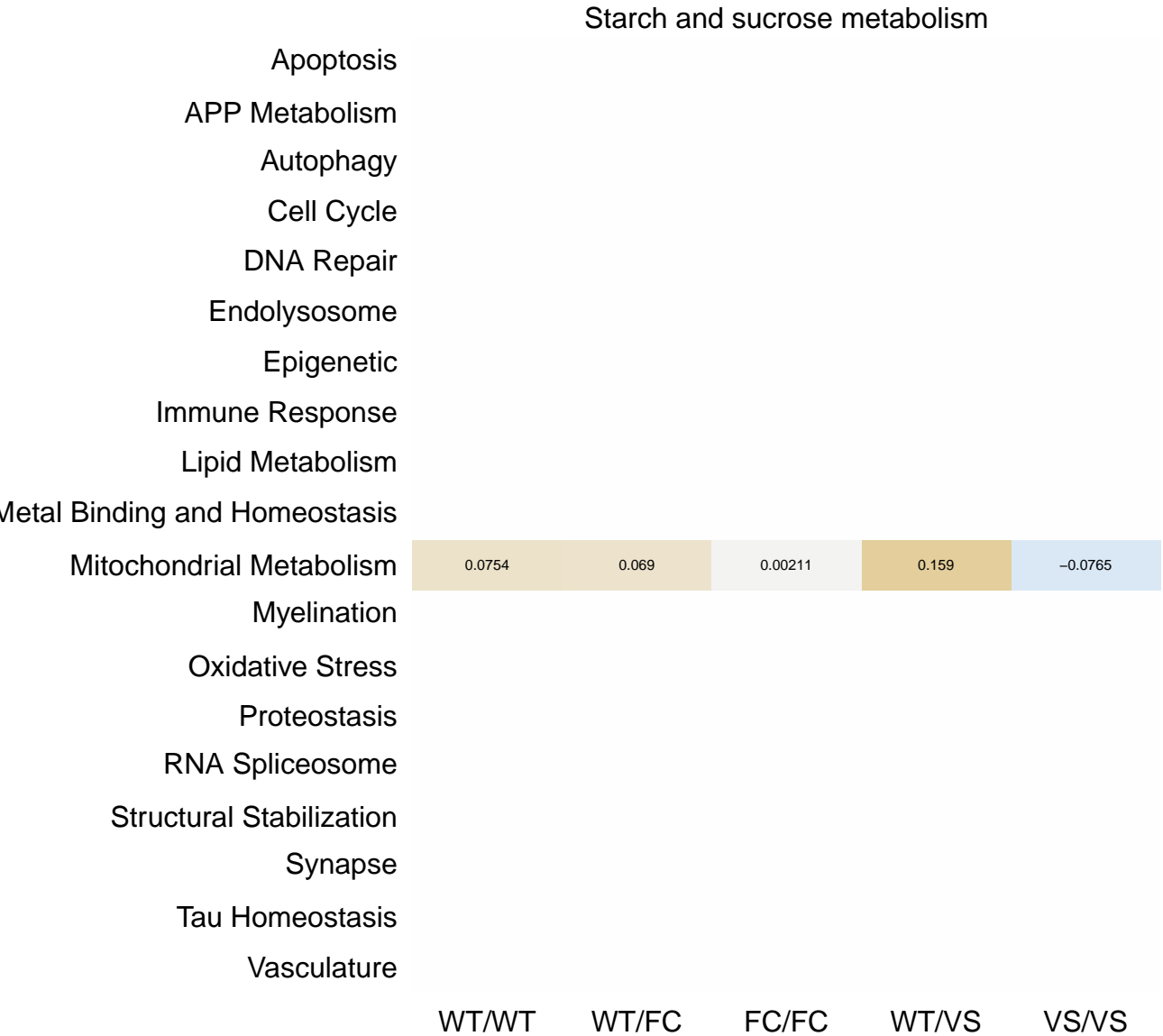


	Citrate cycle (TCA cycle)				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0641	0.0898	-0.0159	0.387	-0.00557
Mitochondrial Metabolism	0.0637	0.0798	-0.0325	0.423	0.0189
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Fructose and mannose metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0669	-0.0587	-0.0808	0.13	0.0128
Mitochondrial Metabolism	-0.0537	-0.0961	-0.0537	0.0665	-0.0998
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

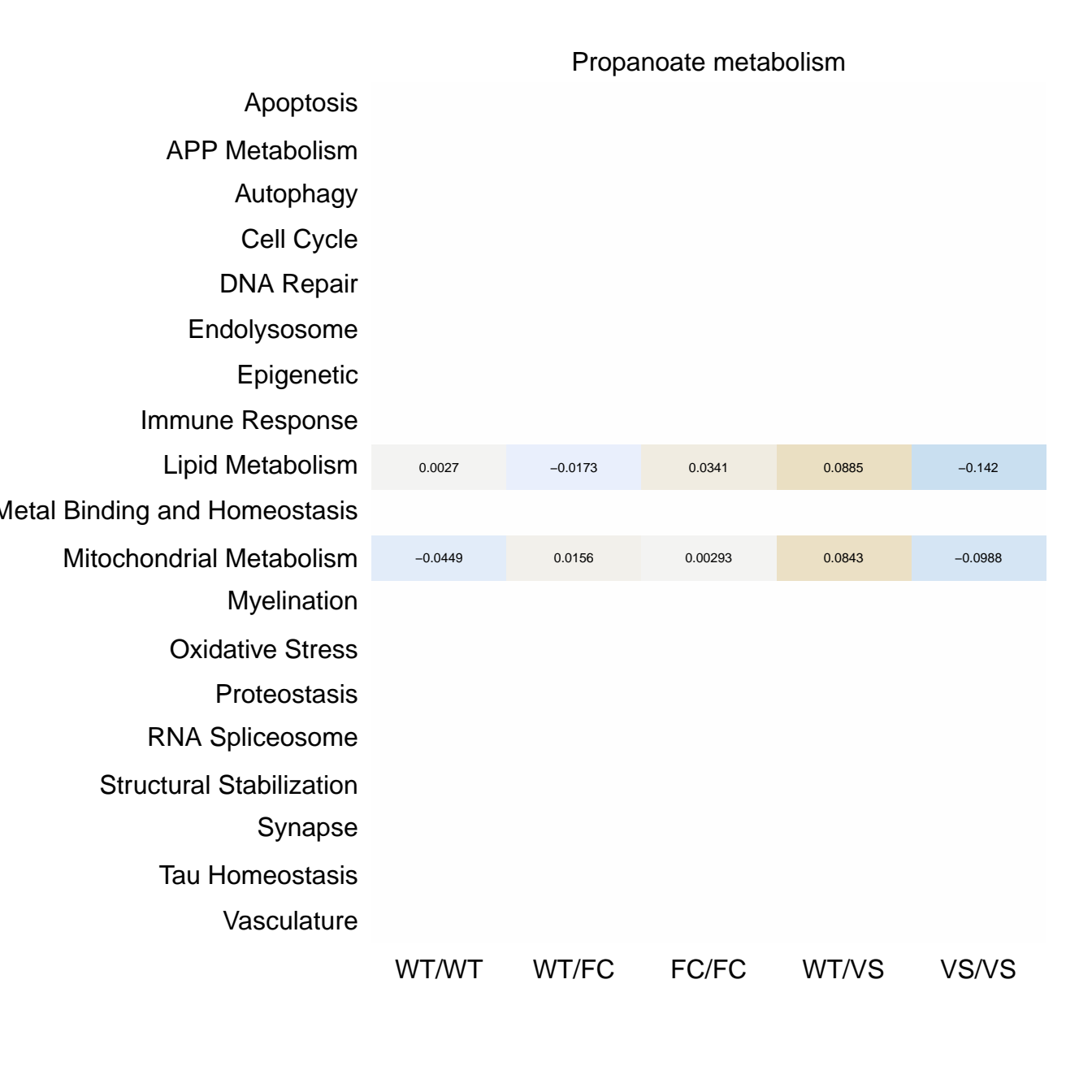


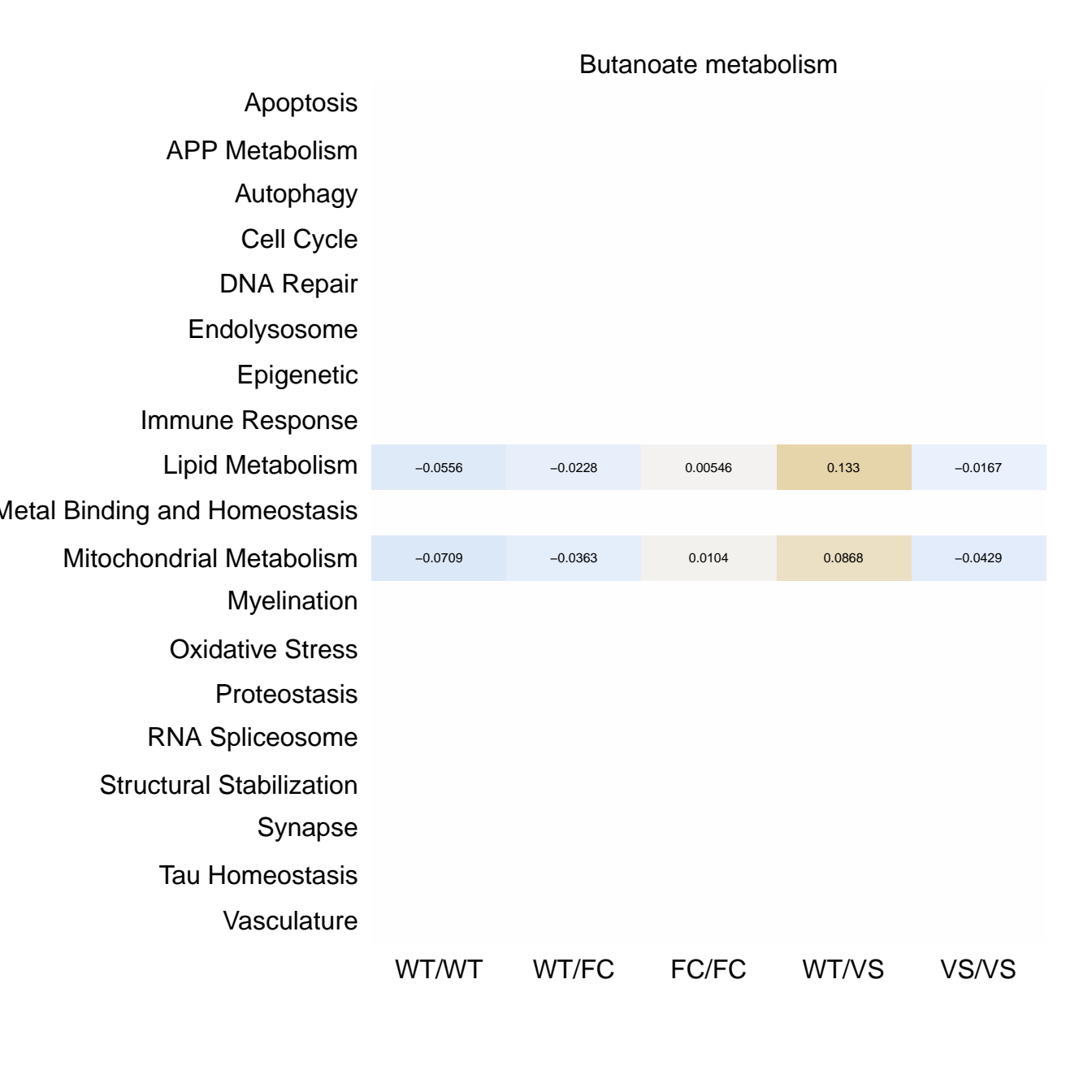


Amino sugar and nucleotide sugar metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0343	0.00704	-0.0716	0.232	0.0499
Mitochondrial Metabolism	0.0113	-0.0476	-0.00869	0.149	0.0127
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.0352	-0.0369	-0.0265	0.116	0.0591
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Pyruvate metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.0638	0.0275	0.0708	0.197	-0.0201
Metal Binding and Homeostasis	0.118	-0.00741	0.05	0.286	0.0604
Mitochondrial Metabolism	0.0708	0.0595	0.0539	0.313	0.0656
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

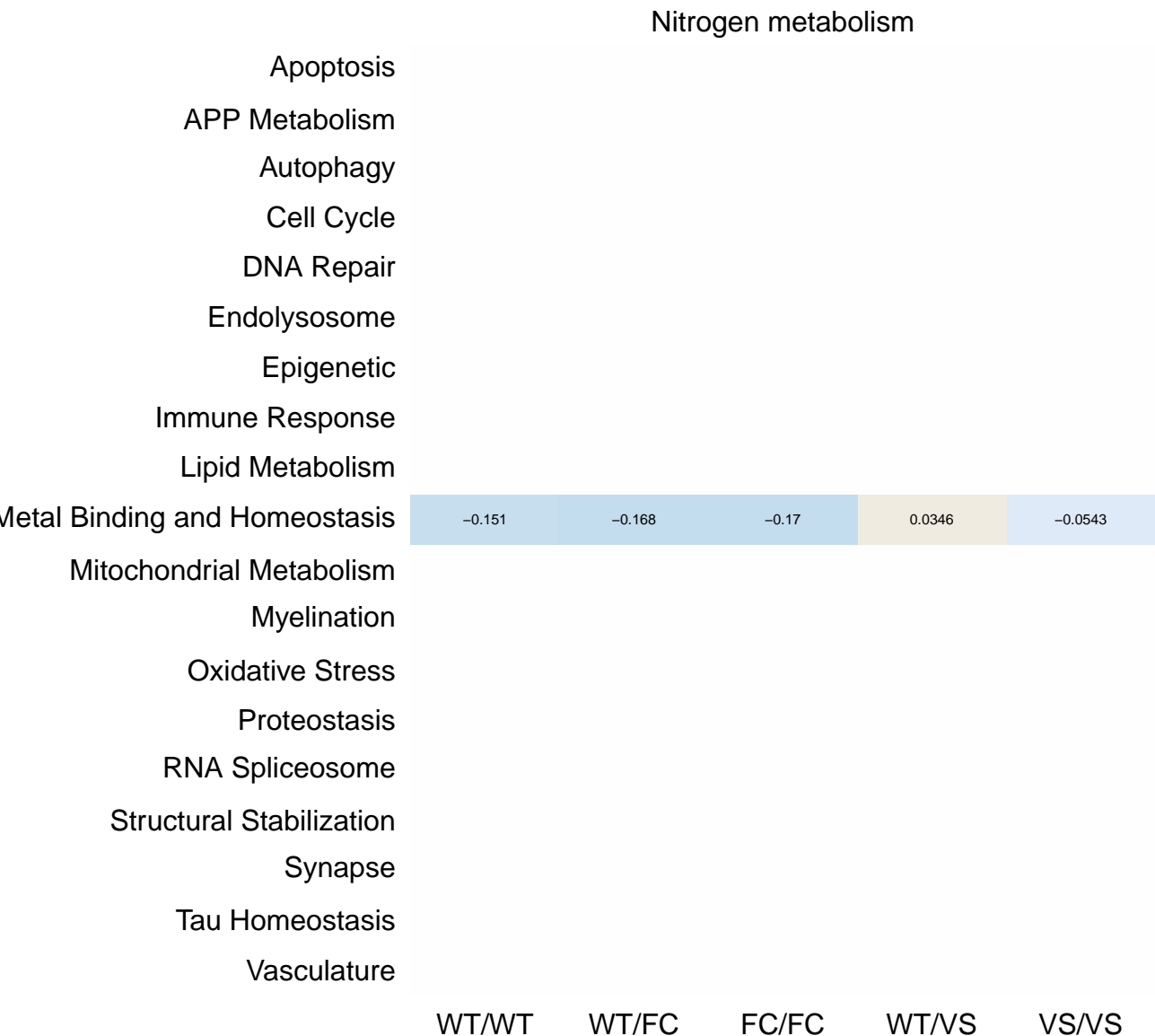
Glyoxylate and dicarboxylate metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	-0.186	-0.265	-0.275	-0.0674	-0.339
Metal Binding and Homeostasis	-0.16	-0.193	-0.203	0.0135	-0.221
Mitochondrial Metabolism	-0.184	-0.177	-0.182	0.000872	-0.219
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

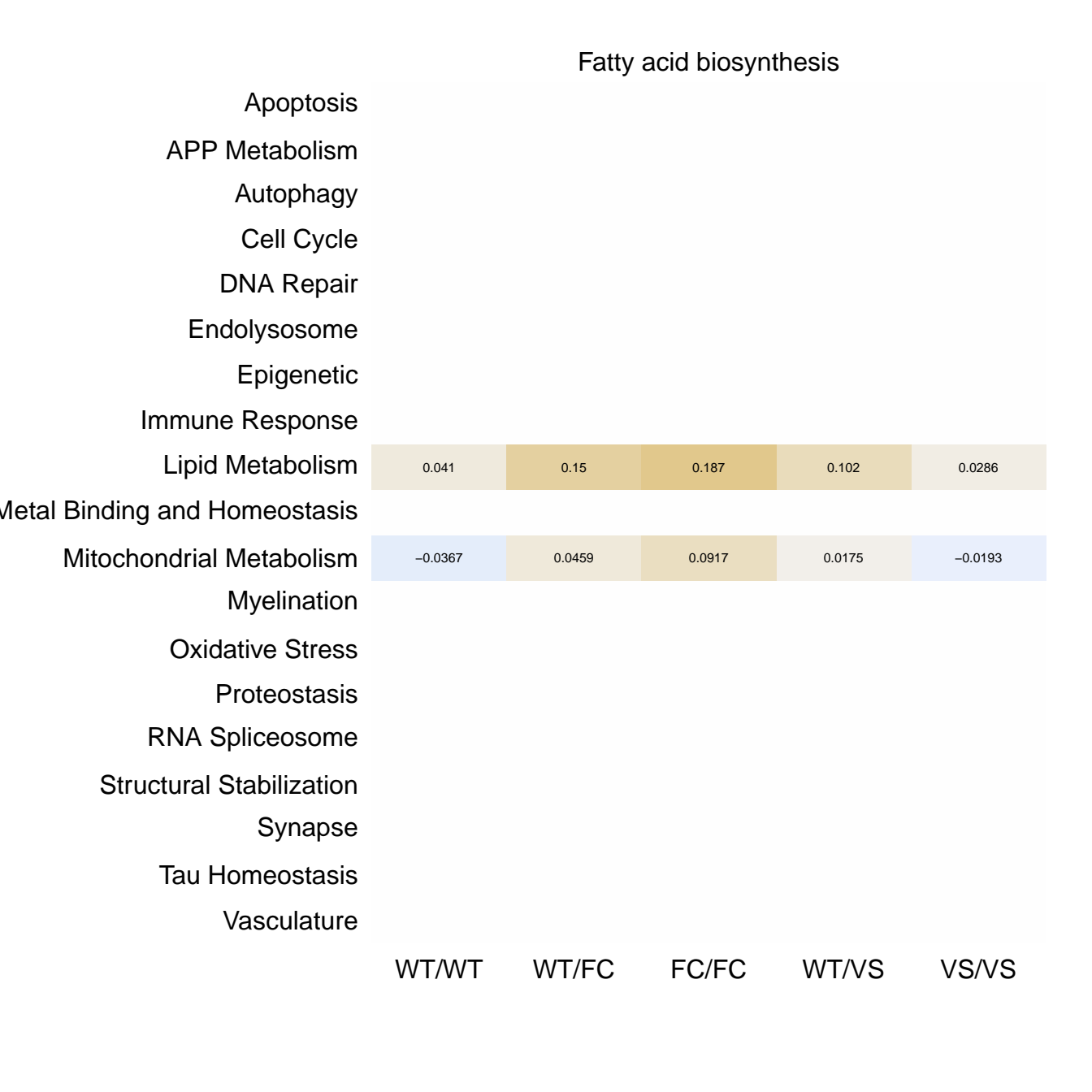


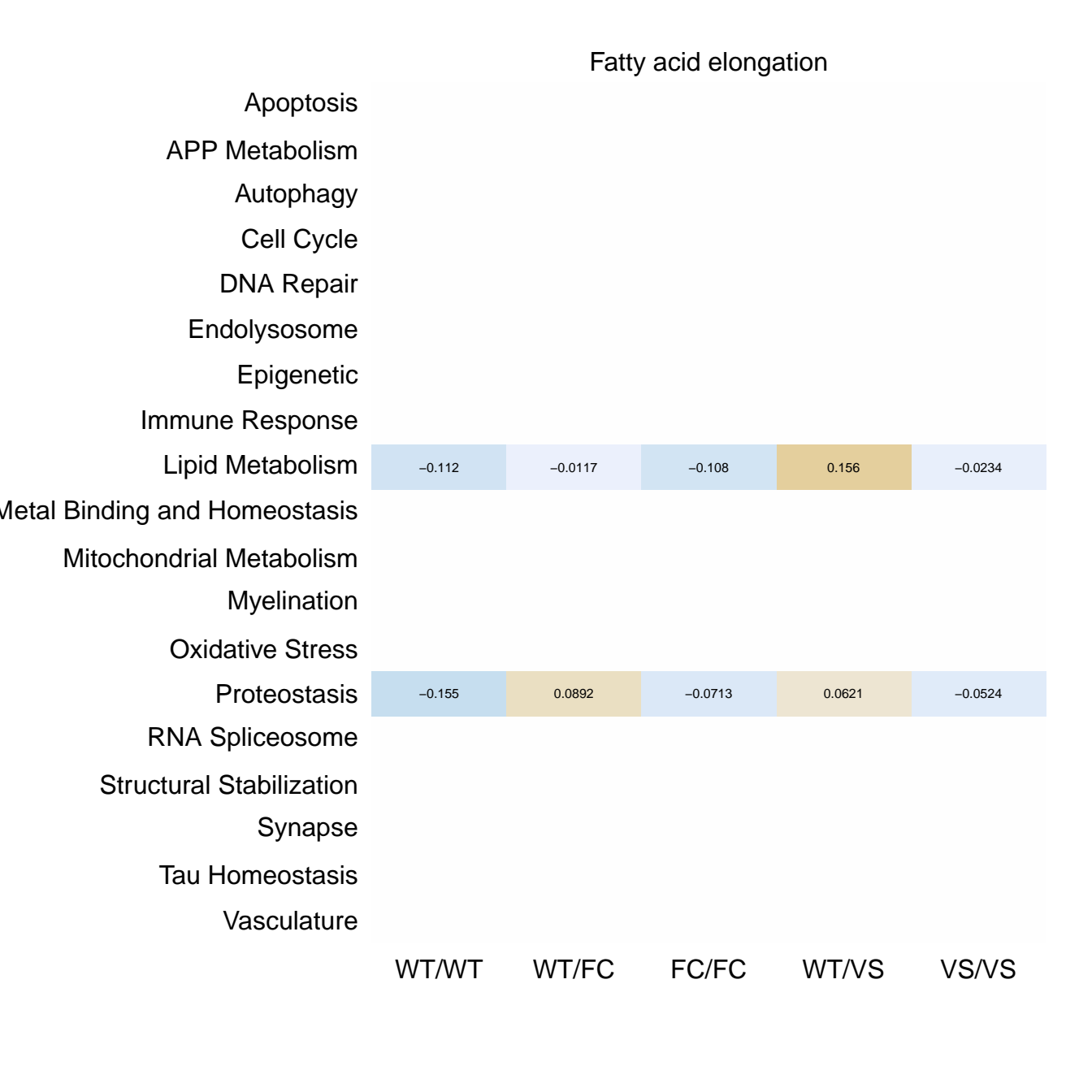


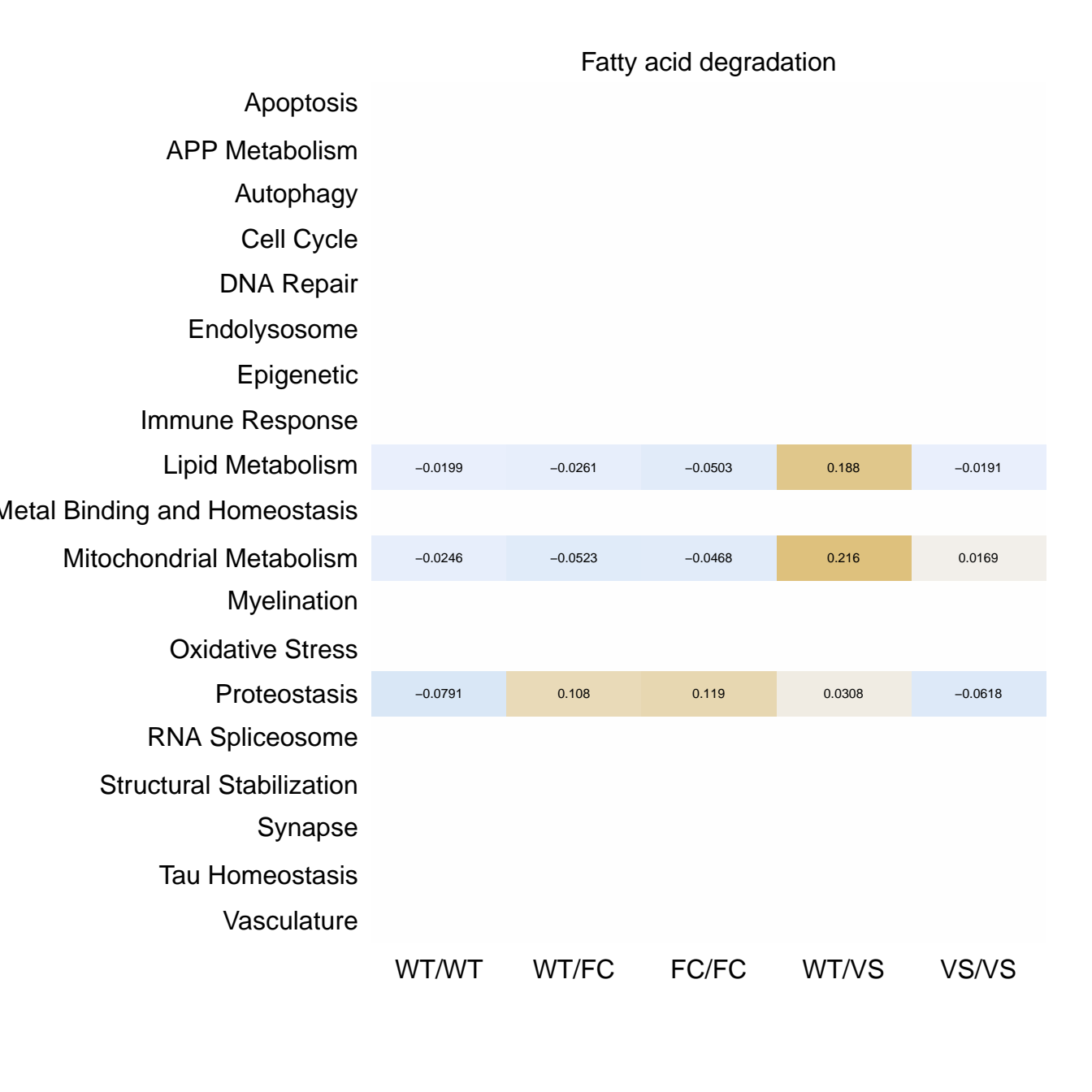
Inositol phosphate metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	0.13	0.371	0.368	−0.00831	0.0606
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0806	0.359	0.372	−0.0558	−0.0143
Epigenetic					
Immune Response	0.113	0.224	0.279	0.000577	0.111
Lipid Metabolism	0.0889	0.258	0.262	0.0335	0.00983
Metal Binding and Homeostasis	0.0951	0.167	0.193	0.0996	0.00926
Mitochondrial Metabolism	0.0306	0.129	0.155	0.0756	−0.0687
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0502	0.196	0.275	0.0382	−0.0951
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0628	0.196	0.221	−0.101	−0.02
Synapse	0.0931	0.272	0.306	0.0439	−0.0224
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

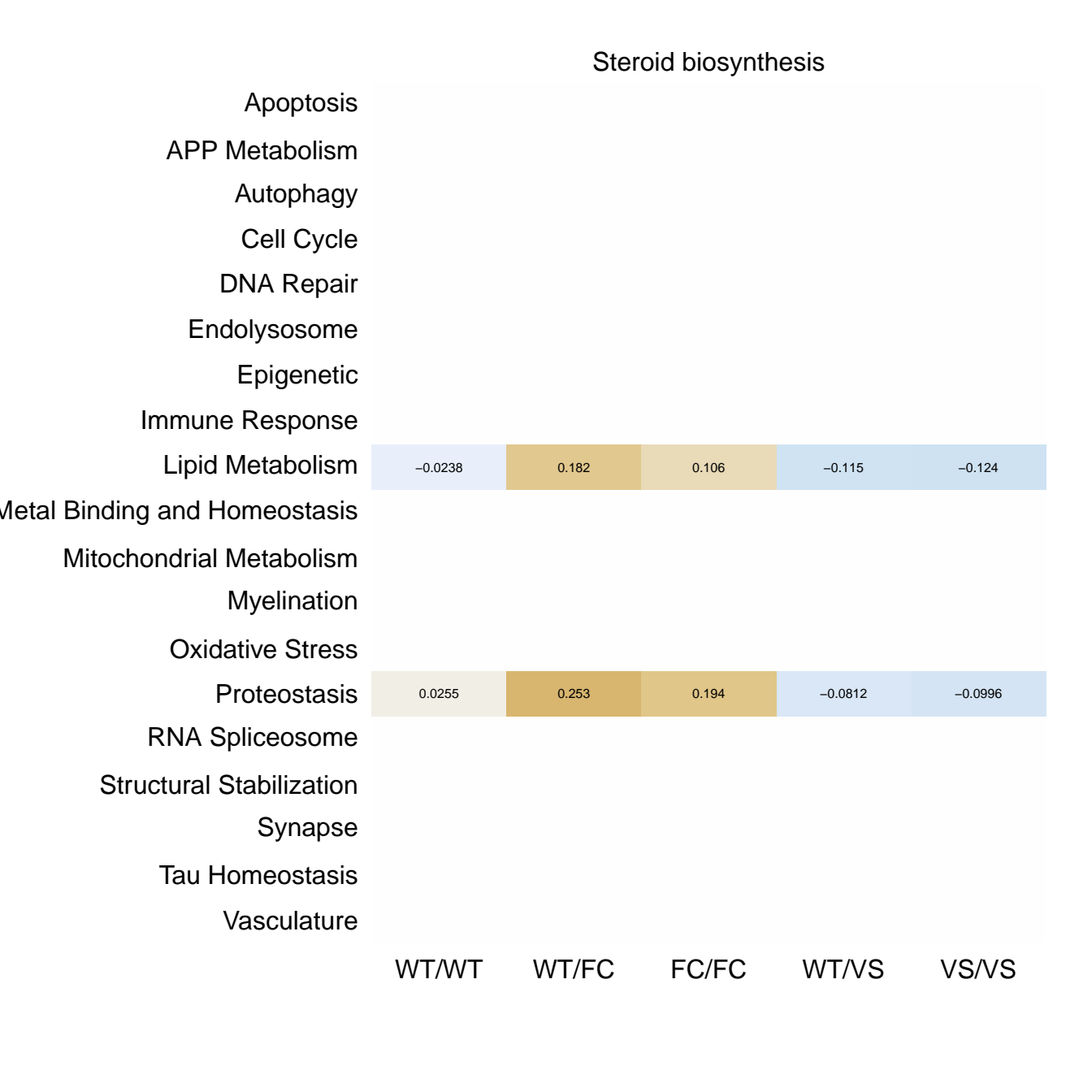
Oxidative phosphorylation					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	0.0268	0.0149	−0.0107	0.311	0.129
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0338	−0.097	−0.136	0.313	0.026
Epigenetic					
Immune Response	0.191	0.0643	0.104	0.538	0.241
Lipid Metabolism	−0.0858	−0.258	−0.382	0.21	−0.115
Metal Binding and Homeostasis	−0.147	−0.333	−0.411	0.28	−0.0551
Mitochondrial Metabolism	−0.374	−0.594	−0.692	0.0765	−0.214
Myelination					
Oxidative Stress	−0.475	−0.605	−0.738	−0.0585	−0.244
Proteostasis	−0.0158	−0.164	−0.178	0.357	−0.0166
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	−0.0273	−0.0171	−0.0829	0.254	0.0502
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

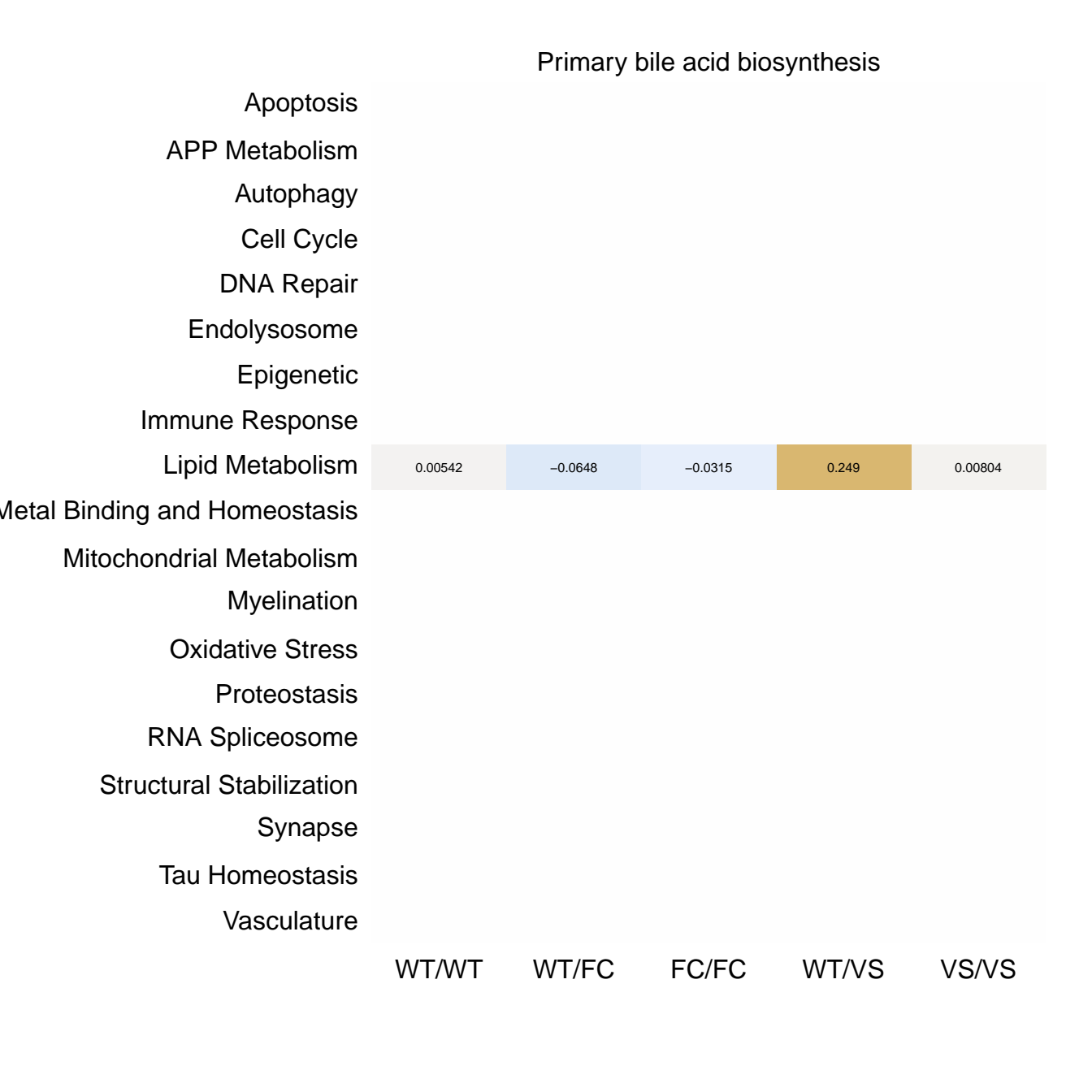


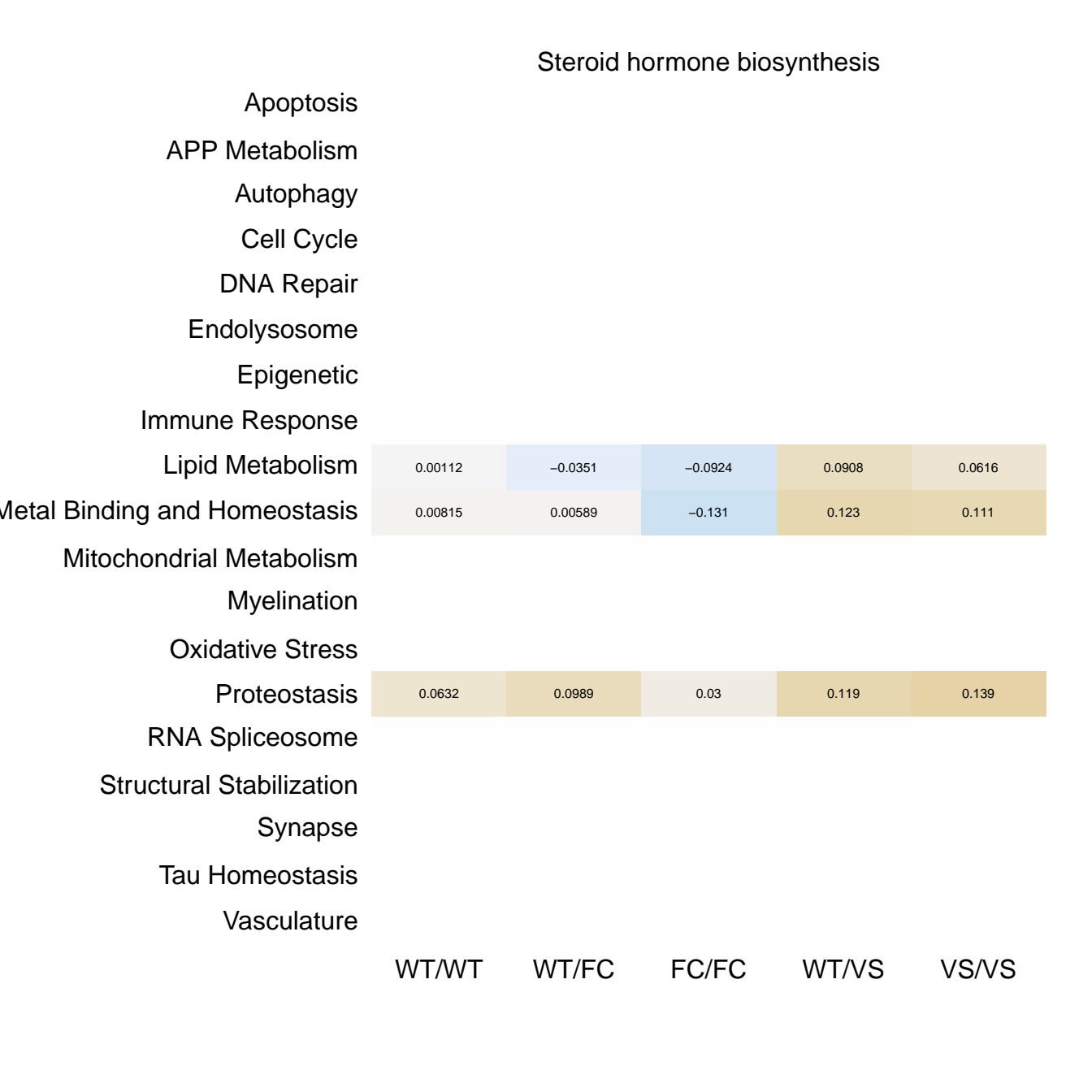












Glycerolipid metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0413	−0.00947	−0.0347	0.179	0.164
Lipid Metabolism	0.0762	0.0988	0.113	0.0925	0.0293
Metal Binding and Homeostasis	−0.0163	0.0784	0.142	−0.164	−0.0796
Mitochondrial Metabolism	0.102	0.0822	0.138	0.194	0.131
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.123	0.178	0.188	0.168	0.114
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0129	0.0701	0.139	0.0184	0.0347
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Glycerophospholipid metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0474	−0.0583	−0.107	−0.0566	−0.0577
Epigenetic					
Immune Response	0.0305	−0.033	−0.0577	0.158	0.11
Lipid Metabolism	0.0897	0.131	0.131	0.101	0.0609
Metal Binding and Homeostasis	−0.000385	0.0672	0.0963	−0.0557	−0.0354
Mitochondrial Metabolism	0.0251	0.0631	0.0223	0.0665	−0.024
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.184	0.276	0.23	0.233	0.156
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.206	0.193	0.232	0.206	0.127
Synapse	0.093	0.147	0.157	0.0109	0.0665
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

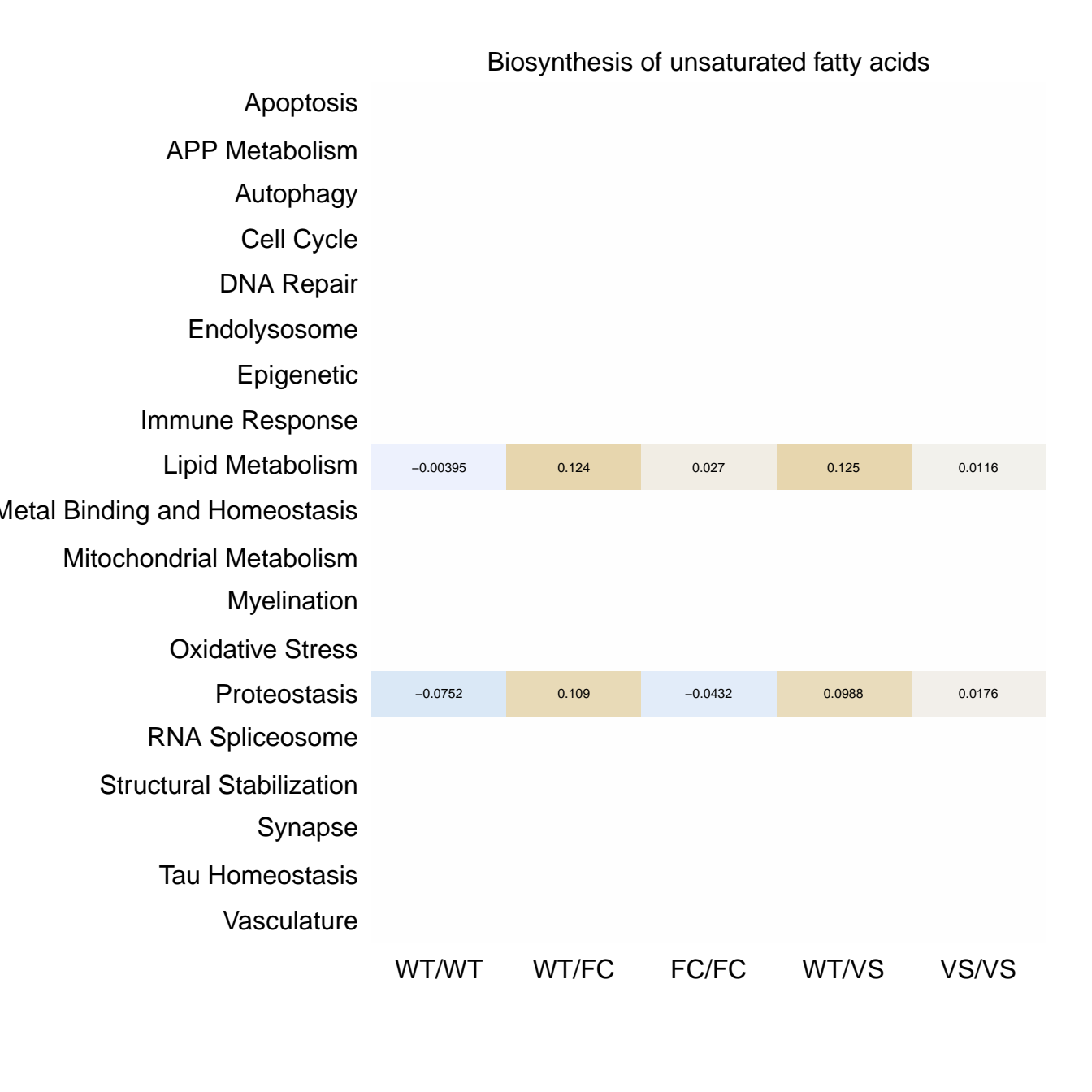
Ether lipid metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	-0.118	-0.108	-0.172	-0.11	-0.0475
Epigenetic					
Immune Response	0.000152	0.0655	0.0301	0.0677	0.0706
Lipid Metabolism	0.0368	0.0861	0.0198	0.0926	0.0239
Metal Binding and Homeostasis	-0.0601	0.00983	-0.0628	-0.11	-0.0519
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0118	0.0573	-0.0371	0.16	0.05
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Spingolipid metabolism					
Apoptosis	0.261	0.429	0.268	0.243	0.212
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.116	0.0949	0.125	0.251	0.0561
Epigenetic					
Immune Response	0.161	0.293	0.306	0.164	0.211
Lipid Metabolism	0.0951	0.175	0.113	0.133	0.048
Metal Binding and Homeostasis	0.155	0.265	0.221	0.194	0.126
Mitochondrial Metabolism					
Myelination	-0.0185	0.239	0.0238	0.0494	0.0423
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0842	0.218	0.107	0.112	0.0639
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0212	0.203	0.0298	0.202	-0.0308
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Arachidonic acid metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0519	-0.0439	0.0211	0.179	0.082
Lipid Metabolism	0.0421	-0.0473	-0.00999	0.178	0.0781
Metal Binding and Homeostasis	0.0284	-0.0298	0.0281	0.0576	0.0497
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.067	-0.0266	-0.00609	0.229	0.0914
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Linoleic acid metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.0334	-0.00999	-0.0312	0.117	0.0446
Metal Binding and Homeostasis	-0.00629	-0.0247	-0.0601	-0.000828	0.0278
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

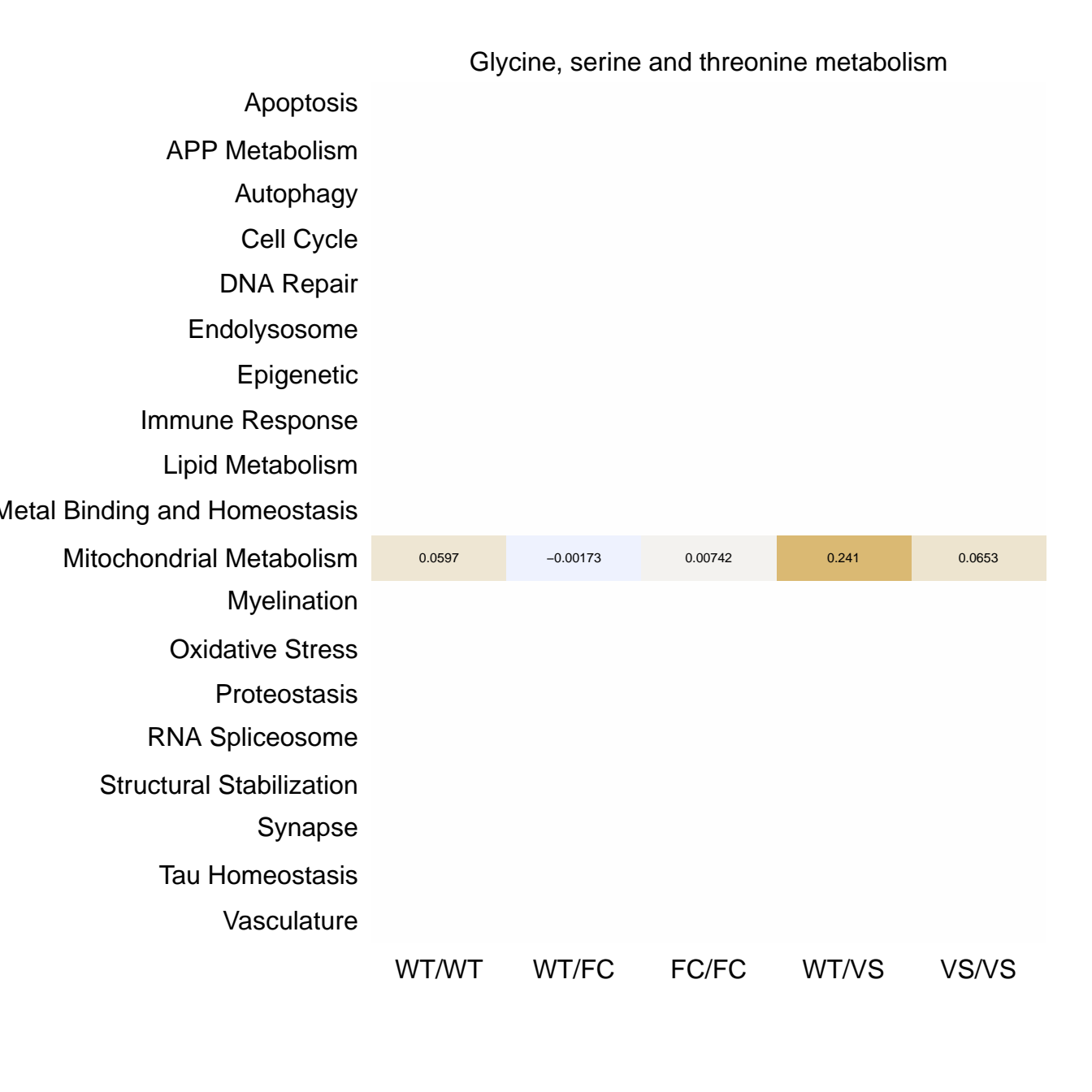
alpha-Linolenic acid metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.0507	0.00211	0.0142	0.1	0.0337
Metal Binding and Homeostasis	-0.0227	-0.0762	-0.0342	-0.073	0.0303
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Purine metabolism					
Apoptosis	0.0353	−0.141	−0.106	0.201	0.00245
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0381	−0.00891	−0.0416	0.107	−0.066
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0125	0.0818	0.0865	0.0856	−0.0802
Lipid Metabolism	−0.00264	0.0435	0.0607	−0.0663	−0.142
Metal Binding and Homeostasis	−0.0177	0.032	0.0338	0.00865	−0.0464
Mitochondrial Metabolism	0.0278	0.0305	−0.0404	0.117	−0.0449
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.229	0.254	0.149	0.245	0.0991
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.122	0.119	0.147	0.245	0.0924
Synapse	−0.052	0.116	0.133	−0.191	−0.0741
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0102	0.189	0.241	−0.0973	0.016
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Pyrimidine metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.00043	-0.0181	-0.0422	0.151	-0.0122
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.0121	-0.141	-0.095	0.147	-0.0548
Mitochondrial Metabolism	0.0549	0.0415	-0.0435	0.195	-0.0753
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Alanine, aspartate and glutamate metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0624	0.223	0.143	0.0377	-0.0423
Mitochondrial Metabolism	0.0321	0.152	0.105	0.0535	0.0152
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



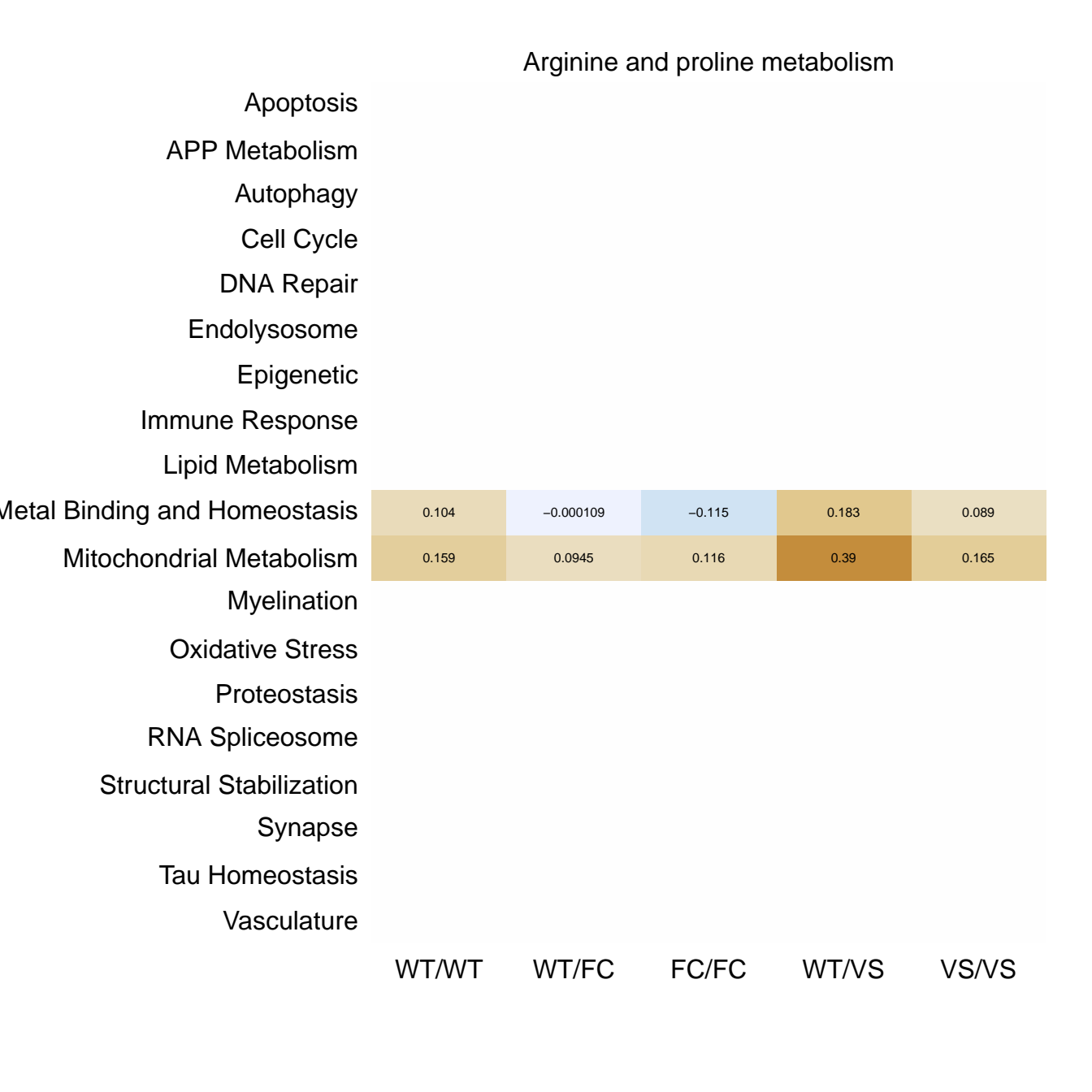
	Cysteine and methionine metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.109	-0.0908	-0.137	-0.0504	-0.087
Mitochondrial Metabolism	0.149	0.131	0.0692	0.49	0.141
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

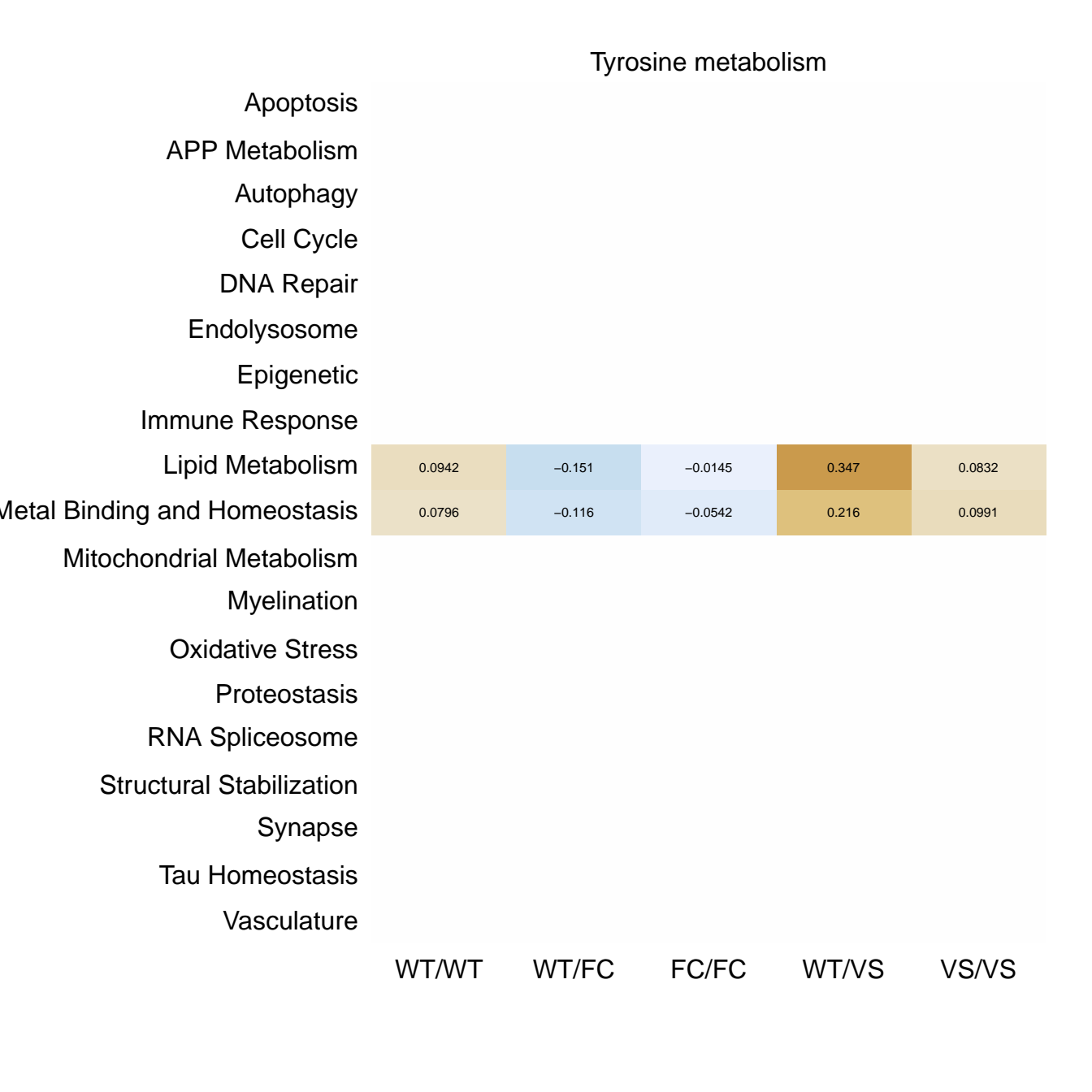
Valine, leucine and isoleucine degradation

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	−0.0612	−0.11	−0.111	0.164	−0.0935
Metal Binding and Homeostasis	−0.06	−0.142	−0.0198	−0.0224	−0.128
Mitochondrial Metabolism	−0.0358	−0.0642	−0.0472	0.197	−0.043
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

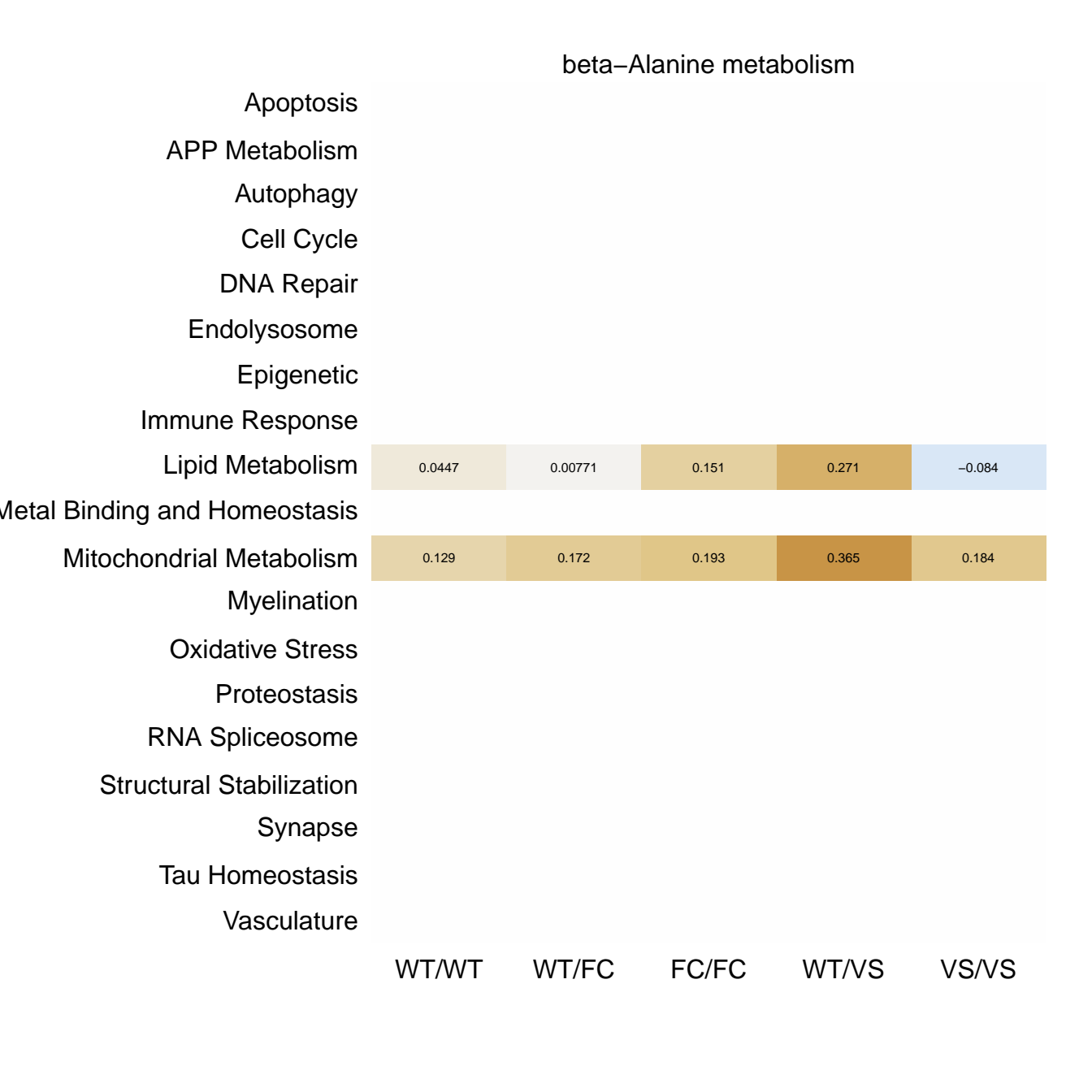
Lysine degradation					
Apoptosis	Cell Cycle	DNA Repair	Endolysosome	Epigenetic	Immune Response
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	Metal Binding and Homeostasis	Mitochondrial Metabolism	Myelination	Oxidative Stress	Proteostasis
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	RNA Spliceosome	Structural Stabilization	Synapse	Tau Homeostasis	Vasculature
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Arginine biosynthesis				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.00713	−0.0715	−0.0252	0.057	0.0297
Mitochondrial Metabolism	−0.0741	−0.0145	−0.0846	0.037	−0.000615
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

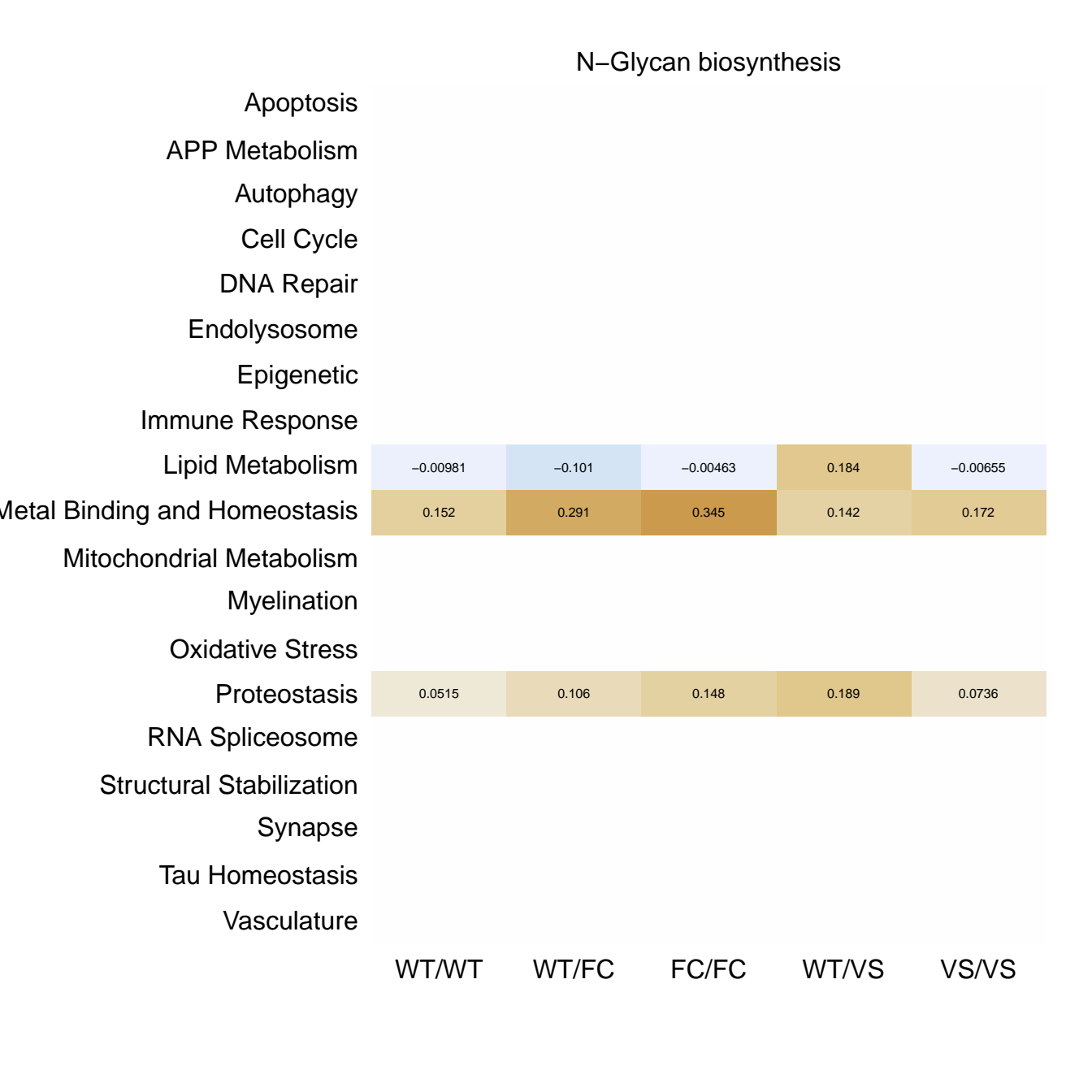




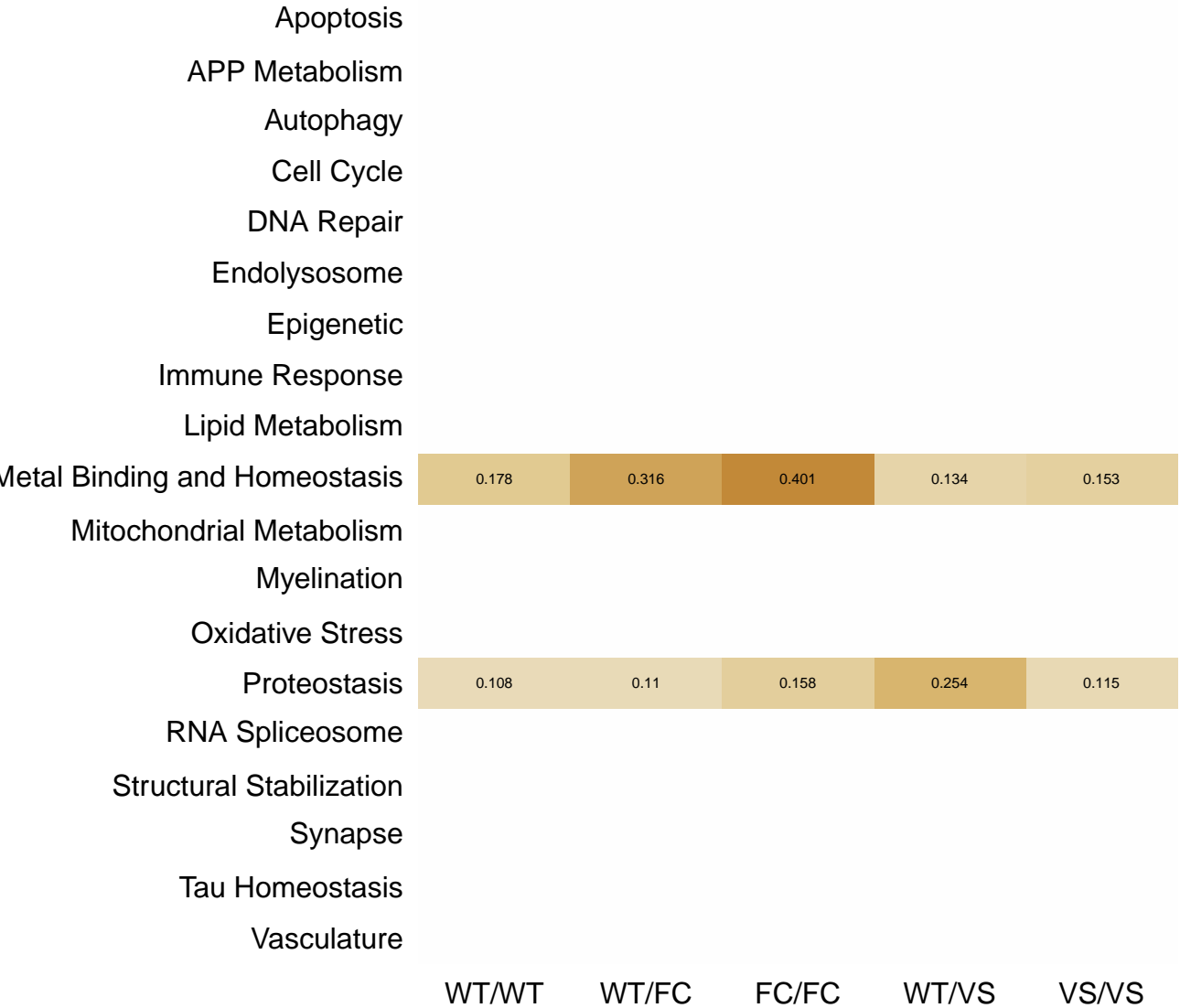
	Tryptophan metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	−0.00228	−0.0574	−0.036	0.112	−0.0662
Metal Binding and Homeostasis	0.136	0.0522	0.0833	0.0796	0.0289
Mitochondrial Metabolism	0.0178	−0.0126	−0.00925	0.167	−0.0276
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

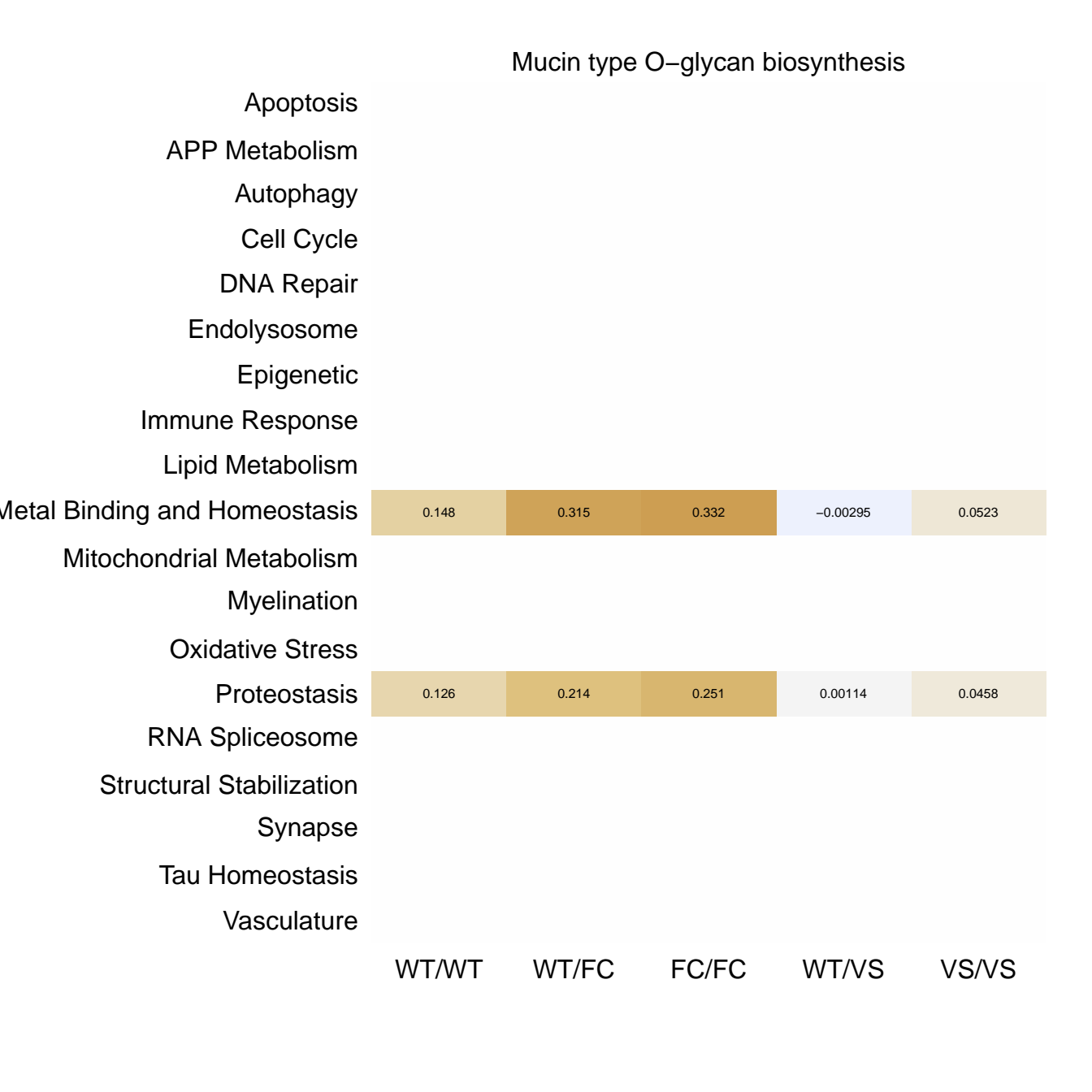


	Glutathione metabolism				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.179	0.197	0.21	0.452	0.21
Lipid Metabolism	0.112	-0.000531	-0.0273	0.451	0.159
Metal Binding and Homeostasis	0.11	0.13	0.12	0.156	0.0487
Mitochondrial Metabolism	0.107	0.117	0.0304	0.394	0.187
Myelination					
Oxidative Stress	0.095	0.0823	-0.0772	0.33	0.13
Proteostasis	-0.053	-0.172	-0.19	0.327	0.0776
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

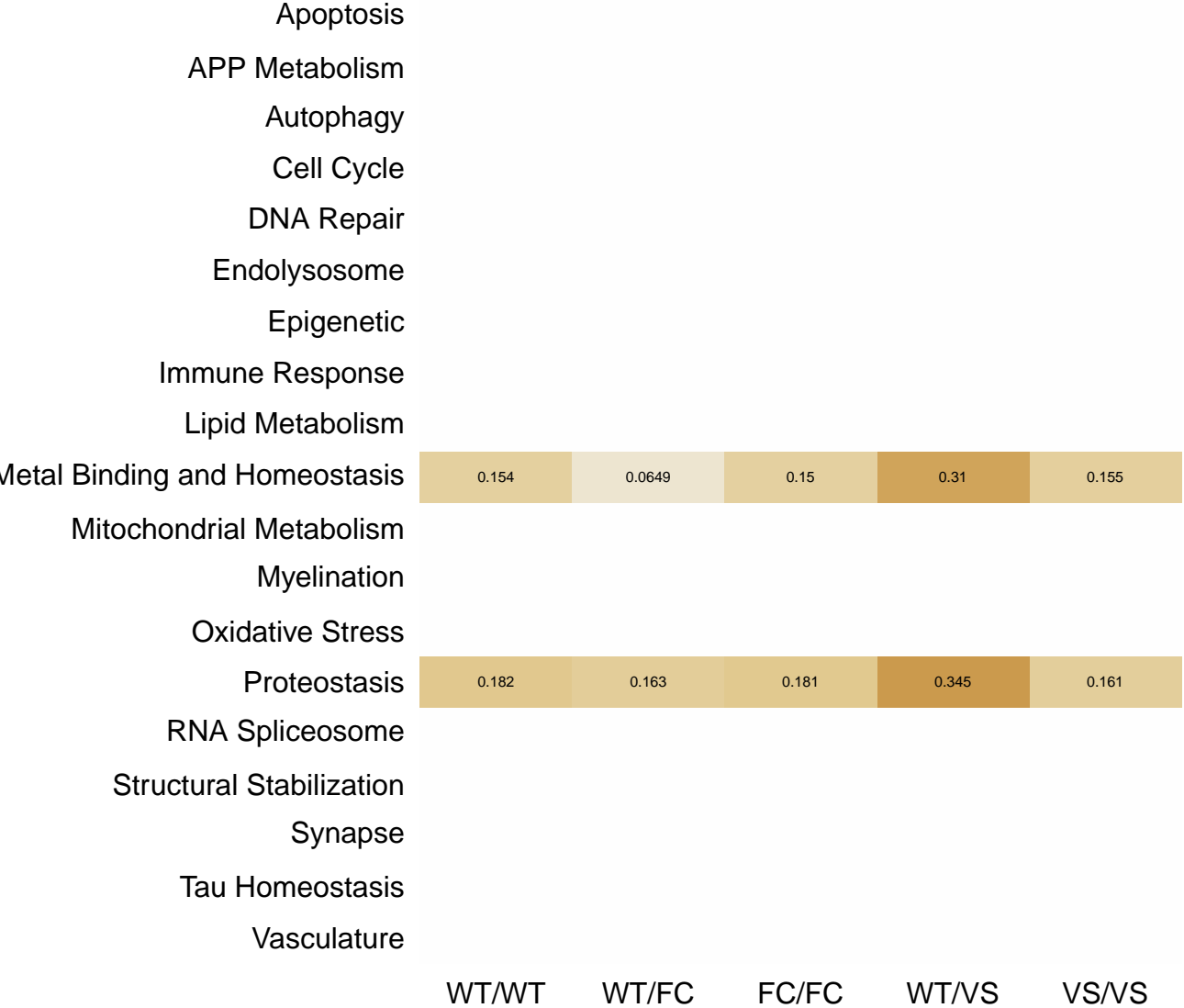


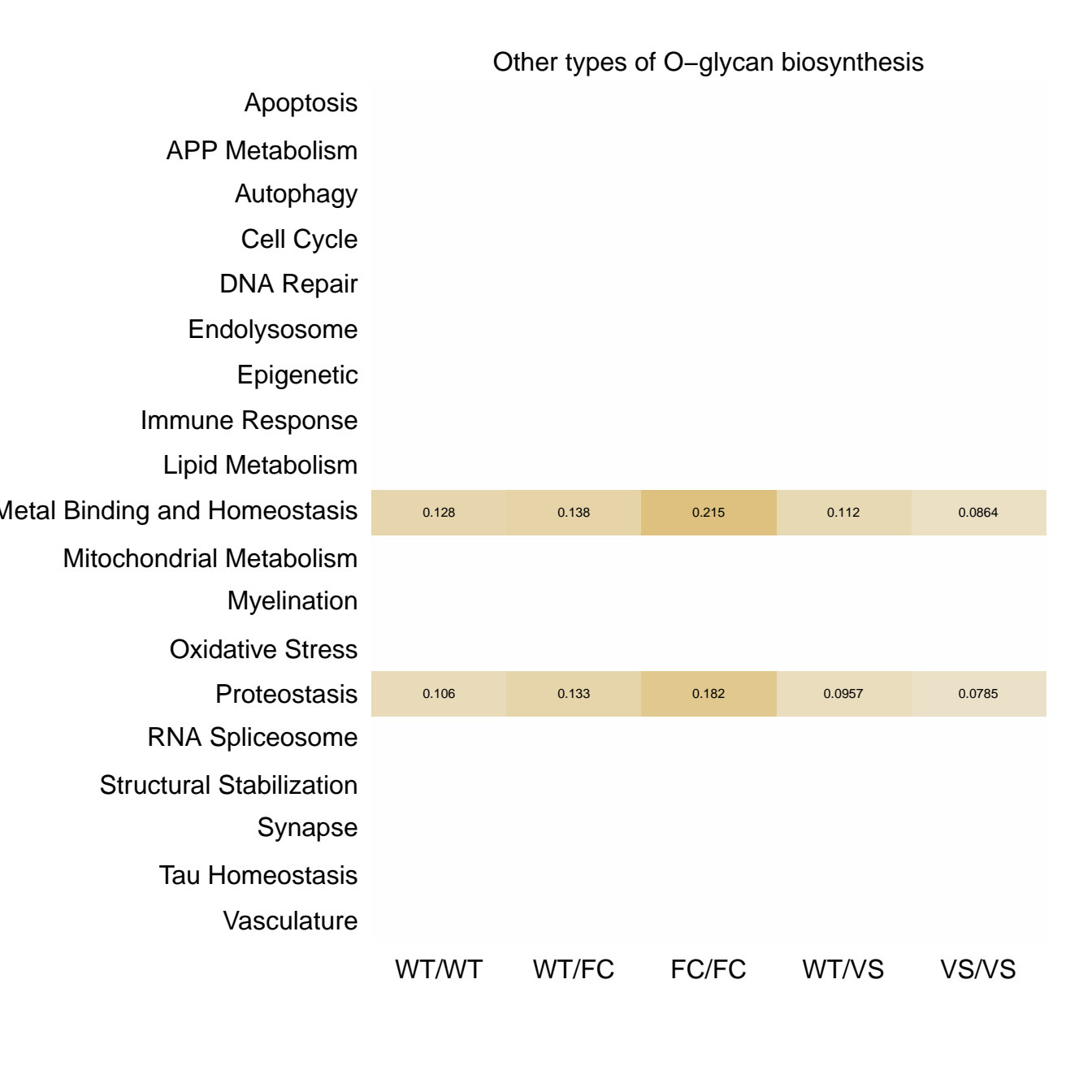
Various types of N-glycan biosynthesis



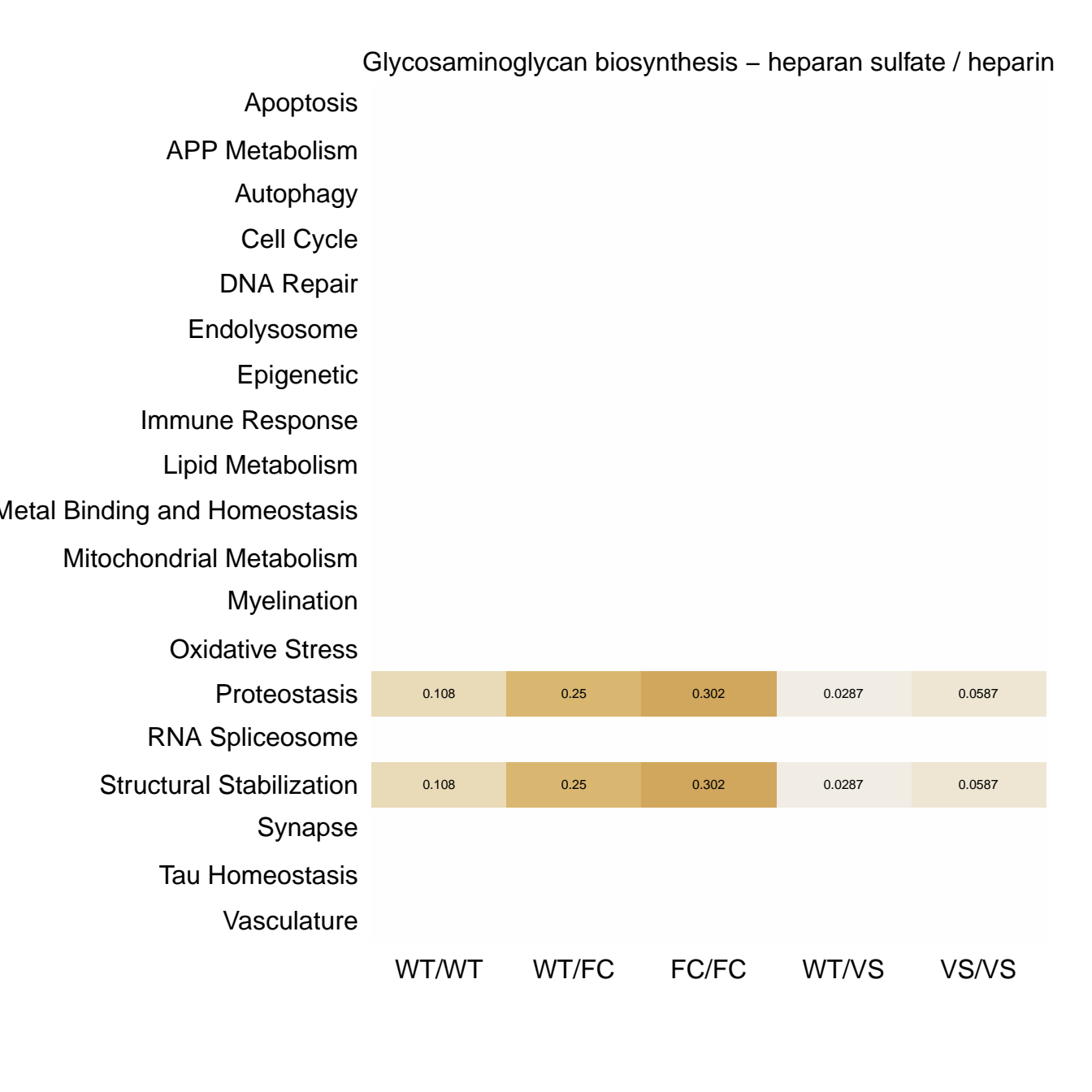


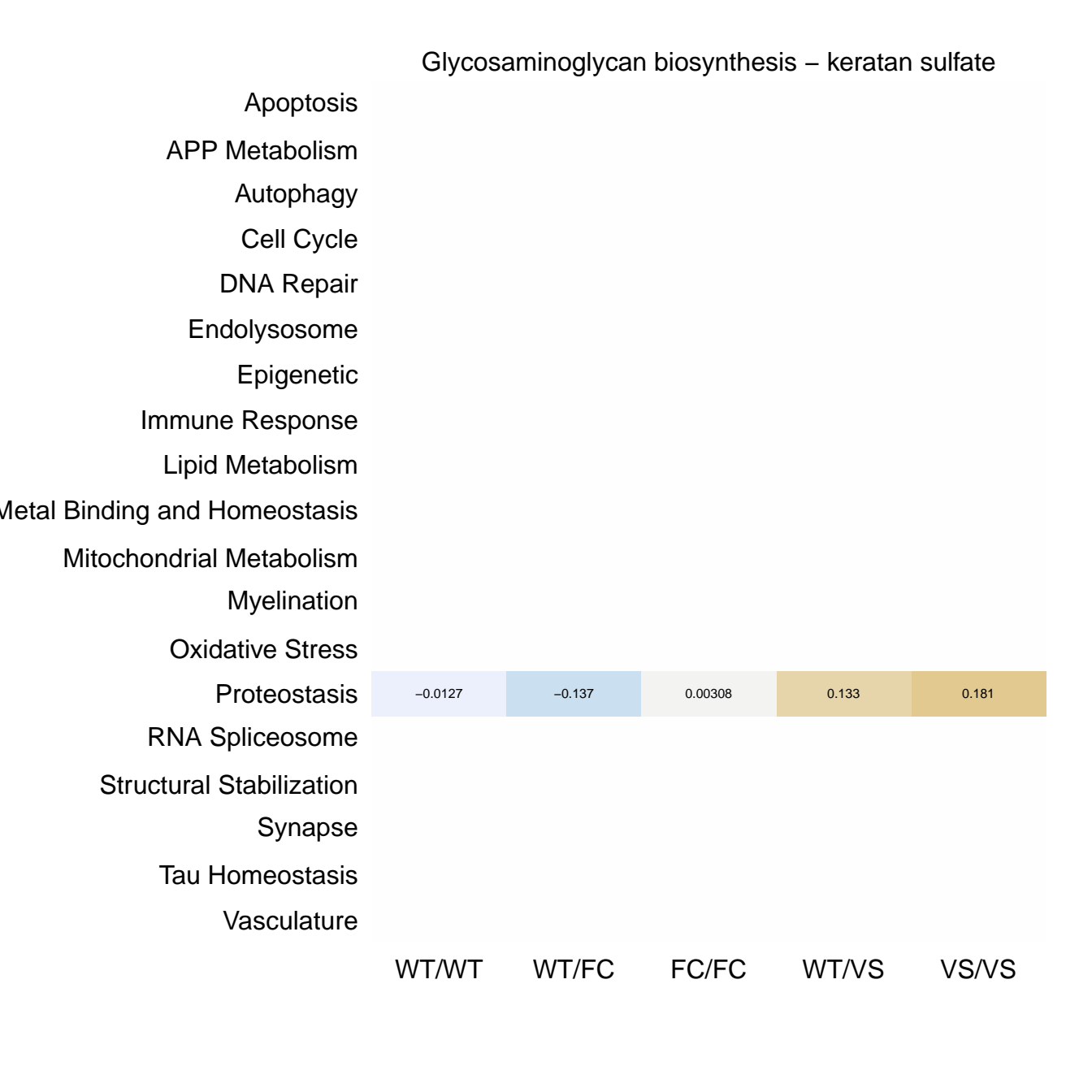
Mannose type O-glycan biosynthesis

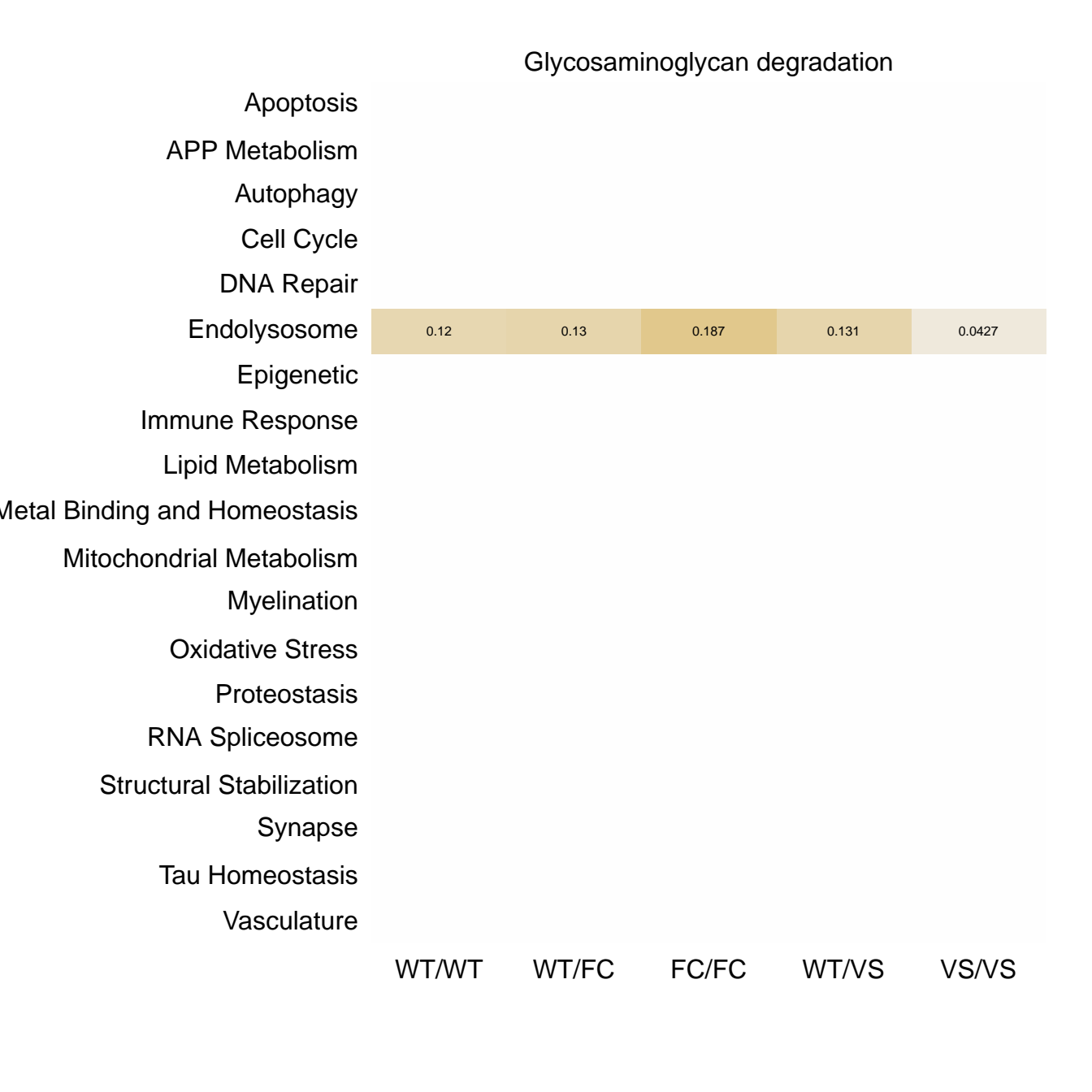


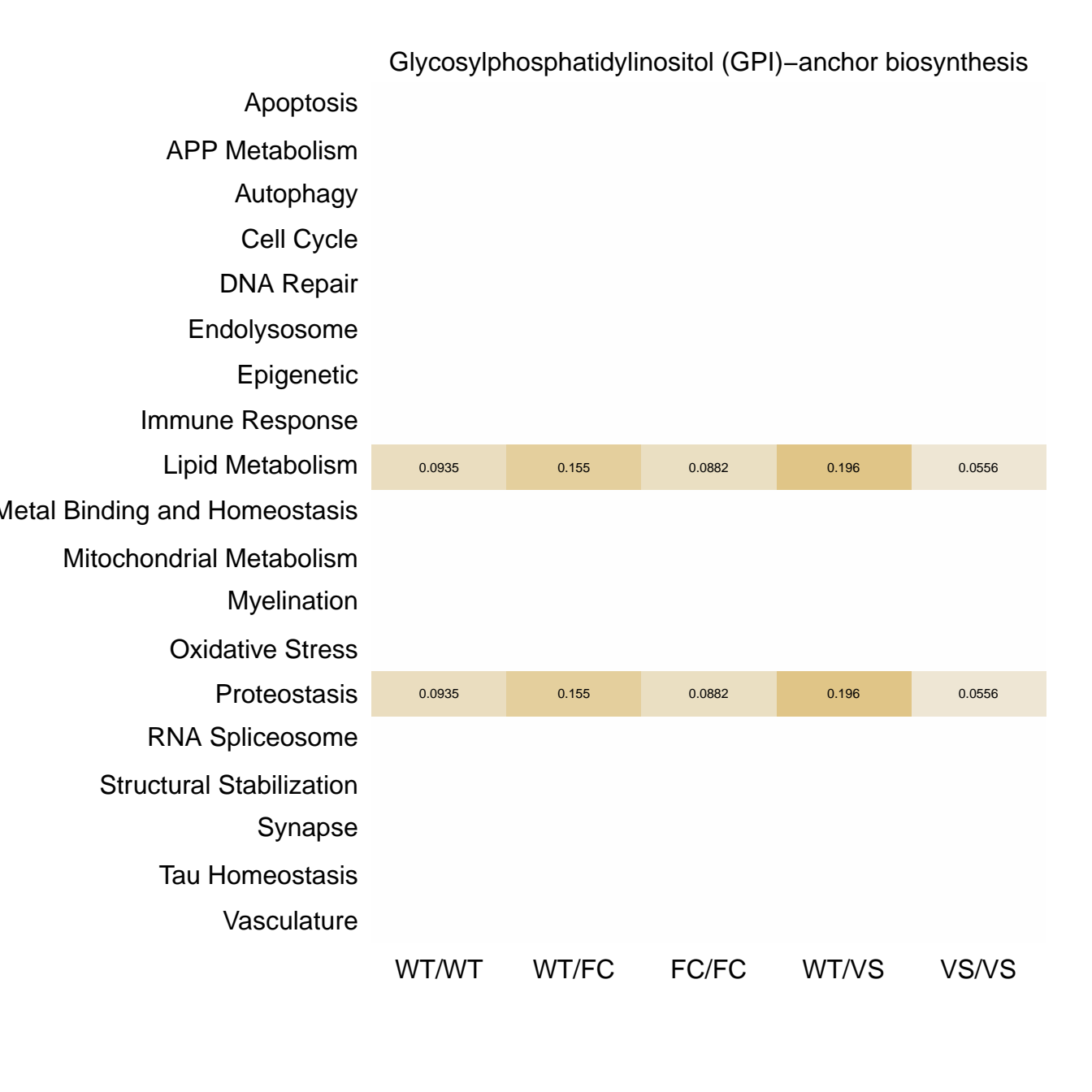


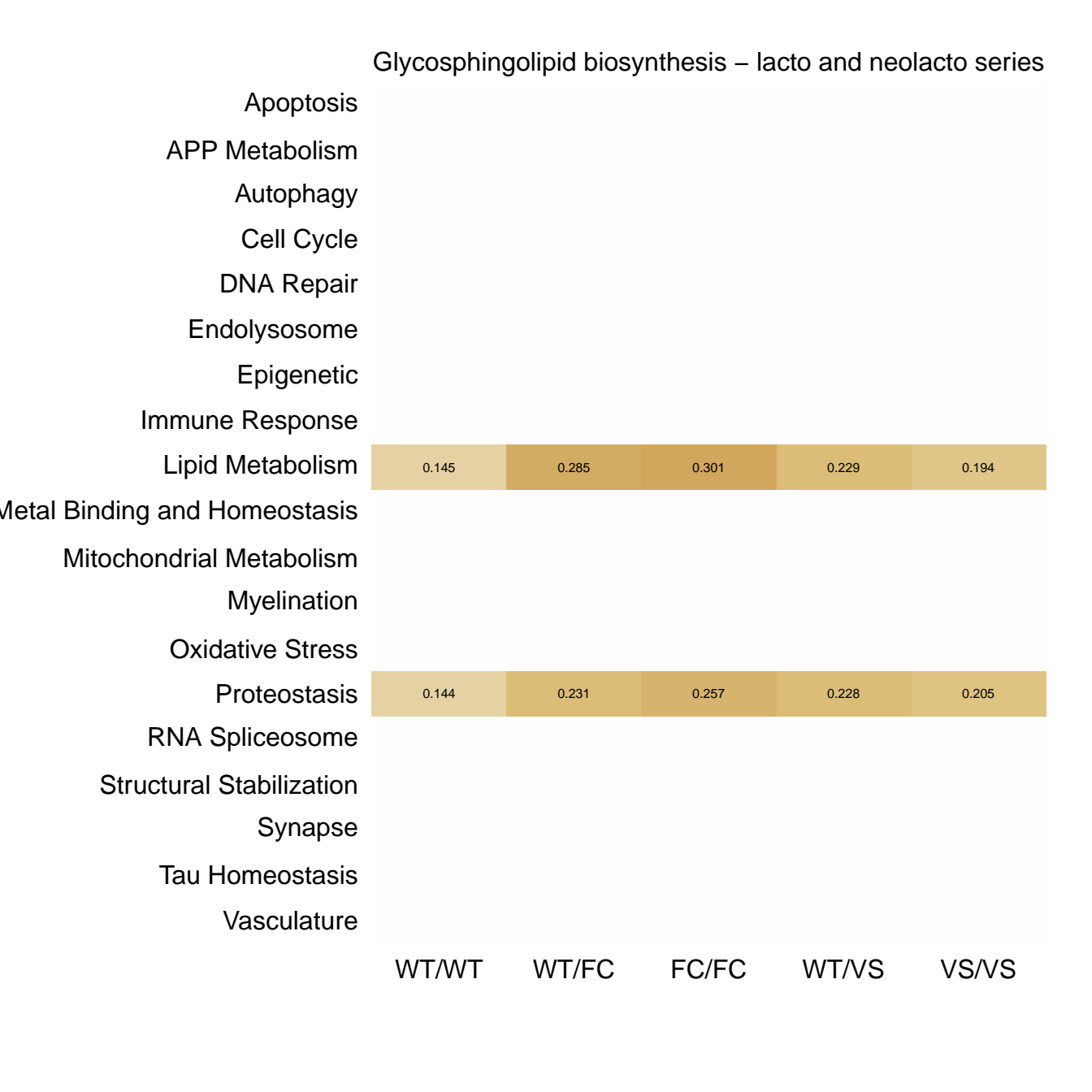
Glycosaminoglycan biosynthesis – chondroitin sulfate / dermatan sulfate					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.251	0.429	0.354	0.254	0.327
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.188	0.255	0.262	0.142	0.213
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.226	0.257	0.252	0.219	0.293
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

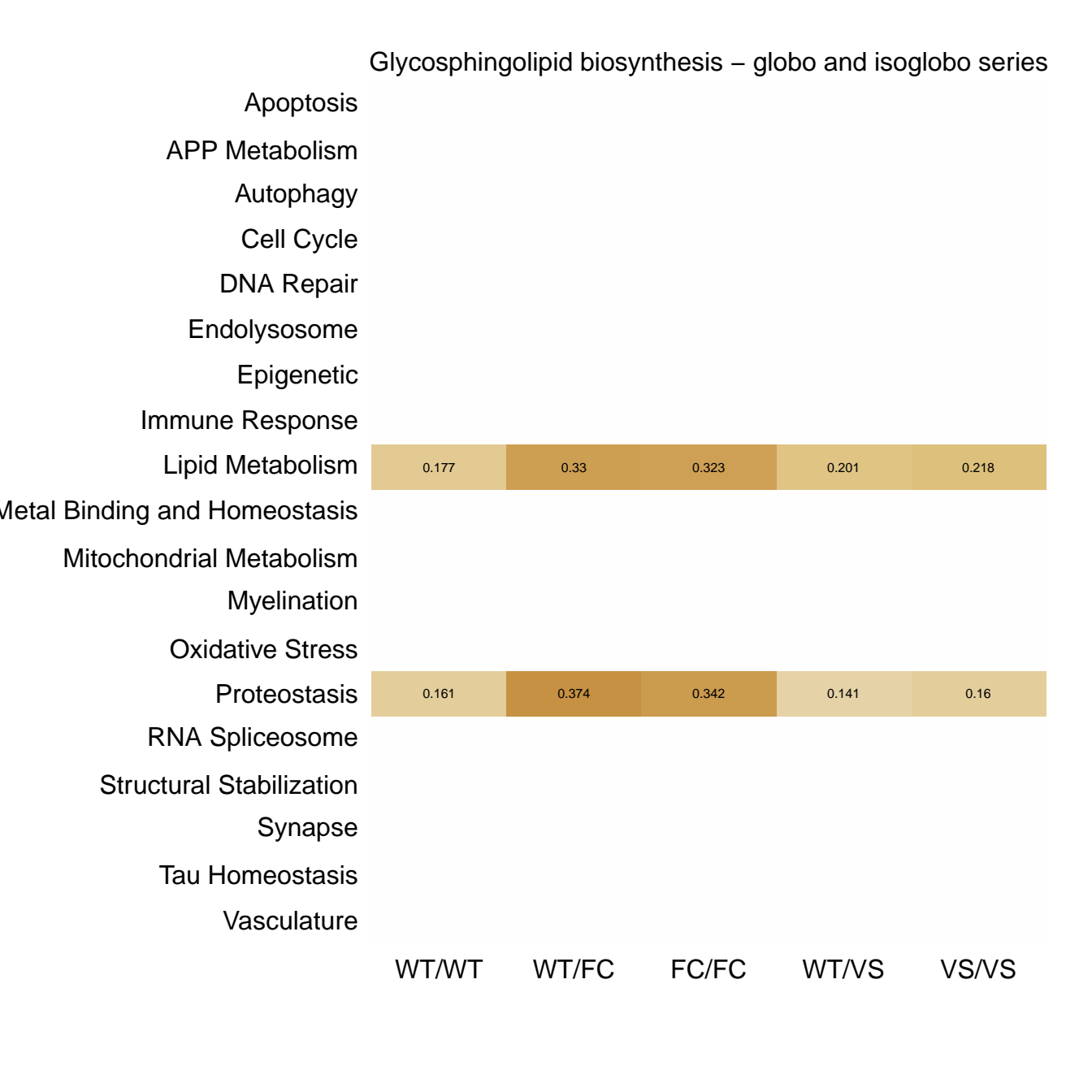


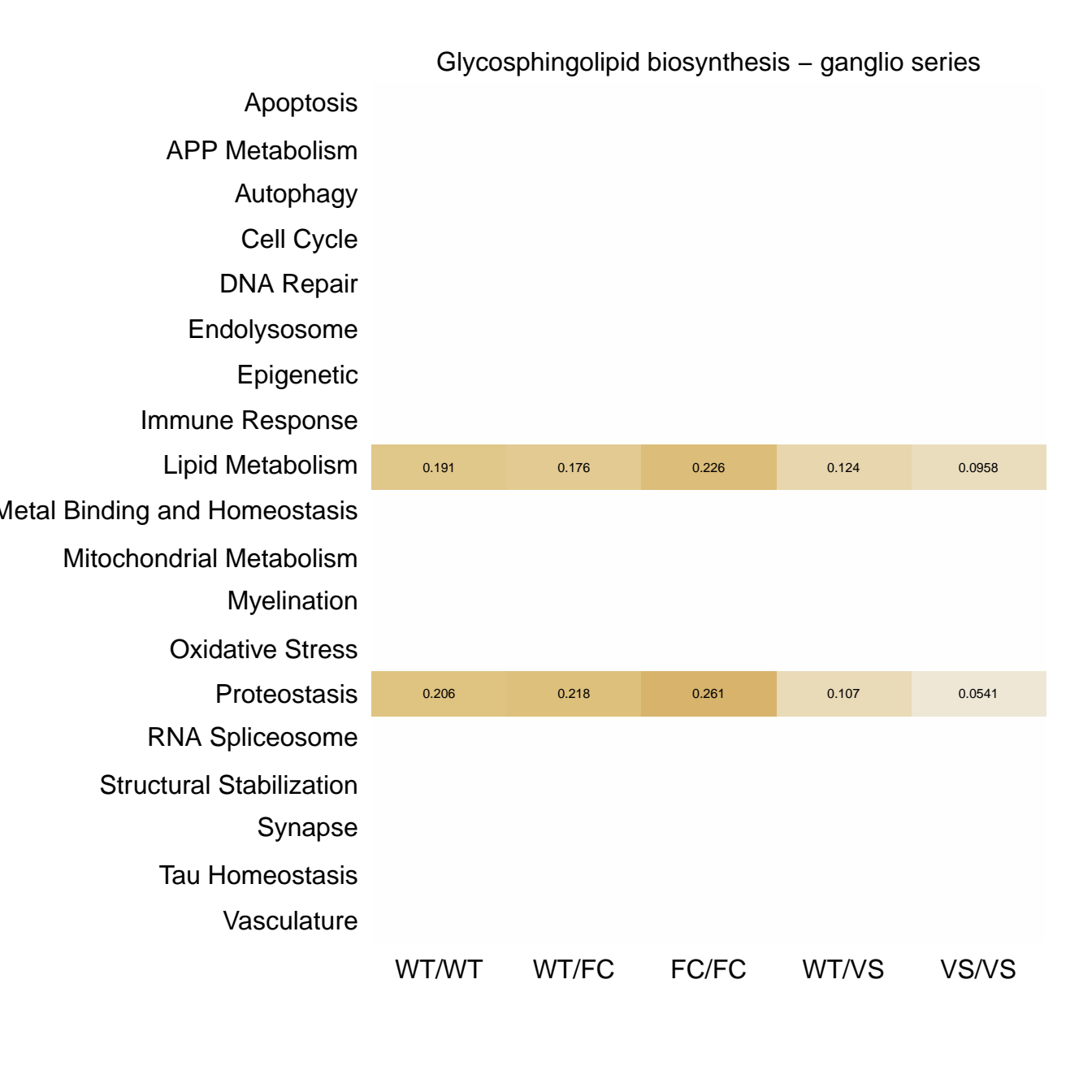


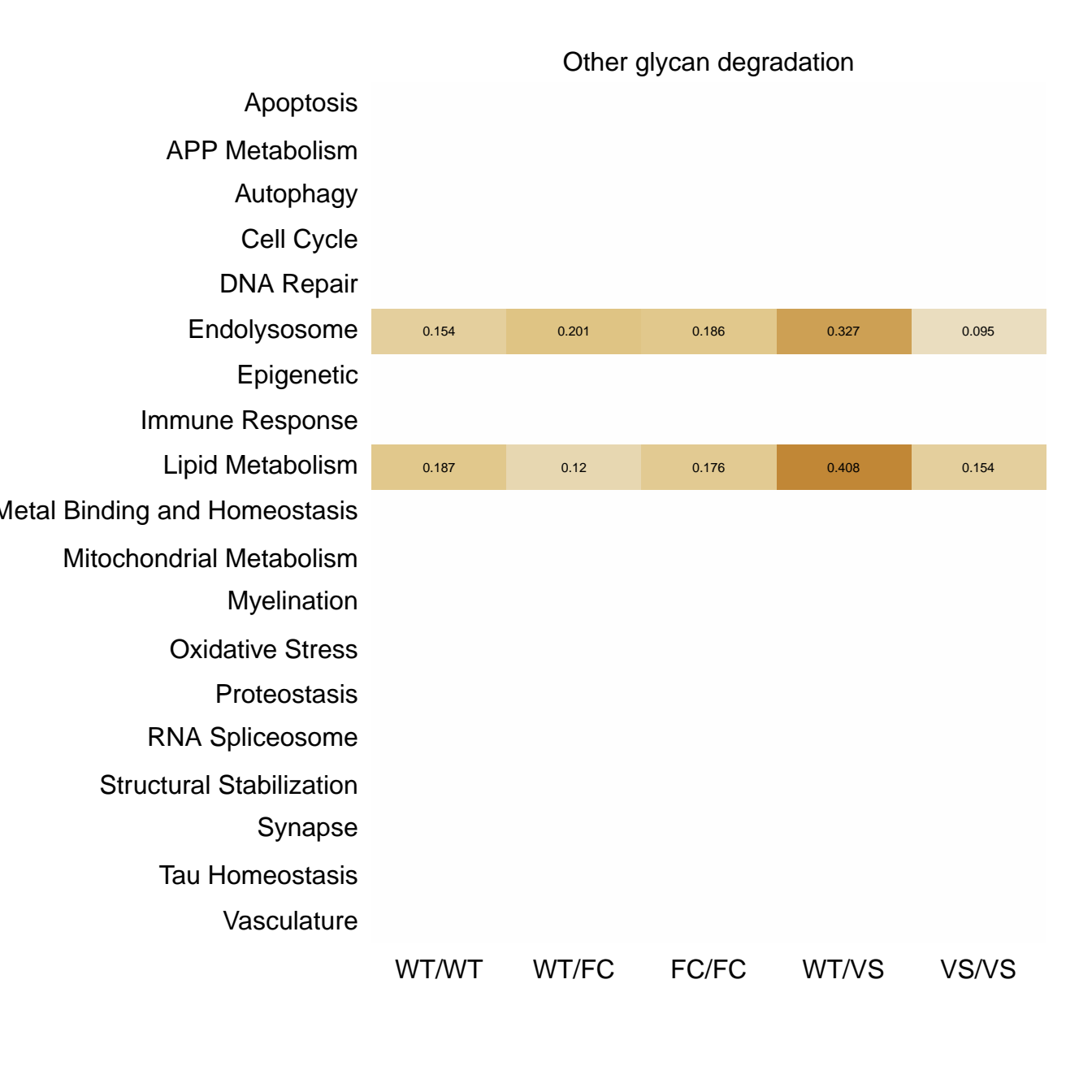






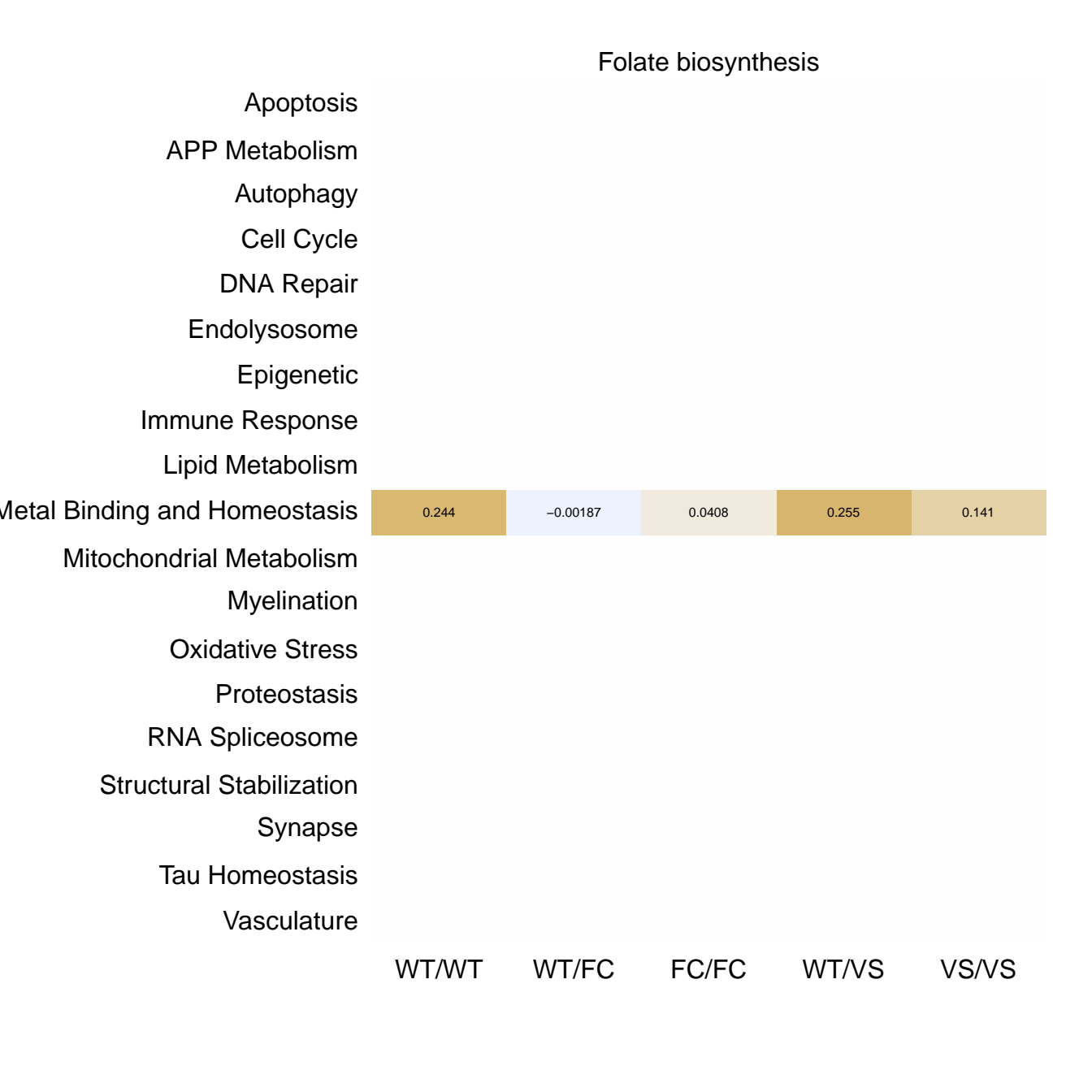




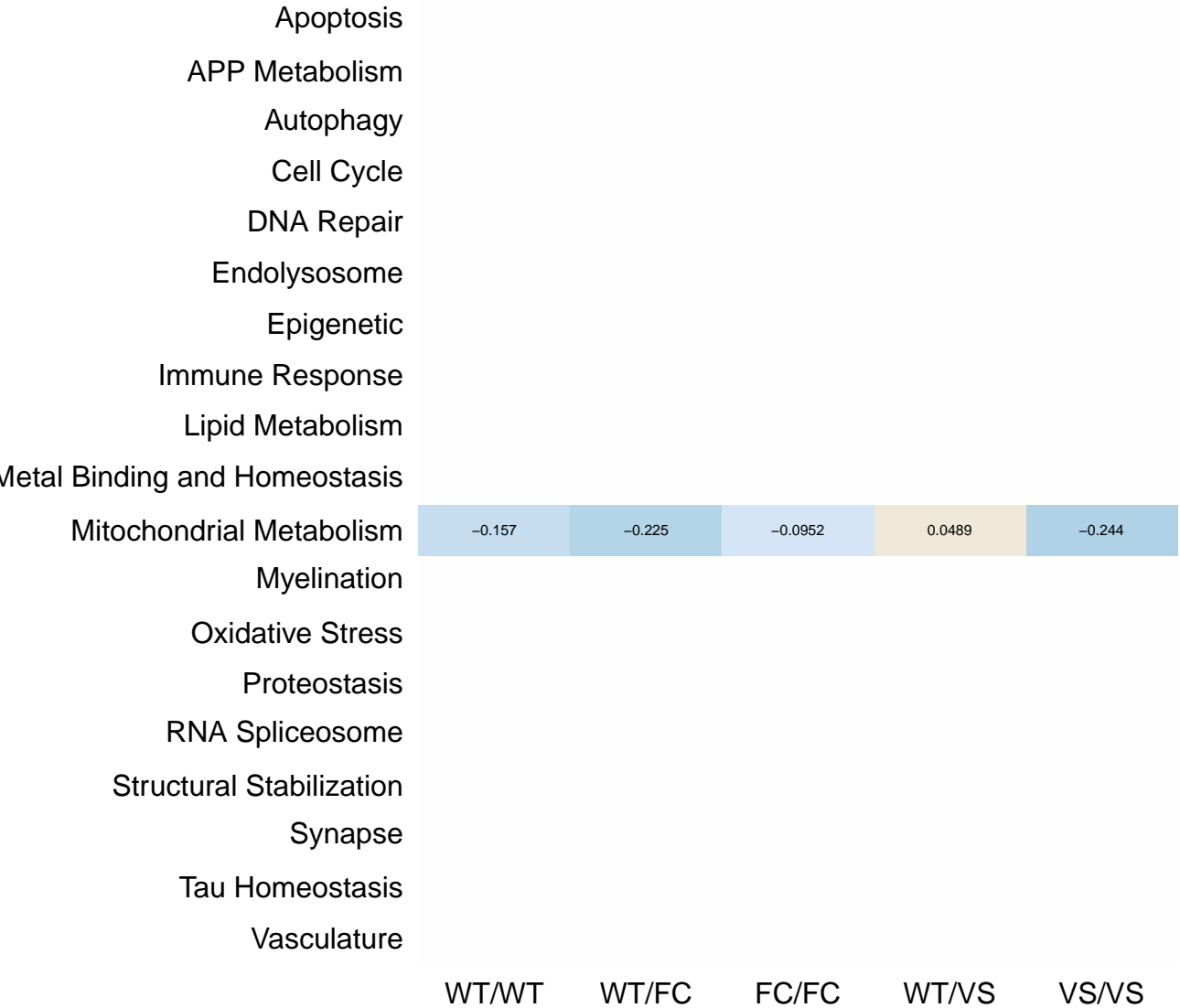


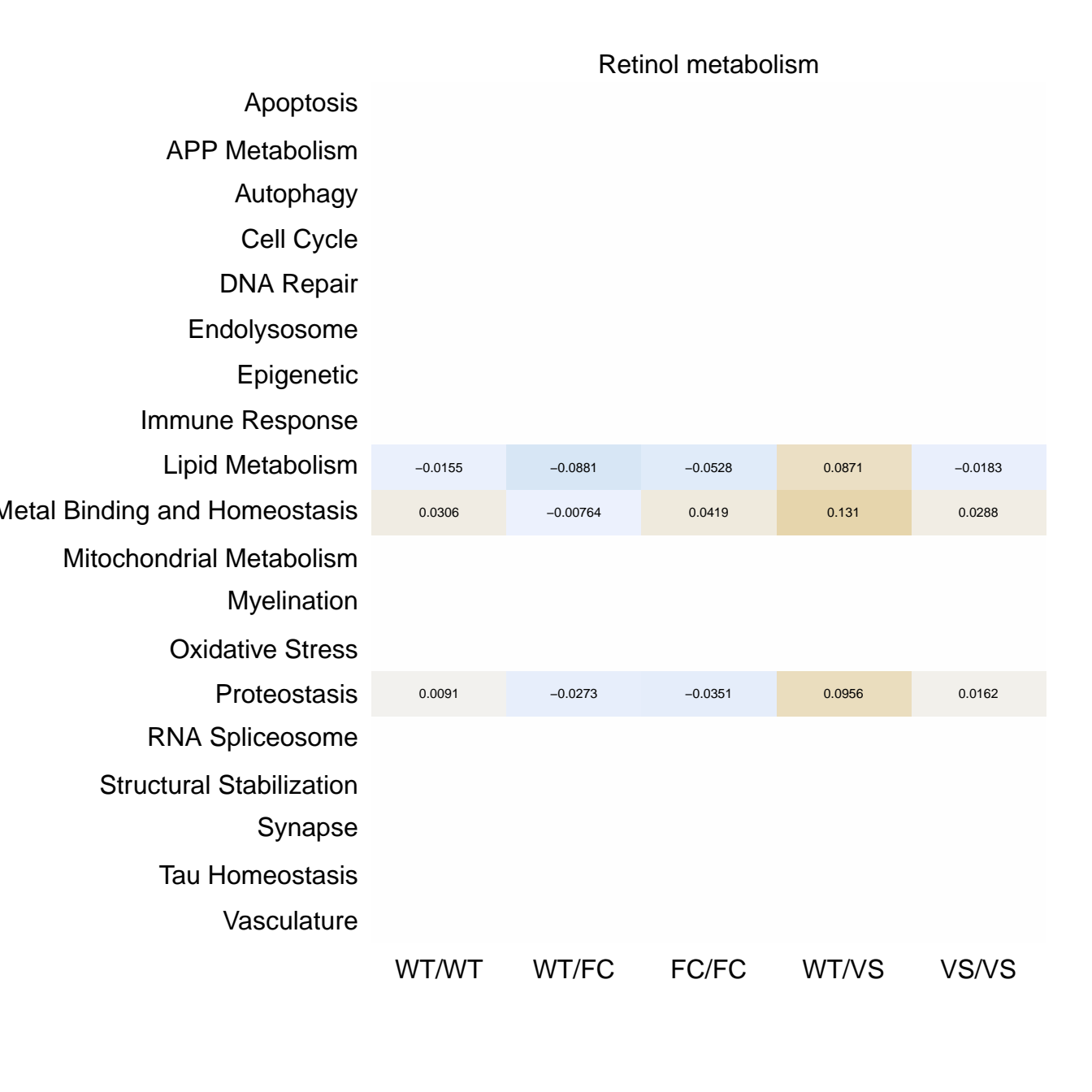
Nicotinate and nicotinamide metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0924	0.147	0.102	0.198	0.0509
Lipid Metabolism	0.0819	-0.06	0.0264	0.201	-0.0315
Metal Binding and Homeostasis	0.0868	-0.0959	-0.0148	0.174	0.0131
Mitochondrial Metabolism	0.114	0.0361	0.0546	0.236	0.0894
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



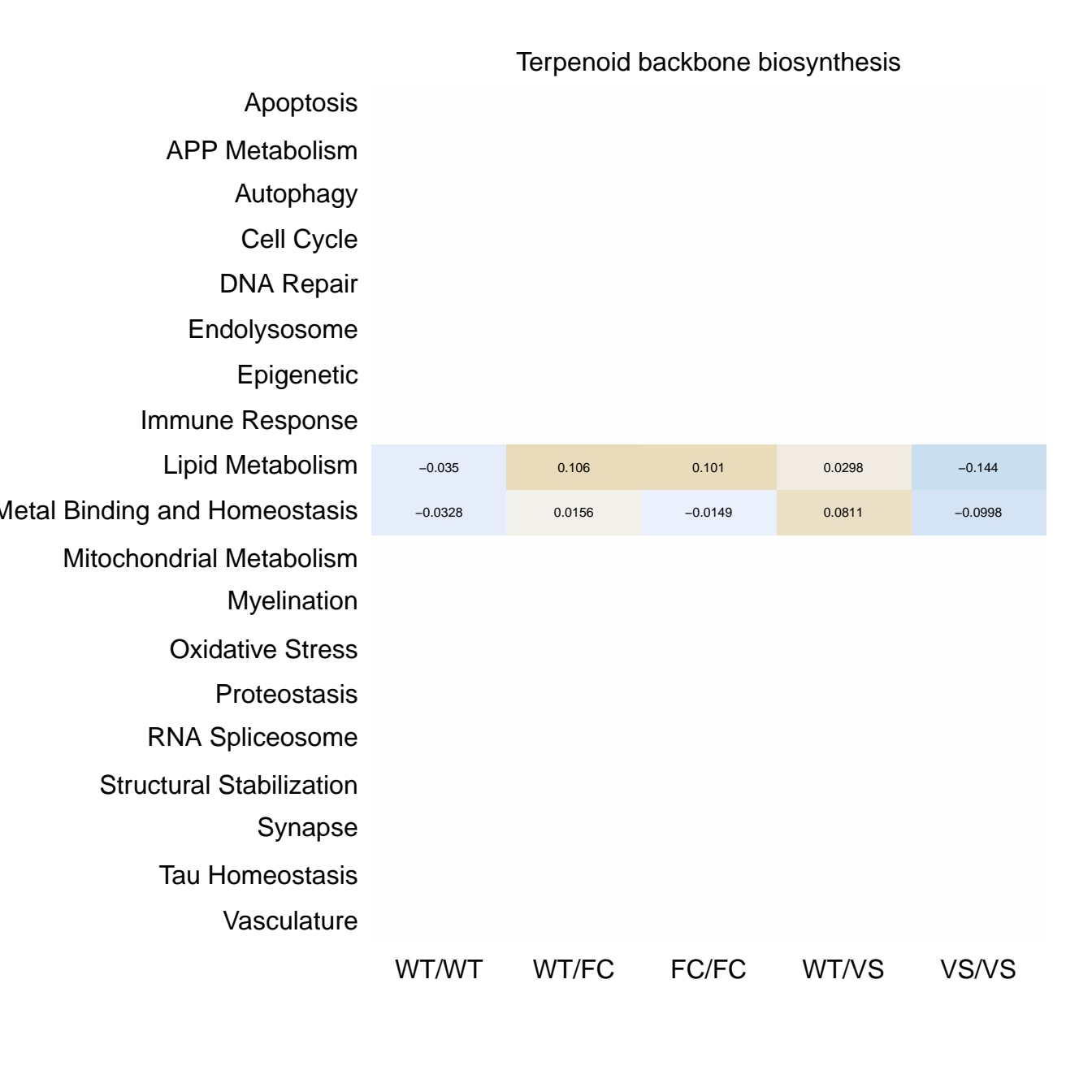


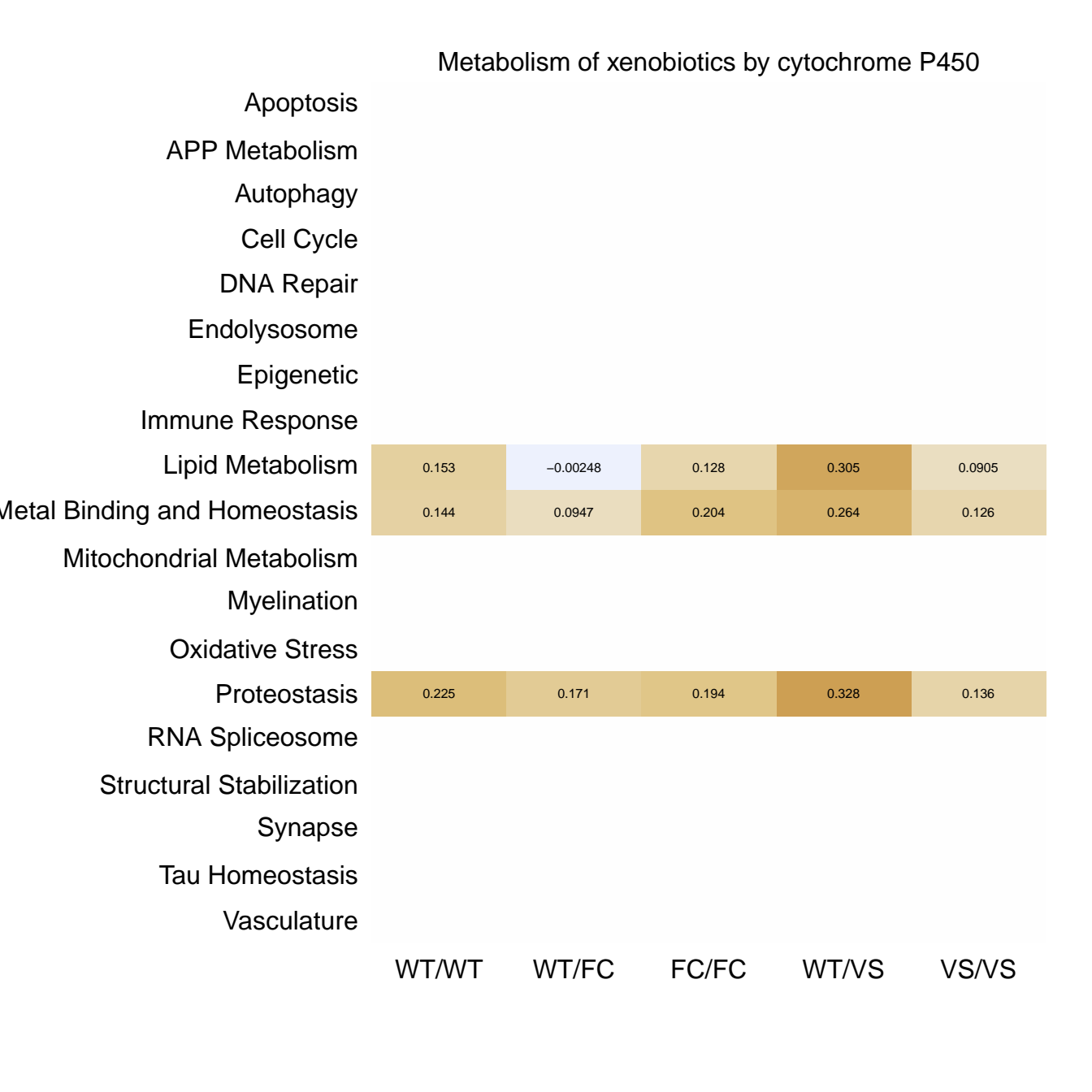
One carbon pool by folate



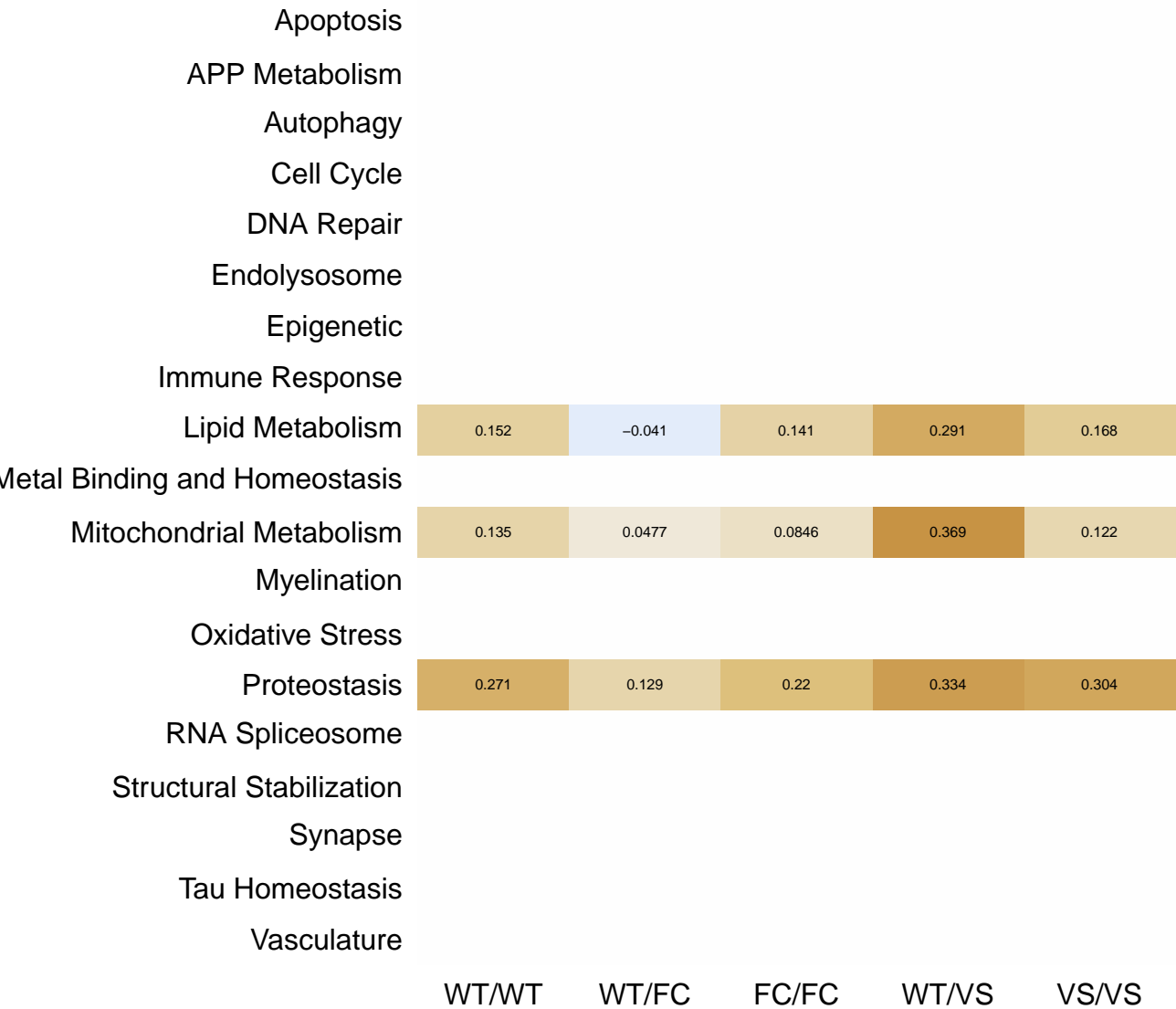


Porphyrin metabolism					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0356	-0.015	0.0312	0.205	0.0327
Mitochondrial Metabolism	0.0285	0.112	0.137	0.161	0.0523
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0413	-0.0587	0.0224	0.129	-0.0408
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



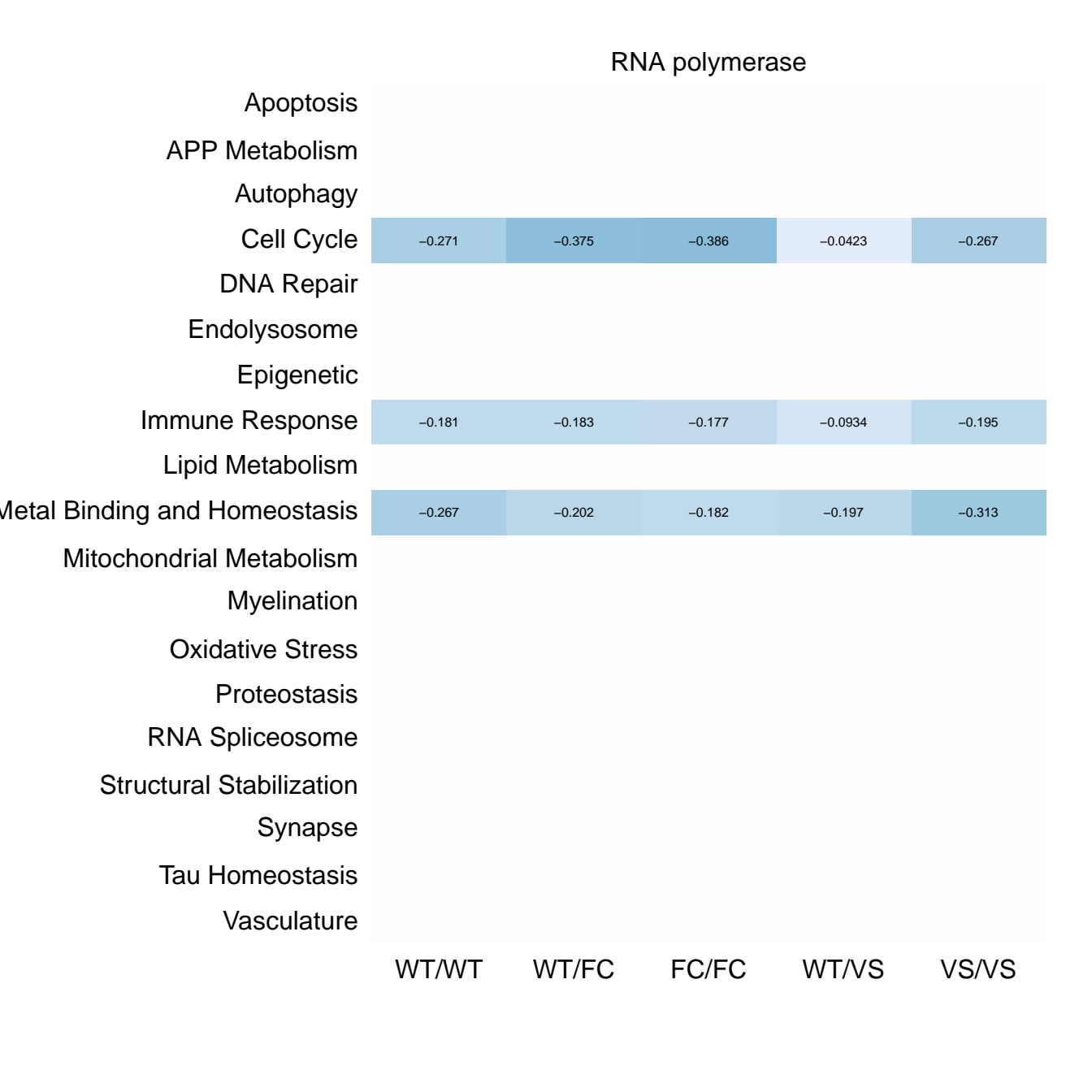


Drug metabolism – cytochrome P450



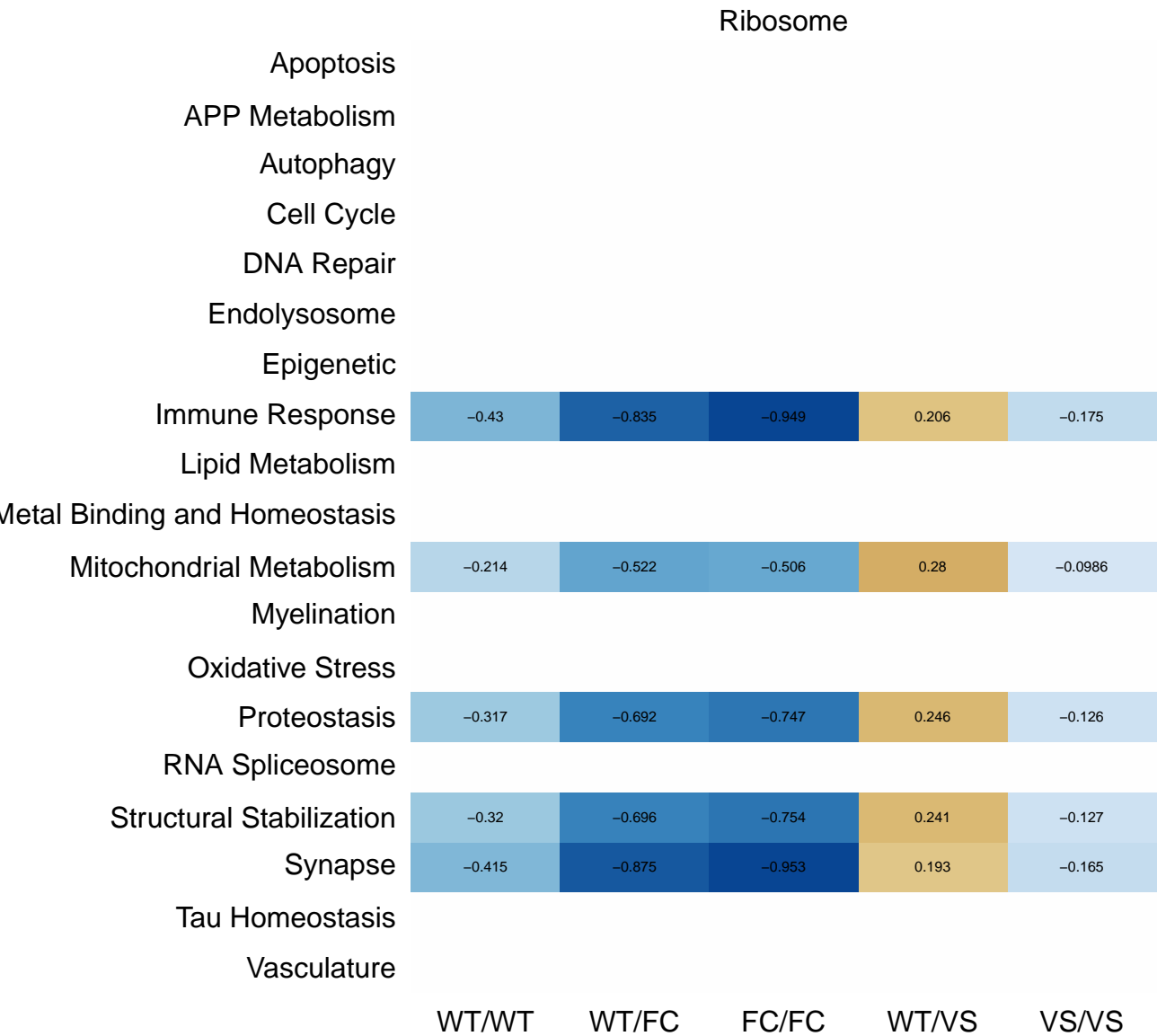
Drug metabolism – other enzymes

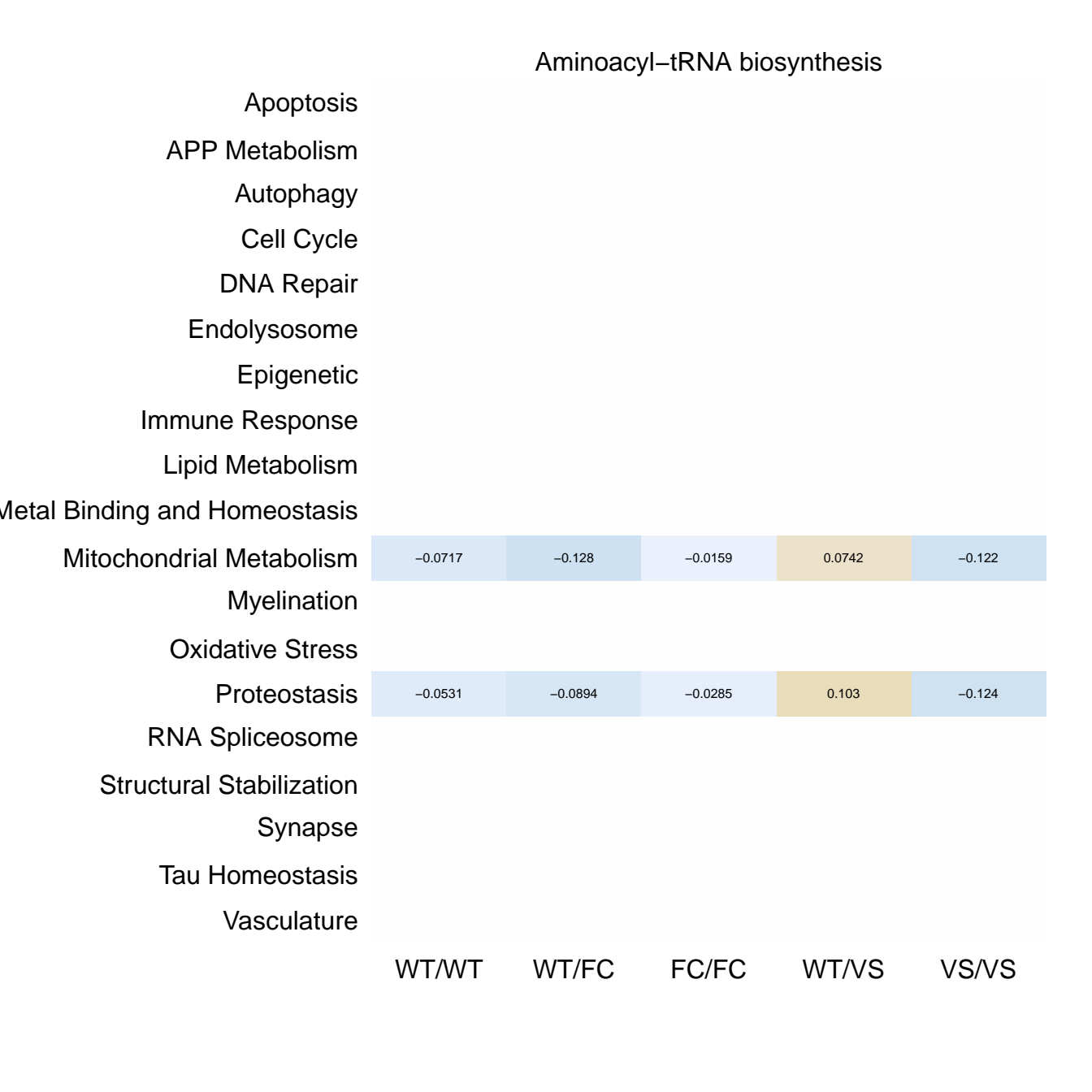
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.00466	−0.0402	−0.0732	0.175	0.0595
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.228	0.0232	0.0751	0.389	0.114
Metal Binding and Homeostasis	−0.0119	−0.134	−0.0986	0.212	0.014
Mitochondrial Metabolism	0.134	0.126	0.0685	0.329	0.0405
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Basal transcription factors					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	-0.222	-0.0714	-0.0613	-0.102	-0.239
DNA Repair	-0.164	-0.187	-0.149	-0.0776	-0.195
Endolysosome					
Epigenetic	-0.0359	-0.0269	-0.0659	0.0337	-0.0239
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

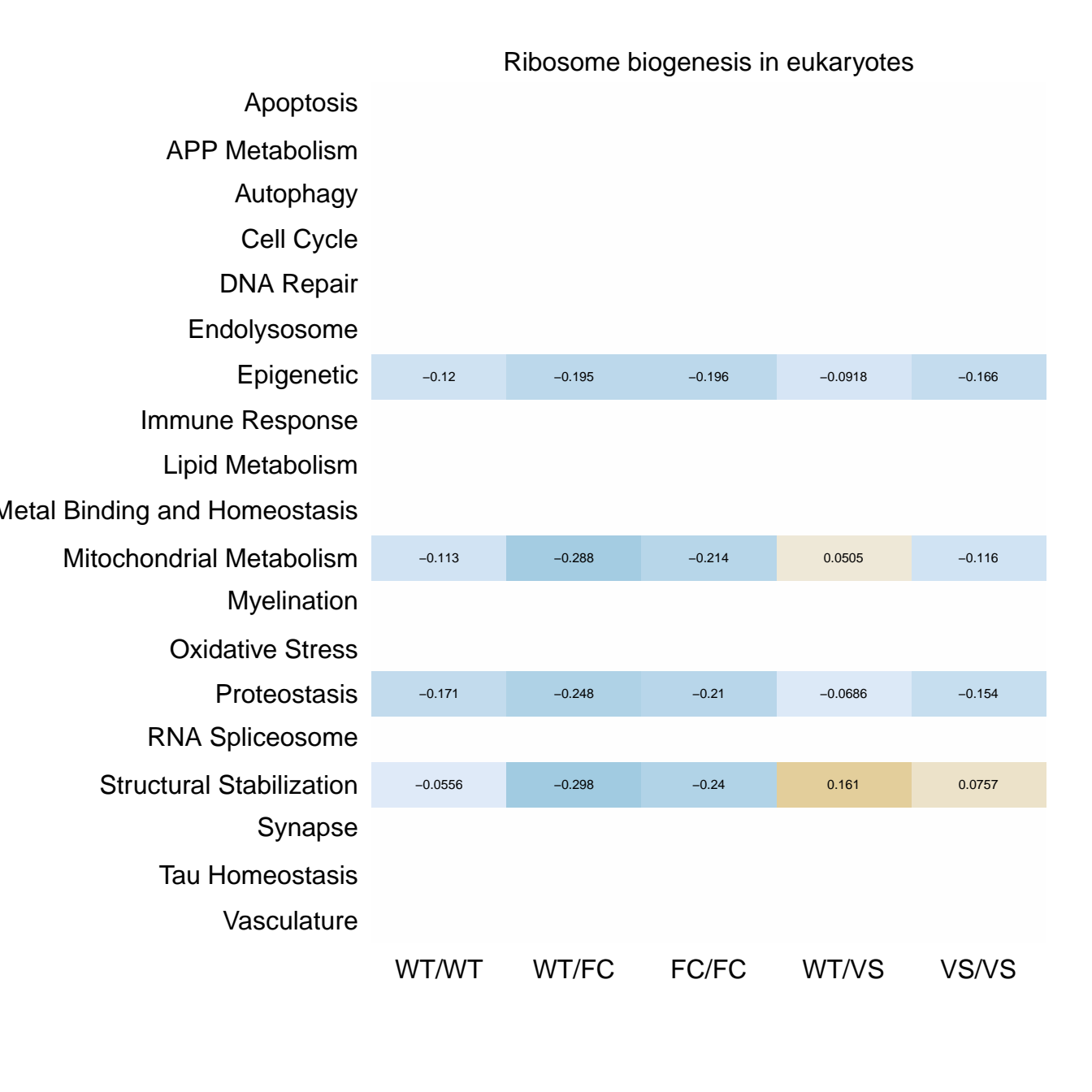
	Spliceosome				
Apoptosis	−0.0637	−0.0405	−0.175	−0.062	−0.0229
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.198	−0.186	−0.262	−0.003	−0.154
DNA Repair	−0.0275	−0.0426	−0.103	−0.000115	−0.0701
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0531	0.0283	−0.0423	0.0419	0.0272
Immune Response	0.105	0.206	0.106	0.181	0.161
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.154	−0.329	−0.402	0.0145	−0.0958
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0016	−0.149	−0.154	0.252	0.0541
RNA Spliceosome	−0.116	−0.256	−0.296	0.0703	−0.0431
Structural Stabilization	0.0132	0.0066	−0.0974	0.193	0.0487
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

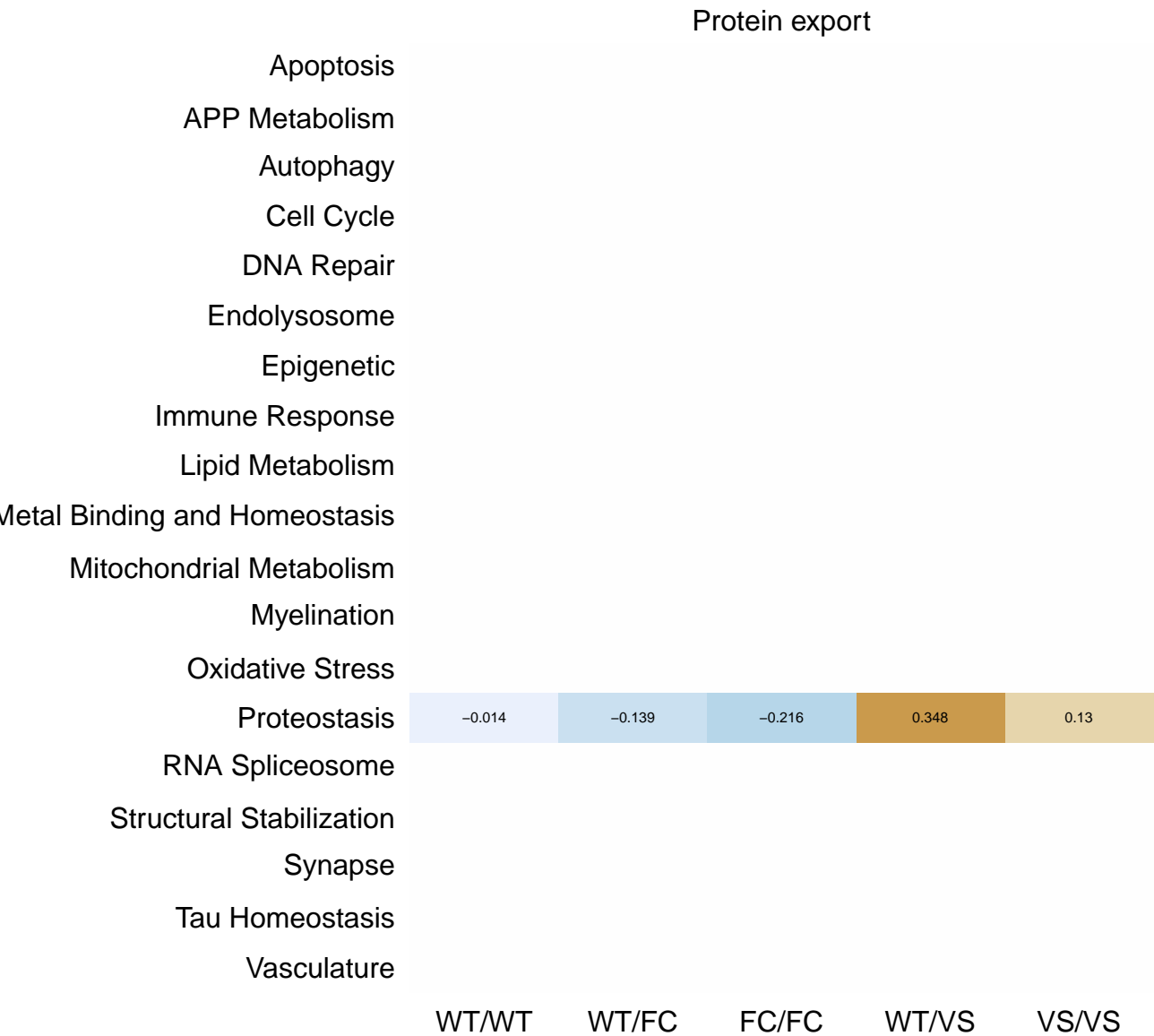




	Nucleocytoplasmic transport				
Apoptosis	0.155	0.139	0.167	0.304	0.176
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.033	0.102	0.0686	−0.0667	−0.114
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0566	0.123	0.218	−0.162	−0.12
Immune Response	−0.0353	0.0548	−0.0399	0.0344	−0.00692
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.116	−0.0424	−0.0629	−0.0202	−0.0664
RNA Spliceosome	−0.0437	−0.207	−0.211	0.16	0.0914
Structural Stabilization	−0.0594	0.0262	0.0517	−0.11	−0.111
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

mRNA surveillance pathway					
Apoptosis	0.0214	0.102	0.0921	0.314	0.202
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0114	0.15	0.111	0.27	0.071
DNA Repair	0.0509	0.0811	0.147	-0.119	0.00353
Endolysosome					
Epigenetic	0.0715	0.0496	0.0428	0.162	0.0829
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.0449	0.0865	0.0658	0.0613	-0.00736
Mitochondrial Metabolism	-0.152	0.137	0.0197	0.086	0.0131
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.115	-0.0969	-0.126	0.0471	-0.00532
RNA Spliceosome	0.0213	-0.0759	-0.0569	0.218	0.171
Structural Stabilization	-0.0302	0.052	-0.0146	0.262	0.185
Synapse	-0.0875	0.0643	-0.0398	0.192	-0.032
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



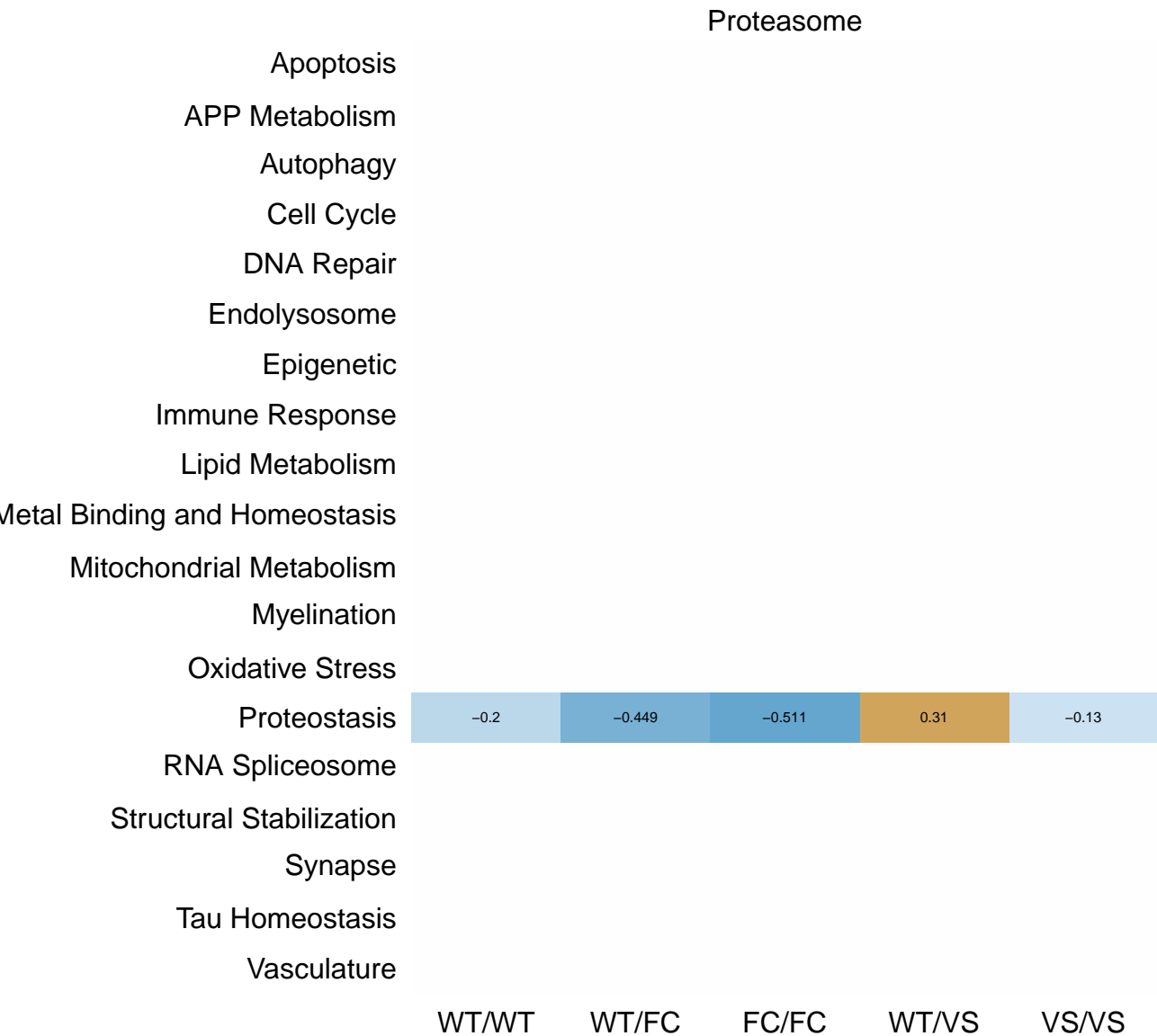


Protein processing in endoplasmic reticulum					
Apoptosis	0.11	0.158	0.141	0.311	0.184
APP Metabolism					
Autophagy	0.168	0.228	0.14	0.276	0.249
Cell Cycle	0.0827	−0.00166	−0.0738	0.452	0.214
DNA Repair	0.125	0.0785	−0.0284	0.396	0.289
Endolysosome	0.157	0.112	0.144	0.372	0.242
Epigenetic	0.161	0.286	0.206	0.308	0.298
Immune Response	0.089	0.0826	0.0523	0.34	0.203
Lipid Metabolism	0.0657	0.0936	0.0853	0.276	0.158
Metal Binding and Homeostasis	0.165	0.284	0.268	0.183	0.145
Mitochondrial Metabolism	0.129	0.222	0.158	0.236	0.187
Myelination					
Oxidative Stress	0.133	0.237	0.145	0.362	0.26
Proteostasis	0.0706	0.128	0.0916	0.228	0.131
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.128	0.132	0.112	0.373	0.258
Synapse	0.149	0.243	0.196	0.304	0.227
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.122	0.152	0.141	0.334	0.203
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

SNARE interactions in vesicular transport

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	-0.228	-0.186	-0.316	-0.00707	-0.194
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	-0.128	-0.149	-0.222	-0.0261	-0.0636
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.119	-0.0765	-0.21	0.0615	-0.024
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	-0.149	-0.136	-0.212	-0.0552	-0.0775
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Ubiquitin mediated proteolysis					
Apoptosis	0.0214	0.239	0.215	0.0279	-0.017
APP Metabolism					
Autophagy	-0.00899	-0.00285	0.105	-0.000138	-0.0496
Cell Cycle	-0.0705	0.127	0.0992	0.0121	-0.0871
DNA Repair	0.0283	0.249	0.223	-0.00578	0.0269
Endolysosome	0.163	0.294	0.347	0.0903	0.103
Epigenetic	0.0403	0.23	0.151	-0.0147	0.0419
Immune Response	0.122	0.344	0.298	0.14	0.109
Lipid Metabolism	0.0657	0.153	0.12	0.159	0.0341
Metal Binding and Homeostasis	0.0159	0.105	0.131	0.0153	-0.0181
Mitochondrial Metabolism	-0.158	-0.123	-0.155	0.0621	-0.0808
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.00956	0.153	0.105	0.0763	0.00704
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0297	0.103	0.157	0.0529	-0.0375
Synapse	0.0506	0.206	0.185	-0.00898	0.0257
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0269	0.0972	0.218	0.0293	0.0284
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

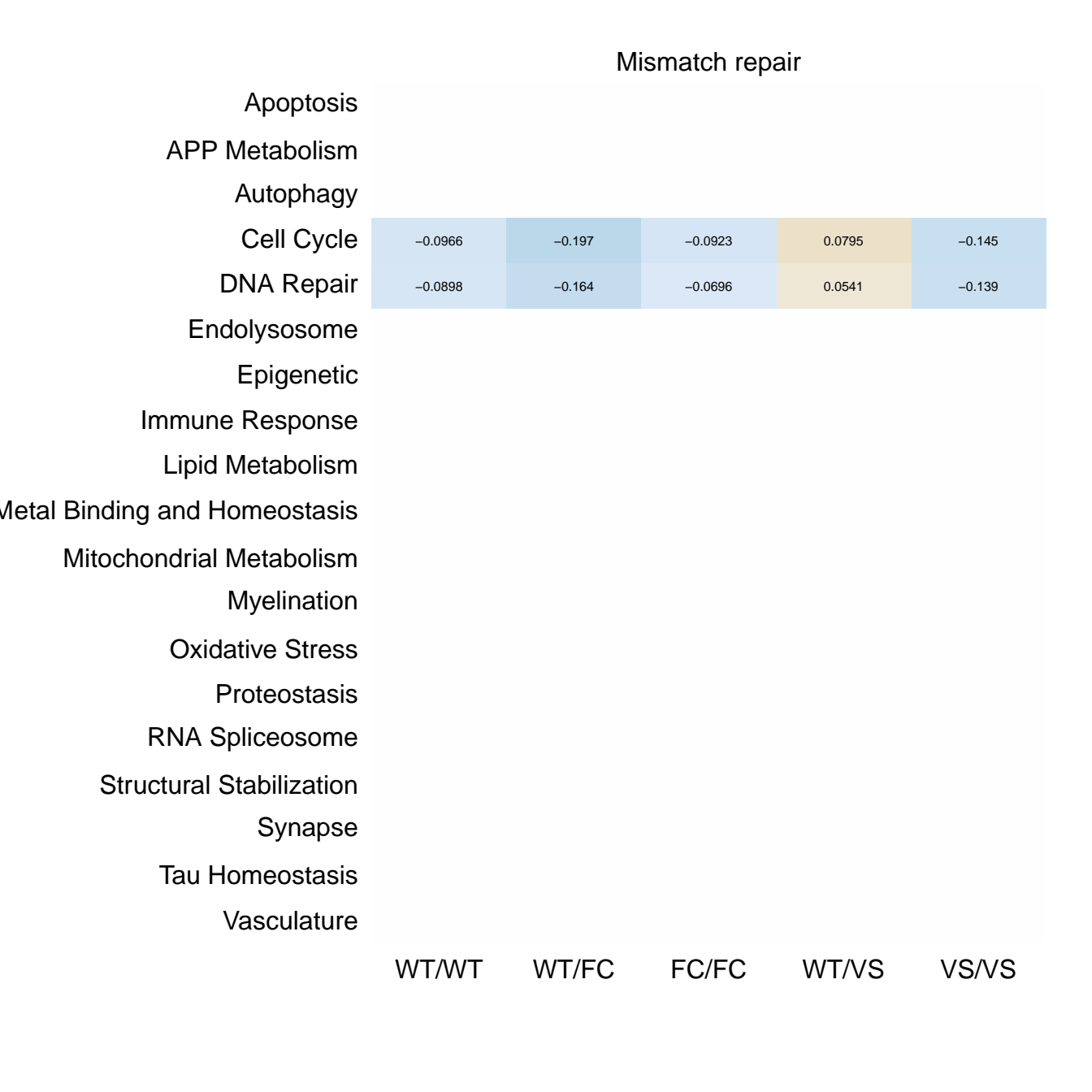


RNA degradation					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	-0.141	0.0044	-0.0587	-0.114	-0.182
Immune Response	-0.23	-0.0889	-0.271	-0.077	-0.165
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.109	0.0429	-0.0354	-0.119	-0.115
Mitochondrial Metabolism	-0.125	-0.00113	-0.127	0.0138	-0.135
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.18	-0.108	-0.166	-0.12	-0.134
RNA Spliceosome	-0.196	-0.411	-0.553	0.171	-0.109
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

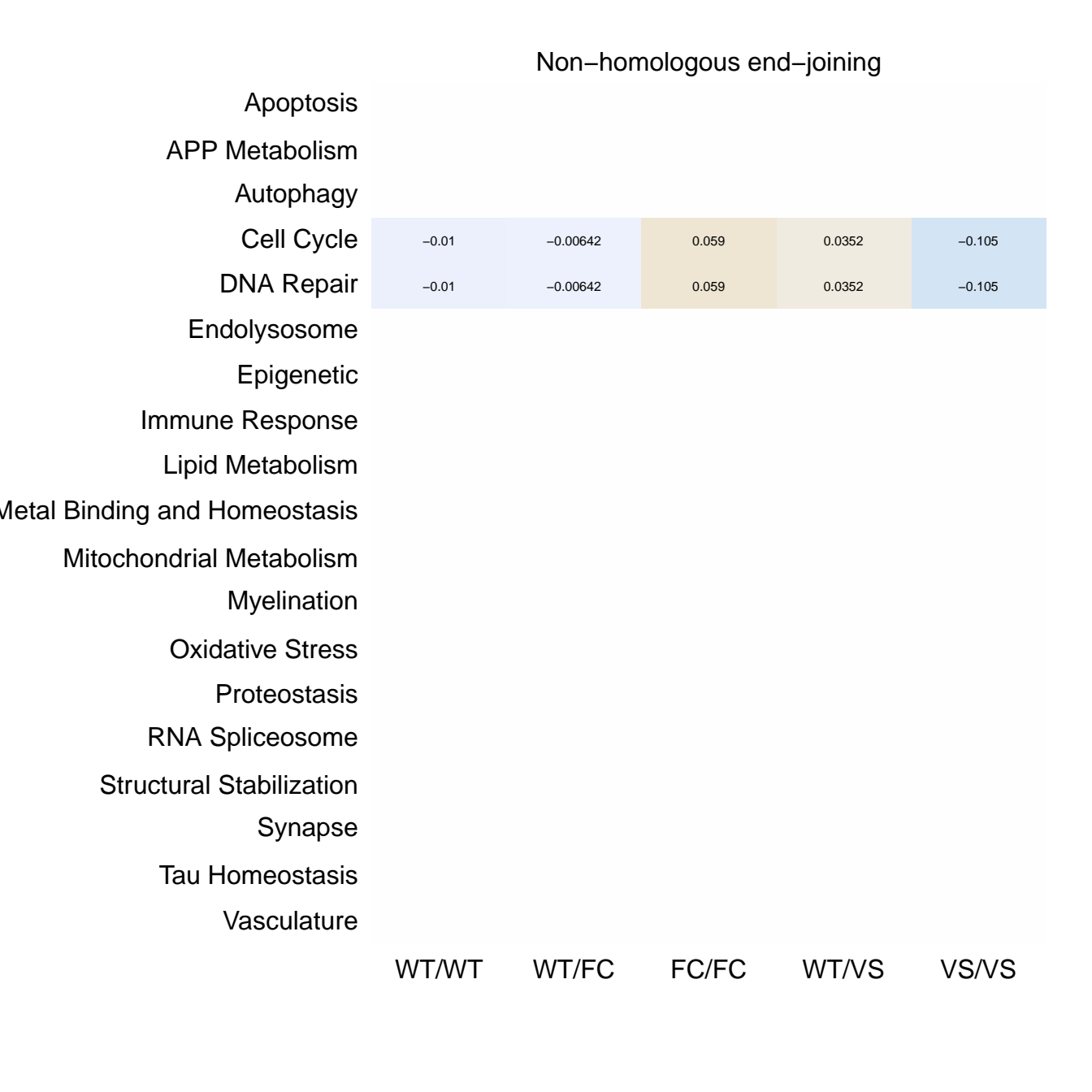
	DNA replication				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.00652	-0.127	-0.093	0.177	-0.0648
DNA Repair	0.00728	-0.151	-0.107	0.183	-0.0587
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.0917	-0.02	0.0875	0.199	-0.102
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Base excision repair					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.045	-0.162	-0.1	0.18	-0.00938
DNA Repair	0.0236	-0.153	-0.0756	0.146	-0.000312
Endolysosome					
Epigenetic	0.0377	-0.199	-0.157	0.198	0.0622
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.01	-0.0679	-0.0875	0.179	-8.28e-05
Mitochondrial Metabolism	0.0404	-0.0483	-0.0588	0.253	-0.0221
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Nucleotide excision repair				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0915	−0.164	−0.117	0.112	−0.121
DNA Repair	−0.0738	−0.14	−0.1	0.0653	−0.133
Endolysosome					
Epigenetic	0.0746	0.178	0.19	−0.0731	−0.0753
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.156	−0.216	−0.21	0.0505	−0.218
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0427	0.0207	0.0126	0.172	−0.107
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Homologous recombination					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0355	−0.0437	−0.0407	0.051	−0.133
DNA Repair	−0.0609	−0.0811	−0.0772	0.0377	−0.147
Endolysosome					
Epigenetic	−0.104	−0.116	−0.129	−0.0859	−0.19
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.0385	−0.0433	0.0289	−0.0086	−0.0904
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0678	−0.204	−0.177	0.133	−0.0941
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0156	0.154	0.157	−0.0249	−0.0489
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Fanconi anemia pathway					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	-0.0882	-0.0903	-0.00253	-0.0241	-0.0963
DNA Repair	-0.0635	-0.0625	0.000647	-0.0315	-0.0759
Endolysosome					
Epigenetic	-0.0514	-0.0929	-0.00056	0.00204	-0.000846
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.0596	-0.00332	0.0795	-0.0582	-0.123
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	-0.114	-0.12	-0.0799	-0.0127	-0.0822
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

ATP-dependent chromatin remodeling					
Apoptosis	−0.126	−0.198	−0.211	0.0696	−0.0507
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0296	−0.073	−0.0532	0.0439	−0.00862
DNA Repair	0.0124	−0.0363	−0.0179	0.0636	0.0121
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0193	−0.0526	−0.0513	−0.000314	−0.024
Immune Response	−0.00527	0.0226	0.0222	0.0407	0.048
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	−0.00856	0.0445	0.0259	−0.11	−0.0251
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00742	−0.0131	−0.0549	0.0719	0.0584
Synapse	0.0258	−0.00864	0.046	0.0127	0.00889
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Polycomb repressive complex					
Apoptosis	0.051	0.234	0.157	0.0101	0.116
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0984	0.00945	−0.0202	−0.0966	−0.0886
DNA Repair	0.141	0.442	0.305	0.00364	0.212
Endolysosome					
Epigenetic	0.0317	0.149	0.125	−0.0453	0.0637
Immune Response	−0.114	0.011	−0.00412	−0.226	−0.0284
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	0.024	0.164	0.114	−0.0234	0.13
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0737	0.424	0.312	−0.0169	0.171
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Viral life cycle – HIV–1					
Apoptosis	0.0554	0.111	0.143	–0.107	0.0621
APP Metabolism					
Autophagy	0.162	0.161	0.17	0.324	0.195
Cell Cycle	0.147	0.119	0.0283	0.296	0.203
DNA Repair					
Endolysosome	0.132	0.0883	0.15	0.309	0.184
Epigenetic	0.00581	0.0602	–0.0608	0.0912	0.142
Immune Response	0.064	0.0871	0.125	–0.0242	0.0784
Lipid Metabolism	0.123	0.172	0.198	0.123	0.109
Metal Binding and Homeostasis	0.049	0.113	0.169	–0.0533	0.0443
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.134	0.261	0.242	0.0821	0.0965
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.164	0.124	0.133	0.304	0.179
Synapse	0.218	0.241	0.307	0.198	0.199
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Virion – Hepatitis viruses

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	0.0687	0.138	0.0657	0.356	0.0845
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0131	0.0688	−0.0506	0.168	0.00941
Epigenetic					
Immune Response	0.039	0.181	0.0955	0.00561	0.0392
Lipid Metabolism	0.0767	0.135	0.0474	0.116	0.0663
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0251	0.163	0.0139	0.13	−0.00872
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.025	0.0249	−0.109	0.192	0.0387
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0995	0.157	0.1	0.0208	0.0904
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

ABC transporters

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.262	0.277	0.385	0.18	0.142
Epigenetic					
Immune Response	0.288	0.175	0.213	0.0734	0.0397
Lipid Metabolism	0.1	0.168	0.203	-0.06	-0.00582
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.172	0.153	0.179	0.0322	-0.00504
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0426	0.109	0.116	-0.149	-0.0503
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.124	0.12	0.198	0.0683	0.105
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

MAPK signaling pathway					
Apoptosis	0.103	0.239	0.167	0.088	0.078
APP Metabolism	0.11	0.285	0.27	0.0219	0.145
Autophagy	−0.0187	0.0871	0.0436	0.177	0.0501
Cell Cycle	0.0374	0.18	0.141	0.0447	0.0798
DNA Repair	0.0444	0.117	0.0988	0.104	0.00491
Endolysosome	0.057	0.0831	0.0599	0.124	0.092
Epigenetic	0.0466	0.186	0.139	0.0874	0.0617
Immune Response	0.049	0.16	0.104	0.072	0.0668
Lipid Metabolism	0.0895	0.233	0.159	0.0595	0.0627
Metal Binding and Homeostasis	0.0104	0.172	0.148	−0.0929	−0.0329
Mitochondrial Metabolism	0.117	0.197	0.158	0.157	0.133
Myelination	0.205	0.279	0.262	0.244	0.168
Oxidative Stress	0.0892	0.307	0.221	0.202	0.19
Proteostasis	0.0898	0.157	0.123	0.198	0.115
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0888	0.175	0.12	0.104	0.0964
Synapse	0.0848	0.204	0.153	0.0394	0.096
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0784	0.198	0.129	0.0759	0.0698
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

ErbB signaling pathway					
Apoptosis	0.134	0.346	0.29	0.0328	0.12
APP Metabolism					
Autophagy	0.26	0.41	0.438	0.168	0.179
Cell Cycle	0.191	0.303	0.283	0.223	0.249
DNA Repair	0.156	0.252	0.33	0.0983	0.0994
Endolysosome	0.188	0.248	0.27	0.149	0.192
Epigenetic	0.133	0.298	0.309	0.122	0.141
Immune Response	0.139	0.318	0.264	0.0387	0.126
Lipid Metabolism	0.181	0.339	0.317	0.0842	0.143
Metal Binding and Homeostasis	0.0819	0.132	0.177	-0.0367	0.085
Mitochondrial Metabolism	0.179	0.381	0.334	0.0506	0.182
Myelination					
Oxidative Stress	0.29	0.486	0.379	0.363	0.336
Proteostasis	0.177	0.259	0.23	0.209	0.213
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.163	0.344	0.294	0.0533	0.138
Synapse	0.0935	0.323	0.277	-0.0411	0.107
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.175	0.363	0.305	0.0529	0.123
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Ras signaling pathway					
Apoptosis	0.0651	0.226	0.148	−0.000487	0.0585
APP Metabolism	0.187	0.421	0.34	−0.00969	0.171
Autophagy	0.0816	0.214	0.173	0.177	0.115
Cell Cycle	0.0847	0.188	0.13	0.0984	0.142
DNA Repair	0.184	0.221	0.265	0.191	0.114
Endolysosome	0.017	0.102	0.0697	0.0988	0.102
Epigenetic	0.0489	0.232	0.161	−0.0408	0.0363
Immune Response	0.0632	0.172	0.115	0.0568	0.0725
Lipid Metabolism	0.111	0.181	0.141	0.0877	0.0995
Metal Binding and Homeostasis	0.0635	0.0956	0.116	−0.0551	0.0557
Mitochondrial Metabolism	0.122	0.201	0.133	0.185	0.163
Myelination	0.138	0.251	0.261	0.209	0.184
Oxidative Stress	0.17	0.316	0.2	0.197	0.212
Proteostasis	0.113	0.191	0.15	0.191	0.151
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0819	0.183	0.119	0.0929	0.131
Synapse	0.0734	0.221	0.146	0.0415	0.096
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0828	0.216	0.107	0.0611	0.0678
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Rap1 signaling pathway					
Apoptosis	0.0801	0.246	0.19	0.00988	0.0688
APP Metabolism	0.182	0.364	0.392	−0.0573	0.209
Autophagy	0.0456	0.216	0.192	0.109	0.134
Cell Cycle	0.0401	0.139	0.127	0.0994	0.126
DNA Repair	0.0403	0.183	0.154	0.0157	0.00882
Endolysosome	0.0342	0.19	0.158	0.0392	0.113
Epigenetic	0.065	0.19	0.131	0.0721	0.101
Immune Response	0.0673	0.177	0.153	0.0566	0.105
Lipid Metabolism	0.056	0.183	0.158	−0.0216	0.0293
Metal Binding and Homeostasis	0.0377	0.151	0.147	−0.0488	0.0016
Mitochondrial Metabolism	0.0584	0.188	0.187	0.0404	0.103
Myelination	0.141	0.257	0.27	0.174	0.162
Oxidative Stress	0.1	0.267	0.25	0.174	0.23
Proteostasis	0.117	0.201	0.16	0.166	0.159
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0761	0.19	0.153	0.0491	0.0898
Synapse	0.0769	0.186	0.162	0.022	0.0944
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0583	0.146	0.098	0.0649	0.055
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Wnt signaling pathway					
Apoptosis	−0.014	0.147	0.0941	−0.104	−0.035
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0616	0.118	0.0385	−0.0123	−0.0692
Cell Cycle	−0.0455	0.145	0.0892	−0.125	0.0069
DNA Repair	0.0204	−0.0196	0.0362	0.0133	−0.0318
Endolysosome	0.0829	0.0843	−0.00337	0.133	0.0704
Epigenetic	0.0361	0.171	0.0853	−0.0288	0.0315
Immune Response	0.0686	0.121	0.05	0.0311	0.0704
Lipid Metabolism	0.0191	0.162	0.124	−0.0714	−0.0624
Metal Binding and Homeostasis	−0.0129	0.126	0.0967	−0.111	−0.0203
Mitochondrial Metabolism	0.0267	0.118	0.104	−0.00185	−0.0504
Myelination					
Oxidative Stress	0.106	0.359	0.24	0.192	0.0841
Proteostasis	0.0224	0.141	0.0673	−0.00194	0.0137
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0347	0.0829	0.0475	−0.026	−0.024
Synapse	0.103	0.17	0.112	0.0343	0.0657
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0715	0.168	0.0649	0.0677	0.0592
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Notch signaling pathway					
Apoptosis	0.0597	0.0726	0.098	0.0487	-0.0627
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.234	0.174	0.178	0.321	0.114
Epigenetic	0.135	0.117	0.125	0.0698	0.0784
Immune Response	0.187	0.209	0.233	0.157	0.171
Lipid Metabolism	0.0263	-0.0464	0.000678	0.0404	-0.128
Metal Binding and Homeostasis	0.145	0.115	0.21	0.161	0.156
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.187	0.127	0.196	0.234	0.118
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.163	0.0823	0.081	0.192	0.109
Synapse	0.105	0.0441	0.0378	0.116	0.0266
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0574	0.144	0.165	0.0775	0.00324
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hedgehog signaling pathway					
Apoptosis	0.00507	0.225	0.131	−0.0847	0.054
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.135	0.16	0.0475	−0.144	−0.126
DNA Repair					
Endolysosome	0.25	0.231	0.288	0.19	0.282
Epigenetic	0.074	0.146	0.0999	−0.0353	0.0186
Immune Response	0.158	0.139	0.0731	0.173	0.194
Lipid Metabolism	0.168	0.198	0.192	0.178	0.137
Metal Binding and Homeostasis	0.217	0.303	0.221	0.173	0.148
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.176	0.358	0.316	0.085	0.161
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.112	0.211	0.153	−0.0187	0.0577
Synapse	0.187	0.225	0.216	0.101	0.153
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.32	0.26	0.172	0.259	0.295
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

TGF-beta signaling pathway					
Apoptosis	0.033	0.134	0.136	0.0272	0.0418
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	-0.00948	0.123	0.145	0.0199	0.0681
DNA Repair					
Endolysosome	0.0741	0.283	0.202	0.0262	0.0322
Epigenetic	0.1	0.175	0.19	0.0815	0.134
Immune Response	0.0939	0.147	0.162	0.0548	0.104
Lipid Metabolism	0.0751	0.211	0.224	0.0643	0.0795
Metal Binding and Homeostasis	0.0692	0.292	0.261	-0.0747	0.0326
Mitochondrial Metabolism	0.0177	0.181	0.177	0.149	0.0551
Myelination					
Oxidative Stress	-0.0923	-0.0257	0.0459	-0.0689	-0.0604
Proteostasis	0.0494	0.127	0.125	0.0248	0.0227
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0852	0.137	0.166	0.059	0.0903
Synapse	0.121	0.249	0.246	0.0558	0.121
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.111	0.195	0.231	0.0951	0.103
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hippo signaling pathway					
Apoptosis	0.0497	0.137	0.136	0.0671	0.0709
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.04	0.0681	0.109	0.116	0.0854
DNA Repair	0.0357	-0.0445	0.0396	0.134	0.169
Endolysosome	0.14	0.137	0.0997	0.12	0.14
Epigenetic	0.0353	0.0826	0.0451	0.0852	0.0989
Immune Response	0.0898	0.144	0.128	0.097	0.109
Lipid Metabolism	0.0677	0.144	0.155	0.0544	0.0584
Metal Binding and Homeostasis	0.0893	0.189	0.227	0.0535	0.0888
Mitochondrial Metabolism	0.165	0.287	0.173	0.309	0.151
Myelination	0.155	0.198	0.212	0.114	0.12
Oxidative Stress	0.0339	0.135	0.2	0.0375	0.0667
Proteostasis	0.0599	0.124	0.105	0.0595	0.0645
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0738	0.151	0.134	0.0596	0.071
Synapse	0.0966	0.2	0.167	0.0825	0.102
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0678	0.166	0.1	0.101	0.135
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hippo signaling pathway – multiple species					
Apoptosis	−0.0112	0.085	0.215	−0.0473	−0.0183
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	−0.000183	0.0204	0.144	0.0554	0.138
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0913	0.193	0.309	−0.057	0.114
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

VEGF signaling pathway					
Apoptosis	0.147	0.183	0.217	0.178	0.238
APP Metabolism					
Autophagy	0.215	0.221	0.218	0.435	0.313
Cell Cycle	0.0797	0.125	0.159	0.239	0.247
DNA Repair	0.203	0.189	0.285	0.241	0.174
Endolysosome	0.0894	0.0888	0.0982	0.259	0.21
Epigenetic	0.121	0.238	0.206	0.139	0.25
Immune Response	0.13	0.132	0.145	0.215	0.211
Lipid Metabolism	0.152	0.198	0.229	0.2	0.181
Metal Binding and Homeostasis	0.0196	-0.0175	0.0524	0.00948	0.0322
Mitochondrial Metabolism	0.152	0.167	0.175	0.242	0.203
Myelination					
Oxidative Stress	0.218	0.177	0.19	0.496	0.339
Proteostasis	0.17	0.205	0.2	0.343	0.311
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.116	0.157	0.144	0.232	0.235
Synapse	0.0882	0.143	0.116	0.209	0.236
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.118	0.232	0.232	0.115	0.193
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Apelin signaling pathway					
Apoptosis	0.139	0.249	0.237	0.151	0.204
APP Metabolism					
Autophagy	0.0885	0.298	0.326	0.176	0.0892
Cell Cycle	0.0145	0.141	0.138	0.183	0.146
DNA Repair					
Endolysosome	0.085	0.193	0.192	0.189	0.144
Epigenetic	0.14	0.276	0.244	0.117	0.184
Immune Response	0.0607	0.177	0.147	0.0626	0.0941
Lipid Metabolism	0.102	0.224	0.244	0.0628	0.0727
Metal Binding and Homeostasis	0.0943	0.228	0.186	0.0121	0.07
Mitochondrial Metabolism	0.0982	0.177	0.218	0.0246	0.0735
Myelination	0.207	0.202	0.188	0.344	0.212
Oxidative Stress	0.162	0.219	0.195	0.331	0.261
Proteostasis	0.0912	0.159	0.15	0.0958	0.0774
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0643	0.125	0.137	0.0749	0.102
Synapse	0.0817	0.203	0.195	0.0148	0.0591
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.109	0.162	0.161	0.0635	0.126
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

JAK–STAT signaling pathway

Apoptosis	0.0332	0.107	0.0875	0.0974	0.0703
APP Metabolism					
Autophagy	0.122	0.195	0.179	0.13	0.0641
Cell Cycle	0.0663	0.00587	0.013	0.225	0.162
DNA Repair	0.0142	0.11	0.0989	0.0386	0.04
Endolysosome	0.0195	0.0914	0.0763	0.0509	0.057
Epigenetic	0.0716	0.132	0.0757	0.142	0.165
Immune Response	0.108	0.103	0.103	0.152	0.147
Lipid Metabolism	0.127	0.179	0.179	0.112	0.164
Metal Binding and Homeostasis	0.134	0.177	0.194	0.16	0.177
Mitochondrial Metabolism	0.177	0.176	0.201	0.152	0.0888
Myelination					
Oxidative Stress	0.214	0.317	0.217	0.295	0.336
Proteostasis	0.0848	0.17	0.155	0.105	0.138
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.111	0.162	0.114	0.209	0.15
Synapse	0.108	0.121	0.0911	0.115	0.122
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.141	0.289	0.289	0.0786	0.132
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

NF-kappa B signaling pathway					
Apoptosis	0.0473	0.0873	0.0518	0.0436	0.0208
APP Metabolism					
Autophagy	0.0254	0.166	0.136	0.111	0.0905
Cell Cycle	-0.073	0.089	0.0466	-0.09	-0.0374
DNA Repair	0.243	0.37	0.284	0.193	0.178
Endolysosome	0.0375	0.026	0.0932	0.106	-0.022
Epigenetic	0.0194	0.116	0.0375	0.00385	0.00645
Immune Response	0.0418	0.0528	0.0383	0.03	0.00332
Lipid Metabolism	0.0465	0.0574	0.053	0.0366	-0.00723
Metal Binding and Homeostasis	-0.0655	0.0766	0.0852	-0.193	-0.06
Mitochondrial Metabolism	0.0793	0.0237	0.0114	0.202	0.131
Myelination					
Oxidative Stress	0.072	0.198	0.17	0.0598	0.115
Proteostasis	0.000389	0.0741	0.0932	-0.0286	-0.0318
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0261	0.0767	0.0966	-4.39e-05	0.000485
Synapse	0.0504	0.0235	0.0426	0.0728	0.018
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.023	-0.0425	0.056	0.0531	0.00331
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

TNF signaling pathway					
Apoptosis	0.074	0.2	0.213	0.0637	0.0563
APP Metabolism					
Autophagy	0.0836	0.234	0.212	0.0695	0.0605
Cell Cycle	0.00375	0.208	0.233	0.0168	0.00949
DNA Repair	0.0247	0.274	0.257	-0.0865	0.0159
Endolysosome	0.0614	0.206	0.303	0.0838	0.0738
Epigenetic	0.0993	0.223	0.236	0.129	0.107
Immune Response	0.0634	0.16	0.173	0.0716	0.0722
Lipid Metabolism	0.0518	0.149	0.171	0.0457	0.0637
Metal Binding and Homeostasis	-0.025	0.173	0.213	-0.0941	-0.0221
Mitochondrial Metabolism	0.153	0.285	0.335	0.139	0.156
Myelination					
Oxidative Stress	0.104	0.319	0.311	0.187	0.112
Proteostasis	0.13	0.191	0.218	0.192	0.136
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0919	0.176	0.228	0.0914	0.0883
Synapse	0.108	0.218	0.243	0.121	0.12
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0766	0.204	0.281	0.0983	0.0868
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

HIF-1 signaling pathway					
Apoptosis	0.0711	0.174	0.152	0.0325	0.0975
APP Metabolism					
Autophagy	0.147	0.293	0.292	0.16	0.145
Cell Cycle	0.154	0.293	0.252	0.132	0.259
DNA Repair	0.123	0.256	0.282	0.00842	0.142
Endolysosome	0.15	0.311	0.274	0.0829	0.167
Epigenetic	0.0851	0.262	0.194	0.0484	0.135
Immune Response	0.0854	0.164	0.153	0.0542	0.124
Lipid Metabolism	0.0885	0.213	0.173	0.0957	0.108
Metal Binding and Homeostasis	0.0601	0.0523	0.086	0.0845	0.11
Mitochondrial Metabolism	0.0331	0.128	0.117	0.113	0.0873
Myelination					
Oxidative Stress	0.0746	0.187	0.163	0.234	0.192
Proteostasis	0.0897	0.139	0.108	0.184	0.151
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0631	0.12	0.0973	0.0997	0.134
Synapse	0.112	0.206	0.17	0.108	0.185
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0521	0.171	0.153	0.0318	0.0718
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

FoxO signaling pathway					
Apoptosis	0.0381	0.24	0.182	-0.0166	0.0712
APP Metabolism					
Autophagy	0.221	0.37	0.301	0.244	0.196
Cell Cycle	0.00415	0.112	0.0799	0.0258	0.0496
DNA Repair	0.00885	0.168	0.122	-0.0456	0.0144
Endolysosome	0.092	0.165	0.14	0.174	0.218
Epigenetic	0.0166	0.198	0.148	-0.059	0.0563
Immune Response	0.0982	0.258	0.214	0.0117	0.0998
Lipid Metabolism	0.091	0.272	0.224	0.0242	0.112
Metal Binding and Homeostasis	0.096	0.184	0.163	-0.0261	0.0933
Mitochondrial Metabolism	0.131	0.287	0.23	0.11	0.114
Myelination					
Oxidative Stress	0.116	0.35	0.24	0.0842	0.0987
Proteostasis	0.101	0.164	0.112	0.174	0.154
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0625	0.228	0.185	0.0357	0.133
Synapse	0.135	0.294	0.224	0.0932	0.176
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.121	0.3	0.21	0.0449	0.133
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Calcium signaling pathway					
Apoptosis	0.0418	0.0788	0.0453	0.0442	0.0138
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0173	0.0313	0.0462	−0.000573	−0.0362
Cell Cycle	0.0199	0.121	0.125	−0.068	0.117
DNA Repair					
Endolysosome	0.132	0.141	0.195	0.0579	0.0692
Epigenetic	0.0857	0.183	0.142	0.0216	0.103
Immune Response	0.0531	0.111	0.0993	−0.0163	0.0423
Lipid Metabolism	0.0624	0.129	0.134	−0.00791	0.00124
Metal Binding and Homeostasis	−0.0222	0.107	0.141	−0.157	−0.0371
Mitochondrial Metabolism	−0.0339	−0.00404	−0.0111	−0.0766	−0.0657
Myelination	0.0835	0.217	0.176	0.0171	0.125
Oxidative Stress	0.0882	0.132	0.154	0.0288	0.0585
Proteostasis	0.0607	0.106	0.103	−0.00406	0.0149
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0429	0.128	0.136	−0.0654	0.035
Synapse	0.0445	0.132	0.144	−0.0784	0.000609
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0705	0.133	0.15	−0.0106	0.0634
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Phosphatidylinositol signaling system					
Apoptosis	−0.1	0.089	0.143	−0.297	−0.148
APP Metabolism					
Autophagy	0.0849	0.313	0.31	−0.0198	0.058
Cell Cycle	−0.107	0.115	0.172	−0.157	0.0381
DNA Repair					
Endolysosome	0.0543	0.306	0.297	−0.0664	−0.0453
Epigenetic					
Immune Response	0.0583	0.214	0.27	−0.0428	0.0949
Lipid Metabolism	0.103	0.286	0.297	0.013	0.0158
Metal Binding and Homeostasis	0.0432	0.167	0.215	−0.0353	−0.014
Mitochondrial Metabolism	0.0108	0.177	0.226	−0.106	−0.0711
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.122	0.319	0.369	0.00299	−0.0098
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0232	0.161	0.219	−0.134	−0.0122
Synapse	0.0164	0.173	0.25	−0.0929	−0.0518
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0425	0.169	0.207	−0.0671	0.0607
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Phospholipase D signaling pathway					
Apoptosis	0.118	0.12	0.127	0.189	0.114
APP Metabolism					
Autophagy	0.25	0.191	0.265	0.413	0.292
Cell Cycle	0.0539	0.0726	0.101	0.148	0.143
DNA Repair					
Endolysosome	0.0875	0.0819	0.114	0.135	0.105
Epigenetic	0.135	0.175	0.191	0.158	0.191
Immune Response	0.128	0.174	0.176	0.135	0.152
Lipid Metabolism	0.123	0.13	0.161	0.112	0.0761
Metal Binding and Homeostasis	0.0794	0.125	0.178	0.0179	-0.0215
Mitochondrial Metabolism	0.0722	0.123	0.12	0.117	0.0818
Myelination	0.243	0.153	0.165	0.459	0.245
Oxidative Stress	0.152	0.0782	0.117	0.268	0.208
Proteostasis	0.116	0.125	0.132	0.244	0.16
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.148	0.2	0.219	0.162	0.137
Synapse	0.106	0.165	0.219	0.0628	0.0735
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.117	0.172	0.18	0.0903	0.1
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Sphingolipid signaling pathway					
Apoptosis	0.0875	0.207	0.14	0.172	0.116
APP Metabolism					
Autophagy	0.11	0.137	0.169	0.304	0.192
Cell Cycle	0.0654	0.149	0.128	0.264	0.188
DNA Repair	0.0877	0.0672	0.0755	0.198	0.157
Endolysosome	0.106	0.132	0.14	0.337	0.198
Epigenetic	0.104	0.264	0.206	0.143	0.129
Immune Response	0.0881	0.134	0.133	0.189	0.134
Lipid Metabolism	0.118	0.201	0.126	0.169	0.117
Metal Binding and Homeostasis	0.0507	0.157	0.151	0.147	0.0726
Mitochondrial Metabolism	0.0764	0.192	0.164	0.164	0.125
Myelination	0.197	0.174	0.0492	0.583	0.348
Oxidative Stress	0.0976	0.149	0.146	0.368	0.196
Proteostasis	0.0944	0.154	0.0554	0.235	0.127
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0985	0.209	0.182	0.253	0.19
Synapse	0.0806	0.13	0.128	0.232	0.142
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.112	0.225	0.224	0.122	0.113
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

cAMP signaling pathway					
Apoptosis	0.123	0.25	0.243	0.046	0.0954
APP Metabolism	0.067	0.441	0.431	-0.263	0.0192
Autophagy	0.103	0.204	0.2	0.159	0.136
Cell Cycle	0.0649	0.199	0.173	0.119	0.154
DNA Repair					
Endolysosome	0.0504	0.24	0.178	-0.00964	0.103
Epigenetic	0.143	0.31	0.269	0.0956	0.101
Immune Response	0.0756	0.22	0.186	0.0357	0.0691
Lipid Metabolism	0.0993	0.251	0.228	0.0654	0.0823
Metal Binding and Homeostasis	0.0745	0.262	0.227	-0.0671	0.0379
Mitochondrial Metabolism	0.0626	0.17	0.155	0.0163	0.0595
Myelination	0.141	0.288	0.249	0.232	0.235
Oxidative Stress	0.221	0.432	0.371	0.329	0.196
Proteostasis	0.0942	0.156	0.166	0.0811	0.0801
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0914	0.213	0.2	0.0702	0.112
Synapse	0.0561	0.159	0.151	-0.00584	0.0468
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0703	0.248	0.212	0.0042	0.0506
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

cGMP–PKG signaling pathway					
Apoptosis	0.0914	0.0795	0.0792	0.19	0.0735
APP Metabolism					
Autophagy	0.0608	0.162	0.126	0.156	0.139
Cell Cycle	0.0241	0.218	0.16	0.0749	0.136
DNA Repair					
Endolysosome	0.177	0.277	0.221	0.225	0.29
Epigenetic	0.16	0.262	0.277	0.164	0.236
Immune Response	0.114	0.224	0.196	0.0728	0.119
Lipid Metabolism	0.107	0.273	0.26	0.0162	0.0609
Metal Binding and Homeostasis	0.0817	0.284	0.272	−0.0506	0.0611
Mitochondrial Metabolism	0.0556	0.0876	0.0542	0.113	0.0586
Myelination	0.29	0.297	0.273	0.422	0.404
Oxidative Stress	0.161	0.198	0.176	0.295	0.152
Proteostasis	0.164	0.166	0.173	0.225	0.136
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0704	0.195	0.161	0.113	0.165
Synapse	0.0589	0.172	0.162	−0.00275	0.0371
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0943	0.239	0.22	0.0172	0.0935
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

PI3K–Akt signaling pathway					
Apoptosis	0.0361	0.19	0.115	0.0426	0.0657
APP Metabolism	0.0799	0.314	0.192	−0.0395	0.101
Autophagy	0.147	0.28	0.257	0.144	0.133
Cell Cycle	0.0591	0.187	0.126	0.129	0.143
DNA Repair	0.082	0.199	0.164	0.129	0.076
Endolysosome	0.0789	0.149	0.139	0.0838	0.13
Epigenetic	0.0316	0.157	0.0752	0.065	0.109
Immune Response	0.0668	0.138	0.0924	0.0718	0.0954
Lipid Metabolism	0.0956	0.207	0.165	0.0527	0.0953
Metal Binding and Homeostasis	0.0367	0.156	0.126	0.0247	0.0488
Mitochondrial Metabolism	0.133	0.311	0.234	0.178	0.182
Myelination	0.194	0.233	0.155	0.213	0.163
Oxidative Stress	0.0362	0.218	0.119	0.088	0.114
Proteostasis	0.0986	0.115	0.099	0.16	0.143
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.076	0.139	0.141	0.0489	0.0824
Synapse	0.0903	0.18	0.118	0.0754	0.0957
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0717	0.169	0.138	0.0288	0.0638
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

AMPK signaling pathway					
Apoptosis	0.0163	0.253	0.217	0.0154	0.0736
APP Metabolism					
Autophagy	0.179	0.38	0.359	0.102	0.138
Cell Cycle	0.0401	0.184	0.0965	0.149	0.106
DNA Repair					
Endolysosome	0.142	0.336	0.301	0.146	0.169
Epigenetic	0.089	0.231	0.218	0.0394	0.093
Immune Response	0.159	0.308	0.264	0.19	0.143
Lipid Metabolism	0.165	0.288	0.294	0.111	0.116
Metal Binding and Homeostasis	0.0812	0.214	0.18	0.139	0.0586
Mitochondrial Metabolism	0.0853	0.213	0.237	0.0841	0.0787
Myelination					
Oxidative Stress	-0.0236	0.343	0.326	-0.141	0.0661
Proteostasis	0.122	0.252	0.226	0.153	0.151
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0798	0.335	0.3	0.128	0.0991
Synapse	0.129	0.287	0.276	0.127	0.113
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.142	0.338	0.304	0.0257	0.145
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

mTOR signaling pathway					
Apoptosis	0.0656	0.251	0.147	0.00476	0.052
APP Metabolism					
Autophagy	0.0981	0.251	0.192	0.168	0.0289
Cell Cycle	0.0869	0.177	0.107	0.0849	0.0974
DNA Repair	0.232	0.25	0.293	0.18	0.0929
Endolysosome	0.00688	0.0449	−0.0211	0.0937	−0.0421
Epigenetic	0.0548	0.217	0.122	−0.0225	0.0413
Immune Response	0.0952	0.208	0.102	0.0387	0.0727
Lipid Metabolism	0.146	0.24	0.218	0.0364	0.0903
Metal Binding and Homeostasis	0.0906	0.244	0.194	−0.0126	0.0419
Mitochondrial Metabolism	0.143	0.303	0.2	0.172	0.115
Myelination	0.316	0.363	0.331	0.321	0.258
Oxidative Stress	0.168	0.31	0.167	0.219	0.142
Proteostasis	0.133	0.224	0.145	0.108	0.0928
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0579	0.15	0.093	0.0253	0.017
Synapse	0.0994	0.216	0.126	0.0723	0.0949
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0595	0.297	0.166	−0.00675	0.0829
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Neuroactive ligand–receptor interaction					
Apoptosis	0.039	0.061	0.0305	0.0246	0.0384
APP Metabolism	0.0728	0.345	0.315	−0.213	0.0885
Autophagy	0.123	0.0503	0.0938	0.162	0.203
Cell Cycle	0.0124	0.0185	0.1	0.111	0.078
DNA Repair					
Endolysosome	0.0342	0.138	0.105	−0.0223	0.0596
Epigenetic	0.0572	0.201	0.131	0.0546	0.0807
Immune Response	0.0515	0.107	0.0583	0.0601	0.0675
Lipid Metabolism	0.0717	0.134	0.0673	0.0743	0.0579
Metal Binding and Homeostasis	0.0796	0.237	0.164	0.0115	0.0734
Mitochondrial Metabolism	0.0166	0.0837	0.0403	−0.0027	0.0713
Myelination					
Oxidative Stress	0.118	0.0223	0.0647	0.111	0.0534
Proteostasis	−0.000271	0.0462	0.0687	−0.0375	0.0241
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0213	0.141	0.127	−0.085	−0.0153
Synapse	0.0479	0.12	0.0833	0.0112	0.0528
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.049	0.0991	0.0656	0.0586	0.0611
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cytokine–cytokine receptor interaction					
Apoptosis	0.0508	0.0965	0.117	0.00971	0.0638
APP Metabolism					
Autophagy	0.029	−0.0874	−0.032	0.0157	−0.0218
Cell Cycle	0.0737	0.14	0.128	0.0777	0.194
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0569	−0.0774	−0.0427	−0.103	−0.0597
Epigenetic	0.092	0.0939	0.14	0.109	0.123
Immune Response	0.0589	0.0265	0.05	0.0434	0.0705
Lipid Metabolism	0.0517	0.0168	0.0547	−7.49e−05	0.094
Metal Binding and Homeostasis	0.0307	0.279	0.244	−0.136	0.108
Mitochondrial Metabolism	0.0705	−0.0924	0.0897	−0.0784	−0.0825
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0964	0.0675	0.0822	0.133	0.0954
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0628	0.0697	0.107	0.0358	0.093
Synapse	0.132	0.168	0.171	0.0936	0.157
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0246	−0.00939	0.0989	−0.0157	0.0644
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Viral protein interaction with cytokine and cytokine receptor					
Apoptosis	0.0248	-0.0541	0.11	-0.0418	0.0496
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0332	-0.0514	0.0609	0.00194	0.0575
Lipid Metabolism	0.103	0.0162	0.175	0.042	0.185
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.217	0.0928	0.167	0.313	0.258
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0634	-0.00445	0.12	-0.0357	0.111
Synapse	0.0757	0.0958	0.221	0.0426	0.173
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.0784	-0.142	0.0457	-0.138	0.0165
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

ECM–receptor interaction					
Apoptosis	0.00148	0.255	0.188	−0.202	−0.0932
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.00587	−0.0386	0.0213	−0.0435	0.0134
Epigenetic					
Immune Response	−0.000579	0.0892	0.0979	−0.0998	−0.0357
Lipid Metabolism	−0.027	0.0738	0.124	−0.179	−0.085
Metal Binding and Homeostasis	−0.00595	−0.00558	0.0832	−0.0998	−0.0278
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.135	0.0356	0.101	0.0462	0.0747
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0582	0.0397	0.123	−0.0544	0.0097
Synapse	0.0918	0.159	0.205	−0.14	−0.048
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00252	0.0541	0.143	−0.113	−0.0143
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cell adhesion molecules					
Apoptosis	0.0923	0.142	0.184	−0.0466	−0.00552
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0309	0.162	0.196	−0.0933	0.0178
Epigenetic					
Immune Response	0.0696	0.141	0.148	0.0353	0.0787
Lipid Metabolism	0.0856	0.165	0.21	−0.0261	0.0632
Metal Binding and Homeostasis	0.0216	0.111	0.232	−0.15	0.000991
Mitochondrial Metabolism					
Myelination	0.11	0.279	0.176	−0.0783	−0.0913
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0282	0.118	0.115	−0.165	−0.125
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0401	0.182	0.174	−0.0965	−0.013
Synapse	0.0524	0.274	0.264	−0.177	−0.00698
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0732	0.209	0.272	−0.0118	0.0667
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Endocytosis					
Apoptosis	0.0294	0.173	0.0984	0.0131	0.0476
APP Metabolism	0.0932	0.412	0.217	0.0571	0.00651
Autophagy	0.0377	0.178	0.105	0.288	0.128
Cell Cycle	0.0458	0.182	0.0963	0.176	0.0918
DNA Repair					
Endolysosome	0.0649	0.179	0.123	0.163	0.065
Epigenetic	0.0673	0.214	0.101	0.0647	0.118
Immune Response	0.123	0.282	0.243	0.164	0.142
Lipid Metabolism	0.11	0.22	0.18	0.151	0.0805
Metal Binding and Homeostasis	0.12	0.147	0.151	0.00938	0.0402
Mitochondrial Metabolism	0.202	0.367	0.295	0.317	0.242
Myelination					
Oxidative Stress	0.236	0.319	0.357	0.256	0.307
Proteostasis	0.0799	0.191	0.125	0.168	0.0665
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0619	0.145	0.1	0.147	0.0777
Synapse	0.121	0.225	0.186	0.181	0.145
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.131	0.273	0.253	0.122	0.119
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Phagosome					
Apoptosis	0.154	0.172	0.21	0.215	0.186
APP Metabolism	0.184	0.278	0.33	0.155	0.387
Autophagy	0.153	0.167	0.179	0.268	0.209
Cell Cycle	0.0413	-0.0427	-0.0489	0.366	0.0533
DNA Repair					
Endolysosome	0.101	0.123	0.123	0.245	0.147
Epigenetic					
Immune Response	0.176	0.156	0.169	0.293	0.233
Lipid Metabolism	0.128	0.149	0.193	0.147	0.185
Metal Binding and Homeostasis	0.117	0.0881	0.116	0.22	0.165
Mitochondrial Metabolism	0.0483	0.0445	0.0513	0.242	0.153
Myelination					
Oxidative Stress	0.171	0.195	0.202	0.133	0.251
Proteostasis	0.149	0.198	0.214	0.218	0.167
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0805	0.043	0.0709	0.191	0.0953
Synapse	0.119	0.171	0.143	0.252	0.159
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0843	0.135	0.245	0.0575	0.109
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

		Lysosome				
	Apoptosis	0.207	0.187	0.106	0.316	0.169
	APP Metabolism					
	Autophagy	0.217	0.193	0.234	0.317	0.194
	Cell Cycle					
	DNA Repair					
	Endolysosome	0.122	0.136	0.113	0.241	0.0716
	Epigenetic					
	Immune Response	0.188	0.171	0.147	0.302	0.183
	Lipid Metabolism	0.162	0.139	0.108	0.276	0.0746
	Metal Binding and Homeostasis	0.146	0.152	0.195	0.217	0.104
	Mitochondrial Metabolism	0.0373	-0.00664	-0.00458	0.203	0.133
	Myelination					
	Oxidative Stress					
	Proteostasis	0.13	0.177	0.153	0.24	0.0624
	RNA Spliceosome					
	Structural Stabilization	0.169	0.0657	0.115	0.279	0.144
	Synapse	0.122	0.209	0.189	0.209	0.0607
	Tau Homeostasis					
	Vasculature	0.221	-0.0669	-0.00265	0.28	0.141
		WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

		Peroxisome				
	Apoptosis					
	APP Metabolism					
	Autophagy					
	Cell Cycle					
	DNA Repair					
	Endolysosome					
	Epigenetic					
	Immune Response					
	Lipid Metabolism	0.00195	0.0632	0.0267	0.15	0.0161
	Metal Binding and Homeostasis	0.00255	-0.036	-0.0683	0.188	0.0573
	Mitochondrial Metabolism	0.00114	0.0176	-0.00471	0.218	0.0242
	Myelination					
	Oxidative Stress	-0.0363	-0.0348	-0.0993	0.146	0.0308
	Proteostasis	-0.0477	-0.0249	-0.0671	0.07	-0.0235
	RNA Spliceosome					
	Structural Stabilization					
	Synapse	0.0074	0.0375	0.021	0.169	-0.0403
	Tau Homeostasis					
	Vasculature					
		WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Autophagy – animal					
Apoptosis	0.0868	0.257	0.181	0.144	0.0356
APP Metabolism					
Autophagy	0.108	0.24	0.191	0.172	0.00278
Cell Cycle	0.0298	0.123	0.117	0.145	0.0556
DNA Repair	0.215	0.274	0.231	0.24	0.137
Endolysosome	0.09	0.223	0.193	0.201	0.00563
Epigenetic	0.0444	0.295	0.169	0.0325	0.0251
Immune Response	0.0672	0.169	0.152	0.137	0.0112
Lipid Metabolism	0.18	0.329	0.298	0.19	0.0791
Metal Binding and Homeostasis	0.0978	0.276	0.154	0.133	0.00982
Mitochondrial Metabolism	0.118	0.241	0.182	0.225	0.0726
Myelination	0.257	0.311	0.299	0.377	0.271
Oxidative Stress	0.0553	0.311	0.217	0.122	0.113
Proteostasis	0.0737	0.167	0.11	0.2	0.046
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00744	0.112	0.077	0.117	−0.00989
Synapse	0.084	0.206	0.169	0.212	0.0559
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0697	0.416	0.299	0.0124	−0.0379
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Autophagy – other					
Apoptosis	−0.0992	−0.0978	−0.125	0.189	−0.145
APP Metabolism					
Autophagy	0.184	0.239	0.242	0.257	0.0598
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.214	0.373	0.4	0.195	0.0558
Epigenetic					
Immune Response	−0.115	−0.0498	0.0124	0.0763	−0.148
Lipid Metabolism	0.174	0.253	0.295	0.204	0.0545
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	0.0991	0.0889	0.0448	0.276	−0.00843
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0919	0.102	0.0655	0.234	−0.00388
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	−0.0185	0.0851	0.135	0.201	−0.0788
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Mitophagy – animal					
Apoptosis	0.108	0.244	0.16	0.285	0.11
APP Metabolism					
Autophagy	0.12	0.132	0.0669	0.326	0.0639
Cell Cycle	−0.0876	−0.00513	−0.092	0.201	0.0655
DNA Repair					
Endolysosome	0.131	0.0952	0.0635	0.475	0.132
Epigenetic	0.0765	0.25	0.15	0.132	0.0214
Immune Response	0.107	0.22	0.155	0.268	0.0611
Lipid Metabolism	0.0699	0.146	0.0858	0.245	0.0749
Metal Binding and Homeostasis	0.0965	0.237	0.138	0.302	0.0967
Mitochondrial Metabolism	0.0729	0.134	0.0989	0.265	0.0608
Myelination					
Oxidative Stress	0.162	0.369	0.236	0.387	0.164
Proteostasis	0.0683	0.191	0.124	0.269	0.0789
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0337	−0.028	−0.0558	0.279	0.0778
Synapse	0.133	0.184	0.122	0.415	0.152
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0956	0.382	0.258	0.297	0.0163
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Efferocytosis					
Apoptosis	0.032	0.11	0.0904	0.0104	0.0359
APP Metabolism					
Autophagy	0.069	0.164	0.218	0.054	0.0644
Cell Cycle	0.0555	0.127	0.114	0.084	0.0789
DNA Repair	0.0624	0.0012	0.0786	0.156	0.0315
Endolysosome	0.131	0.228	0.258	0.131	0.106
Epigenetic	0.138	0.148	0.174	0.116	0.158
Immune Response	0.111	0.168	0.167	0.142	0.154
Lipid Metabolism	0.12	0.234	0.192	0.132	0.143
Metal Binding and Homeostasis	0.117	0.221	0.211	0.0594	0.0633
Mitochondrial Metabolism	0.11	0.121	0.103	0.211	0.116
Myelination					
Oxidative Stress	0.0692	0.299	0.277	0.043	0.132
Proteostasis	0.12	0.248	0.229	0.13	0.158
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.142	0.255	0.22	0.14	0.171
Synapse	0.163	0.278	0.277	0.176	0.185
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.119	0.21	0.194	0.107	0.134
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cell cycle					
Apoptosis	−0.0337	0.0605	0.0498	0.0222	0.0252
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0496	0.0263	0.0032	0.0276	−0.0311
DNA Repair	−0.0461	0.016	0.0348	−0.0234	−0.0513
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0267	0.0495	0.0447	0.00623	0.00862
Immune Response	−0.0313	−0.0264	−0.0219	0.0399	0.0449
Lipid Metabolism	0.0823	0.181	0.12	0.219	0.157
Metal Binding and Homeostasis	−0.0309	−0.0715	−0.0492	0.00307	−0.0215
Mitochondrial Metabolism	0.0176	0.0823	0.117	0.115	−0.0193
Myelination					
Oxidative Stress	−0.196	−0.228	−0.293	−0.0193	−0.119
Proteostasis	−0.0624	−0.0165	−0.0364	0.0198	−0.0476
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0637	0.0563	0.00606	−0.028	−0.0238
Synapse	−0.00758	0.139	0.0926	0.0642	0.065
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00948	−0.0291	0.00422	0.118	0.124
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Oocyte meiosis					
Apoptosis	−0.000603	0.204	0.204	−0.0391	0.0373
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.071	−0.000217	−0.0212	0.0378	−0.0564
DNA Repair	−0.087	−0.0371	−0.0804	0.0115	−0.125
Endolysosome	0.197	0.381	0.366	0.14	0.258
Epigenetic	0.023	0.226	0.14	0.0387	0.128
Immune Response	−0.0697	0.081	0.0111	−0.00338	0.0282
Lipid Metabolism	0.082	0.371	0.266	−0.0173	0.0802
Metal Binding and Homeostasis	0.0341	0.203	0.113	0.033	0.0596
Mitochondrial Metabolism	−0.0604	0.0623	0.0311	−0.0122	−0.0244
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0301	0.0682	0.0309	0.0485	−0.0393
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0672	0.0444	0.00306	0.0129	−0.000394
Synapse	0.0191	0.214	0.166	0.0162	0.0674
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.0646	0.209	0.139	−0.0376	0.137
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Apoptosis					
Apoptosis	0.0308	0.0703	0.04	0.117	0.0494
APP Metabolism					
Autophagy	0.126	0.181	0.173	0.269	0.134
Cell Cycle	0.06	0.00963	0.0125	0.255	0.114
DNA Repair	0.0997	0.0606	0.055	0.143	0.0787
Endolysosome	0.125	0.028	0.0954	0.375	0.166
Epigenetic	0.0948	0.194	0.123	0.191	0.0886
Immune Response	0.0438	0.0557	0.038	0.162	0.0782
Lipid Metabolism	0.0685	0.117	0.113	0.13	0.0885
Metal Binding and Homeostasis	0.0327	0.0617	0.0403	0.156	0.0331
Mitochondrial Metabolism	0.101	0.15	0.138	0.165	0.118
Myelination	0.338	0.327	0.281	0.611	0.414
Oxidative Stress	-0.00972	0.139	0.0885	0.191	0.0817
Proteostasis	0.0982	0.127	0.107	0.228	0.127
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.131	0.108	0.12	0.257	0.147
Synapse	0.11	0.109	0.0964	0.265	0.161
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.131	0.256	0.219	0.246	0.139
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Apoptosis – multiple species					
Apoptosis	0.0414	0.0939	0.0761	0.12	0.121
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0826	−0.0808	−0.0634	0.0784	0.0211
DNA Repair	0.152	0.12	0.128	0.273	0.268
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.0388	0.0174	0.0228	0.0834	0.0713
Lipid Metabolism	−0.0434	−0.0443	−0.0698	0.0632	0.095
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	0.0673	0.0837	0.0768	0.211	0.177
Myelination					
Oxidative Stress	−0.181	−0.0616	−0.0553	0.00761	0.0239
Proteostasis	0.0589	0.0767	0.0575	0.144	0.14
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.106	0.124	0.0722	0.298	0.288
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Ferroptosis					
Apoptosis	−0.0711	0.153	0.0369	0.0873	−0.0524
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0638	0.0788	0.0436	0.112	−0.00452
Epigenetic					
Immune Response	−0.0117	0.172	0.0647	0.144	0.00693
Lipid Metabolism	−0.0153	0.14	0.067	0.0831	−0.0187
Metal Binding and Homeostasis	0.0104	0.115	0.0396	0.105	−0.00992
Mitochondrial Metabolism	−0.0634	0.119	0.006	0.126	−0.0152
Myelination					
Oxidative Stress	0.044	0.201	0.0499	0.215	0.103
Proteostasis	−0.0375	0.127	0.0747	0.0657	−0.00414
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0334	−0.0272	−0.0976	0.281	0.0791
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0165	0.205	0.123	0.0922	0.0168
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Necroptosis					
Apoptosis	0.0814	0.118	0.0652	0.163	0.1
APP Metabolism					
Autophagy	0.0382	0.0691	−0.0291	0.255	0.0836
Cell Cycle	0.0184	0.0682	−0.00208	0.228	0.141
DNA Repair	0.231	0.194	0.0947	0.387	0.404
Endolysosome	0.0831	0.142	0.129	0.243	0.119
Epigenetic	0.107	0.185	0.116	0.23	0.189
Immune Response	0.0857	0.109	0.104	0.144	0.125
Lipid Metabolism	−0.019	−0.0035	−0.0225	0.142	0.0221
Metal Binding and Homeostasis	0.0492	0.0946	0.0895	0.0911	0.0993
Mitochondrial Metabolism	0.00234	0.00726	−0.073	0.178	0.049
Myelination					
Oxidative Stress	0.0809	0.185	0.213	0.145	0.122
Proteostasis	0.0214	0.0589	0.0144	0.187	0.0813
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0916	0.133	0.11	0.214	0.135
Synapse	0.136	0.213	0.168	0.229	0.168
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.082	0.236	0.185	0.0554	0.14
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

p53 signaling pathway					
Apoptosis	0.0357	0.0535	−0.0244	0.129	0.143
APP Metabolism					
Autophagy	0.0399	0.11	0.136	0.197	0.0965
Cell Cycle	−0.0408	−0.0134	−0.0448	0.0547	0.084
DNA Repair	0.0532	0.0523	0.0342	0.115	0.0867
Endolysosome	0.161	0.163	0.128	0.227	0.168
Epigenetic	−0.0351	0.0545	−0.0375	0.0171	0.052
Immune Response	0.0767	0.00259	−0.0817	0.239	0.18
Lipid Metabolism	0.136	0.111	0.0267	0.244	0.249
Metal Binding and Homeostasis	−0.0413	−0.118	−0.135	0.0206	0.0436
Mitochondrial Metabolism	0.14	0.113	0.102	0.304	0.217
Myelination					
Oxidative Stress	0.0795	0.15	0.108	0.108	0.129
Proteostasis	−0.00595	−0.0554	−0.112	0.128	0.0627
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0327	0.00615	−0.0476	0.118	0.101
Synapse	0.212	0.117	0.0798	0.357	0.361
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.145	0.119	−0.0597	0.294	0.295
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cellular senescence					
Apoptosis	0.0177	0.107	0.0601	0.0294	0.0153
APP Metabolism					
Autophagy	0.122	0.24	0.219	0.19	0.0551
Cell Cycle	−0.00644	0.0616	0.0251	0.0497	0.0402
DNA Repair	−0.0111	0.028	0.00399	−0.0518	−0.0644
Endolysosome	0.179	0.208	0.188	0.342	0.224
Epigenetic	0.0105	0.0705	0.0409	0.0432	0.0292
Immune Response	0.0947	0.144	0.113	0.133	0.102
Lipid Metabolism	0.101	0.229	0.211	0.0969	0.0814
Metal Binding and Homeostasis	0.085	0.107	0.0846	0.161	0.171
Mitochondrial Metabolism	0.0565	0.0595	0.0401	0.139	0.0213
Myelination	0.162	0.187	0.14	0.328	0.201
Oxidative Stress	0.119	0.173	0.139	0.23	0.141
Proteostasis	0.0738	0.123	0.0978	0.146	0.0975
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0433	0.152	0.135	0.0653	0.0906
Synapse	0.0871	0.113	0.0902	0.131	0.0905
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0825	0.225	0.203	0.0592	0.105
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Focal adhesion					
Apoptosis	0.0298	0.2	0.165	−0.0327	0.0608
APP Metabolism					
Autophagy	0.179	0.315	0.294	0.18	0.183
Cell Cycle	−0.00543	0.169	0.108	0.0284	0.155
DNA Repair	0.0555	0.212	0.185	0.095	0.115
Endolysosome	0.0764	0.112	0.0927	0.145	0.158
Epigenetic	0.0273	0.189	0.149	0.00705	0.154
Immune Response	0.0859	0.174	0.152	0.0499	0.102
Lipid Metabolism	0.0715	0.205	0.205	−0.00608	0.0826
Metal Binding and Homeostasis	−0.0144	0.0279	0.0561	−0.0377	0.0262
Mitochondrial Metabolism	0.094	0.304	0.26	0.0564	0.172
Myelination	0.157	0.164	0.186	0.0983	0.112
Oxidative Stress	0.102	0.253	0.195	0.197	0.205
Proteostasis	0.112	0.117	0.129	0.141	0.153
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0661	0.104	0.12	0.0274	0.0868
Synapse	0.0738	0.186	0.176	−0.0233	0.0707
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0475	0.14	0.123	−0.0122	0.0406
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Adherens junction					
Apoptosis	0.0315	0.162	0.101	−0.0545	0.0613
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0257	0.063	0.0539	0.134	0.0634
Cell Cycle	−0.0114	0.213	0.142	−0.125	0.0474
DNA Repair	0.0754	0.102	0.161	−0.0023	0.0619
Endolysosome	−0.0219	0.156	0.0189	0.011	0.0806
Epigenetic	0.0062	0.203	0.137	−0.136	0.0729
Immune Response	0.0316	0.126	0.0958	−0.0251	0.0369
Lipid Metabolism	0.0372	0.234	0.213	−0.117	−0.00979
Metal Binding and Homeostasis	−0.0515	0.0189	0.0267	−0.188	−0.0225
Mitochondrial Metabolism	0.0893	0.0454	0.0518	0.285	0.215
Myelination					
Oxidative Stress	0.0413	0.298	0.24	0.163	0.171
Proteostasis	−0.0114	0.164	0.13	0.00457	0.112
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0121	0.122	0.106	−0.0582	0.0124
Synapse	−0.00409	0.166	0.127	−0.103	0.00742
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0163	0.16	0.0743	−0.00114	0.02
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Tight junction					
Apoptosis	−0.0277	0.11	0.119	0.0394	0.0579
APP Metabolism					
Autophagy	0.0378	0.23	0.138	0.0175	0.0604
Cell Cycle	−0.0425	−0.0205	−0.0212	0.146	0.0249
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0195	0.0566	0.0284	0.000294	0.0502
Epigenetic	−0.0294	0.128	0.155	−0.0404	0.067
Immune Response	0.00122	0.0799	0.0537	0.0827	0.0862
Lipid Metabolism	0.0231	0.141	0.112	0.0262	0.0656
Metal Binding and Homeostasis	−0.022	0.0464	0.0608	0.0427	0.009
Mitochondrial Metabolism	−0.0373	0.114	0.102	0.0523	−0.0237
Myelination	0.0609	0.158	0.171	−0.00604	0.0187
Oxidative Stress	−0.0749	0.336	0.211	0.0183	0.0193
Proteostasis	−0.0595	0.0946	0.0446	−0.0126	−0.00812
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.00111	0.0356	0.0113	0.0591	0.0191
Synapse	−0.0097	0.0566	0.0647	0.046	0.0391
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0568	0.184	0.0685	0.0716	0.0801
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Gap junction					
Apoptosis	0.0661	0.0836	0.0942	0.125	0.0962
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0617	0.0245	0.0123	0.289	0.161
DNA Repair					
Endolysosome	0.197	0.181	0.161	0.352	0.215
Epigenetic	−0.00718	−0.0331	0.0255	0.0718	0.13
Immune Response	0.066	0.122	0.108	0.107	0.0737
Lipid Metabolism	0.0526	0.176	0.198	−0.0218	0.0205
Metal Binding and Homeostasis	0.102	0.141	0.116	0.198	0.0988
Mitochondrial Metabolism	0.0897	0.186	0.205	0.0367	0.0638
Myelination					
Oxidative Stress	0.221	0.189	0.225	0.317	0.297
Proteostasis	0.0805	0.161	0.128	0.133	0.124
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.111	0.108	0.085	0.27	0.164
Synapse	0.0512	0.171	0.147	0.0447	0.056
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0562	0.179	0.186	0.024	0.103
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Signaling pathways regulating pluripotency of stem cells					
Apoptosis	0.125	0.303	0.179	0.0832	0.187
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.143	0.219	0.202	0.177	0.242
DNA Repair	−0.00682	0.159	0.2	−0.0991	−0.00807
Endolysosome	0.136	0.179	0.113	0.183	0.155
Epigenetic	0.0912	0.207	0.135	0.0452	0.157
Immune Response	0.113	0.239	0.152	0.0533	0.147
Lipid Metabolism	0.158	0.33	0.26	0.085	0.179
Metal Binding and Homeostasis	0.122	0.316	0.257	−0.0241	0.135
Mitochondrial Metabolism	0.249	0.341	0.318	0.167	0.233
Myelination	0.282	0.388	0.242	0.432	0.393
Oxidative Stress	0.165	0.284	0.205	0.238	0.181
Proteostasis	0.168	0.258	0.182	0.148	0.169
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.166	0.274	0.194	0.109	0.17
Synapse	0.195	0.325	0.225	0.1	0.22
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.102	0.296	0.203	0.0431	0.131
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Motor proteins					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0409	−0.0553	−0.0215	0.158	−0.055
DNA Repair					
Endolysosome					
	0.171	0.281	0.294	0.105	0.0212
Epigenetic					
Immune Response	0.145	−0.00198	0.0274	0.299	0.156
Lipid Metabolism	−0.0127	−0.0621	0.0444	−0.0179	0.0838
Metal Binding and Homeostasis	−0.0527	−0.162	−0.232	0.27	0.155
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.168	0.246	0.27	0.145	0.0906
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0173	−0.0334	0.0177	0.0188	−0.00824
Synapse	0.0777	0.0636	0.144	0.0187	0.0474
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.137	−0.255	−0.156	−0.105	−0.0399
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cytoskeleton in muscle cells					
Apoptosis	0.00134	0.186	0.141	−0.0725	0.0139
APP Metabolism					
Autophagy	0.174	0.188	0.213	0.156	0.0779
Cell Cycle	0.0423	0.156	0.198	−0.126	−0.0902
DNA Repair					
Endolysosome	0.0428	0.107	0.11	−0.0876	0.00624
Epigenetic	0.138	0.0441	0.00208	0.191	0.235
Immune Response	0.0404	0.115	0.117	−0.0645	−0.0206
Lipid Metabolism	0.031	0.118	0.145	−0.111	−0.0213
Metal Binding and Homeostasis	0.0228	0.00456	−0.0146	0.0583	0.0333
Mitochondrial Metabolism	0.185	0.209	0.217	0.11	0.123
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.128	0.104	0.138	0.0374	0.0586
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0567	0.0367	0.0686	0.00799	0.0506
Synapse	0.102	0.182	0.216	−0.0376	0.0616
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0372	0.0466	0.102	−0.056	0.0178
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Regulation of actin cytoskeleton					
Apoptosis	0.115	0.253	0.231	0.0689	0.0947
APP Metabolism					
Autophagy	0.195	0.276	0.307	0.211	0.182
Cell Cycle	0.0492	0.16	0.134	0.0765	0.154
DNA Repair	0.08	0.367	0.373	-0.0252	0.0845
Endolysosome	0.0987	0.209	0.176	0.111	0.16
Epigenetic	0.0974	0.181	0.163	0.117	0.19
Immune Response	0.0872	0.164	0.167	0.0554	0.11
Lipid Metabolism	0.111	0.172	0.22	0.0461	0.104
Metal Binding and Homeostasis	0.0574	0.0535	0.0606	0.0547	0.0833
Mitochondrial Metabolism	0.21	0.272	0.273	0.251	0.265
Myelination	0.195	0.239	0.293	0.216	0.144
Oxidative Stress	0.111	0.181	0.247	0.179	0.229
Proteostasis	0.14	0.214	0.206	0.172	0.179
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0463	0.108	0.117	0.0349	0.101
Synapse	0.114	0.219	0.193	0.0643	0.137
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0838	0.173	0.156	0.053	0.0576
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hematopoietic cell lineage					
Apoptosis	−0.0332	0.13	0.0938	−0.0923	−0.0263
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.00633	0.0942	0.104	0.000273	0.0808
Epigenetic					
Immune Response	0.0163	0.0748	0.0548	0.0224	0.0668
Lipid Metabolism	−0.00746	0.0201	0.0126	−0.0459	0.00665
Metal Binding and Homeostasis	−0.105	0.0634	0.0244	−0.256	−0.085
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.00582	0.114	0.0205	0.00565	0.00117
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.00689	0.117	0.0474	−0.0374	0.00171
Synapse	0.0541	0.115	0.116	0.0144	0.0711
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.147	0.00303	0.0189	−0.0923	−0.0443
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Complement and coagulation cascades

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.117	0.0747	0.0518	0.131	0.128
Lipid Metabolism	0.0395	0.0174	0.00507	0.0132	0.0563
Metal Binding and Homeostasis	0.0658	0.0771	0.113	0.0366	0.1
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0957	0.0456	-0.0097	0.143	0.0341
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.119	0.00785	0.0452	0.183	0.14
Synapse	0.233	0.133	0.134	0.365	0.274
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0819	0.0163	0.00991	0.13	0.0643
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Platelet activation					
Apoptosis	0.0538	0.151	0.17	0.129	0.109
APP Metabolism					
Autophagy	0.0709	0.132	0.122	0.177	0.0794
Cell Cycle	0.0804	0.228	0.163	0.215	0.138
DNA Repair					
Endolysosome	0.00698	0.149	0.107	0.0521	0.0699
Epigenetic	0.148	0.267	0.271	0.185	0.212
Immune Response	−0.0101	0.0636	0.0663	0.0528	0.0556
Lipid Metabolism	0.0389	0.156	0.163	0.00893	0.0329
Metal Binding and Homeostasis	−0.0206	0.108	0.0983	−0.0429	−0.036
Mitochondrial Metabolism	0.0148	0.0934	0.0966	0.0843	0.0103
Myelination					
Oxidative Stress	0.135	0.0814	0.133	0.367	0.259
Proteostasis	0.0391	0.131	0.152	0.0682	0.0124
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00403	0.135	0.0962	0.0407	0.0623
Synapse	0.0279	0.154	0.135	0.0387	0.0254
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.0316	0.0948	0.0895	−0.0329	−0.00404
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Neutrophil extracellular trap formation					
Apoptosis	0.0442	0.0484	0.0127	0.168	0.0501
APP Metabolism	0.166	0.248	0.193	0.27	0.187
Autophagy	0.145	0.149	0.155	0.245	0.177
Cell Cycle	0.0263	−0.00711	0.00697	0.227	0.0965
DNA Repair	0.0885	0.108	0.142	0.237	0.102
Endolysosome	0.122	0.205	0.245	0.189	0.17
Epigenetic	0.114	0.12	0.0388	0.232	0.176
Immune Response	0.116	0.138	0.149	0.164	0.167
Lipid Metabolism	0.0968	0.118	0.118	0.139	0.114
Metal Binding and Homeostasis	0.0649	0.009	0.0777	0.0637	0.0528
Mitochondrial Metabolism	0.074	0.0269	0.0145	0.211	0.0465
Myelination	0.342	0.325	0.243	0.65	0.355
Oxidative Stress	0.142	0.119	0.132	0.299	0.209
Proteostasis	0.162	0.194	0.175	0.285	0.162
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.104	0.122	0.159	0.148	0.132
Synapse	0.0688	0.105	0.0761	0.156	0.0881
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.118	0.199	0.24	0.101	0.124
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Toll–like receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.0948	0.214	0.168	0.124	0.109
APP Metabolism					
Autophagy	0.127	0.322	0.264	0.184	0.135
Cell Cycle	0.0667	0.277	0.288	0.152	0.0583
DNA Repair	0.00824	0.12	0.135	−0.0173	−0.0592
Endolysosome	0.095	0.166	0.148	0.178	0.127
Epigenetic	0.0736	0.261	0.191	0.111	0.0665
Immune Response	0.0751	0.15	0.116	0.11	0.0958
Lipid Metabolism	0.0902	0.147	0.122	0.107	0.107
Metal Binding and Homeostasis	0.0827	0.239	0.184	0.0811	0.117
Mitochondrial Metabolism	0.0618	0.122	0.158	0.159	0.0954
Myelination					
Oxidative Stress	0.161	0.518	0.362	0.28	0.186
Proteostasis	0.149	0.298	0.227	0.221	0.193
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0815	0.229	0.176	0.109	0.124
Synapse	0.168	0.327	0.269	0.22	0.164
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0873	0.296	0.244	0.106	0.0443
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

NOD-like receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.0647	0.116	0.0536	0.12	0.0521
APP Metabolism					
Autophagy	0.0906	0.0941	0.0618	0.181	0.0802
Cell Cycle	0.0279	0.217	0.138	0.0237	0.0612
DNA Repair	0.0331	0.0624	0.0591	0.0604	0.0606
Endolysosome	0.0972	0.0981	0.115	0.201	0.0851
Epigenetic	−0.026	0.0903	0.00524	0.00329	0.023
Immune Response	0.0516	0.0622	0.0424	0.0989	0.0762
Lipid Metabolism	0.0384	0.0872	0.0609	0.078	−0.000838
Metal Binding and Homeostasis	0.0672	0.15	0.13	−0.011	0.0645
Mitochondrial Metabolism	0.0395	0.000557	−0.00464	0.147	0.0314
Myelination					
Oxidative Stress	0.0646	0.186	0.12	0.175	0.061
Proteostasis	0.0611	0.102	0.0957	0.115	0.0756
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0235	0.0823	0.0288	0.107	0.0695
Synapse	0.0367	0.0958	0.0499	0.183	0.0649
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0142	0.2	0.143	0.0319	−0.00504
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

RIG-I-like receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.0223	0.182	0.102	0.019	0.0312
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0251	0.151	0.0957	−0.106	−0.0917
Immune Response	0.011	0.137	0.111	0.0145	0.0292
Lipid Metabolism	−0.0458	0.025	−0.0722	0.00227	−0.0441
Metal Binding and Homeostasis	0.0808	0.294	0.311	−0.0421	0.019
Mitochondrial Metabolism	0.0604	0.145	0.172	0.0536	0.0983
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0443	0.0848	0.0278	−0.0141	−0.00192
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.139	0.0362	−0.0844	−0.233	−0.131
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cytosolic DNA–sensing pathway					
Apoptosis	0.0655	0.0232	−0.0263	0.149	0.0771
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.148	−0.208	−0.178	0.0354	−0.1
DNA Repair	0.0466	−0.155	−0.0964	0.189	0.0877
Endolysosome					
Epigenetic	0.0713	0.0847	0.0589	0.133	0.0297
Immune Response	0.0617	0.00553	0.00883	0.123	0.0479
Lipid Metabolism	0.0321	−0.0355	−0.0895	0.134	0.0558
Metal Binding and Homeostasis	−0.102	−0.0856	0.027	−0.0948	−0.0864
Mitochondrial Metabolism	0.0383	−0.122	−0.0773	0.128	0.0324
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.11	0.0749	0.0336	0.203	0.123
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0989	0.0815	0.0815	0.178	0.161
Synapse	0.155	0.156	0.113	0.364	0.187
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

C-type lectin receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.0862	0.196	0.131	0.135	0.0906
APP Metabolism					
Autophagy	0.153	0.288	0.27	0.127	0.159
Cell Cycle	0.0575	0.132	0.109	0.135	0.121
DNA Repair	0.0734	0.117	0.12	0.07	0.00759
Endolysosome	0.0496	-0.0111	0.0217	0.179	0.138
Epigenetic	0.0851	0.209	0.144	0.0969	0.0729
Immune Response	0.057	0.112	0.08	0.115	0.0739
Lipid Metabolism	0.0917	0.134	0.105	0.123	0.101
Metal Binding and Homeostasis	0.0367	0.122	0.071	0.00146	0.124
Mitochondrial Metabolism	0.0335	0.124	0.113	-0.0095	0.0155
Myelination	0.0854	0.228	0.146	0.304	0.204
Oxidative Stress	0.214	0.392	0.267	0.291	0.239
Proteostasis	0.0873	0.173	0.102	0.165	0.129
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0518	0.134	0.0975	0.141	0.117
Synapse	0.0765	0.22	0.175	0.125	0.116
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.119	0.308	0.25	0.171	0.135
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Natural killer cell mediated cytotoxicity					
Apoptosis	−0.0328	0.00307	0.0315	−0.0406	−0.00342
APP Metabolism					
Autophagy	0.0579	0.0506	0.125	0.177	0.103
Cell Cycle	−0.0988	−0.0354	−0.0456	−0.0973	0.0261
DNA Repair	0.0137	0.0772	0.111	0.0293	−0.000558
Endolysosome	0.0525	−0.0176	0.0795	0.222	0.172
Epigenetic	0.0527	0.199	0.205	0.0136	0.109
Immune Response	0.0662	0.0746	0.0824	0.0867	0.119
Lipid Metabolism	0.0158	0.0322	0.0718	0.0269	0.0609
Metal Binding and Homeostasis	−0.000274	0.0721	0.0796	−0.038	0.0451
Mitochondrial Metabolism	0.067	0.1	0.0401	0.135	0.105
Myelination					
Oxidative Stress	0.0401	−0.025	0.042	0.237	0.206
Proteostasis	0.00411	−0.00526	0.00921	0.173	0.109
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0696	0.098	0.109	0.107	0.122
Synapse	0.0112	0.0804	0.105	0.0466	0.0738
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0494	0.231	0.232	−0.029	0.086
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Antigen processing and presentation					
Apoptosis	0.212	0.144	0.0987	0.344	0.301
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.114	0.159	-0.00204	0.353	0.256
DNA Repair					
Endolysosome	0.057	0.0381	0.0311	0.2	0.176
Epigenetic	0.118	0.086	0.0991	0.288	0.247
Immune Response	0.113	0.0602	0.0628	0.234	0.229
Lipid Metabolism	0.0938	0.0493	-0.00119	0.176	0.13
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.159	0.0899	0.0604	0.297	0.199
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.119	0.0327	0.0141	0.287	0.262
Synapse	0.154	0.285	0.123	0.258	0.306
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

T cell receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.00809	0.204	0.107	0.0842	0.0503
APP Metabolism					
Autophagy	0.0319	0.315	0.214	0.0429	0.0337
Cell Cycle	0.0222	0.154	0.108	0.273	0.131
DNA Repair	0.0948	0.243	0.24	0.0818	0.0359
Endolysosome	−0.096	−0.0389	−0.049	0.129	0.0424
Epigenetic	0.034	0.259	0.166	0.0693	0.0451
Immune Response	0.0227	0.159	0.0653	0.0951	0.0459
Lipid Metabolism	0.0335	0.155	0.0902	0.142	0.0813
Metal Binding and Homeostasis	−0.0385	0.13	0.0692	0.0122	−0.00747
Mitochondrial Metabolism	0.045	0.226	0.179	0.0829	0.088
Myelination					
Oxidative Stress	0.0345	0.285	0.187	0.276	0.111
Proteostasis	0.0204	0.17	0.0946	0.175	0.101
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0202	0.169	0.082	0.116	0.1
Synapse	0.0237	0.256	0.135	0.103	0.102
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0585	0.363	0.246	0.0357	0.0597
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Th1 and Th2 cell differentiation					
Apoptosis	0.122	0.234	0.139	0.108	0.0657
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.158	0.362	0.327	0.221	0.106
DNA Repair					
Endolysosome	0.0373	0.152	0.139	0.0788	0.135
Epigenetic	0.0829	0.312	0.224	0.0234	0.048
Immune Response	0.0798	0.174	0.136	0.0906	0.0976
Lipid Metabolism	0.0696	0.122	0.0861	0.085	0.0448
Metal Binding and Homeostasis	0.0151	0.248	0.162	-0.0402	-0.00257
Mitochondrial Metabolism	-0.00904	0.132	0.118	-0.0842	-0.0446
Myelination					
Oxidative Stress	0.144	0.593	0.408	0.229	0.18
Proteostasis	0.106	0.213	0.191	0.108	0.0424
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.119	0.175	0.152	0.123	0.151
Synapse	0.12	0.279	0.196	0.0944	0.0546
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.144	0.345	0.279	0.0483	0.021
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Th17 cell differentiation					
Apoptosis	0.122	0.244	0.189	0.0733	0.072
APP Metabolism					
Autophagy	0.141	0.231	0.258	0.137	0.0547
Cell Cycle	0.216	0.325	0.324	0.252	0.174
DNA Repair					
Endolysosome	0.0517	0.206	0.183	0.0494	0.12
Epigenetic	0.13	0.3	0.21	0.0825	0.0753
Immune Response	0.0824	0.173	0.15	0.0625	0.0663
Lipid Metabolism	0.089	0.145	0.12	0.0874	0.0399
Metal Binding and Homeostasis	0.0888	0.25	0.186	-0.0224	0.0281
Mitochondrial Metabolism	0.115	0.245	0.221	0.0645	0.0745
Myelination					
Oxidative Stress	0.16	0.594	0.44	0.195	0.173
Proteostasis	0.102	0.229	0.199	0.104	0.0422
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.151	0.233	0.215	0.0864	0.143
Synapse	0.151	0.293	0.247	0.131	0.118
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.133	0.317	0.273	0.00989	0.0216
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

IL-17 signaling pathway					
Apoptosis	-0.012	0.101	0.0642	-0.0155	0.0212
APP Metabolism					
Autophagy	-0.0384	0.159	0.0977	-0.11	0.0352
Cell Cycle	0.0848	0.134	0.144	0.212	0.148
DNA Repair	-0.0352	0.0616	0.0539	-0.0181	-0.0173
Endolysosome	-0.0601	0.124	0.106	-0.061	-0.0074
Epigenetic	0.0108	0.159	0.0926	0.0415	0.0202
Immune Response	-0.0116	0.065	0.0154	0.0139	0.0401
Lipid Metabolism	-0.0512	0.038	-0.0108	-0.0458	-0.00116
Metal Binding and Homeostasis	-0.00907	0.121	0.127	-0.0275	0.0307
Mitochondrial Metabolism	0.0936	0.235	0.233	0.0319	0.119
Myelination					
Oxidative Stress	0.0913	0.35	0.314	0.188	0.116
Proteostasis	0.0274	0.145	0.108	0.0481	0.0516
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0383	0.0953	0.0285	0.0834	0.0819
Synapse	0.0436	0.18	0.15	0.05	0.0639
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0999	0.232	0.225	0.14	0.0989
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

B cell receptor signaling pathway					
Apoptosis	0.0872	0.195	0.116	0.111	0.11
APP Metabolism					
Autophagy	0.212	0.292	0.278	0.285	0.272
Cell Cycle	0.129	0.208	0.202	0.207	0.247
DNA Repair					
Endolysosome	0.0872	0.0245	0.0843	0.31	0.205
Epigenetic	0.0814	0.231	0.122	0.12	0.119
Immune Response	0.121	0.153	0.111	0.177	0.147
Lipid Metabolism	0.0729	0.141	0.0905	0.165	0.124
Metal Binding and Homeostasis	0.0719	0.239	0.148	0.0489	0.123
Mitochondrial Metabolism	0.199	0.242	0.202	0.258	0.221
Myelination					
Oxidative Stress	0.209	0.333	0.219	0.461	0.353
Proteostasis	0.15	0.202	0.168	0.322	0.225
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.116	0.13	0.13	0.212	0.216
Synapse	0.166	0.265	0.233	0.227	0.277
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.163	0.463	0.388	0.0969	0.157
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Fc epsilon RI signaling pathway					
Apoptosis	0.0553	0.232	0.224	0.0406	0.0883
APP Metabolism					
Autophagy	0.116	0.15	0.128	0.261	0.172
Cell Cycle	0.0679	0.176	0.168	0.217	0.122
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0219	−0.076	−0.0206	0.171	0.0772
Epigenetic	0.0779	0.257	0.234	0.106	0.129
Immune Response	0.0706	0.135	0.128	0.129	0.114
Lipid Metabolism	0.0361	0.0945	0.135	0.0693	0.0808
Metal Binding and Homeostasis	0.0941	0.0278	0.073	0.121	0.0651
Mitochondrial Metabolism	0.091	0.218	0.223	0.146	0.107
Myelination					
Oxidative Stress	0.143	0.255	0.246	0.296	0.238
Proteostasis	0.138	0.153	0.194	0.337	0.238
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.111	0.165	0.174	0.217	0.188
Synapse	0.109	0.244	0.189	0.207	0.167
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.046	0.279	0.262	−0.0448	0.0524
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Fc gamma R-mediated phagocytosis					
Apoptosis	0.124	0.16	0.178	0.105	0.109
APP Metabolism					
Autophagy	0.234	0.208	0.226	0.324	0.244
Cell Cycle	0.104	0.159	0.136	0.196	0.183
DNA Repair	0.103	0.224	0.253	0.0217	0.000304
Endolysosome	0.093	0.0917	0.142	0.141	0.145
Epigenetic	0.139	0.223	0.227	0.104	0.15
Immune Response	0.148	0.158	0.178	0.176	0.155
Lipid Metabolism	0.14	0.159	0.207	0.129	0.129
Metal Binding and Homeostasis	0.0981	0.0561	0.0831	-0.00566	-0.0132
Mitochondrial Metabolism	0.132	0.217	0.185	0.185	0.189
Myelination					
Oxidative Stress	0.294	0.24	0.246	0.462	0.424
Proteostasis	0.135	0.162	0.17	0.237	0.19
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0426	0.0938	0.0698	0.108	0.0882
Synapse	0.101	0.126	0.113	0.161	0.137
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.113	0.223	0.212	0.0457	0.0892
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Leukocyte transendothelial migration					
Apoptosis	0.0405	0.127	0.148	-0.0312	0.0135
APP Metabolism					
Autophagy	0.0577	0.117	0.134	0.0983	0.123
Cell Cycle	0.00601	0.196	0.0988	0.0559	0.0718
DNA Repair					
Endolysosome	-0.0645	0.164	0.112	-0.0182	0.108
Epigenetic	0.0429	0.221	0.208	0.00234	0.179
Immune Response	0.0511	0.0875	0.0973	0.0642	0.113
Lipid Metabolism	0.0535	0.164	0.147	-0.0259	0.0679
Metal Binding and Homeostasis	0.0391	0.0542	0.0822	0.00125	0.0305
Mitochondrial Metabolism	0.0153	-0.0389	-0.00639	0.112	0.06
Myelination					
Oxidative Stress	0.0961	0.0468	0.0623	0.266	0.23
Proteostasis	0.0355	0.142	0.132	0.104	0.0993
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0338	0.124	0.0757	0.0438	0.0499
Synapse	0.0174	0.0935	0.0699	0.0313	0.0714
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0252	0.127	0.116	0.0313	0.0397
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Intestinal immune network for IgA production					
Apoptosis	0.181	0.164	0.251	0.0911	0.0808
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	-0.0121	0.0839	0.00147	-0.0667	0.0064
Epigenetic					
Immune Response	0.134	0.113	0.0866	0.118	0.0673
Lipid Metabolism	0.203	0.198	0.227	0.0847	0.0382
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.17	0.0715	0.0494	0.116	0.0258
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.232	0.242	0.285	0.126	0.0766
Synapse	0.233	0.235	0.237	0.0931	0.0493
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Chemokine signaling pathway					
Apoptosis	0.0903	0.152	0.162	0.0747	0.099
APP Metabolism					
Autophagy	0.162	0.22	0.158	0.208	0.158
Cell Cycle	0.0922	0.207	0.162	0.185	0.153
DNA Repair	0.231	0.335	0.325	0.166	0.139
Endolysosome	0.0527	0.137	0.121	0.153	0.143
Epigenetic	0.12	0.203	0.167	0.145	0.0947
Immune Response	0.0909	0.132	0.118	0.0643	0.0846
Lipid Metabolism	0.141	0.231	0.214	0.0947	0.147
Metal Binding and Homeostasis	0.117	0.278	0.243	0.00362	0.0415
Mitochondrial Metabolism	0.129	0.132	0.16	0.133	0.0987
Myelination	0.275	0.393	0.473	0.331	0.249
Oxidative Stress	0.213	0.273	0.158	0.367	0.296
Proteostasis	0.145	0.226	0.177	0.25	0.186
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0966	0.179	0.161	0.083	0.119
Synapse	0.0929	0.201	0.173	0.108	0.118
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.105	0.206	0.166	0.0931	0.121
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Insulin secretion					
Apoptosis	−0.128	0.0251	0.16	−0.23	−0.0265
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.11	0.25	0.26	−0.0203	0.174
Epigenetic	0.132	0.153	0.202	0.109	0.204
Immune Response	−0.0301	0.2	0.182	−0.167	−0.0314
Lipid Metabolism	0.0381	0.286	0.253	−0.12	−0.0561
Metal Binding and Homeostasis	0.0473	0.271	0.281	−0.167	−0.0546
Mitochondrial Metabolism	0.0398	0.113	0.15	−0.104	−0.0512
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.119	0.142	0.198	0.0886	0.066
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0406	0.167	0.194	−0.098	−0.0276
Synapse	0.0586	0.117	0.165	−0.0543	0.0411
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0544	0.129	0.197	−0.0834	−0.00215
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Insulin signaling pathway					
Apoptosis	0.122	0.302	0.264	0.0663	0.106
APP Metabolism					
Autophagy	0.216	0.348	0.361	0.144	0.157
Cell Cycle	0.0922	0.119	0.115	0.211	0.181
DNA Repair					
Endolysosome	0.258	0.317	0.384	0.308	0.278
Epigenetic	0.0845	0.359	0.287	-0.0218	0.108
Immune Response	0.138	0.274	0.248	0.0899	0.0968
Lipid Metabolism	0.184	0.344	0.357	0.084	0.122
Metal Binding and Homeostasis	0.138	0.181	0.17	0.127	0.123
Mitochondrial Metabolism	0.118	0.264	0.229	0.0532	0.0873
Myelination	0.154	0.267	0.296	0.173	0.247
Oxidative Stress	0.195	0.489	0.399	0.13	0.202
Proteostasis	0.2	0.296	0.245	0.224	0.222
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.153	0.323	0.309	0.124	0.159
Synapse	0.165	0.364	0.322	0.118	0.163
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.155	0.37	0.308	0.0605	0.111
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Glucagon signaling pathway					
Apoptosis	0.0817	0.23	0.27	0.0497	0.145
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.00185	0.273	0.197	−0.00519	0.146
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.123	0.262	0.215	0.073	0.129
Immune Response	0.00584	0.239	0.185	−0.0251	0.0926
Lipid Metabolism	0.0822	0.209	0.209	0.0374	0.0323
Metal Binding and Homeostasis	0.0499	0.248	0.212	−0.0286	0.0361
Mitochondrial Metabolism	0.0107	0.109	0.114	0.02	0.0172
Myelination					
Oxidative Stress	0.0556	0.363	0.282	0.132	0.184
Proteostasis	0.155	0.177	0.19	0.161	0.126
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.101	0.195	0.204	0.157	0.183
Synapse	0.0794	0.213	0.193	0.0815	0.102
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0782	0.224	0.197	0.152	0.158
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Regulation of lipolysis in adipocytes

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.239	0.305	0.275	0.11	0.11
Lipid Metabolism	0.191	0.271	0.261	0.151	0.0945
Metal Binding and Homeostasis	0.207	0.384	0.318	0.178	0.14
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.17	0.228	0.195	0.316	0.21
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.226	0.394	0.34	0.248	0.189
Synapse	0.0931	0.201	0.127	0.116	0.0981
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.135	0.307	0.263	0.117	0.178
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Adipocytokine signaling pathway					
Apoptosis	0.191	0.351	0.238	0.212	0.158
APP Metabolism					
Autophagy	0.143	0.467	0.415	-0.0494	0.11
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.114	0.368	0.215	0.101	0.102
Immune Response	0.141	0.274	0.167	0.171	0.0851
Lipid Metabolism	0.145	0.233	0.199	0.188	0.117
Metal Binding and Homeostasis	0.218	0.296	0.25	0.339	0.176
Mitochondrial Metabolism	0.116	0.305	0.289	0.0402	0.0848
Myelination					
Oxidative Stress	0.127	0.593	0.409	0.0306	0.189
Proteostasis	0.16	0.282	0.234	0.253	0.179
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.134	0.273	0.189	0.133	0.139
Synapse	0.196	0.328	0.233	0.216	0.171
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.222	0.302	0.235	0.364	0.225
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

PPAR signaling pathway					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0457	0.0107	0.106	0.25	0.236
Lipid Metabolism	0.0296	0.0199	0.0197	0.174	0.0391
Metal Binding and Homeostasis	0.119	0.0527	0.0803	0.29	0.152
Mitochondrial Metabolism	0.1	0.145	0.146	0.241	0.164
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0626	0.0832	0.0828	0.196	0.0791
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	-0.0355	-0.114	-0.053	0.161	0.0944
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.00315	0.0212	0.0428	0.177	0.0854
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

GnRH secretion					
Apoptosis	0.0584	0.207	0.276	0.0196	0.0559
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.137	0.126	0.198	0.33	0.217
Epigenetic	0.0943	0.185	0.226	0.0873	0.101
Immune Response	0.123	0.2	0.239	0.128	0.149
Lipid Metabolism	0.116	0.261	0.321	0.00942	0.0738
Metal Binding and Homeostasis	0.11	0.0805	0.177	0.0138	0.0981
Mitochondrial Metabolism	0.157	0.319	0.358	0.0634	0.106
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0948	0.179	0.189	0.112	0.0993
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.176	0.239	0.295	0.147	0.189
Synapse	0.161	0.264	0.293	0.0634	0.116
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.189	0.424	0.411	0.0367	0.172
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

GnRH signaling pathway					
Apoptosis	0.0296	0.261	0.219	−0.00261	0.0831
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0824	0.124	0.104	−0.0614	0.0196
DNA Repair					
Endolysosome	0.104	0.11	0.0686	0.179	0.166
Epigenetic	−0.00231	0.221	0.248	0.0324	0.0392
Immune Response	0.0287	0.184	0.155	0.0326	0.065
Lipid Metabolism	0.00818	0.178	0.205	−0.0845	−0.0428
Metal Binding and Homeostasis	0.064	0.167	0.151	−0.0154	0.00618
Mitochondrial Metabolism	0.0197	0.173	0.183	−0.0428	0.00841
Myelination					
Oxidative Stress	0.139	0.317	0.292	0.235	0.166
Proteostasis	0.0835	0.19	0.144	0.196	0.11
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0559	0.0971	0.1	0.137	0.127
Synapse	0.0412	0.185	0.182	0.00836	0.0686
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.00142	0.113	0.09	0.0138	0.0749
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Ovarian steroidogenesis					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.135	0.229	0.257	0.0103	0.0395
Lipid Metabolism	0.0415	0.152	0.157	-0.0587	-0.0048
Metal Binding and Homeostasis	0.0909	0.177	0.15	0.00393	0.0152
Mitochondrial Metabolism	0.0185	0.0308	-0.00606	0.0118	0.00935
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.167	0.266	0.266	0.209	0.137
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0472	0.23	0.195	-0.0737	-0.0799
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.104	0.127	0.186	0.0304	0.0902
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Estrogen signaling pathway					
Apoptosis	0.13	0.202	0.19	0.214	0.199
APP Metabolism					
Autophagy	0.18	0.235	0.21	0.299	0.232
Cell Cycle	0.114	0.246	0.176	0.25	0.244
DNA Repair					
Endolysosome	0.144	0.217	0.181	0.274	0.203
Epigenetic	0.169	0.312	0.281	0.19	0.222
Immune Response	0.124	0.272	0.178	0.195	0.157
Lipid Metabolism	0.135	0.334	0.305	0.0538	0.11
Metal Binding and Homeostasis	0.149	0.298	0.238	0.124	0.127
Mitochondrial Metabolism	0.181	0.276	0.232	0.178	0.205
Myelination	0.277	0.169	0.182	0.459	0.464
Oxidative Stress	0.294	0.42	0.317	0.455	0.364
Proteostasis	0.161	0.203	0.196	0.267	0.204
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0798	0.116	0.0756	0.187	0.152
Synapse	0.125	0.27	0.24	0.0909	0.121
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.144	0.299	0.231	0.193	0.177
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Progesterone-mediated oocyte maturation					
Apoptosis	0.173	0.341	0.293	0.133	0.188
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.00806	0.00552	−0.00123	0.138	0.0131
DNA Repair	−0.0467	0.0762	0.0618	0.026	−0.0202
Endolysosome	0.215	0.458	0.394	0.248	0.278
Epigenetic	0.143	0.298	0.254	0.0745	0.159
Immune Response	0.125	0.285	0.229	0.0729	0.113
Lipid Metabolism	0.186	0.45	0.384	0.0381	0.156
Metal Binding and Homeostasis	0.157	0.304	0.222	0.103	0.0953
Mitochondrial Metabolism	0.114	0.28	0.225	0.0874	0.12
Myelination					
Oxidative Stress	0.236	0.45	0.393	0.333	0.277
Proteostasis	0.0942	0.173	0.13	0.177	0.0889
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.103	0.172	0.127	0.15	0.119
Synapse	0.176	0.397	0.317	0.0887	0.163
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.199	0.375	0.325	0.192	0.223
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Prolactin signaling pathway					
Apoptosis	0.0535	0.272	0.199	0.0287	0.0508
APP Metabolism					
Autophagy	0.304	0.526	0.539	0.28	0.284
Cell Cycle	0.0109	0.04	0.0865	0.216	0.109
DNA Repair					
Endolysosome	0.142	0.191	0.172	0.298	0.234
Epigenetic	0.0649	0.271	0.197	0.0562	0.0272
Immune Response	0.142	0.309	0.229	0.151	0.129
Lipid Metabolism	0.16	0.349	0.262	0.131	0.143
Metal Binding and Homeostasis	0.105	0.104	0.0686	0.193	0.131
Mitochondrial Metabolism	0.197	0.314	0.277	0.143	0.165
Myelination					
Oxidative Stress	0.232	0.497	0.389	0.345	0.215
Proteostasis	0.145	0.283	0.217	0.247	0.209
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.204	0.342	0.242	0.261	0.225
Synapse	0.212	0.4	0.302	0.239	0.198
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.237	0.487	0.395	0.214	0.202
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Oxytocin signaling pathway					
Apoptosis	−0.0168	0.0898	0.103	0.0393	0.0483
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0311	0.224	0.232	−0.0536	−0.0137
Cell Cycle	−0.0432	0.143	0.083	0.0383	0.101
DNA Repair	−0.0476	−0.0928	−0.00722	0.0546	0.0254
Endolysosome	0.122	0.173	0.167	0.116	0.178
Epigenetic	−0.0203	0.176	0.162	−0.011	0.0567
Immune Response	0.0536	0.174	0.161	0.0546	0.0878
Lipid Metabolism	−0.0127	0.18	0.181	−0.0767	0.00497
Metal Binding and Homeostasis	0.0116	0.175	0.153	−0.0624	0.015
Mitochondrial Metabolism	−0.0325	0.0619	0.0832	−0.0868	−0.032
Myelination					
Oxidative Stress	0.13	0.315	0.252	0.251	0.198
Proteostasis	0.0358	0.177	0.152	0.0912	0.0667
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0234	0.107	0.0941	0.0771	0.128
Synapse	0.0251	0.113	0.124	−0.0255	0.0437
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.016	0.165	0.142	−0.0117	0.0623
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Relaxin signaling pathway					
Apoptosis	0.143	0.235	0.22	0.216	0.203
APP Metabolism					
Autophagy	0.326	0.439	0.402	0.421	0.259
Cell Cycle	0.137	0.313	0.271	0.224	0.186
DNA Repair					
Endolysosome	0.0933	0.197	0.224	0.207	0.177
Epigenetic	0.158	0.292	0.295	0.171	0.155
Immune Response	0.108	0.221	0.191	0.13	0.0959
Lipid Metabolism	0.153	0.366	0.323	0.0825	0.0885
Metal Binding and Homeostasis	0.121	0.237	0.229	0.083	0.0506
Mitochondrial Metabolism	0.158	0.248	0.264	0.123	0.106
Myelination					
Oxidative Stress	0.226	0.381	0.341	0.382	0.252
Proteostasis	0.18	0.166	0.185	0.304	0.186
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.189	0.177	0.223	0.225	0.192
Synapse	0.143	0.226	0.197	0.171	0.153
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.157	0.218	0.231	0.177	0.161
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Growth hormone synthesis, secretion and action					
Apoptosis	0.0991	0.255	0.242	0.0146	0.0392
APP Metabolism					
Autophagy	0.178	0.384	0.382	0.0994	0.0787
Cell Cycle	0.103	0.307	0.248	0.159	0.134
DNA Repair	0.024	0.216	0.292	-0.189	-0.107
Endolysosome	0.202	0.392	0.283	0.305	0.248
Epigenetic	0.124	0.296	0.264	0.0993	0.136
Immune Response	0.119	0.313	0.241	0.0583	0.0616
Lipid Metabolism	0.121	0.319	0.276	0.0179	0.0584
Metal Binding and Homeostasis	0.107	0.243	0.23	0.0112	0.0251
Mitochondrial Metabolism	0.111	0.266	0.264	-0.00752	0.0367
Myelination					
Oxidative Stress	0.231	0.499	0.349	0.376	0.266
Proteostasis	0.128	0.205	0.215	0.161	0.106
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.144	0.29	0.25	0.115	0.0927
Synapse	0.117	0.24	0.216	0.0515	0.0666
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.142	0.283	0.266	0.0521	0.0845
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

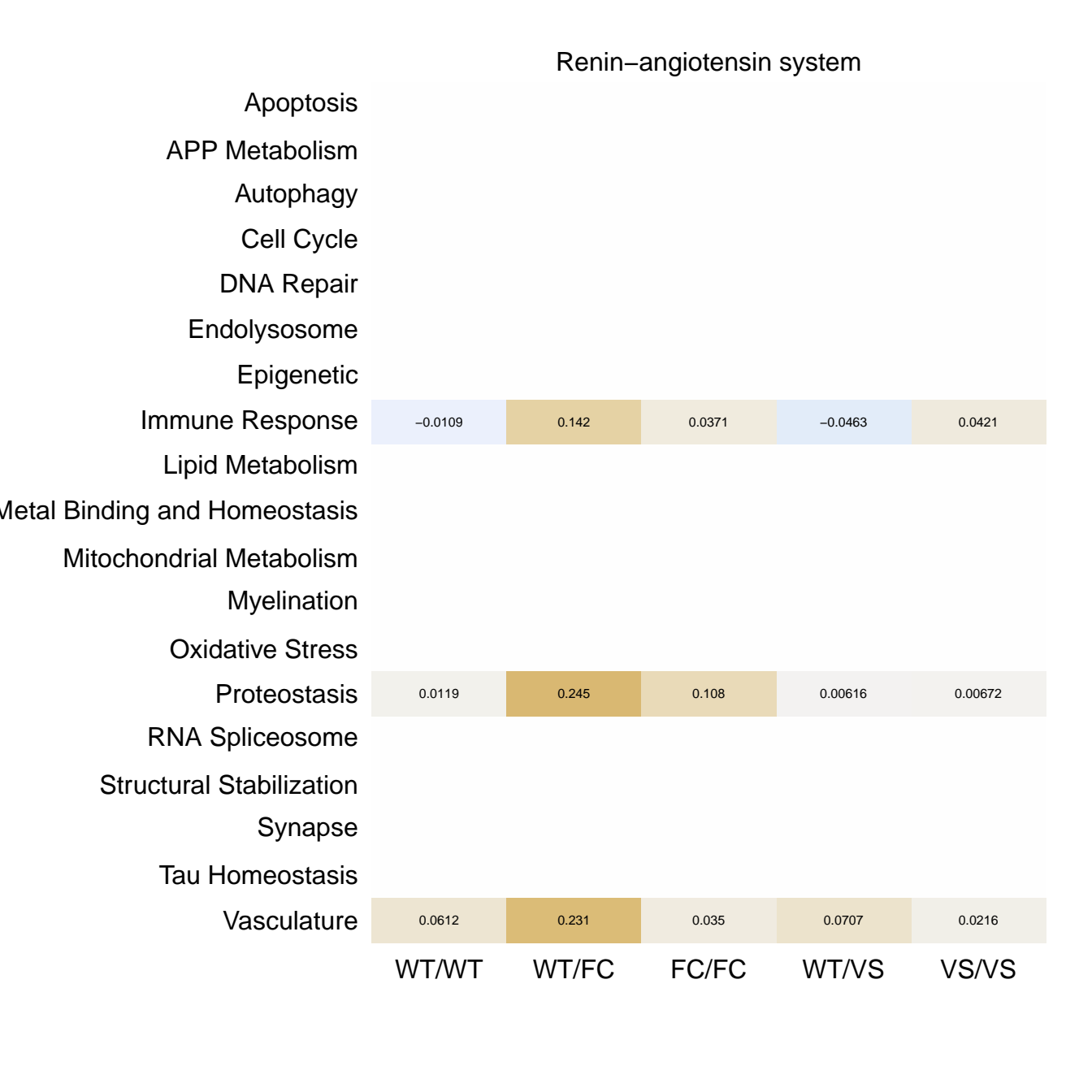
Thyroid hormone synthesis					
Apoptosis	−0.0479	−0.00266	0.127	−0.00452	0.0483
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.12	0.147	0.187	0.128	0.142
Immune Response	0.0457	0.193	0.189	−0.0702	−0.0286
Lipid Metabolism	0.0473	0.21	0.2	−0.0412	−0.0217
Metal Binding and Homeostasis	0.0687	0.265	0.271	−0.106	−0.0419
Mitochondrial Metabolism	0.0966	0.201	0.204	−0.00146	0.0468
Myelination					
Oxidative Stress	0.0806	0.0231	−0.0217	0.256	0.198
Proteostasis	0.078	0.121	0.164	0.104	0.0576
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0265	0.0644	0.124	−0.059	−0.0255
Synapse	0.0196	0.159	0.16	−0.11	−0.0779
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.107	0.23	0.265	0.0805	0.113
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Thyroid hormone signaling pathway					
Apoptosis	0.00632	0.158	0.135	−0.0398	0.0186
APP Metabolism					
Autophagy	0.179	0.361	0.324	0.174	0.132
Cell Cycle	−0.0258	0.0324	−0.00185	0.0876	0.0377
DNA Repair	0.0244	0.103	0.121	0.0111	0.036
Endolysosome	0.0687	0.108	0.0961	0.262	0.198
Epigenetic	0.0311	0.119	0.106	0.0251	0.00226
Immune Response	0.0808	0.207	0.173	0.0603	0.0781
Lipid Metabolism	0.104	0.248	0.219	0.0776	0.0977
Metal Binding and Homeostasis	0.0626	0.164	0.175	0.0576	0.0416
Mitochondrial Metabolism	0.176	0.301	0.307	0.106	0.135
Myelination	0.119	0.153	0.067	0.352	0.162
Oxidative Stress	0.045	0.22	0.114	0.0955	0.0819
Proteostasis	0.0628	0.161	0.141	0.0773	0.0424
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0817	0.202	0.16	0.117	0.0828
Synapse	0.134	0.234	0.21	0.0918	0.0815
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0722	0.252	0.22	−0.00354	0.048
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Parathyroid hormone synthesis, secretion and action					
Apoptosis	0.0602	0.144	0.152	0.0574	0.133
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0707	0.28	0.18	0.117	0.175
DNA Repair					
Endolysosome	0.0986	0.232	0.175	0.144	0.141
Epigenetic	0.122	0.239	0.22	0.114	0.196
Immune Response	0.0448	0.195	0.173	0.0179	0.0847
Lipid Metabolism	0.0764	0.243	0.211	0.0125	0.0586
Metal Binding and Homeostasis	0.101	0.251	0.199	0.0622	0.0769
Mitochondrial Metabolism	0.0915	0.18	0.169	0.0364	0.0627
Myelination					
Oxidative Stress	0.109	0.226	0.136	0.264	0.229
Proteostasis	0.0851	0.12	0.12	0.143	0.111
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0857	0.226	0.249	0.013	0.0858
Synapse	0.1	0.213	0.189	0.086	0.0954
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.121	0.208	0.2	0.112	0.142
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Melanogenesis					
Apoptosis	0.0792	0.237	0.176	0.0237	0.113
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0097	0.209	0.159	0.0391	0.119
DNA Repair					
Endolysosome	0.128	0.177	0.0868	0.151	0.107
Epigenetic	0.0101	0.0971	0.0337	-0.0157	0.0414
Immune Response	0.0403	0.162	0.0833	-0.0263	0.0389
Lipid Metabolism	0.0784	0.258	0.229	-0.02	0.00979
Metal Binding and Homeostasis	0.0603	0.225	0.213	-0.035	0.0204
Mitochondrial Metabolism	0.105	0.244	0.229	0.0273	0.0849
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0955	0.159	0.097	0.0916	0.0909
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0851	0.174	0.123	0.0666	0.079
Synapse	0.0893	0.204	0.141	0.0396	0.0883
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0396	0.187	0.104	0.0576	0.0917
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

		Renin secretion				
APP Metabolism	Apoptosis	0.205	0.184	0.229	0.231	0.091
	Autophagy					
	Cell Cycle	0.0919	0.249	0.169	0.125	0.171
	DNA Repair					
	Endolysosome					
Lipid Metabolism	Epigenetic					
	Immune Response	0.0544	0.169	0.165	0.0506	0.172
	Metal Binding and Homeostasis	0.108	0.19	0.216	0.0881	0.0342
Mitochondrial Metabolism		0.0366	0.24	0.213	-0.0269	0.0721
		-0.0239	0.0876	0.119	-0.123	-0.12
Proteostasis	Myelination					
	Oxidative Stress					
		0.107	0.238	0.171	0.175	0.00205
Structural Stabilization	RNA Spliceosome					
		0.13	0.234	0.148	0.213	0.187
	Synapse	0.0524	0.181	0.16	0.0265	0.0736
Vasculature	Tau Homeostasis					
		0.0954	0.213	0.17	0.0856	0.12
		WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Aldosterone synthesis and secretion					
Apoptosis	−0.114	0.0811	0.111	−0.153	−0.0429
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.13	0.138	0.0922	−0.214	−0.00995
DNA Repair					
Endolysosome	0.158	0.25	0.315	0.0677	0.114
Epigenetic	0.0204	0.167	0.136	0.0349	0.0699
Immune Response	−0.0445	0.179	0.176	−0.164	−0.0522
Lipid Metabolism	0.0319	0.215	0.236	−0.127	−0.0361
Metal Binding and Homeostasis	0.03	0.249	0.244	−0.133	−0.0154
Mitochondrial Metabolism	−0.0909	0.0863	0.13	−0.242	−0.0896
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.115	0.182	0.239	0.0937	0.0579
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.021	0.118	0.145	−0.0191	0.041
Synapse	0.0878	0.244	0.248	−0.0412	0.0172
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0567	0.202	0.205	−0.0333	0.0299
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cortisol synthesis and secretion					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.0968	0.205	0.209	0.19	0.176
Immune Response	0.0124	0.152	0.122	-0.0281	-0.00441
Lipid Metabolism	0.0616	0.217	0.247	-0.0806	0.000513
Metal Binding and Homeostasis	0.0946	0.258	0.224	-0.00918	0.0114
Mitochondrial Metabolism	-0.0375	0.0587	0.113	-0.177	-0.124
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.118	0.135	0.193	0.159	0.0809
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.137	0.0913	0.127	0.132	0.0838
Synapse	0.0893	0.209	0.208	0.0141	0.0496
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.141	0.157	0.197	0.103	0.12
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cardiac muscle contraction					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.101	0.257	0.24	0.0709	0.0473
Metal Binding and Homeostasis	-0.145	-0.0905	-0.118	-0.123	-0.132
Mitochondrial Metabolism	-0.367	-0.537	-0.616	-0.0365	-0.241
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.155	0.293	0.349	-0.0201	-0.0342
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	-0.0929	-0.0384	-0.0711	-0.0526	-0.0509
Synapse	0.0799	0.171	0.217	-0.0901	0.0434
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.0104	0.122	0.142	-0.153	-0.0247
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Adrenergic signaling in cardiomyocytes					
Apoptosis	0.102	0.203	0.201	0.275	0.227
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0509	0.236	0.187	0.203	0.192
DNA Repair					
Endolysosome	0.169	0.277	0.228	0.117	0.249
Epigenetic	0.191	0.244	0.268	0.243	0.265
Immune Response	0.0422	0.218	0.131	0.0469	0.112
Lipid Metabolism	0.0755	0.258	0.214	0.0288	0.0741
Metal Binding and Homeostasis	0.0151	0.231	0.207	-0.0753	-0.000244
Mitochondrial Metabolism	0.0353	0.192	0.19	0.0309	0.0809
Myelination					
Oxidative Stress	0.0596	0.167	0.163	0.219	0.169
Proteostasis	0.149	0.212	0.224	0.189	0.146
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0541	0.133	0.0888	0.169	0.142
Synapse	0.0674	0.188	0.193	0.0163	0.0875
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0687	0.211	0.182	-0.0228	0.0889
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Vascular smooth muscle contraction					
Apoptosis	−0.0223	0.0514	0.0159	−0.0642	−0.0352
APP Metabolism					
Autophagy	0.0111	0.0725	0.107	−0.0638	0.0403
Cell Cycle	−0.0523	0.128	0.107	−0.0975	0.0099
DNA Repair					
Endolysosome	0.0857	0.0572	−0.0408	0.138	0.138
Epigenetic					
Immune Response	0.0415	0.0921	0.0882	−0.0154	0.0287
Lipid Metabolism	0.057	0.106	0.13	0.00424	0.0267
Metal Binding and Homeostasis	0.0218	0.119	0.107	−0.0533	0.0213
Mitochondrial Metabolism	0.0617	0.124	0.105	0.076	0.0393
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.11	0.16	0.144	0.184	0.0829
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.00107	0.0745	0.0662	−0.0412	0.0277
Synapse	0.039	0.0809	0.082	−0.000956	0.00877
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0408	0.0807	0.0862	0.000901	0.0553
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Salivary secretion					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.00735	0.234	0.119	−0.126	−0.0852
Lipid Metabolism	0.0729	0.291	0.279	−0.0913	−0.0658
Metal Binding and Homeostasis	0.0202	0.258	0.248	−0.18	−0.0812
Mitochondrial Metabolism	0.044	0.17	0.259	−0.132	−0.0533
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0781	0.223	0.235	−0.0802	0.00503
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0243	0.143	0.167	−0.0747	0.0141
Synapse	0.00124	0.199	0.234	−0.2	−0.0482
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0805	0.372	0.369	−0.116	0.0516
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Gastric acid secretion					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0588	0.117	0.092	−0.0414	0.0979
DNA Repair					
Endolysosome	0.0574	0.22	0.202	−0.0266	0.137
Epigenetic					
Immune Response	−0.0328	0.136	0.108	−0.147	−0.0268
Lipid Metabolism	0.0449	0.237	0.234	−0.0661	−0.00338
Metal Binding and Homeostasis	0.064	0.252	0.217	0.0167	0.0458
Mitochondrial Metabolism	0.0128	0.149	0.253	−0.183	−0.0646
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0696	0.222	0.267	−0.0376	−0.0326
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0554	0.137	0.154	0.047	0.095
Synapse	0.0254	0.126	0.149	−0.0291	0.032
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0322	0.166	0.19	−0.00924	0.0756
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Pancreatic secretion					
Apoptosis	−0.00311	0.161	0.232	−0.188	−0.0335
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0474	0.104	−0.0673	−0.0243	0.0319
Epigenetic					
Immune Response	0.0526	0.23	0.117	−0.0373	0.0174
Lipid Metabolism	0.0197	0.182	0.169	−0.0999	−0.0303
Metal Binding and Homeostasis	0.0293	0.216	0.201	−0.133	−0.0444
Mitochondrial Metabolism	0.0422	0.234	0.314	−0.123	−0.0527
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0573	0.269	0.241	−0.0839	−0.0124
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.032	0.204	0.147	−0.0402	0.0372
Synapse	0.00563	0.187	0.181	−0.139	−0.0271
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0253	0.337	0.312	−0.18	−0.058
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Bile secretion				
Apoptosis				
APP Metabolism				
Autophagy				
Cell Cycle				
DNA Repair				
Endolysosome				
Epigenetic				
Immune Response	0.0893	0.228	0.153	0.0471
Lipid Metabolism	0.0911	0.213	0.159	0.0708
Metal Binding and Homeostasis	0.18	0.315	0.236	0.143
Mitochondrial Metabolism				
Myelination				
Oxidative Stress				
Proteostasis	0.109	0.229	0.248	0.0744
RNA Spliceosome				
Structural Stabilization	0.186	0.12	0.176	0.286
Synapse	0.0964	0.149	0.129	0.0837
Tau Homeostasis				
Vasculature	0.0732	0.195	0.187	0.0635
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS
				VS/VS

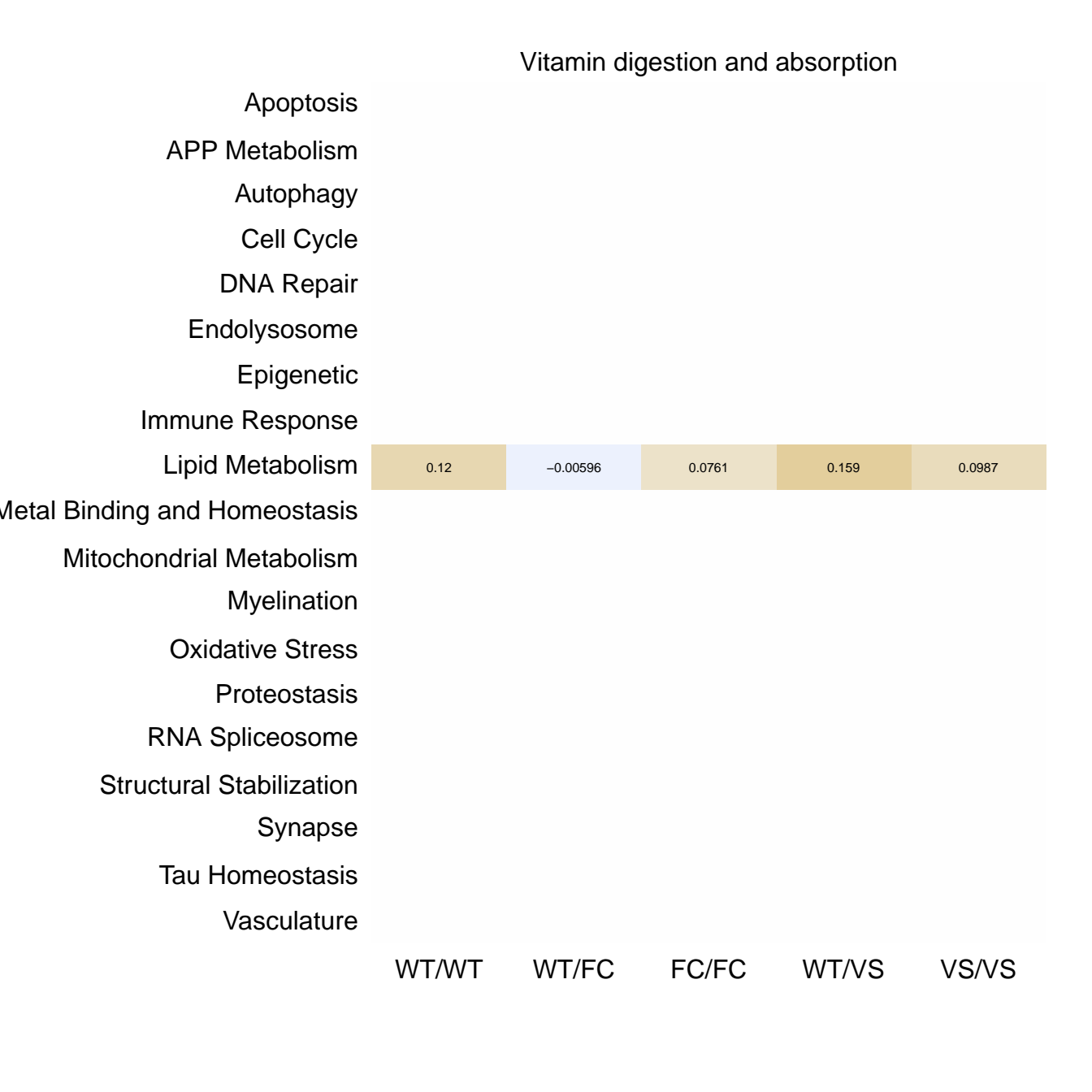
Carbohydrate digestion and absorption

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.101	0.323	0.278	0.0114	0.0631
Lipid Metabolism	0.137	0.31	0.303	0.0468	0.0587
Metal Binding and Homeostasis	0.0178	0.237	0.345	-0.179	-0.00606
Mitochondrial Metabolism	0.037	0.148	0.182	-0.0331	-0.0306
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.24	0.369	0.337	0.248	0.19
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.201	0.393	0.345	0.128	0.125
Synapse	0.112	0.219	0.295	-0.0673	-0.00546
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.115	0.355	0.331	-0.0458	0.0416
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Protein digestion and absorption					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0252	0.114	0.0329	-0.0997	-0.027
Epigenetic					
Immune Response	0.0203	0.155	0.0492	-0.066	-0.0245
Lipid Metabolism	0.0238	0.159	0.093	-0.0932	-0.0201
Metal Binding and Homeostasis	0.169	0.172	0.155	0.11	0.0617
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.206	0.0666	0.11	0.133	0.126
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.182	0.0242	0.109	0.113	0.127
Synapse	0.151	0.199	0.164	0.00907	0.061
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0958	0.119	0.174	-0.0302	0.0739
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Fat digestion and absorption					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.156	0.109	0.141	0.233	0.351
Lipid Metabolism	0.112	0.0148	0.0605	0.155	0.157
Metal Binding and Homeostasis	0.0143	-0.151	-0.109	-0.00809	0.0411
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.151	0.0773	0.154	0.263	0.29
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cholesterol metabolism					
Apoptosis	−0.0361	0.0104	0.000616	0.074	0.0392
APP Metabolism	−0.0427	0.115	0.185	−0.0822	0.0823
Autophagy	0.031	0.157	0.25	0.0276	0.0883
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0467	−0.00152	0.0737	0.03	0.0609
Epigenetic					
Immune Response	0.0491	0.125	0.184	0.0583	0.135
Lipid Metabolism	−0.0149	0.0123	0.0529	0.0764	0.0409
Metal Binding and Homeostasis	0.116	0.197	0.197	0.152	0.17
Mitochondrial Metabolism	−0.136	−0.255	−0.316	0.193	−0.0903
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0287	0.118	0.186	0.0744	0.113
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0272	0.132	0.149	0.0612	0.129
Synapse	−0.0945	−0.00192	0.0166	0.0131	−0.0126
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.0467	−0.0226	0.128	−0.0235	0.0466
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



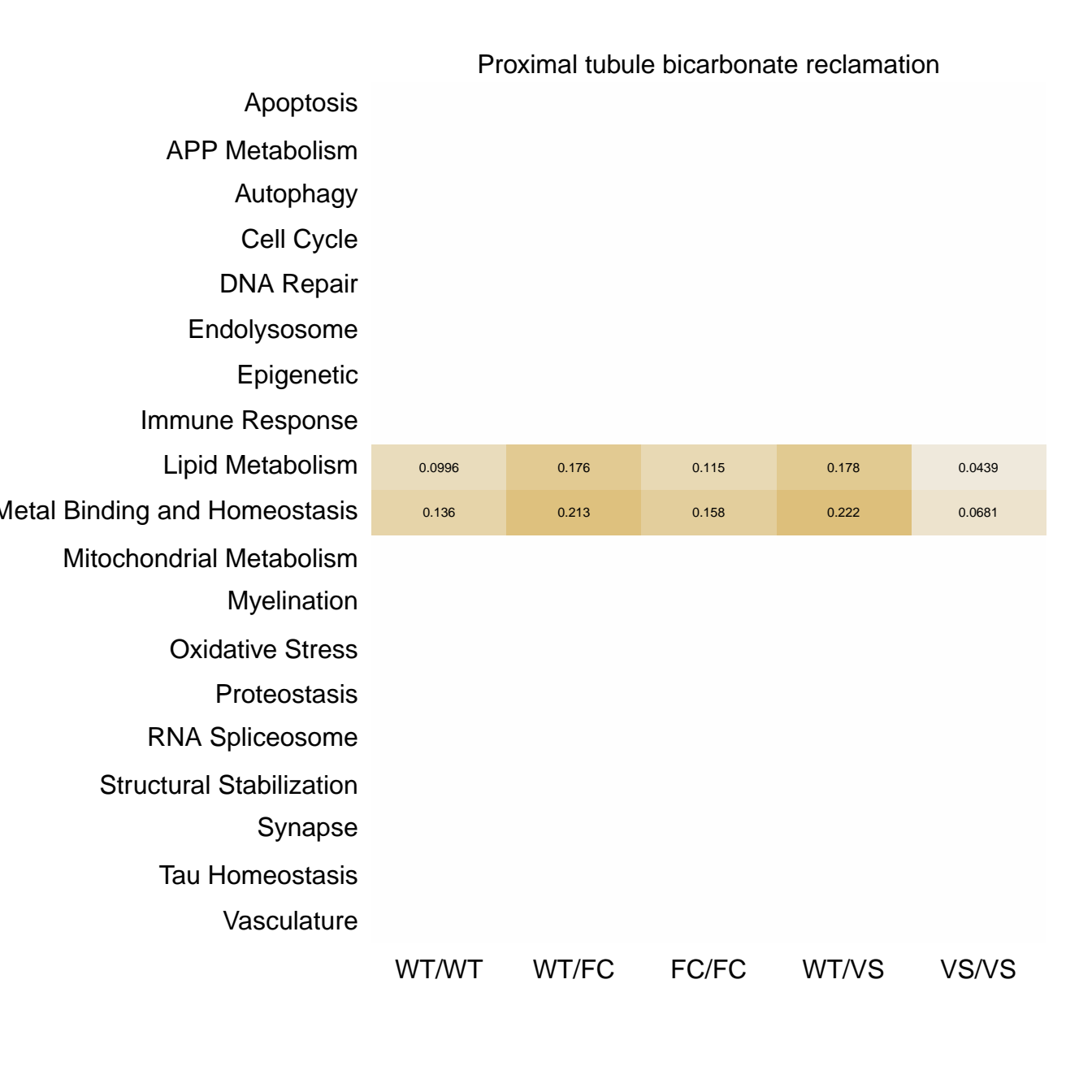
Mineral absorption					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0199	0.0387	−0.0116	0.0947	−0.0188
Epigenetic					
Immune Response	−0.0266	0.18	0.082	0.00169	−0.105
Lipid Metabolism	−0.0428	0.158	0.157	−0.0655	−0.0761
Metal Binding and Homeostasis	0.00342	0.136	0.134	−0.0596	−0.0181
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0519	0.291	0.227	0.0201	−0.0961
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0339	0.31	0.268	−0.098	−0.0366
Synapse	0.0142	0.2	0.227	−0.236	−0.123
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0262	0.332	0.319	−0.161	−0.105
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Vasopressin-regulated water reabsorption

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0155	0.275	0.14	0.134	-0.124
DNA Repair					
Endolysosome	0.215	0.399	0.312	0.244	0.129
Epigenetic					
Immune Response	0.0795	0.218	0.081	0.337	0.153
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0613	0.0889	0.105	0.146	0.0507
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	-0.0487	-0.0019	-0.0529	0.141	-0.0632
Synapse	0.0955	0.209	0.142	0.147	0.061
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Aldosterone–regulated sodium reabsorption					
Apoptosis	0.0883	0.432	0.406	−0.109	0.0862
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.124	0.366	0.345	0.0303	0.158
Immune Response	0.0829	0.309	0.331	−0.0515	0.0542
Lipid Metabolism	0.125	0.315	0.29	−0.0342	0.0369
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.176	0.355	0.375	−0.0761	0.0748
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.137	0.423	0.389	0.0536	0.131
Synapse	0.12	0.209	0.269	−0.0686	0.0456
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0538	0.36	0.337	−0.156	0.00371
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Endocrine and other factor-regulated calcium reabsorption					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.243	0.373	0.381	0.371	0.206
Epigenetic					
Immune Response	0.0483	0.27	0.193	-0.0752	-0.00943
Lipid Metabolism	0.0465	0.293	0.295	-0.0352	-0.0465
Metal Binding and Homeostasis	0.0185	0.277	0.322	-0.206	-0.0928
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.188	0.362	0.322	0.196	0.0526
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.116	0.326	0.316	0.0183	0.0321
Synapse	0.122	0.256	0.308	0.0408	0.0272
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0702	0.296	0.342	-0.192	-0.0637
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Collecting duct acid secretion					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	0.0303	0.015	0.00222	0.275	0.123
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.001	-0.035	-0.0514	0.259	0.0927
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	0.001	-0.035	-0.0514	0.259	0.0927
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.00768	-0.0219	-0.0651	0.236	0.0677
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Glutamatergic synapse					
Apoptosis	0.0181	0.19	0.282	−0.104	0.00999
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0951	0.371	0.321	0.0534	0.152
DNA Repair					
Endolysosome	0.0494	0.259	0.284	−0.0972	0.111
Epigenetic					
Immune Response	0.0501	0.25	0.282	−0.138	0.038
Lipid Metabolism	0.0253	0.203	0.229	−0.137	−0.00937
Metal Binding and Homeostasis	0.01	0.206	0.214	−0.153	−0.0338
Mitochondrial Metabolism	−0.034	0.128	0.14	−0.0922	−0.0677
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0375	0.179	0.215	−0.0589	0.00102
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.101	0.215	0.279	−0.0224	0.148
Synapse	0.063	0.23	0.251	−0.122	0.0412
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0491	0.302	0.237	−0.133	0.0971
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

GABAergic synapse

Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0531	0.263	0.238	0.124	0.0942
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism	0.0561	0.269	0.248	-0.105	-0.041
Metal Binding and Homeostasis	0.114	0.33	0.329	-0.0584	0.00197
Mitochondrial Metabolism	-0.00516	0.049	-0.0275	0.0739	0.026
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0839	0.212	0.166	0.134	0.047
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.099	0.184	0.156	0.146	0.105
Synapse	0.0805	0.289	0.241	-0.0504	0.0368
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.132	0.242	0.21	0.0075	0.115
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cholinergic synapse					
Apoptosis	0.0231	0.176	0.212	0.0805	0.142
APP Metabolism					
Autophagy	0.153	0.244	0.256	0.289	0.137
Cell Cycle	0.0518	0.225	0.18	0.155	0.215
DNA Repair					
Endolysosome	0.129	0.357	0.291	0.158	0.158
Epigenetic	0.0916	0.212	0.188	0.146	0.185
Immune Response	0.0782	0.298	0.233	0.0268	0.0749
Lipid Metabolism	0.0869	0.351	0.292	-0.0293	0.026
Metal Binding and Homeostasis	0.0952	0.299	0.287	-0.0175	0.0519
Mitochondrial Metabolism	0.101	0.249	0.298	0.0291	0.111
Myelination					
Oxidative Stress	0.308	0.431	0.291	0.633	0.413
Proteostasis	0.132	0.243	0.229	0.195	0.132
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.147	0.263	0.237	0.173	0.176
Synapse	0.1	0.274	0.217	0.0288	0.0629
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0823	0.307	0.262	0.003	0.09
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Dopaminergic synapse					
Apoptosis	0.0177	0.197	0.239	0.0954	0.116
APP Metabolism	0.000931	0.295	0.415	-0.423	-0.0524
Autophagy	0.0909	0.298	0.254	0.0896	0.113
Cell Cycle	-0.0148	0.172	0.149	0.116	0.112
DNA Repair					
Endolysosome	0.00584	0.143	0.243	-0.0311	0.0984
Epigenetic	0.0973	0.284	0.314	0.0652	0.165
Immune Response	-0.0699	0.177	0.16	-0.058	0.026
Lipid Metabolism	0.0946	0.295	0.258	0.0831	0.129
Metal Binding and Homeostasis	-0.00301	0.18	0.186	-0.0382	0.0411
Mitochondrial Metabolism	-0.000719	0.187	0.18	0.00621	0.0385
Myelination					
Oxidative Stress	0.0655	0.299	0.233	0.229	0.089
Proteostasis	0.0744	0.16	0.207	0.0967	0.0976
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0462	0.169	0.197	0.1	0.159
Synapse	0.0374	0.169	0.174	0.0102	0.056
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0708	0.2	0.198	0.0369	0.106
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Serotonergic synapse					
Apoptosis	0.0658	0.187	0.181	0.0406	0.0815
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0577	0.301	0.223	0.0836	0.0751
DNA Repair					
Endolysosome	−0.00328	0.221	0.202	−0.00192	0.0656
Epigenetic					
Immune Response	0.0327	0.194	0.2	−0.0193	0.0476
Lipid Metabolism	0.0644	0.256	0.239	−0.031	0.00451
Metal Binding and Homeostasis	0.077	0.201	0.194	−0.0114	0.00384
Mitochondrial Metabolism	0.0665	0.269	0.241	0.0141	−0.00926
Myelination					
Oxidative Stress	0.237	0.369	0.353	0.26	0.268
Proteostasis	0.0735	0.237	0.176	0.0942	0.0637
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.139	0.294	0.257	0.165	0.147
Synapse	0.0508	0.249	0.223	−0.0516	0.0185
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0949	0.296	0.231	−0.00808	0.0817
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

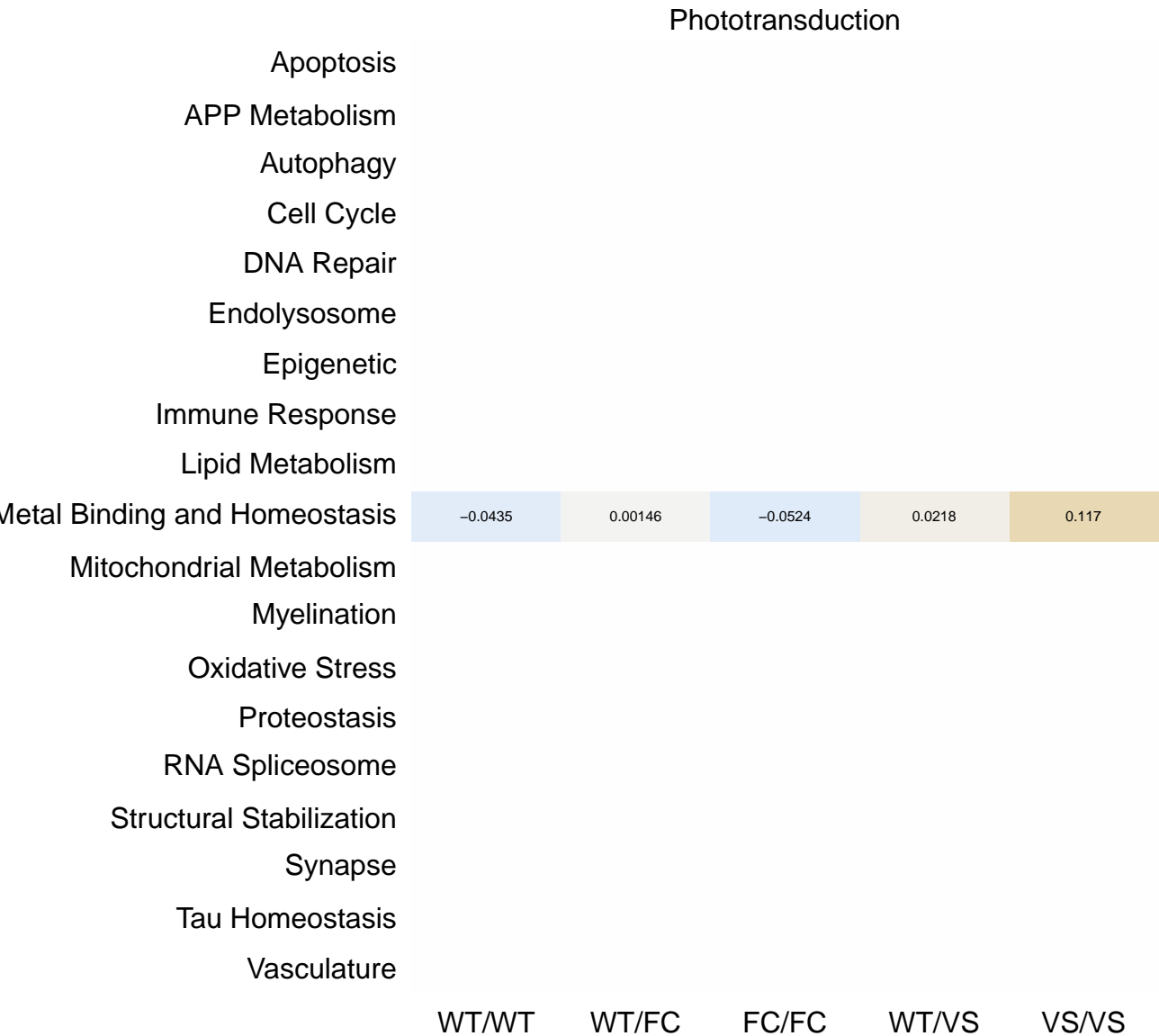
Long-term potentiation					
Apoptosis	−0.0185	0.125	0.188	−0.113	0.0267
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0681	0.128	0.126	−0.0983	0.0644
DNA Repair					
Endolysosome	0.068	0.232	0.202	0.0286	0.176
Epigenetic	0.0152	0.229	0.234	−0.12	0.0795
Immune Response	−0.00382	0.198	0.236	−0.178	0.0318
Lipid Metabolism	0.0335	0.289	0.311	−0.195	−0.0515
Metal Binding and Homeostasis	0.0142	0.206	0.213	−0.133	0.0117
Mitochondrial Metabolism	0.0448	0.186	0.169	−0.0275	0.0256
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0731	0.19	0.209	−0.0159	0.0514
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.048	0.155	0.134	0.0614	0.132
Synapse	0.0688	0.218	0.231	−0.0353	0.0677
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0278	0.234	0.225	0.0349	0.131
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Long-term depression					
Apoptosis	−0.00918	0.165	0.15	0.0403	0.0349
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0135	0.287	0.223	0.111	0.126
DNA Repair					
Endolysosome	0.0681	0.188	0.173	0.071	0.161
Epigenetic					
Immune Response	−0.00757	0.103	0.129	0.074	0.0656
Lipid Metabolism	0.0602	0.194	0.244	0.0157	0.0258
Metal Binding and Homeostasis	0.0257	0.136	0.16	−0.0064	−0.00607
Mitochondrial Metabolism	0.0676	0.179	0.211	0.0669	0.0436
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.00135	0.111	0.116	0.0363	0.0376
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0717	0.209	0.229	0.0816	0.0849
Synapse	0.0307	0.164	0.222	−0.0152	0.0285
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.149	0.382	0.37	0.0333	0.15
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Retrograde endocannabinoid signaling					
Apoptosis	−0.0741	0.102	0.144	−0.0754	−0.0973
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.069	0.279	0.275	0.095	0.0707
DNA Repair					
Endolysosome	0.000682	0.269	0.254	−0.0793	0.00416
Epigenetic					
Immune Response	0.0427	0.24	0.289	−0.146	0.00212
Lipid Metabolism	−0.00484	0.211	0.204	−0.142	−0.0248
Metal Binding and Homeostasis	0.0672	0.158	0.162	−0.0107	−0.0461
Mitochondrial Metabolism	−0.345	−0.496	−0.557	−0.0392	−0.232
Myelination					
Oxidative Stress	−0.196	−0.203	−0.28	0.121	−0.0561
Proteostasis	0.0154	0.076	0.0951	0.00706	−0.00882
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0482	0.143	0.196	0.0272	0.038
Synapse	0.0276	0.257	0.236	−0.138	−0.0127
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0493	0.215	0.199	−0.163	0.00538
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Synaptic vesicle cycle					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy	0.0605	0.0958	0.0725	0.3	0.125
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0837	0.164	0.144	0.211	0.103
Epigenetic					
Immune Response	0.179	0.151	0.192	0.31	0.325
Lipid Metabolism	0.0078	0.149	0.117	-0.13	0.028
Metal Binding and Homeostasis	-0.00306	0.215	0.226	-0.19	-0.062
Mitochondrial Metabolism	0.0285	0.0111	-0.0154	0.307	0.097
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.222	0.39	0.386	0.308	0.234
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0865	0.157	0.143	0.14	0.115
Synapse	0.0799	0.195	0.174	0.102	0.058
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Neurotrophin signaling pathway					
Apoptosis	0.0937	0.167	0.136	0.139	0.0786
APP Metabolism					
Autophagy	0.153	0.335	0.236	0.197	0.191
Cell Cycle	0.0587	0.0762	0.0653	0.237	0.189
DNA Repair	0.177	0.164	0.123	0.283	0.141
Endolysosome	0.107	0.171	0.138	0.191	0.126
Epigenetic	0.0887	0.186	0.159	0.166	0.0536
Immune Response	0.0828	0.165	0.111	0.167	0.0999
Lipid Metabolism	0.136	0.231	0.154	0.168	0.0922
Metal Binding and Homeostasis	0.0585	0.0608	0.0645	0.0585	0.0678
Mitochondrial Metabolism	0.0882	0.227	0.161	0.0695	0.108
Myelination	0.184	0.23	0.194	0.357	0.364
Oxidative Stress	0.163	0.337	0.243	0.344	0.186
Proteostasis	0.106	0.182	0.114	0.236	0.177
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.112	0.189	0.121	0.212	0.164
Synapse	0.064	0.214	0.165	0.0933	0.114
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0745	0.25	0.18	0.136	0.0898
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



	Olfactory transduction				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0988	0.166	0.216	0.0402	0.156
Epigenetic					
Immune Response					
Lipid Metabolism					
Metal Binding and Homeostasis	-0.0544	0.157	0.177	-0.165	0.0241
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.146	0.135	0.147	0.062	0.0766
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0616	0.129	0.165	-0.0591	0.0404
Synapse	-0.0287	0.000658	0.03	-0.044	0.0294
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.0035	0.141	0.0785	-0.0247	0.0949
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

	Taste transduction				
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	−0.0524	0.167	0.127	−0.0929	−0.0992
Lipid Metabolism	0.0961	0.258	0.284	−0.0584	−0.0848
Metal Binding and Homeostasis	0.0151	0.14	0.19	−0.124	−0.144
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.0195	0.188	0.184	−0.0973	−0.0509
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.127	0.226	0.245	0.0335	0.0286
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

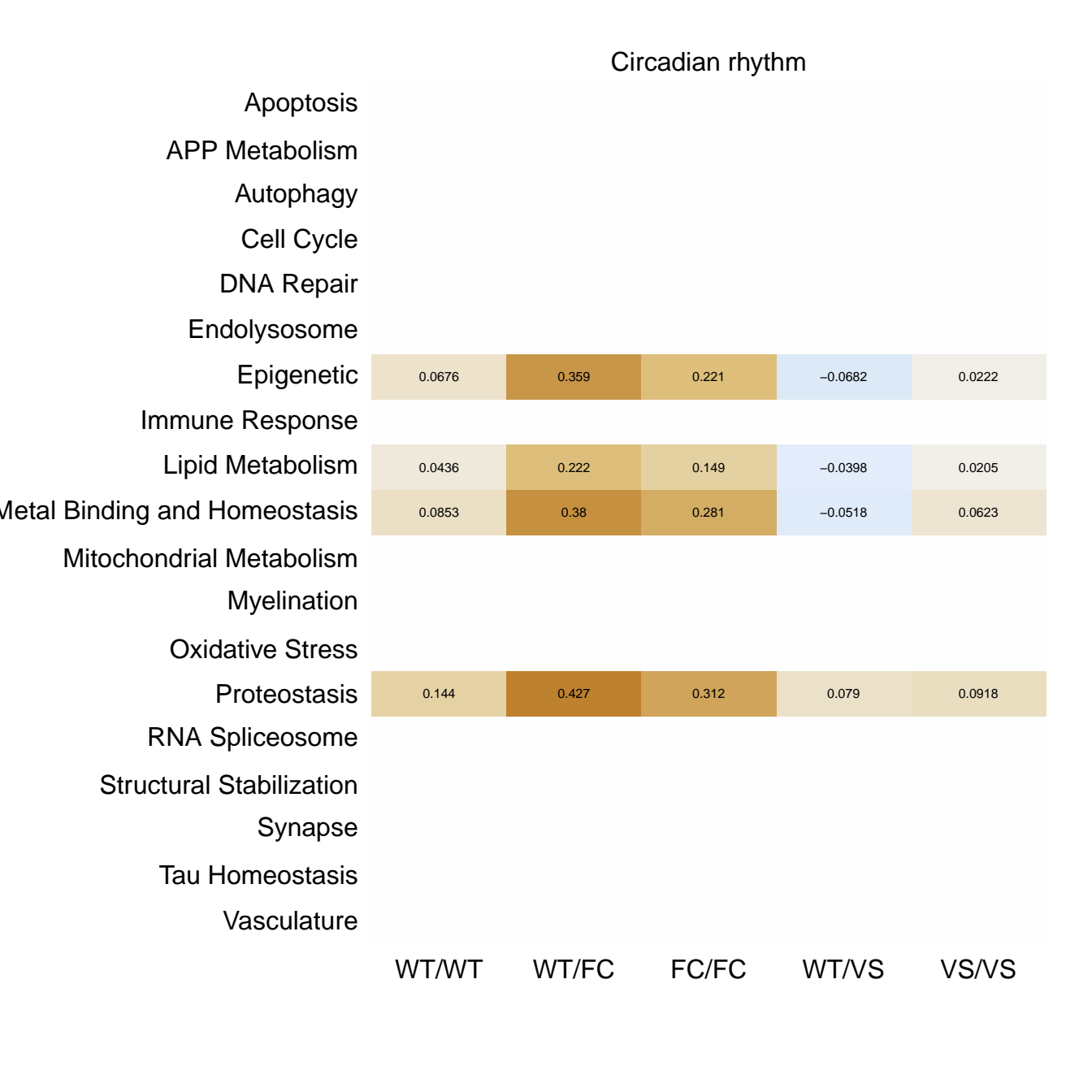
Inflammatory mediator regulation of TRP channels					
Apoptosis	−0.00453	0.161	0.136	−0.112	0.00803
APP Metabolism					
Autophagy	0.0374	0.201	0.181	0.033	0.0228
Cell Cycle	−0.0214	0.146	0.102	−0.0264	0.0592
DNA Repair					
Endolysosome	0.114	0.167	0.154	0.0543	0.0562
Epigenetic	0.0277	0.303	0.244	−0.0708	0.044
Immune Response	0.0281	0.145	0.11	−0.03	0.0407
Lipid Metabolism	0.0395	0.196	0.165	−0.0489	−0.00804
Metal Binding and Homeostasis	−0.0115	0.108	0.0714	−0.0718	−0.0249
Mitochondrial Metabolism	0.00863	0.173	0.137	−0.069	−0.00375
Myelination					
Oxidative Stress	0.0892	0.271	0.202	0.141	0.0979
Proteostasis	0.0917	0.152	0.141	0.111	0.0262
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0286	0.16	0.129	0.00553	0.0539
Synapse	0.0399	0.127	0.126	0.00851	0.0511
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0227	0.092	0.0775	−0.0111	0.0593
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Axon guidance					
Apoptosis	0.0473	0.238	0.194	−0.057	0.0318
APP Metabolism					
Autophagy	0.0583	0.182	0.166	0.112	0.0286
Cell Cycle	0.0626	0.18	0.118	0.149	0.0799
DNA Repair	0.251	0.248	0.296	0.121	0.118
Endolysosome	0.0502	0.189	0.137	0.0715	0.0575
Epigenetic	0.128	0.242	0.171	0.097	0.0896
Immune Response	0.0899	0.178	0.138	0.0641	0.0842
Lipid Metabolism	0.127	0.246	0.254	0.0644	0.0861
Metal Binding and Homeostasis	0.0403	0.181	0.122	−0.00737	0.0338
Mitochondrial Metabolism	0.0448	0.17	0.165	−0.0229	0.0387
Myelination	0.0671	0.182	0.18	0.0873	0.0121
Oxidative Stress	0.126	0.153	0.11	0.389	0.21
Proteostasis	0.123	0.216	0.186	0.124	0.124
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0701	0.2	0.169	−0.0266	0.0152
Synapse	0.12	0.245	0.235	−0.00928	0.0583
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0948	0.317	0.225	−0.00155	0.0652
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Osteoclast differentiation					
Apoptosis	0.113	0.231	0.209	0.107	0.106
APP Metabolism					
Autophagy	0.139	0.152	0.185	0.201	0.172
Cell Cycle	0.103	0.283	0.241	0.135	0.151
DNA Repair	0.122	0.216	0.209	0.0073	-0.00409
Endolysosome	0.0948	0.114	0.142	0.164	0.139
Epigenetic	0.136	0.313	0.221	0.156	0.151
Immune Response	0.105	0.168	0.149	0.137	0.131
Lipid Metabolism	0.0995	0.183	0.16	0.0969	0.119
Metal Binding and Homeostasis	0.0126	0.182	0.129	-0.0122	0.0537
Mitochondrial Metabolism	0.117	0.173	0.18	0.123	0.114
Myelination					
Oxidative Stress	0.188	0.26	0.203	0.316	0.243
Proteostasis	0.167	0.284	0.271	0.237	0.126
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.103	0.198	0.184	0.109	0.131
Synapse	0.162	0.272	0.248	0.169	0.178
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.134	0.339	0.311	0.0949	0.0982
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Longevity regulating pathway					
Apoptosis	0.134	0.362	0.268	0.133	0.149
APP Metabolism					
Autophagy	0.19	0.4	0.369	0.156	0.126
Cell Cycle	0.122	0.275	0.17	0.152	0.176
DNA Repair	0.218	0.399	0.354	0.119	0.157
Endolysosome	0.218	0.478	0.45	0.117	0.135
Epigenetic	0.107	0.258	0.175	0.08	0.141
Immune Response	0.124	0.304	0.224	0.0869	0.0488
Lipid Metabolism	0.175	0.393	0.346	0.0751	0.107
Metal Binding and Homeostasis	0.148	0.338	0.265	0.0885	0.0862
Mitochondrial Metabolism	0.141	0.356	0.288	0.0514	0.118
Myelination					
Oxidative Stress	0.099	0.44	0.358	0.0681	0.0787
Proteostasis	0.183	0.301	0.241	0.238	0.202
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0877	0.299	0.248	0.0887	0.0723
Synapse	0.184	0.368	0.287	0.147	0.169
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.151	0.309	0.26	0.135	0.161
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Longevity regulating pathway – multiple species					
Apoptosis	0.109	0.345	0.231	0.0805	0.121
APP Metabolism					
Autophagy	0.0981	0.322	0.286	0.0709	0.0126
Cell Cycle	0.165	0.305	0.233	0.195	0.17
DNA Repair					
Endolysosome	0.105	0.282	0.246	0.129	0.0628
Epigenetic	0.0771	0.318	0.205	0.0783	0.126
Immune Response	0.116	0.313	0.238	0.0439	0.0418
Lipid Metabolism	0.0975	0.318	0.279	-0.00549	0.0321
Metal Binding and Homeostasis	0.109	0.307	0.224	0.0394	0.0144
Mitochondrial Metabolism	0.124	0.336	0.279	0.0796	0.0945
Myelination					
Oxidative Stress	0.0739	0.301	0.177	0.102	0.11
Proteostasis	0.102	0.258	0.191	0.15	0.134
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0738	0.244	0.145	0.139	0.0754
Synapse	0.109	0.286	0.215	0.0678	0.089
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.141	0.345	0.275	0.0785	0.11
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Circadian entrainment					
Apoptosis	−0.0035	0.221	0.315	−0.18	−0.0126
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0255	0.285	0.196	0.00722	0.181
DNA Repair					
Endolysosome	0.0688	0.329	0.382	−0.0919	0.0702
Epigenetic	0.153	0.452	0.417	−0.0453	0.13
Immune Response	−0.0254	0.283	0.285	−0.241	−0.053
Lipid Metabolism	0.0684	0.354	0.328	−0.141	−0.0111
Metal Binding and Homeostasis	0.0356	0.261	0.276	−0.136	0.00876
Mitochondrial Metabolism	−0.0679	0.0454	0.197	−0.334	−0.151
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0647	0.242	0.27	−0.145	−0.0286
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0966	0.155	0.254	−0.0432	0.0715
Synapse	0.0583	0.214	0.238	−0.145	0.0238
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0621	0.254	0.248	−0.182	0.0567
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Thermogenesis					
Apoptosis	−0.0613	0.0155	0.0263	−0.0119	−0.0244
APP Metabolism					
Autophagy	0.151	0.253	0.335	0.0925	−0.0105
Cell Cycle	−0.0239	−0.047	−0.00187	0.0298	−0.0296
DNA Repair	0.0088	−0.06	0.0498	0.0549	−0.031
Endolysosome	0.0347	−0.0483	−0.0668	0.299	−0.087
Epigenetic	−0.0106	−0.00324	0.0482	−0.0385	−0.0105
Immune Response	−0.0211	0.0283	0.0133	0.0147	−0.0415
Lipid Metabolism	0.00113	0.0991	0.0946	0.0167	−0.0183
Metal Binding and Homeostasis	−0.0289	−0.0335	−0.104	0.113	−0.044
Mitochondrial Metabolism	−0.317	−0.453	−0.557	0.0425	−0.186
Myelination					
Oxidative Stress	−0.303	−0.247	−0.344	−0.0535	−0.137
Proteostasis	0.046	0.0522	0.0459	0.149	0.0563
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.00638	−0.00192	0.055	0.0352	−0.0315
Synapse	0.0567	0.123	0.123	0.0506	0.0519
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0479	0.139	0.177	0.103	0.0134
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

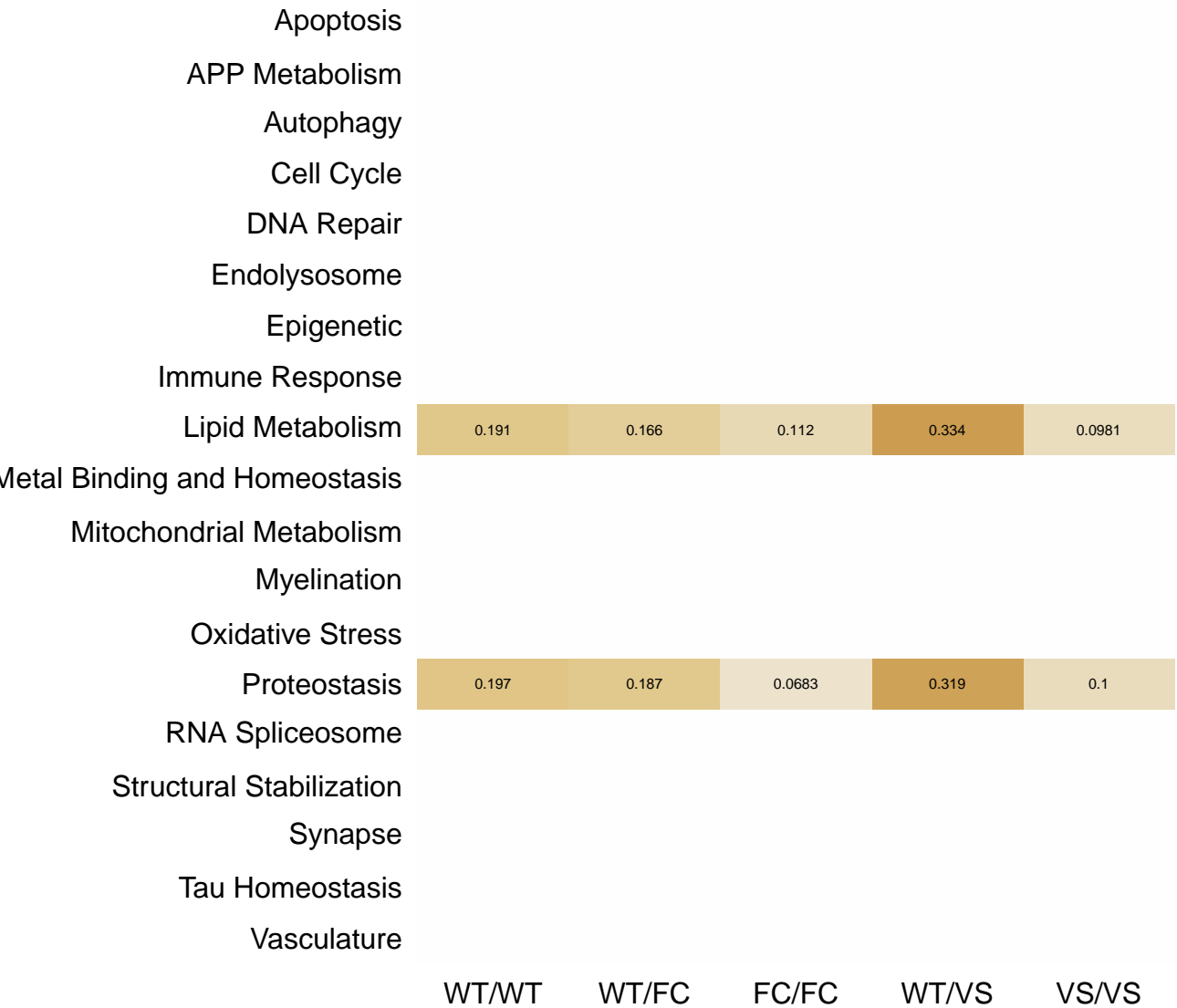
Pathways in cancer					
Apoptosis	0.064	0.173	0.12	0.059	0.0656
APP Metabolism	−0.0321	0.121	0.0712	−0.0544	−0.0051
Autophagy	0.0284	0.135	0.0882	0.0849	0.0794
Cell Cycle	0.0139	0.107	0.0819	0.0541	0.0675
DNA Repair	0.00412	0.0476	0.119	−0.00481	0.0256
Endolysosome	0.0905	0.139	0.0833	0.103	0.0828
Epigenetic	0.0611	0.157	0.0994	0.0542	0.0697
Immune Response	0.0745	0.142	0.113	0.0632	0.0843
Lipid Metabolism	0.101	0.177	0.145	0.069	0.0722
Metal Binding and Homeostasis	0.0723	0.18	0.173	0.0294	0.0485
Mitochondrial Metabolism	0.131	0.174	0.156	0.176	0.121
Myelination	0.123	0.161	0.102	0.195	0.156
Oxidative Stress	0.0916	0.228	0.179	0.172	0.145
Proteostasis	0.0773	0.113	0.083	0.117	0.077
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0942	0.155	0.131	0.0749	0.0856
Synapse	0.103	0.17	0.134	0.0582	0.0931
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0982	0.173	0.148	0.092	0.102
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Transcriptional misregulation in cancer					
Apoptosis	0.0286	0.0624	0.07	0.0234	0.0341
APP Metabolism	0.0235	0.256	0.118	-0.126	0.0193
Autophagy	0.0167	0.0195	0.0577	0.0702	0.0287
Cell Cycle	0.0271	0.00727	0.00962	0.112	0.0816
DNA Repair	-0.0558	-0.122	-0.0981	0.00976	0.00749
Endolysosome	0.0939	0.156	0.179	0.106	0.113
Epigenetic	0.0586	0.12	0.0487	0.0098	0.0709
Immune Response	0.0625	0.0837	0.0837	0.0493	0.081
Lipid Metabolism	0.0586	0.109	0.0926	0.0457	0.053
Metal Binding and Homeostasis	0.00117	0.0203	0.0492	-0.065	0.0287
Mitochondrial Metabolism	0.115	0.0669	-0.057	0.312	0.175
Myelination					
Oxidative Stress	0.00829	0.124	0.109	0.00348	0.00455
Proteostasis	0.0356	-0.00502	0.0172	0.131	0.04
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.038	0.0305	0.036	0.034	0.0495
Synapse	0.0731	0.154	0.116	0.0124	0.0618
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0746	0.138	0.124	0.0702	0.0986
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

MicroRNAs in cancer					
Apoptosis	−0.0414	0.116	0.0715	−0.0975	−0.0135
APP Metabolism	−0.0499	−0.081	−0.0687	0.064	0.0423
Autophagy	0.1	0.254	0.23	0.027	0.0318
Cell Cycle	−0.0503	0.0797	0.0795	−0.0355	0.0441
DNA Repair	−0.0259	0.118	0.115	−0.0841	−0.00931
Endolysosome	0.104	0.207	0.241	0.0809	0.0989
Epigenetic	−0.0152	0.115	0.0849	−0.0827	0.00939
Immune Response	0.0306	0.128	0.101	−0.0269	0.0603
Lipid Metabolism	0.0122	0.131	0.122	−0.0811	0.0033
Metal Binding and Homeostasis	0.0472	0.106	0.134	−0.0422	0.0627
Mitochondrial Metabolism	0.0689	0.182	0.0872	0.0386	0.0767
Myelination	−0.0319	0.0626	−0.00182	−0.00753	−0.095
Oxidative Stress	0.000861	0.0627	0.0213	0.0695	0.0741
Proteostasis	0.0583	0.16	0.123	0.0633	0.0816
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0176	0.135	0.109	−0.0061	0.0573
Synapse	0.087	0.181	0.18	0.0226	0.0887
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0686	0.173	0.164	0.00183	0.0858
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Proteoglycans in cancer					
Apoptosis	0.0395	0.173	0.1	0.0182	0.0643
APP Metabolism	0.0392	0.19	0.12	−0.0553	0.0814
Autophagy	0.0644	0.246	0.189	0.0889	0.0628
Cell Cycle	−0.00495	0.0718	0.0306	0.00993	0.0763
DNA Repair	−0.0889	0.0327	0.0173	−0.0584	−0.0974
Endolysosome	0.0568	0.0781	0.0375	0.0559	0.0577
Epigenetic	0.0378	0.14	0.0926	0.00995	0.0756
Immune Response	0.053	0.116	0.0709	0.0383	0.0794
Lipid Metabolism	0.0829	0.215	0.203	−0.0269	0.0519
Metal Binding and Homeostasis	0.0344	0.119	0.0889	0.0133	0.0294
Mitochondrial Metabolism	0.138	0.221	0.199	0.0827	0.106
Myelination	0.174	0.233	0.204	0.159	0.0833
Oxidative Stress	0.0129	0.14	0.0699	0.107	0.0929
Proteostasis	0.0622	0.116	0.0694	0.0929	0.0647
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0625	0.115	0.0923	0.0477	0.0534
Synapse	0.0941	0.173	0.145	0.029	0.0902
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0611	0.153	0.1	0.0326	0.067
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Chemical carcinogenesis – DNA adducts



Chemical carcinogenesis – receptor activation					
Apoptosis	0.116	0.258	0.213	0.127	0.153
APP Metabolism					
Autophagy	0.273	0.325	0.27	0.376	0.303
Cell Cycle	0.111	0.276	0.194	0.146	0.184
DNA Repair	0.051	0.228	0.193	0.0188	0.0638
Endolysosome	0.119	0.244	0.193	0.16	0.147
Epigenetic	0.102	0.222	0.173	0.112	0.151
Immune Response	0.159	0.296	0.229	0.115	0.133
Lipid Metabolism	0.156	0.323	0.244	0.115	0.122
Metal Binding and Homeostasis	0.106	0.277	0.218	0.0464	0.0879
Mitochondrial Metabolism	0.256	0.311	0.236	0.273	0.266
Myelination	0.403	0.457	0.288	0.619	0.524
Oxidative Stress	0.214	0.393	0.253	0.363	0.253
Proteostasis	0.112	0.159	0.124	0.2	0.142
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.129	0.232	0.225	0.145	0.185
Synapse	0.177	0.346	0.248	0.146	0.194
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.143	0.31	0.293	0.112	0.166
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Chemical carcinogenesis – reactive oxygen species					
Apoptosis	0.0356	0.169	0.0915	0.103	0.0395
APP Metabolism					
Autophagy	0.077	0.184	0.128	0.163	0.111
Cell Cycle	0.159	0.263	0.233	0.182	0.17
DNA Repair	0.179	0.285	0.275	0.0803	0.108
Endolysosome	0.0606	0.0173	−0.0192	0.235	0.0637
Epigenetic	0.0441	0.28	0.215	0.0358	0.0729
Immune Response	0.0779	0.198	0.133	0.12	0.0731
Lipid Metabolism	0.0291	0.0968	0.0405	0.164	0.0221
Metal Binding and Homeostasis	−0.0238	−0.072	−0.171	0.206	−0.0224
Mitochondrial Metabolism	−0.258	−0.4	−0.506	0.0876	−0.153
Myelination					
Oxidative Stress	−0.0584	0.0152	−0.0917	0.127	−0.0114
Proteostasis	0.0663	0.0608	0.0211	0.272	0.0872
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0999	0.167	0.126	0.153	0.143
Synapse	0.0649	0.175	0.1	0.162	0.11
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0808	0.268	0.229	0.0956	0.073
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Viral carcinogenesis					
Apoptosis	−0.028	0.0307	−0.00779	0.046	0.0162
APP Metabolism	−0.044	−0.00116	−0.0111	0.12	−0.0413
Autophagy	0.0497	0.0801	0.0734	0.169	0.0701
Cell Cycle	−0.0761	0.0179	−0.0437	0.0375	−0.0228
DNA Repair	−0.0609	0.00983	−0.0225	−0.022	−0.047
Endolysosome	0.0849	0.155	0.143	0.199	0.17
Epigenetic	0.0206	0.0905	0.0415	0.0637	0.0561
Immune Response	0.0228	0.0629	0.0279	0.116	0.107
Lipid Metabolism	0.121	0.193	0.156	0.172	0.131
Metal Binding and Homeostasis	−0.027	0.0152	−0.0113	−0.07	−0.048
Mitochondrial Metabolism	0.0461	0.0101	−0.0309	0.206	0.105
Myelination	0.0545	0.071	−0.05	0.293	0.0693
Oxidative Stress	0.00148	0.0422	0.00357	0.23	0.114
Proteostasis	0.0174	0.0754	0.0366	0.131	0.0526
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0532	−0.00114	−0.0436	0.0333	−0.0107
Synapse	−0.0148	0.0603	0.00155	0.0924	0.089
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0505	0.192	0.131	0.128	0.113
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Central carbon metabolism in cancer					
Apoptosis	0.0774	0.233	0.172	0.103	0.00183
APP Metabolism					
Autophagy	0.122	0.311	0.245	0.192	−0.00475
Cell Cycle	0.0784	0.116	0.139	0.316	0.168
DNA Repair					
Endolysosome	0.0777	0.179	0.198	0.124	0.0701
Epigenetic	0.0644	0.146	0.122	0.201	0.0206
Immune Response	0.101	0.246	0.177	0.117	0.0392
Lipid Metabolism	0.17	0.273	0.275	0.163	0.101
Metal Binding and Homeostasis	0.107	−0.00696	0.0195	0.341	0.105
Mitochondrial Metabolism	0.0948	0.158	0.125	0.22	0.12
Myelination					
Oxidative Stress	−0.0248	0.127	0.103	0.0923	0.00866
Proteostasis	0.144	0.222	0.181	0.279	0.183
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.128	0.253	0.175	0.181	0.109
Synapse	0.167	0.303	0.241	0.167	0.13
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.114	0.295	0.246	0.0891	0.0134
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Choline metabolism in cancer					
Apoptosis	0.0699	0.315	0.332	−0.0362	0.0296
APP Metabolism					
Autophagy	0.21	0.279	0.329	0.269	0.203
Cell Cycle	0.103	0.134	0.19	0.133	0.181
DNA Repair					
Endolysosome	0.0726	0.0407	0.105	0.1	0.0455
Epigenetic	0.0755	0.333	0.304	−0.00632	0.0663
Immune Response	0.0952	0.215	0.215	0.0723	0.0969
Lipid Metabolism	0.0753	0.194	0.214	0.0257	0.0479
Metal Binding and Homeostasis	0.0304	0.13	0.173	−0.07	−0.0479
Mitochondrial Metabolism	0.0916	0.264	0.248	0.106	0.0451
Myelination					
Oxidative Stress	0.187	0.473	0.407	0.224	0.186
Proteostasis	0.126	0.223	0.208	0.22	0.17
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.109	0.167	0.218	0.0785	0.122
Synapse	0.0735	0.194	0.204	0.0174	0.0547
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0803	0.323	0.277	−0.0269	0.0289
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

PD-L1 expression and PD-1 checkpoint pathway in cancer					
Apoptosis	0.0726	0.238	0.134	0.0665	0.0736
APP Metabolism					
Autophagy	0.184	0.381	0.335	0.272	0.195
Cell Cycle	0.0416	0.147	0.129	0.0403	0.0869
DNA Repair	0.0299	0.228	0.216	-0.141	-0.107
Endolysosome	0.0896	0.253	0.19	0.114	0.121
Epigenetic	0.0905	0.31	0.17	0.105	0.0882
Immune Response	0.0942	0.199	0.115	0.124	0.107
Lipid Metabolism	0.0994	0.254	0.191	0.1	0.102
Metal Binding and Homeostasis	0.0216	0.193	0.105	-0.0104	0.0505
Mitochondrial Metabolism	0.121	0.206	0.19	0.126	0.116
Myelination					
Oxidative Stress	0.142	0.52	0.347	0.243	0.172
Proteostasis	0.0835	0.247	0.171	0.112	0.122
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0991	0.236	0.176	0.0696	0.107
Synapse	0.118	0.28	0.183	0.159	0.135
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.101	0.362	0.273	0.0115	0.0123
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Colorectal cancer					
Apoptosis	0.0549	0.203	0.172	0.0827	0.0847
APP Metabolism					
Autophagy	0.146	0.27	0.234	0.27	0.193
Cell Cycle	−0.0515	0.0422	0.0496	0.0709	0.0709
DNA Repair	−0.0562	0.00492	0.0874	0.0182	−0.00296
Endolysosome	0.0479	0.139	0.104	0.169	0.114
Epigenetic	0.0735	0.289	0.187	0.103	0.0819
Immune Response	0.0757	0.241	0.207	0.0831	0.123
Lipid Metabolism	0.121	0.331	0.295	0.081	0.135
Metal Binding and Homeostasis	0.0705	0.149	0.127	0.0922	0.115
Mitochondrial Metabolism	0.159	0.291	0.267	0.193	0.187
Myelination	0.343	0.433	0.359	0.477	0.425
Oxidative Stress	0.134	0.308	0.247	0.345	0.28
Proteostasis	0.0593	0.12	0.103	0.173	0.13
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.103	0.211	0.205	0.103	0.143
Synapse	0.101	0.299	0.235	0.0638	0.181
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.177	0.343	0.28	0.183	0.188
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Pancreatic cancer					
Apoptosis	0.107	0.244	0.185	0.14	0.145
APP Metabolism					
Autophagy	0.18	0.247	0.228	0.417	0.198
Cell Cycle	0.0308	0.0861	0.0558	0.205	0.171
DNA Repair	0.00116	0.0497	0.0761	0.137	0.0409
Endolysosome	0.0232	0.17	0.121	0.138	0.0966
Epigenetic	0.0788	0.261	0.189	0.0521	0.0916
Immune Response	0.137	0.281	0.236	0.143	0.176
Lipid Metabolism	0.158	0.304	0.253	0.123	0.163
Metal Binding and Homeostasis	0.115	0.277	0.252	0.0479	0.135
Mitochondrial Metabolism	0.181	0.259	0.229	0.269	0.197
Myelination					
Oxidative Stress	0.171	0.346	0.253	0.368	0.256
Proteostasis	0.0818	0.127	0.103	0.215	0.132
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0968	0.205	0.179	0.149	0.161
Synapse	0.179	0.31	0.262	0.199	0.222
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.156	0.302	0.258	0.172	0.185
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hepatocellular carcinoma					
Apoptosis	0.0433	0.153	0.103	0.0558	0.0823
APP Metabolism					
Autophagy	0.191	0.331	0.254	0.335	0.188
Cell Cycle	−0.0069	0.0555	0.0523	0.02	0.0771
DNA Repair	−0.0295	−0.0429	0.00247	0.0374	0.0141
Endolysosome	0.0737	0.0907	0.0394	0.115	0.051
Epigenetic	−0.0143	0.0734	0.0199	−0.0264	0.037
Immune Response	0.0925	0.154	0.105	0.0872	0.113
Lipid Metabolism	0.132	0.214	0.196	0.0936	0.128
Metal Binding and Homeostasis	0.0152	0.0736	0.113	−0.0289	0.0567
Mitochondrial Metabolism	0.187	0.234	0.186	0.267	0.172
Myelination	0.314	0.433	0.357	0.395	0.296
Oxidative Stress	0.127	0.216	0.123	0.287	0.178
Proteostasis	0.0899	0.134	0.0958	0.143	0.111
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0658	0.141	0.108	0.0429	0.0636
Synapse	0.109	0.18	0.145	0.0597	0.119
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0832	0.207	0.133	0.0772	0.119
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Gastric cancer					
Apoptosis	0.0602	0.212	0.116	0.0595	0.0966
APP Metabolism					
Autophagy	0.233	0.477	0.372	0.224	0.232
Cell Cycle	0.0136	0.128	0.0903	0.0505	0.103
DNA Repair	−0.0557	−0.00331	0.0447	0.0404	0.0265
Endolysosome	0.0756	0.116	0.0528	0.0472	0.044
Epigenetic	0.0465	0.16	0.0535	0.0729	0.0792
Immune Response	0.126	0.23	0.131	0.0825	0.154
Lipid Metabolism	0.152	0.268	0.199	0.0696	0.106
Metal Binding and Homeostasis	0.101	0.108	0.0779	0.158	0.166
Mitochondrial Metabolism	0.251	0.319	0.248	0.239	0.28
Myelination	0.213	0.299	0.188	0.346	0.268
Oxidative Stress	0.163	0.28	0.166	0.267	0.279
Proteostasis	0.0836	0.146	0.0764	0.0848	0.0909
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.108	0.235	0.16	0.0452	0.0661
Synapse	0.143	0.278	0.167	0.0468	0.143
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.136	0.287	0.17	0.107	0.115
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Glioma					
Apoptosis	−0.00363	0.129	0.0903	0.0284	0.0716
APP Metabolism					
Autophagy	0.122	0.306	0.259	0.266	0.14
Cell Cycle	−0.0356	0.0371	0.0241	0.0838	0.145
DNA Repair	−0.0728	−0.0244	−0.00237	0.0668	−0.0226
Endolysosome	0.144	0.214	0.242	0.16	0.169
Epigenetic	−0.0465	0.0894	0.0142	0.0242	0.0748
Immune Response	0.0623	0.194	0.148	0.0379	0.134
Lipid Metabolism	0.14	0.21	0.196	0.14	0.192
Metal Binding and Homeostasis	−0.039	−0.00806	0.0223	−0.0144	0.0891
Mitochondrial Metabolism	0.131	0.25	0.179	0.179	0.214
Myelination	0.17	0.306	0.294	0.266	0.277
Oxidative Stress	0.137	0.12	0.0562	0.351	0.259
Proteostasis	0.08	0.101	0.0771	0.214	0.17
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0364	0.126	0.113	0.0763	0.114
Synapse	0.0915	0.186	0.19	0.0741	0.151
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0437	0.18	0.146	0.0288	0.122
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Thyroid cancer					
Apoptosis	0.0502	0.149	0.0465	0.248	0.147
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0929	−0.0272	−0.0336	0.168	0.0647
DNA Repair	−0.121	−0.161	−0.122	0.213	0.0291
Endolysosome					
Epigenetic	−0.0242	0.0561	−0.0415	0.158	0.0482
Immune Response	0.0505	0.106	0.0404	0.247	0.195
Lipid Metabolism	0.267	0.332	0.249	0.322	0.227
Metal Binding and Homeostasis	0.134	0.118	0.104	0.259	0.167
Mitochondrial Metabolism	0.253	0.32	0.282	0.419	0.369
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0283	0.0793	−0.0314	0.174	0.105
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0439	0.15	0.0721	−0.0103	−0.0354
Synapse	0.194	0.274	0.214	0.289	0.26
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.12	0.188	0.097	0.286	0.247
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Acute myeloid leukemia					
Apoptosis	0.105	0.201	0.201	0.134	0.0914
APP Metabolism					
Autophagy	0.291	0.287	0.374	0.371	0.245
Cell Cycle	0.111	0.11	0.158	0.278	0.157
DNA Repair	0.0559	0.2	0.295	0.084	0.0484
Endolysosome	0.151	0.179	0.292	0.268	0.18
Epigenetic	0.112	0.166	0.118	0.135	0.101
Immune Response	0.176	0.23	0.224	0.167	0.14
Lipid Metabolism	0.222	0.303	0.287	0.226	0.17
Metal Binding and Homeostasis	0.126	0.0818	0.189	0.133	0.111
Mitochondrial Metabolism	0.285	0.331	0.289	0.332	0.229
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.168	0.179	0.179	0.29	0.208
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.14	0.23	0.243	0.155	0.14
Synapse	0.212	0.342	0.274	0.215	0.192
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.209	0.414	0.373	0.131	0.109
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Chronic myeloid leukemia					
Apoptosis	0.0542	0.141	0.0689	0.122	0.0817
APP Metabolism					
Autophagy	0.315	0.349	0.369	0.423	0.266
Cell Cycle	0.0586	0.109	0.0827	0.203	0.144
DNA Repair	0.0232	0.0371	0.0618	0.153	0.0532
Endolysosome	0.184	0.212	0.213	0.283	0.203
Epigenetic	0.0397	0.097	-0.0101	0.0976	0.0425
Immune Response	0.154	0.221	0.136	0.149	0.137
Lipid Metabolism	0.188	0.264	0.195	0.177	0.167
Metal Binding and Homeostasis	0.0863	0.131	0.0935	0.0668	0.114
Mitochondrial Metabolism	0.27	0.255	0.204	0.383	0.277
Myelination	0.206	0.214	0.125	0.502	0.251
Oxidative Stress	0.152	0.182	0.0932	0.348	0.261
Proteostasis	0.121	0.136	0.0988	0.274	0.174
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.115	0.221	0.181	0.113	0.13
Synapse	0.201	0.292	0.235	0.187	0.191
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.16	0.282	0.228	0.111	0.154
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Basal cell carcinoma					
Apoptosis	0.102	0.208	0.07	0.132	0.132
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0587	0.0476	0.0438	0.199	0.13
DNA Repair	−0.0619	−0.145	−0.0912	0.123	0.07
Endolysosome	0.0995	0.0734	−0.0497	0.086	0.0297
Epigenetic	0.0523	0.101	−0.0509	0.0581	0.0482
Immune Response	0.0867	0.116	−0.00818	0.098	0.122
Lipid Metabolism	0.103	0.146	0.0462	0.0901	0.111
Metal Binding and Homeostasis	0.0532	0.133	0.0481	0.105	0.0731
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.112	0.134	0.0323	0.0883	0.0952
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0647	0.124	0.0382	0.00968	−0.0174
Synapse	0.157	0.236	0.11	0.0832	0.14
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.12	0.174	−0.0223	0.173	0.19
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Melanoma					
Apoptosis	0.0616	0.222	0.125	0.139	0.146
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.000108	0.0653	0.0595	0.113	0.164
DNA Repair	−0.0621	−0.0171	−0.0134	0.11	0.0276
Endolysosome	0.0635	0.127	0.124	0.0979	0.112
Epigenetic	−0.0297	0.143	0.0483	0.0161	0.0676
Immune Response	0.135	0.235	0.179	0.166	0.244
Lipid Metabolism	0.185	0.223	0.225	0.189	0.212
Metal Binding and Homeostasis	0.0689	0.0381	−0.00368	0.159	0.118
Mitochondrial Metabolism	0.225	0.303	0.253	0.297	0.327
Myelination					
Oxidative Stress	0.0728	0.179	0.121	0.195	0.2
Proteostasis	0.0588	0.0759	0.0309	0.19	0.165
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0445	0.175	0.134	0.0804	0.107
Synapse	0.166	0.288	0.21	0.126	0.216
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0955	0.194	0.153	0.148	0.139
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Renal cell carcinoma					
Apoptosis	0.122	0.306	0.222	0.109	0.152
APP Metabolism					
Autophagy	0.139	0.337	0.268	0.184	0.138
Cell Cycle	0.154	0.251	0.181	0.294	0.261
DNA Repair	0.16	0.114	0.16	0.184	0.125
Endolysosome	0.0733	0.204	0.0985	0.294	0.216
Epigenetic	0.112	0.209	0.187	0.0857	0.154
Immune Response	0.145	0.281	0.194	0.122	0.173
Lipid Metabolism	0.211	0.32	0.277	0.286	0.242
Metal Binding and Homeostasis	0.144	0.163	0.102	0.183	0.222
Mitochondrial Metabolism	0.178	0.317	0.259	0.178	0.199
Myelination					
Oxidative Stress	0.146	0.378	0.286	0.24	0.279
Proteostasis	0.117	0.208	0.116	0.304	0.269
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.153	0.295	0.197	0.206	0.226
Synapse	0.102	0.35	0.212	0.112	0.214
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.126	0.343	0.229	0.143	0.201
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Bladder cancer					
Apoptosis	0.000171	0.0886	0.022	0.0849	0.105
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0603	−0.0391	−0.0754	0.128	0.126
DNA Repair	−0.106	−0.0406	−0.0379	0.104	0.0703
Endolysosome	0.041	0.0337	−0.0133	0.107	0.0916
Epigenetic	−0.11	0.0341	−0.00389	0.0148	0.0436
Immune Response	0.0988	0.132	0.101	0.221	0.215
Lipid Metabolism	0.105	0.162	0.136	0.102	0.143
Metal Binding and Homeostasis	0.0848	0.0177	−0.0203	0.206	0.0875
Mitochondrial Metabolism	0.252	0.303	0.243	0.398	0.306
Myelination					
Oxidative Stress	0.0664	0.147	0.126	0.183	0.15
Proteostasis	0.0224	0.0471	−0.0313	0.14	0.098
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0713	0.113	0.0627	0.172	0.183
Synapse	0.171	0.26	0.213	0.141	0.237
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.105	0.124	0.0756	0.173	0.212
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Prostate cancer					
Apoptosis	0.0634	0.224	0.151	0.0403	0.111
APP Metabolism					
Autophagy	0.25	0.425	0.371	0.195	0.269
Cell Cycle	0.0384	0.212	0.132	0.0764	0.138
DNA Repair	0.0172	0.16	0.161	-0.0507	0.0711
Endolysosome	0.105	0.151	0.174	0.141	0.169
Epigenetic	0.0123	0.123	0.0276	0.0226	0.103
Immune Response	0.115	0.249	0.157	0.107	0.154
Lipid Metabolism	0.145	0.268	0.21	0.111	0.182
Metal Binding and Homeostasis	0.0957	0.179	0.162	0.0376	0.106
Mitochondrial Metabolism	0.229	0.35	0.301	0.193	0.266
Myelination	0.305	0.432	0.314	0.398	0.398
Oxidative Stress	0.154	0.214	0.156	0.29	0.28
Proteostasis	0.102	0.156	0.12	0.169	0.177
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0828	0.214	0.174	0.132	0.18
Synapse	0.193	0.399	0.283	0.155	0.205
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.115	0.276	0.212	0.092	0.142
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Endometrial cancer					
Apoptosis	0.0221	0.136	0.102	0.117	0.0804
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0451	−0.024	0.0161	0.183	0.122
DNA Repair	−0.0554	−0.056	0.0174	0.0918	0.0393
Endolysosome	0.0931	0.0975	0.117	0.174	0.141
Epigenetic	−0.0221	0.122	0.0531	0.0854	0.0615
Immune Response	0.118	0.19	0.16	0.203	0.185
Lipid Metabolism	0.148	0.247	0.264	0.101	0.172
Metal Binding and Homeostasis	0.0537	−0.0159	−0.0111	0.227	0.127
Mitochondrial Metabolism	0.216	0.349	0.327	0.241	0.256
Myelination	0.23	0.235	0.2	0.498	0.333
Oxidative Stress	0.18	0.265	0.23	0.439	0.287
Proteostasis	0.0779	0.103	0.102	0.172	0.137
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0635	0.186	0.179	0.0668	0.0459
Synapse	0.093	0.279	0.218	0.0735	0.141
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.145	0.346	0.252	0.121	0.158
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Breast cancer					
Apoptosis	0.0844	0.245	0.157	0.0807	0.0924
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0358	0.155	0.13	0.0972	0.145
DNA Repair	-0.0431	0.0343	0.0839	0.0679	0.0193
Endolysosome	0.095	0.115	0.051	0.105	0.0764
Epigenetic	0.0301	0.176	0.0986	0.0347	0.0538
Immune Response	0.135	0.224	0.14	0.118	0.154
Lipid Metabolism	0.136	0.263	0.215	0.0758	0.114
Metal Binding and Homeostasis	0.097	0.21	0.209	0.128	0.0879
Mitochondrial Metabolism	0.249	0.364	0.274	0.211	0.257
Myelination	0.239	0.296	0.263	0.312	0.27
Oxidative Stress	0.186	0.353	0.244	0.339	0.212
Proteostasis	0.1	0.167	0.106	0.135	0.109
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.099	0.192	0.142	0.0739	0.0825
Synapse	0.177	0.279	0.197	0.0815	0.155
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.114	0.258	0.179	0.117	0.113
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Small cell lung cancer					
Apoptosis	−0.0129	0.121	0.0671	0.0633	0.0614
APP Metabolism					
Autophagy	0.0925	0.277	0.253	0.148	0.138
Cell Cycle	−0.0433	0.0469	0.0276	0.134	0.067
DNA Repair	−0.0684	0.0169	0.00338	0.0513	0.0316
Endolysosome					
Epigenetic	−0.038	0.0601	−0.0349	0.0606	0.0248
Immune Response	0.0447	0.107	0.0858	0.0775	0.0773
Lipid Metabolism	0.0776	0.174	0.126	0.115	0.0701
Metal Binding and Homeostasis	−0.00206	0.0329	0.0625	0.103	0.0752
Mitochondrial Metabolism	0.198	0.228	0.191	0.373	0.31
Myelination					
Oxidative Stress	0.0417	0.104	−0.0136	0.371	0.236
Proteostasis	0.0784	0.095	0.109	0.142	0.102
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0311	0.0731	0.123	0.00703	0.0154
Synapse	0.175	0.177	0.183	0.159	0.151
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0782	0.203	0.223	0.0655	0.0945
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Non–small cell lung cancer					
Apoptosis	0.0396	0.191	0.164	0.0611	0.0997
APP Metabolism					
Autophagy	0.177	0.341	0.259	0.297	0.194
Cell Cycle	−0.0134	0.0616	0.0421	0.109	0.136
DNA Repair	−0.009	−0.0269	0.0202	0.15	0.0778
Endolysosome	0.178	0.218	0.225	0.281	0.242
Epigenetic	0.00941	0.165	0.111	0.0576	0.0719
Immune Response	0.138	0.246	0.208	0.132	0.166
Lipid Metabolism	0.229	0.276	0.302	0.23	0.243
Metal Binding and Homeostasis	0.0801	0.0354	0.0753	0.17	0.146
Mitochondrial Metabolism	0.203	0.315	0.281	0.241	0.238
Myelination					
Oxidative Stress	0.108	0.229	0.148	0.319	0.221
Proteostasis	0.0788	0.124	0.105	0.195	0.171
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.065	0.202	0.176	0.0424	0.108
Synapse	0.143	0.307	0.246	0.105	0.193
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0576	0.24	0.214	−0.0277	0.0894
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Human T-cell leukemia virus 1 infection					
Apoptosis	0.0505	0.102	0.0699	0.0851	0.0727
APP Metabolism					
Autophagy	0.0935	0.0989	0.08	0.269	0.0742
Cell Cycle	-0.0206	0.0307	-0.00585	0.0871	0.0194
DNA Repair	-0.0165	0.0209	0.0233	-0.0321	-0.0126
Endolysosome	0.0797	0.121	0.123	0.152	0.146
Epigenetic	0.071	0.15	0.155	0.082	0.0978
Immune Response	0.096	0.143	0.117	0.122	0.111
Lipid Metabolism	0.121	0.179	0.157	0.157	0.103
Metal Binding and Homeostasis	0.0562	0.215	0.153	0.0142	0.0721
Mitochondrial Metabolism	0.102	0.103	0.0724	0.195	0.11
Myelination	0.236	0.264	0.22	0.525	0.29
Oxidative Stress	0.148	0.379	0.281	0.291	0.165
Proteostasis	0.0684	0.0893	0.0661	0.177	0.0826
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0832	0.123	0.107	0.151	0.126
Synapse	0.123	0.205	0.175	0.165	0.131
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.115	0.193	0.204	0.0963	0.113
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Human immunodeficiency virus 1 infection					
Apoptosis	0.0373	0.145	0.105	0.0462	0.0535
APP Metabolism					
Autophagy	0.0909	0.17	0.154	0.152	0.118
Cell Cycle	0.00566	0.163	0.132	0.0556	0.0558
DNA Repair	0.0485	0.121	0.145	0.0193	0.0227
Endolysosome	0.0297	0.0446	0.0602	0.204	0.0758
Epigenetic	0.0455	0.207	0.141	0.0647	0.0666
Immune Response	0.0515	0.0857	0.0518	0.095	0.0821
Lipid Metabolism	0.0516	0.124	0.0885	0.085	0.0689
Metal Binding and Homeostasis	0.0947	0.133	0.0983	0.125	0.145
Mitochondrial Metabolism	0.0834	0.111	0.113	0.117	0.0963
Myelination	0.24	0.297	0.269	0.349	0.381
Oxidative Stress	0.109	0.308	0.209	0.267	0.199
Proteostasis	0.0999	0.162	0.128	0.182	0.13
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0604	0.152	0.105	0.103	0.12
Synapse	0.0715	0.208	0.145	0.114	0.123
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0748	0.185	0.155	0.112	0.104
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hepatitis B					
Apoptosis	0.0628	0.175	0.129	0.0818	0.102
APP Metabolism					
Autophagy	0.112	0.261	0.212	0.183	0.145
Cell Cycle	−0.0119	0.155	0.106	0.0269	0.0415
DNA Repair	−0.0185	−0.0164	0.0166	0.000571	−0.0106
Endolysosome	0.125	0.176	0.137	0.221	0.186
Epigenetic	0.0648	0.199	0.158	0.0792	0.098
Immune Response	0.0851	0.192	0.148	0.0946	0.116
Lipid Metabolism	0.0895	0.206	0.143	0.098	0.129
Metal Binding and Homeostasis	0.0985	0.262	0.234	0.0232	0.126
Mitochondrial Metabolism	0.135	0.171	0.169	0.177	0.165
Myelination	0.316	0.428	0.282	0.5	0.435
Oxidative Stress	0.142	0.377	0.271	0.28	0.251
Proteostasis	0.0919	0.157	0.132	0.161	0.156
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.084	0.212	0.188	0.0773	0.131
Synapse	0.0869	0.263	0.205	0.0951	0.156
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0995	0.234	0.214	0.079	0.106
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hepatitis C					
Apoptosis	0.0286	0.152	0.0743	0.11	0.0719
APP Metabolism					
Autophagy	0.0977	0.231	0.243	0.195	0.103
Cell Cycle	-0.0797	0.00589	-0.0334	0.128	0.0872
DNA Repair	0.00539	0.00538	0.0085	0.152	0.0941
Endolysosome	0.0633	0.107	0.148	0.155	0.113
Epigenetic	0.00191	0.115	0.0474	0.0726	0.0427
Immune Response	0.0583	0.108	0.0704	0.131	0.0824
Lipid Metabolism	0.123	0.153	0.121	0.2	0.128
Metal Binding and Homeostasis	0.0758	0.125	0.12	0.148	0.107
Mitochondrial Metabolism	0.168	0.197	0.18	0.301	0.214
Myelination	0.297	0.413	0.288	0.534	0.331
Oxidative Stress	-0.00221	0.147	0.0773	0.247	0.153
Proteostasis	0.0488	0.138	0.0791	0.14	0.0835
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0241	0.163	0.0658	0.102	0.073
Synapse	0.053	0.178	0.127	0.178	0.128
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.103	0.309	0.262	0.13	0.12
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Coronavirus disease – COVID–19					
Apoptosis	0.0123	0.0923	0.0387	0.0403	0.0223
APP Metabolism					
Autophagy	0.117	0.23	0.2	0.127	0.131
Cell Cycle	−0.129	−0.051	−0.0567	−0.00807	−0.0969
DNA Repair	−0.000912	0.0225	0.0599	0.000771	−0.0433
Endolysosome	0.00664	0.114	0.0482	0.0348	0.0588
Epigenetic	0.0368	0.203	0.142	0.0335	0.0383
Immune Response	0.0111	−0.015	−0.0242	0.0709	0.0456
Lipid Metabolism	0.0352	0.069	0.0736	0.0432	0.0357
Metal Binding and Homeostasis	0.01	0.0684	0.0784	−0.0926	−0.0195
Mitochondrial Metabolism	0.0476	0.0551	0.117	0.017	0.0336
Myelination					
Oxidative Stress	0.0732	0.306	0.247	0.093	0.107
Proteostasis	−0.176	−0.365	−0.449	0.162	−0.0421
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.208	−0.429	−0.481	0.134	−0.0632
Synapse	−0.134	−0.322	−0.339	0.172	0.00272
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0448	0.107	0.14	−0.00265	0.0289
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Influenza A					
Apoptosis	0.0845	0.15	0.0966	0.119	0.0894
APP Metabolism					
Autophagy	0.0722	0.19	0.133	0.217	0.0936
Cell Cycle	0.0235	0.099	0.132	0.0851	0.157
DNA Repair	0.074	0.0371	0.148	0.0742	0.141
Endolysosome	0.132	0.253	0.254	0.196	0.208
Epigenetic	0.0577	0.174	0.145	0.0204	0.0565
Immune Response	0.115	0.143	0.139	0.136	0.13
Lipid Metabolism	0.0833	0.0726	0.0724	0.152	0.0902
Metal Binding and Homeostasis	0.128	0.195	0.269	-0.0397	0.13
Mitochondrial Metabolism	0.14	0.141	0.142	0.221	0.16
Myelination					
Oxidative Stress	0.0626	0.234	0.162	0.193	0.213
Proteostasis	0.15	0.236	0.192	0.177	0.173
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.117	0.181	0.157	0.117	0.131
Synapse	0.152	0.25	0.186	0.257	0.184
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.133	0.266	0.284	0.148	0.151
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Measles					
Apoptosis	0.0869	0.171	0.0938	0.142	0.105
APP Metabolism					
Autophagy	0.0259	0.161	0.0956	0.136	0.0874
Cell Cycle	−0.015	0.00612	−0.024	0.176	0.0974
DNA Repair	0.0349	0.0056	0.00371	0.172	0.106
Endolysosome	0.063	0.0809	0.119	0.122	0.06
Epigenetic	0.0604	0.198	0.124	0.107	0.0741
Immune Response	0.0833	0.0837	0.0572	0.143	0.0963
Lipid Metabolism	0.103	0.111	0.101	0.18	0.125
Metal Binding and Homeostasis	0.0241	0.0652	0.0811	0.0146	0.0649
Mitochondrial Metabolism	0.16	0.203	0.174	0.258	0.239
Myelination					
Oxidative Stress	0.0856	0.351	0.194	0.263	0.223
Proteostasis	0.0479	0.129	0.0743	0.155	0.0949
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0646	0.119	0.086	0.117	0.0877
Synapse	0.0728	0.139	0.0735	0.248	0.149
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.113	0.246	0.205	0.177	0.0682
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Herpes simplex virus 1 infection					
Apoptosis	0.077	0.091	0.0499	0.173	0.102
APP Metabolism					
Autophagy	0.114	0.113	0.101	0.218	0.132
Cell Cycle	0.045	0.0394	0.0773	0.198	0.138
DNA Repair	0.116	0.0811	0.112	0.247	0.18
Endolysosome	0.101	0.0889	0.129	0.207	0.145
Epigenetic	0.0522	0.155	0.121	0.0181	0.0613
Immune Response	0.0828	0.0546	0.0412	0.15	0.113
Lipid Metabolism	0.12	0.0897	0.0943	0.155	0.1
Metal Binding and Homeostasis	0.0159	0.0763	0.0924	-0.0333	0.0206
Mitochondrial Metabolism	0.204	0.157	0.158	0.325	0.232
Myelination	0.153	0.151	0.0471	0.392	0.205
Oxidative Stress	0.132	0.236	0.192	0.349	0.316
Proteostasis	0.0917	0.0491	0.0637	0.183	0.115
RNA Spliceosome	-0.00857	-0.0569	-0.161	0.0851	0.15
Structural Stabilization	0.0843	0.13	0.117	0.102	0.107
Synapse	0.135	0.127	0.112	0.245	0.166
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.153	0.246	0.26	0.208	0.154
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Human cytomegalovirus infection					
Apoptosis	−0.00283	0.0843	0.0822	0.0258	0.0669
APP Metabolism	−0.0483	0.171	0.126	−0.0739	−0.0552
Autophagy	0.0842	0.141	0.169	0.128	0.0918
Cell Cycle	−0.0263	0.0963	0.075	0.0511	0.102
DNA Repair	0.00366	0.0352	0.0733	0.0372	0.0193
Endolysosome	0.0622	0.111	0.153	0.226	0.139
Epigenetic	0.0299	0.123	0.111	0.0644	0.0878
Immune Response	0.0594	0.122	0.111	0.0738	0.0893
Lipid Metabolism	0.062	0.199	0.19	0.0176	0.0729
Metal Binding and Homeostasis	0.0785	0.2	0.187	0.0597	0.0925
Mitochondrial Metabolism	0.08	0.129	0.139	0.109	0.0786
Myelination	0.188	0.296	0.244	0.337	0.261
Oxidative Stress	0.0774	0.208	0.146	0.278	0.192
Proteostasis	0.107	0.126	0.132	0.201	0.146
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.067	0.178	0.172	0.0774	0.122
Synapse	0.0573	0.166	0.146	0.075	0.0979
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0827	0.217	0.216	0.0772	0.125
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Kaposi sarcoma–associated herpesvirus infection					
Apoptosis	0.0468	0.162	0.0974	0.0707	0.0634
APP Metabolism					
Autophagy	0.0383	0.234	0.202	0.0829	0.0466
Cell Cycle	−0.0138	0.112	0.079	0.103	0.147
DNA Repair	0.0227	0.0244	0.0769	0.0781	0.034
Endolysosome	0.0741	0.181	0.172	0.232	0.18
Epigenetic	0.0572	0.217	0.13	0.0589	0.095
Immune Response	0.0607	0.137	0.109	0.105	0.121
Lipid Metabolism	0.102	0.183	0.163	0.144	0.156
Metal Binding and Homeostasis	0.029	0.148	0.106	0.0939	0.107
Mitochondrial Metabolism	0.0704	0.107	0.0986	0.125	0.0722
Myelination	0.212	0.378	0.287	0.382	0.3
Oxidative Stress	0.101	0.32	0.194	0.286	0.234
Proteostasis	0.084	0.192	0.132	0.19	0.126
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0645	0.155	0.115	0.101	0.172
Synapse	0.0774	0.212	0.151	0.108	0.142
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.124	0.32	0.244	0.117	0.181
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Epstein–Barr virus infection					
Apoptosis	0.0197	0.11	0.0373	0.1	0.0552
APP Metabolism	−0.0273	−0.0551	−0.0665	0.174	−0.00643
Autophagy	0.0995	0.183	0.157	0.173	0.173
Cell Cycle	−0.044	0.0731	0.0133	0.09	0.0547
DNA Repair	−0.133	−0.107	−0.121	−0.013	−0.0861
Endolysosome	0.0268	0.0669	0.0896	0.101	0.0903
Epigenetic	−0.00673	0.0666	−0.00549	0.0975	0.025
Immune Response	0.0676	0.0962	0.0655	0.128	0.103
Lipid Metabolism	0.0568	0.0814	0.0663	0.122	0.0752
Metal Binding and Homeostasis	0.0287	0.0173	0.0165	0.0758	0.0855
Mitochondrial Metabolism	0.0693	0.146	0.137	0.166	0.148
Myelination	0.0985	0.0714	−0.00794	0.495	0.296
Oxidative Stress	0.0295	0.194	0.0932	0.179	0.119
Proteostasis	−0.0127	0.00322	−0.0601	0.167	0.0178
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00304	0.0564	0.0291	0.0872	0.0356
Synapse	0.0734	0.154	0.088	0.213	0.116
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0568	0.17	0.166	0.13	0.0714
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Human papillomavirus infection					
Apoptosis	0.0382	0.142	0.0825	0.0574	0.0602
APP Metabolism	−0.0546	0.134	0.0429	−0.143	−0.176
Autophagy	0.0751	0.175	0.141	0.152	0.0531
Cell Cycle	0.0485	0.102	0.088	0.159	0.101
DNA Repair	0.0295	0.0955	0.123	−0.0187	0.0324
Endolysosome	0.0685	0.0744	0.0647	0.187	0.0868
Epigenetic	0.0286	0.0844	0.0551	0.0235	0.0451
Immune Response	0.0589	0.0975	0.0623	0.0844	0.0714
Lipid Metabolism	0.0549	0.135	0.128	0.00567	0.0416
Metal Binding and Homeostasis	−0.000189	0.0414	0.0654	0.0394	0.00927
Mitochondrial Metabolism	0.0881	0.0934	0.0634	0.259	0.123
Myelination	0.122	0.149	0.13	0.177	0.0708
Oxidative Stress	0.0126	0.116	0.0608	0.0926	0.0452
Proteostasis	0.11	0.122	0.12	0.117	0.106
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0729	0.0907	0.118	0.0536	0.039
Synapse	0.0957	0.162	0.129	0.0752	0.0646
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0622	0.154	0.15	0.0247	0.0552
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Salmonella infection					
Apoptosis	0.0665	0.144	0.0834	0.109	0.0913
APP Metabolism					
Autophagy	0.0624	0.211	0.2	0.0633	0.054
Cell Cycle	0.0333	0.154	0.105	0.209	0.104
DNA Repair	−0.0282	0.067	0.0753	−0.00766	0.0342
Endolysosome	0.0835	0.153	0.118	0.155	0.0752
Epigenetic	0.0152	0.134	0.0424	0.0838	0.0722
Immune Response	0.069	0.12	0.0536	0.166	0.115
Lipid Metabolism	0.0751	0.134	0.0833	0.166	0.134
Metal Binding and Homeostasis	0.0274	0.0638	0.00802	0.146	0.0861
Mitochondrial Metabolism	0.109	0.175	0.129	0.229	0.19
Myelination	0.231	0.183	0.164	0.328	0.289
Oxidative Stress	0.0974	0.325	0.184	0.272	0.207
Proteostasis	0.0984	0.188	0.131	0.214	0.153
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00199	0.021	−0.00601	0.162	0.0709
Synapse	0.0519	0.149	0.0876	0.168	0.121
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0425	0.132	0.0508	0.144	0.0949
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Yersinia infection					
Apoptosis	0.0161	0.179	0.121	−0.00356	−0.0108
APP Metabolism					
Autophagy	0.0984	0.254	0.213	0.137	0.098
Cell Cycle	−0.000251	0.235	0.187	0.00445	0.0319
DNA Repair	0.0369	0.17	0.0979	0.000362	0.00356
Endolysosome	0.0343	0.0992	0.0669	0.134	0.0968
Epigenetic	0.0478	0.244	0.146	0.0415	0.0256
Immune Response	0.0497	0.14	0.0955	0.0858	0.062
Lipid Metabolism	0.0464	0.164	0.118	0.0964	0.0825
Metal Binding and Homeostasis	0.0161	0.127	0.0854	−0.0301	−0.0236
Mitochondrial Metabolism	0.0912	0.182	0.186	0.158	0.135
Myelination					
Oxidative Stress	0.112	0.378	0.261	0.255	0.198
Proteostasis	0.0868	0.24	0.173	0.163	0.14
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.00291	0.0691	0.0427	0.0379	0.0483
Synapse	0.0492	0.155	0.122	0.0991	0.0848
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0378	0.134	0.113	0.0368	0.00676
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Pertussis					
Apoptosis	0.0977	0.13	0.0862	0.205	0.104
APP Metabolism					
Autophagy	0.0792	0.186	0.209	0.141	0.145
Cell Cycle	-0.0225	0.0977	0.095	0.13	0.0653
DNA Repair					
Endolysosome	0.103	0.184	0.149	0.181	0.0895
Epigenetic	0.0673	0.28	0.193	0.112	0.0461
Immune Response	0.0819	0.105	0.0757	0.156	0.129
Lipid Metabolism	0.0352	0.0788	0.0303	0.138	0.0889
Metal Binding and Homeostasis	-0.0322	0.118	0.0586	0.0188	0.0659
Mitochondrial Metabolism	-0.0712	0.0936	0.0738	-0.0173	-0.0402
Myelination					
Oxidative Stress	0.058	0.308	0.259	0.196	0.139
Proteostasis	0.153	0.255	0.18	0.21	0.161
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0702	0.127	0.116	0.215	0.186
Synapse	0.0868	0.166	0.16	0.234	0.2
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0786	0.138	0.101	0.208	0.133
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Legionellosis					
Apoptosis	0.0698	0.175	0.0981	0.186	0.159
APP Metabolism					
Autophagy	0.0498	0.218	0.169	0.23	0.155
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.00111	0.172	0.125	0.161	0.0917
Epigenetic	0.0831	0.156	−0.0165	0.246	0.129
Immune Response	0.00987	0.14	0.0129	0.167	0.132
Lipid Metabolism	0.04	0.136	0.061	0.19	0.131
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	0.139	0.331	0.238	0.162	0.13
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0316	0.127	0.0106	0.248	0.165
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0219	0.0167	−0.0675	0.157	0.113
Synapse	0.124	0.292	0.248	0.327	0.19
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.133	0.178	0.141	0.334	0.131
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Staphylococcus aureus infection					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.12	0.177	0.199	0.142	0.264
Epigenetic					
Immune Response	0.184	0.117	0.147	0.254	0.273
Lipid Metabolism	0.212	0.0976	0.18	0.146	0.207
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.208	0.131	0.0875	0.188	0.121
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0497	−0.00355	−0.0201	0.0792	0.0989
Synapse	0.398	0.232	0.314	0.535	0.534
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.328	0.214	0.244	0.355	0.356
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Tuberculosis					
Apoptosis	0.15	0.142	0.107	0.223	0.188
APP Metabolism	0.103	0.194	0.254	0.19	0.282
Autophagy	0.235	0.229	0.286	0.347	0.319
Cell Cycle	0.0156	0.0667	0.0957	0.111	0.167
DNA Repair	0.0738	0.0691	0.0284	0.0675	0.121
Endolysosome	0.179	0.177	0.209	0.289	0.237
Epigenetic	0.142	0.233	0.178	0.149	0.173
Immune Response	0.115	0.126	0.13	0.179	0.17
Lipid Metabolism	0.135	0.11	0.124	0.199	0.164
Metal Binding and Homeostasis	0.0311	0.103	0.104	-0.0074	0.117
Mitochondrial Metabolism	0.0751	0.0863	0.0882	0.174	0.154
Myelination	0.277	0.385	0.304	0.432	0.468
Oxidative Stress	0.175	0.282	0.255	0.237	0.264
Proteostasis	0.159	0.172	0.176	0.237	0.199
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.127	0.117	0.116	0.202	0.195
Synapse	0.176	0.267	0.239	0.226	0.229
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.125	0.191	0.183	0.221	0.189
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Bacterial invasion of epithelial cells					
Apoptosis	0.000764	0.0977	0.0611	0.00574	-0.0587
APP Metabolism					
Autophagy	-0.0207	0.163	0.123	0.0477	-0.0209
Cell Cycle	-0.0288	0.157	0.112	0.00754	0.112
DNA Repair					
Endolysosome	0.0365	0.193	0.127	0.0449	0.0822
Epigenetic	0.0868	0.308	0.178	0.0551	0.173
Immune Response	0.0421	0.153	0.106	0.0773	0.0687
Lipid Metabolism	0.0921	0.328	0.215	-0.01	0.0733
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0951	0.205	0.13	0.177	0.191
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	-0.0419	0.0431	0.0211	0.00123	-0.015
Synapse	-0.0445	0.0466	0.0348	-0.0312	-0.0041
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.046	0.172	0.0736	0.0423	0.0308
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Amoebiasis					
Apoptosis	0.0101	0.0958	0.117	0.0226	0.0738
APP Metabolism					
Autophagy	0.0842	0.13	0.214	0.13	0.111
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.188	0.185	0.285	0.317	0.231
Epigenetic	0.215	0.337	0.281	0.155	0.157
Immune Response	0.042	0.0659	0.0972	0.0243	0.0501
Lipid Metabolism	0.0667	0.181	0.223	0.013	0.035
Metal Binding and Homeostasis	−0.0459	−0.00886	0.0459	−0.0835	0.00444
Mitochondrial Metabolism	0.0114	0.108	0.101	−0.0489	−0.143
Myelination					
Oxidative Stress	−0.0991	0.00776	−0.0757	0.118	0.0427
Proteostasis	0.0794	0.0866	0.132	0.0702	0.0579
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0545	0.0412	0.136	−0.00942	0.0224
Synapse	0.103	0.103	0.175	0.0776	0.0832
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0534	0.0811	0.147	0.027	0.0367
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

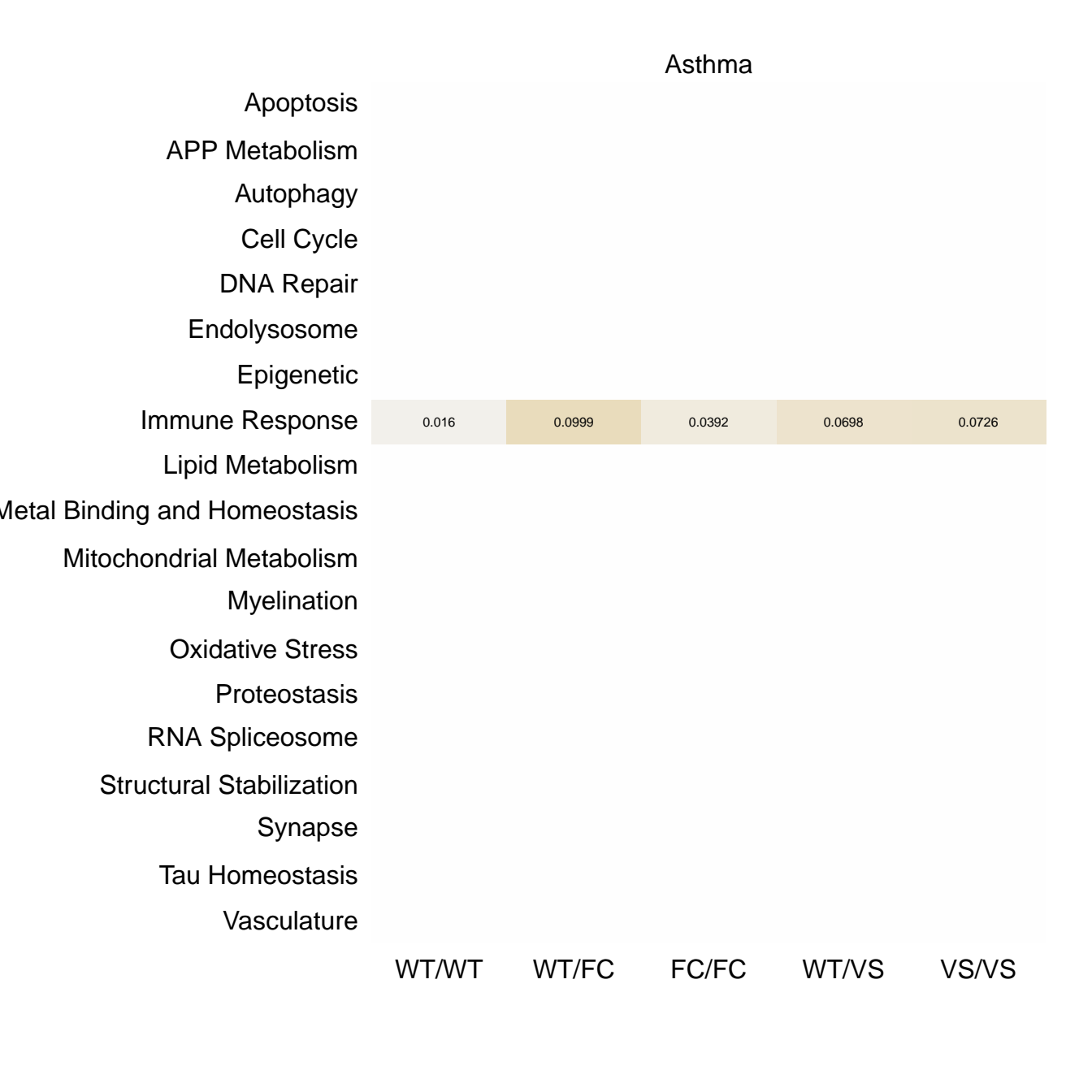
Malaria					
Apoptosis	0.0864	0.11	0.126	0.107	0.112
APP Metabolism					
Autophagy	0.139	0.23	0.283	0.0619	0.171
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	-5.67e-05	0.0111	0.143	-0.0262	-0.0194
Epigenetic	0.0833	0.15	0.0753	0.144	0.135
Immune Response	0.0414	0.0409	0.123	0.0271	0.0676
Lipid Metabolism	0.0599	0.0253	0.143	0.0252	0.0609
Metal Binding and Homeostasis	0.0478	0.126	0.344	-0.105	0.0884
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0776	0.137	0.174	-0.0406	0.105
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0442	-0.00846	0.115	0.000138	0.048
Synapse	0.133	0.235	0.268	0.0596	0.162
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0442	0.031	0.16	-0.00854	0.0316
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Toxoplasmosis					
Apoptosis	0.126	0.202	0.131	0.172	0.109
APP Metabolism					
Autophagy	0.106	0.2	0.187	0.215	0.159
Cell Cycle	0.0655	0.196	0.183	0.174	0.0935
DNA Repair	0.0963	0.2	0.185	0.0719	0.0996
Endolysosome	0.0834	0.21	0.165	0.136	0.0901
Epigenetic	0.123	0.31	0.187	0.102	0.131
Immune Response	0.0653	0.131	0.104	0.104	0.0923
Lipid Metabolism	0.0774	0.139	0.0967	0.111	0.0803
Metal Binding and Homeostasis	0.0251	0.239	0.154	0.00304	0.0414
Mitochondrial Metabolism	0.244	0.288	0.307	0.275	0.212
Myelination	0.345	0.398	0.317	0.403	0.367
Oxidative Stress	0.151	0.334	0.25	0.283	0.215
Proteostasis	0.127	0.175	0.185	0.16	0.103
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0848	0.176	0.159	0.0649	0.0896
Synapse	0.0984	0.23	0.22	0.107	0.0911
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0612	0.197	0.159	0.0841	0.0319
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Leishmaniasis					
Apoptosis	0.0891	0.183	0.106	0.119	0.0545
APP Metabolism	0.0322	0.201	0.234	0.0787	0.161
Autophagy	0.106	0.0852	0.118	0.192	0.137
Cell Cycle	0.00564	0.132	0.161	0.0213	−0.00728
DNA Repair					
Endolysosome	0.0595	0.134	0.125	0.107	0.0563
Epigenetic	0.0357	0.235	0.116	0.0908	0.0503
Immune Response	0.062	0.115	0.0886	0.115	0.0864
Lipid Metabolism	0.0719	0.16	0.132	0.087	0.0563
Metal Binding and Homeostasis	−0.0118	0.202	0.159	−0.0931	−0.000654
Mitochondrial Metabolism	0.139	0.00779	0.033	0.177	0.116
Myelination					
Oxidative Stress	0.128	0.272	0.254	0.212	0.195
Proteostasis	0.141	0.32	0.248	0.204	0.114
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0487	0.202	0.174	−0.0122	0.0223
Synapse	0.106	0.268	0.267	0.0878	0.119
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0763	0.215	0.202	0.0763	0.0341
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Chagas disease					
Apoptosis	0.12	0.213	0.145	0.2	0.145
APP Metabolism					
Autophagy	0.254	0.364	0.353	0.326	0.257
Cell Cycle	0.138	0.283	0.262	0.297	0.196
DNA Repair					
Endolysosome	0.156	0.213	0.176	0.276	0.142
Epigenetic	0.146	0.333	0.243	0.172	0.126
Immune Response	0.118	0.191	0.158	0.187	0.155
Lipid Metabolism	0.119	0.221	0.172	0.159	0.122
Metal Binding and Homeostasis	0.0614	0.217	0.172	0.105	0.0826
Mitochondrial Metabolism	0.0687	0.22	0.233	0.125	0.04
Myelination					
Oxidative Stress	0.136	0.42	0.323	0.264	0.186
Proteostasis	0.155	0.264	0.198	0.239	0.154
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.177	0.235	0.214	0.295	0.248
Synapse	0.193	0.275	0.252	0.296	0.224
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.204	0.265	0.222	0.297	0.189
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

African trypanosomiasis					
Apoptosis	−0.0932	−0.122	−0.0443	−0.00707	−0.0361
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.139	−0.0908	0.0469	0.00844	−0.0615
Epigenetic					
Immune Response	−0.121	−0.0819	−0.0064	−0.0748	−0.059
Lipid Metabolism	−0.112	−0.116	0.00724	−0.0692	−0.0835
Metal Binding and Homeostasis	−0.126	−0.0491	0.153	−0.276	−0.153
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	−0.0336	0.00707	0.108	0.0492	0.0578
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.163	−0.0919	0.0466	−0.151	−0.106
Synapse	−0.0969	0.0218	0.137	−0.0784	−0.0922
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.193	−0.0735	0.0443	−0.173	−0.126
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

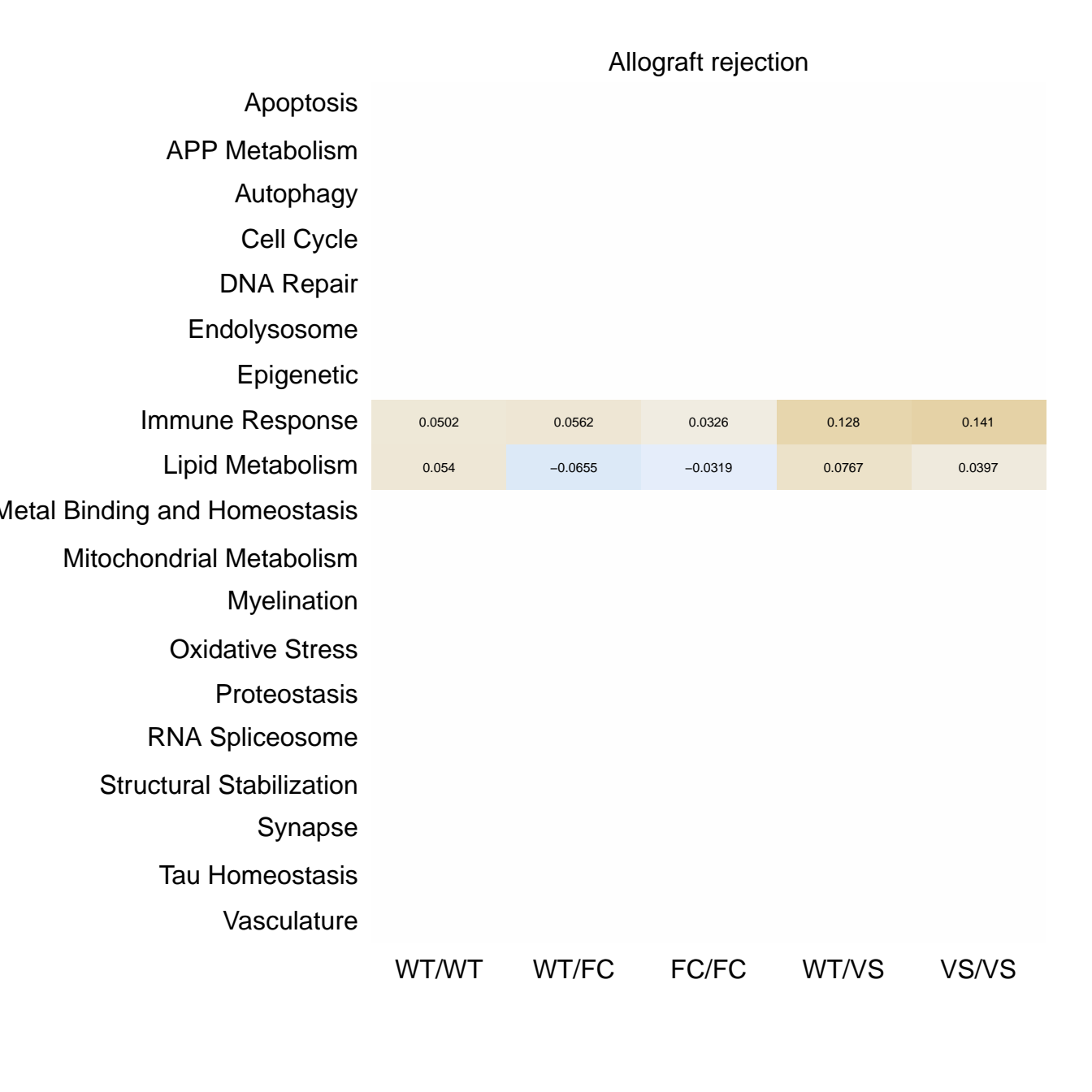


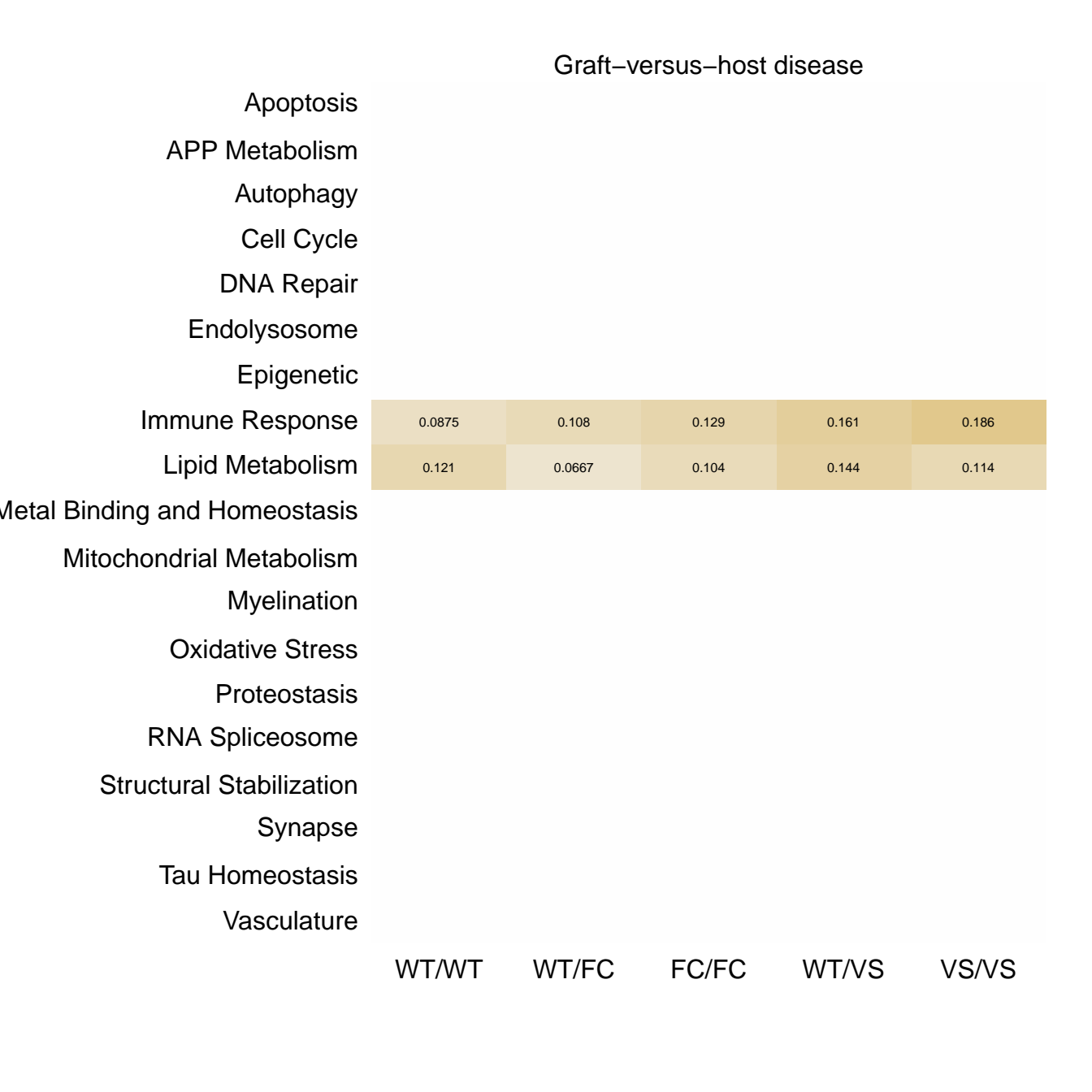
Systemic lupus erythematosus					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.115	0.0839	0.0564	0.299	0.269
Immune Response	0.173	0.14	0.158	0.192	0.26
Lipid Metabolism	0.152	-0.000699	0.0874	0.133	0.113
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.177	0.219	0.213	0.051	0.0926
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse	0.293	0.188	0.324	0.34	0.404
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Rheumatoid arthritis					
Apoptosis	0.151	0.1	0.154	0.137	0.197
APP Metabolism					
Autophagy	0.0738	0.0368	0.0549	0.261	0.145
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0212	0.0181	−0.00278	0.217	0.108
Epigenetic	0.137	0.204	0.178	0.239	0.215
Immune Response	0.134	0.115	0.11	0.179	0.209
Lipid Metabolism	0.0982	0.115	0.11	0.00526	0.134
Metal Binding and Homeostasis	−0.0335	0.082	0.0617	0.0698	0.134
Mitochondrial Metabolism	0.0195	−0.0368	−0.053	0.287	0.103
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.263	0.371	0.336	0.323	0.196
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.152	0.104	0.142	0.135	0.197
Synapse	0.0844	0.132	0.0921	0.177	0.13
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.15	0.189	0.196	0.127	0.218
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Autoimmune thyroid disease					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.0653	0.0526	0.0478	0.0907	0.136
Lipid Metabolism	0.0435	-0.0449	-0.0198	0.0339	-0.0125
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis					
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Inflammatory bowel disease					
Apoptosis	0.0909	0.131	0.0752	0.0909	0.0247
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0357	0.0432	0.0381	0.0549	0.0479
Epigenetic	0.0982	0.194	0.118	0.119	0.0565
Immune Response	0.0575	0.116	0.0989	0.0978	0.0601
Lipid Metabolism	0.027	0.0336	−0.00326	0.00247	−0.0613
Metal Binding and Homeostasis	0.0525	0.148	0.0866	−0.104	−0.024
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.16	0.218	0.232	0.188	0.114
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0986	0.0088	0.0645	0.131	0.086
Synapse	0.194	0.235	0.21	0.206	0.0881
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.143	0.194	0.136	0.175	0.0621
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS





Primary immunodeficiency					
Apoptosis	0.00112	0.0404	0.135	−0.00867	0.121
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.119	0.0865	0.112	0.136	0.147
Lipid Metabolism	0.0562	0.0226	0.0444	0.18	0.19
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.169	0.123	0.234	−0.0141	0.0618
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Alzheimer disease					
Apoptosis	0.0136	0.143	0.0498	0.0627	0.0113
APP Metabolism	0.083	0.285	0.222	0.00376	0.0182
Autophagy	0.112	0.261	0.247	0.133	0.0636
Cell Cycle	0.0306	0.113	0.0888	0.146	0.143
DNA Repair	0.0651	0.0888	0.0917	0.0941	0.0719
Endolysosome	0.091	0.159	0.116	0.138	0.0195
Epigenetic	0.0648	0.184	0.0956	0.109	0.0923
Immune Response	0.0878	0.181	0.116	0.128	0.0845
Lipid Metabolism	0.0658	0.161	0.13	0.0885	0.0187
Metal Binding and Homeostasis	−0.0372	−0.0227	−0.0719	0.0789	−0.0121
Mitochondrial Metabolism	−0.201	−0.328	−0.406	0.0659	−0.14
Myelination	0.196	0.327	0.251	0.335	0.209
Oxidative Stress	−0.0815	−0.0395	−0.123	0.106	0.0154
Proteostasis	0.0326	0.0323	−0.029	0.166	0.011
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0756	0.132	0.0999	0.127	0.0457
Synapse	0.0681	0.163	0.123	0.0758	0.0539
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0649	0.274	0.19	0.0487	0.0375
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Parkinson disease					
Apoptosis	−0.0926	−0.133	−0.157	0.152	−0.0666
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0904	−0.0917	−0.15	0.131	−0.0306
Cell Cycle	−0.0244	−0.0771	−0.112	0.332	0.14
DNA Repair	−0.206	−0.415	−0.384	0.13	−0.163
Endolysosome	0.0117	−0.0408	−0.0798	0.241	−0.00274
Epigenetic	−0.05	−0.0778	−0.14	0.227	0.00113
Immune Response	−0.0415	−0.0833	−0.0983	0.222	0.0279
Lipid Metabolism	−0.0788	−0.159	−0.182	0.123	−0.0556
Metal Binding and Homeostasis	−0.0633	−0.152	−0.218	0.191	−0.0183
Mitochondrial Metabolism	−0.302	−0.483	−0.567	0.0766	−0.193
Myelination					
Oxidative Stress	−0.187	−0.259	−0.34	0.137	−0.0659
Proteostasis	−0.0778	−0.199	−0.253	0.25	−0.0639
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0302	−0.109	−0.141	0.255	0.0243
Synapse	−0.0246	−0.0933	−0.119	0.19	0.0463
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00755	−0.028	−0.0473	0.205	0.0086
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Amyotrophic lateral sclerosis					
Apoptosis	0.0204	0.0778	0.0235	0.164	0.0135
APP Metabolism	-0.198	-0.132	-0.0965	-0.456	-0.148
Autophagy	0.125	0.24	0.183	0.267	0.0958
Cell Cycle	-0.0147	-0.0253	-0.0156	0.197	0.047
DNA Repair	-0.148	-0.201	-0.21	-0.0473	-0.0662
Endolysosome	0.0816	0.146	0.0939	0.235	0.00337
Epigenetic	0.0132	0.069	0.00485	0.111	0.0483
Immune Response	0.0444	0.0585	0.0132	0.279	0.0798
Lipid Metabolism	0.0552	0.05	0.0407	0.228	0.0436
Metal Binding and Homeostasis	-0.0837	-0.125	-0.226	0.165	-0.0311
Mitochondrial Metabolism	-0.23	-0.411	-0.495	0.132	-0.14
Myelination	0.108	0.22	0.165	0.217	0.0654
Oxidative Stress	-0.173	-0.205	-0.322	0.14	-0.0242
Proteostasis	-0.00648	-0.0839	-0.128	0.234	-1.78e-05
RNA Spliceosome	-0.224	-0.0053	-0.169	-0.442	-0.16
Structural Stabilization	0.0254	-0.0196	-0.00797	0.154	0.00588
Synapse	0.0464	0.0495	0.0572	0.117	0.0313
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.0659	-0.016	-0.0416	0.143	-0.0319
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Huntington disease					
Apoptosis	−0.0769	−0.03	−0.0608	0.0386	−0.0714
APP Metabolism	−0.111	0.157	0.185	−0.342	−0.112
Autophagy	0.0705	0.221	0.233	0.0895	−0.0265
Cell Cycle	−0.0798	−0.0701	−0.0808	0.177	−0.0155
DNA Repair	−0.153	−0.113	−0.165	−0.144	−0.169
Endolysosome	0.11	0.203	0.219	0.191	0.0347
Epigenetic	0.00475	0.125	0.121	−0.0108	−0.00672
Immune Response	−0.0589	0.0617	0.0487	0.0221	−0.0563
Lipid Metabolism	0.0284	0.107	0.116	0.154	0.0285
Metal Binding and Homeostasis	−0.155	−0.186	−0.247	0.0822	−0.0986
Mitochondrial Metabolism	−0.267	−0.422	−0.502	0.0737	−0.179
Myelination					
Oxidative Stress	−0.247	−0.235	−0.338	−0.0091	−0.119
Proteostasis	−0.0678	−0.162	−0.167	0.185	−0.0557
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.00179	−0.119	−0.0388	0.178	0.00624
Synapse	−0.0135	0.0228	0.0801	−0.012	−0.0123
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.0402	0.0288	0.0544	0.0638	−0.0588
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Spinocerebellar ataxia					
Apoptosis	−0.0219	0.156	0.119	0.0304	−0.0723
APP Metabolism					
Autophagy	0.174	0.354	0.357	0.222	0.0664
Cell Cycle	0.106	0.296	0.405	0.0847	0.163
DNA Repair					
Endolysosome	0.0529	0.345	0.375	−0.112	−0.0744
Epigenetic	0.105	0.323	0.309	0.0177	0.0627
Immune Response	0.0168	0.203	0.254	0.0261	−0.0108
Lipid Metabolism	0.0854	0.246	0.285	0.0652	−0.00303
Metal Binding and Homeostasis	−0.106	0.0851	0.128	−0.226	−0.22
Mitochondrial Metabolism	0.0665	0.16	0.173	0.0198	−0.0556
Myelination					
Oxidative Stress	0.124	0.309	0.264	0.179	0.062
Proteostasis	−0.0323	−0.0514	−0.0674	0.129	−0.0722
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0124	0.107	0.217	−0.0903	−0.0779
Synapse	−0.000692	0.154	0.226	−0.125	−0.135
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0932	0.412	0.376	−0.0729	−0.0107
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

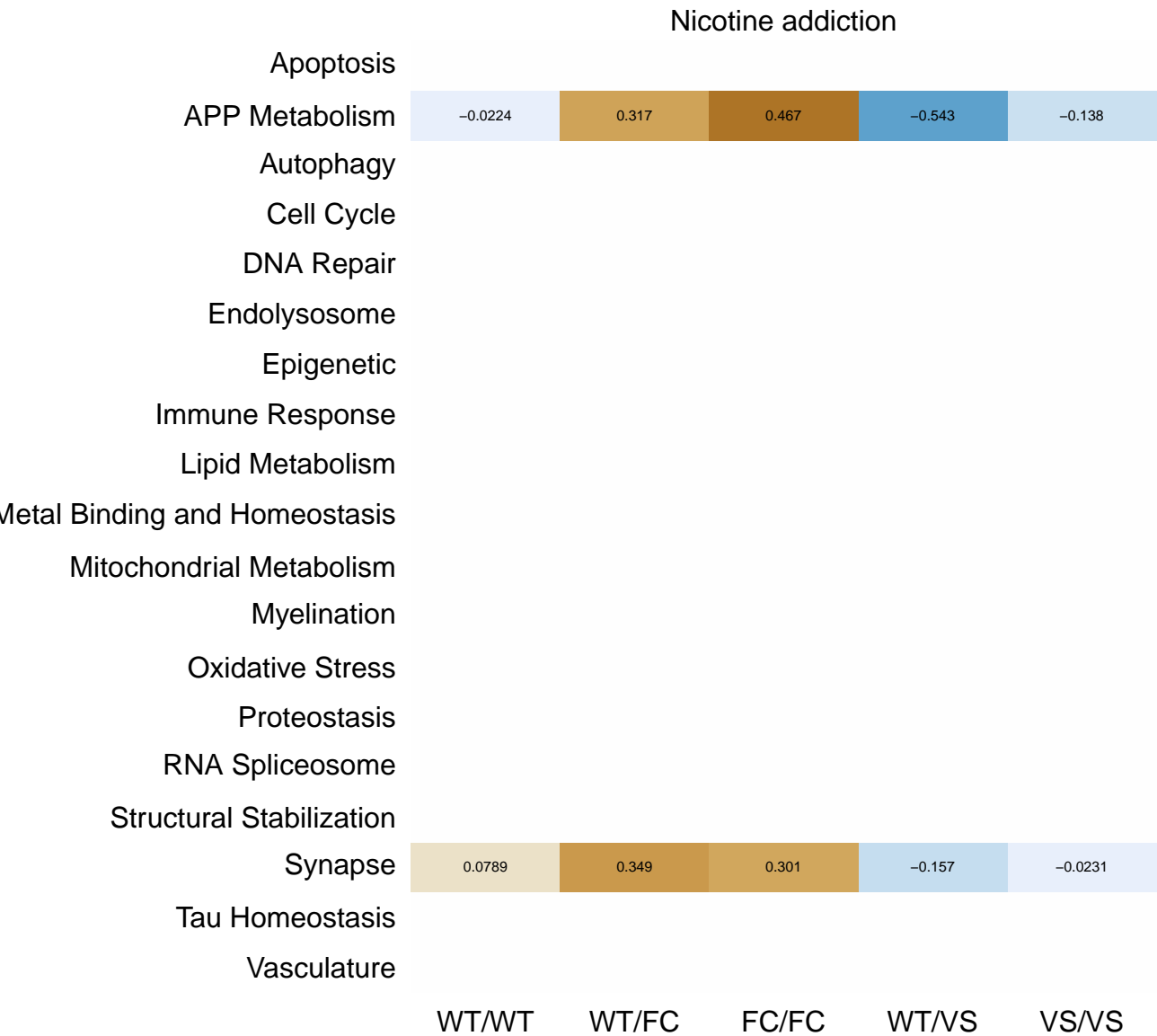
Prion disease					
Apoptosis	−0.0732	0.00449	−0.0461	0.0581	−0.0517
APP Metabolism					
Autophagy	−0.0196	−0.025	−0.061	0.154	0.0293
Cell Cycle	−0.014	−0.00899	−0.0579	0.214	0.0939
DNA Repair	−0.0993	−0.104	−0.112	−0.0314	−0.0614
Endolysosome	0.0438	0.0239	−0.0325	0.289	0.0374
Epigenetic	0.0854	0.258	0.226	0.0851	0.14
Immune Response	0.016	0.0351	−0.00466	0.17	0.0792
Lipid Metabolism	−0.00326	0.0578	0.00843	0.102	0.0226
Metal Binding and Homeostasis	−0.107	−0.161	−0.223	0.112	−0.047
Mitochondrial Metabolism	−0.287	−0.466	−0.543	0.0602	−0.17
Myelination					
Oxidative Stress	−0.159	−0.176	−0.226	0.0851	−0.0201
Proteostasis	−0.0603	−0.174	−0.198	0.181	−0.0345
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0446	0.0353	0.0344	0.209	0.0855
Synapse	−0.00504	0.0261	0.00246	0.0677	0.0272
Tau Homeostasis					
Vasculature	−0.0075	0.0645	0.0646	0.0592	0.0169
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Pathways of neurodegeneration – multiple diseases					
Apoptosis	0.00839	0.0599	0.00584	0.101	0.0178
APP Metabolism	0.00948	0.165	0.132	−0.158	−0.0413
Autophagy	0.0718	0.175	0.137	0.174	0.0324
Cell Cycle	−0.0179	0.0601	0.0486	0.114	0.102
DNA Repair	−0.00582	−0.0413	−0.00633	0.0891	0.0335
Endolysosome	0.079	0.126	0.104	0.182	0.0238
Epigenetic	0.0481	0.138	0.0629	0.0912	0.059
Immune Response	0.0525	0.0931	0.0527	0.159	0.0704
Lipid Metabolism	0.0395	0.0694	0.0611	0.129	0.0141
Metal Binding and Homeostasis	−0.0458	−0.0801	−0.116	0.101	−0.0114
Mitochondrial Metabolism	−0.163	−0.278	−0.343	0.0997	−0.11
Myelination	0.133	0.274	0.169	0.236	0.155
Oxidative Stress	−0.053	−0.0542	−0.128	0.16	0.0272
Proteostasis	0.0252	0.00293	−0.0398	0.178	0.0292
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0488	0.0349	0.0439	0.111	0.0295
Synapse	0.0559	0.104	0.103	0.0521	0.0416
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00461	0.135	0.0886	0.0562	0.0162
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cocaine addiction					
Apoptosis	0.0598	0.181	0.0562	0.23	0.16
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0997	0.284	0.143	0.24	0.138
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.176	0.232	0.212	0.232	0.182
Immune Response	-0.0156	0.163	-0.00994	0.0281	0.0142
Lipid Metabolism	0.15	0.349	0.212	0.0943	0.134
Metal Binding and Homeostasis	0.128	0.327	0.25	0.0827	0.0841
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.151	0.206	0.187	0.184	0.149
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.102	0.167	0.154	0.158	0.193
Synapse	0.0618	0.141	0.0746	0.0958	0.0762
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.145	0.172	0.137	0.391	0.17
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Amphetamine addiction					
Apoptosis	−0.123	0.0493	0.0972	−0.0881	−0.0448
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.0625	0.225	0.143	−0.0756	0.0769
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0258	0.268	0.297	−0.261	0.0687
Epigenetic	0.0756	0.301	0.27	0.0705	0.162
Immune Response	−0.145	0.152	0.118	−0.244	−0.0531
Lipid Metabolism	0.0401	0.393	0.242	−0.0179	0.0654
Metal Binding and Homeostasis	−0.00768	0.222	0.166	−0.0788	0.0415
Mitochondrial Metabolism	−0.0538	0.107	0.0288	−0.0775	−0.00533
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.126	0.21	0.226	0.115	0.0879
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	−0.0912	0.0209	0.0697	−0.1	0.0448
Synapse	0.000814	0.14	0.117	−0.0381	0.0317
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00733	0.239	0.23	−0.0514	0.111
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Morphine addiction					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0288	0.17	0.188	0.0195	0.0194
Epigenetic					
Immune Response	−0.0257	0.0504	0.13	−0.186	−0.12
Lipid Metabolism	0.0365	0.273	0.247	−0.155	−0.046
Metal Binding and Homeostasis	0.0287	0.218	0.226	−0.113	−0.00818
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0342	0.191	0.19	−0.0479	−0.0619
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.047	0.266	0.24	−0.0544	−0.0126
Synapse	0.0102	0.204	0.176	−0.13	0.000688
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.102	0.228	0.199	−0.0243	0.0604
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Alcoholism					
Apoptosis	−0.0324	−0.0378	−0.0638	0.133	0.105
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	0.0351	0.0856	0.0214	0.225	0.133
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0282	0.14	0.185	0.0624	0.0748
Epigenetic	0.0987	0.0663	0.0314	0.245	0.179
Immune Response	−0.0223	0.103	0.0325	0.0303	0.0923
Lipid Metabolism	0.121	0.152	0.0887	0.218	0.167
Metal Binding and Homeostasis	0.0733	0.164	0.0768	0.102	0.0837
Mitochondrial Metabolism	0.0199	0.134	0.0497	0.0873	0.0713
Myelination					
Oxidative Stress	0.118	0.143	0.116	0.25	0.169
Proteostasis	0.0925	0.0837	0.0619	0.225	0.147
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0467	0.117	0.0628	0.178	0.178
Synapse	0.0263	0.0998	0.0538	0.114	0.0848
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0642	0.1	0.0767	0.126	0.176
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Lipid and atherosclerosis					
Apoptosis	0.0766	0.171	0.122	0.121	0.129
APP Metabolism	0.115	0.281	0.303	0.0745	0.108
Autophagy	0.0599	0.192	0.161	0.129	0.156
Cell Cycle	-0.0126	0.117	0.0622	0.127	0.141
DNA Repair	0.0518	0.0689	0.0472	0.127	0.1
Endolysosome	0.0525	0.121	0.0983	0.163	0.138
Epigenetic	0.093	0.217	0.141	0.156	0.147
Immune Response	0.0588	0.108	0.0796	0.125	0.134
Lipid Metabolism	0.0811	0.132	0.118	0.119	0.124
Metal Binding and Homeostasis	0.0692	0.192	0.176	0.0524	0.119
Mitochondrial Metabolism	0.122	0.201	0.177	0.13	0.159
Myelination	0.153	0.301	0.217	0.359	0.369
Oxidative Stress	0.137	0.316	0.204	0.266	0.26
Proteostasis	0.0826	0.205	0.157	0.158	0.175
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0389	0.149	0.109	0.0939	0.145
Synapse	0.0769	0.216	0.173	0.109	0.153
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0634	0.18	0.152	0.105	0.102
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Fluid shear stress and atherosclerosis					
Apoptosis	0.121	0.262	0.218	0.151	0.159
APP Metabolism					
Autophagy	0.121	0.249	0.211	0.208	0.208
Cell Cycle	0.0625	0.177	0.139	0.181	0.203
DNA Repair	−0.00472	0.0598	0.0144	0.065	0.0542
Endolysosome	0.11	0.0894	0.114	0.227	0.171
Epigenetic	0.126	0.308	0.219	0.164	0.21
Immune Response	0.085	0.146	0.126	0.181	0.157
Lipid Metabolism	0.103	0.171	0.165	0.143	0.153
Metal Binding and Homeostasis	0.0749	0.19	0.192	0.152	0.151
Mitochondrial Metabolism	0.155	0.226	0.191	0.269	0.214
Myelination	0.201	0.267	0.171	0.485	0.417
Oxidative Stress	0.0988	0.199	0.111	0.3	0.185
Proteostasis	0.111	0.135	0.0959	0.297	0.203
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0735	0.126	0.11	0.179	0.18
Synapse	0.152	0.252	0.205	0.215	0.232
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.053	0.14	0.123	0.126	0.132
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Hypertrophic cardiomyopathy					
Apoptosis	0.126	0.316	0.235	0.091	0.0902
APP Metabolism					
Autophagy	0.218	0.467	0.419	0.0796	0.0553
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.156	0.132	0.149	0.14	0.174
Epigenetic	0.249	0.321	0.303	0.262	0.218
Immune Response	0.124	0.22	0.224	0.0442	0.0855
Lipid Metabolism	−0.000872	0.0602	0.107	−0.0567	−0.0184
Metal Binding and Homeostasis	−0.0552	0.0698	0.0965	−0.21	−0.0988
Mitochondrial Metabolism	0.173	0.349	0.354	−0.0408	0.0556
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0943	0.193	0.234	−0.0101	0.0532
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0181	0.0532	0.074	−0.00542	−0.00543
Synapse	0.0717	0.161	0.196	−0.0688	0.0407
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.00948	0.082	0.115	−0.0872	−0.0299
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Arrhythmogenic right ventricular cardiomyopathy					
Apoptosis	0.0334	0.272	0.122	−0.00208	0.0293
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.151	0.248	0.129	0.165	0.186
Immune Response	0.0485	0.202	0.192	−0.0927	0.0253
Lipid Metabolism	−0.000142	0.0892	0.155	−0.135	−0.027
Metal Binding and Homeostasis	−0.0215	0.109	0.154	−0.201	−0.0806
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0777	0.161	0.2	−0.0493	0.0417
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0674	0.131	0.175	−0.0144	0.00302
Synapse	0.0541	0.15	0.166	−0.0777	0.0358
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0539	0.197	0.239	−0.13	−0.033
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

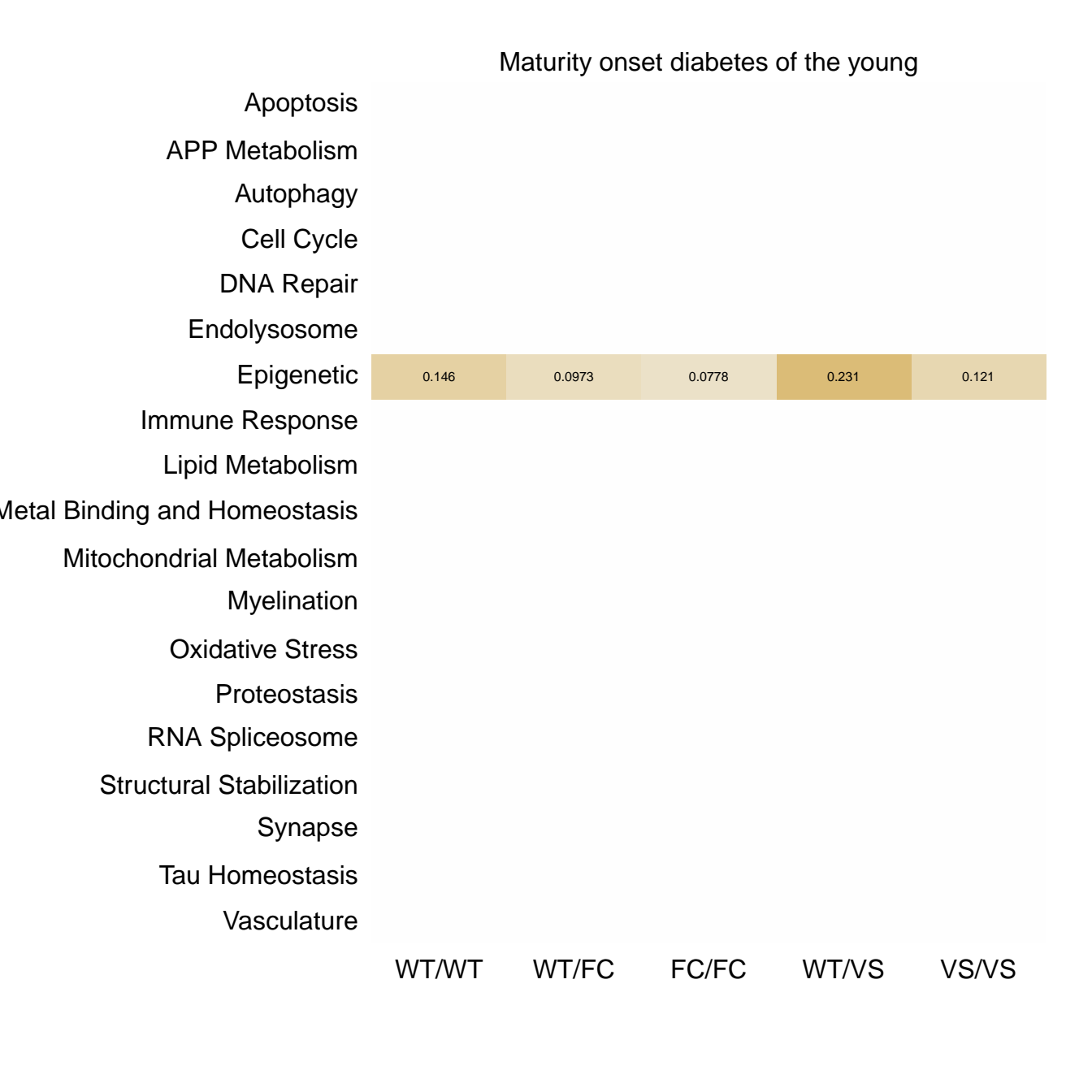
Dilated cardiomyopathy					
Apoptosis	0.105	0.248	0.145	0.0742	0.073
APP Metabolism					
Autophagy	0.216	0.315	0.278	0.159	0.0107
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.162	0.185	0.189	0.105	0.134
Epigenetic					
Immune Response	0.122	0.222	0.203	0.00482	0.0355
Lipid Metabolism	0.0178	0.113	0.137	-0.0961	-0.0403
Metal Binding and Homeostasis	-0.0165	0.0937	0.105	-0.155	-0.0854
Mitochondrial Metabolism	0.204	0.321	0.255	-0.0328	0.033
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0771	0.124	0.138	0.000774	0.0112
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0112	0.0183	0.0458	-0.00633	-0.0206
Synapse	0.0559	0.133	0.155	-0.0807	0.0171
Tau Homeostasis					
Vasculature	-0.00395	0.0633	0.0848	-0.111	-0.0481
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Diabetic cardiomyopathy					
Apoptosis	0.0931	0.142	0.117	0.186	0.0509
APP Metabolism	0.129	0.367	0.313	0.138	0.0658
Autophagy	0.148	0.221	0.21	0.201	0.158
Cell Cycle	0.0974	0.221	0.21	0.0753	0.119
DNA Repair					
Endolysosome	0.0653	0.101	0.1	0.218	0.0763
Epigenetic	0.156	0.408	0.366	0.00544	0.0801
Immune Response	0.0912	0.176	0.183	0.0978	0.0823
Lipid Metabolism	0.0949	0.166	0.127	0.157	0.0417
Metal Binding and Homeostasis	−0.0622	−0.097	−0.118	0.0785	−0.0482
Mitochondrial Metabolism	−0.263	−0.394	−0.476	0.0576	−0.16
Myelination					
Oxidative Stress	−0.0366	−0.0552	−0.0859	0.149	0.0308
Proteostasis	0.049	0.0435	0.0459	0.145	0.00828
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.116	0.141	0.196	0.166	0.108
Synapse	0.0696	0.154	0.153	0.0812	0.0539
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0781	0.179	0.183	0.051	0.0146
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Viral myocarditis					
Apoptosis	0.0246	-0.0679	0.0207	0.0359	0.0148
APP Metabolism					
Autophagy	0.0701	0.108	0.246	0.135	0.0797
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.119	0.0876	0.121	0.168	0.14
Epigenetic					
Immune Response	0.0948	0.103	0.156	0.11	0.139
Lipid Metabolism	0.0966	0.0733	0.172	0.0321	0.048
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism	0.0825	0.124	0.182	0.0701	0.0514
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0258	0.0604	0.106	0.0189	-0.000298
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.0366	0.0611	0.109	0.0242	0.0038
Synapse	0.0622	0.0976	0.187	-0.00494	0.0262
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0236	0.00526	0.0933	0.0317	-0.0278
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Type II diabetes mellitus					
Apoptosis	0.0747	0.313	0.311	−0.00855	−0.0182
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic	0.094	0.358	0.367	0.006	0.0213
Immune Response	0.104	0.281	0.295	−0.00218	0.0184
Lipid Metabolism	0.15	0.373	0.349	9.71e−05	0.0633
Metal Binding and Homeostasis	0.0973	0.135	0.241	−0.196	−0.0478
Mitochondrial Metabolism	0.0885	0.248	0.23	−0.0302	−0.014
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.221	0.326	0.28	0.243	0.173
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.161	0.344	0.338	0.068	0.0592
Synapse	0.158	0.334	0.436	−0.111	0.0241
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.128	0.289	0.316	−0.0609	−0.0584
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Type I diabetes mellitus					
Apoptosis	0.0332	−0.0461	−0.0116	0.113	0.0766
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome	0.0488	0.0942	0.0676	0.158	0.161
Epigenetic					
Immune Response	0.0448	0.0728	0.0481	0.115	0.144
Lipid Metabolism	0.0305	−0.00143	0.0318	0.0289	0.0297
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.022	0.0139	0.0855	0.0283	0.0993
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS



Alcoholic liver disease					
Apoptosis	0.0325	0.201	0.107	0.0602	0.0406
APP Metabolism					
Autophagy	0.0716	0.36	0.307	−0.00241	0.0552
Cell Cycle	−0.00226	0.182	0.149	0.0421	−0.00586
DNA Repair	−0.139	−0.0506	−0.0712	−0.178	−0.137
Endolysosome	0.0991	0.119	0.0888	0.214	0.106
Epigenetic	0.0575	0.267	0.163	0.0433	0.0404
Immune Response	0.0845	0.137	0.0787	0.174	0.111
Lipid Metabolism	0.0902	0.125	0.115	0.166	0.0727
Metal Binding and Homeostasis	0.0659	0.214	0.201	0.0429	0.0405
Mitochondrial Metabolism	0.111	0.182	0.22	0.137	0.0962
Myelination					
Oxidative Stress	0.037	0.396	0.296	−0.0143	0.0665
Proteostasis	0.148	0.327	0.277	0.12	0.141
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.12	0.295	0.211	0.121	0.144
Synapse	0.124	0.234	0.2	0.227	0.174
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.136	0.176	0.111	0.224	0.127
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Non-alcoholic fatty liver disease					
Apoptosis	0.078	0.183	0.151	0.19	0.0763
APP Metabolism					
Autophagy	0.164	0.334	0.283	0.223	0.189
Cell Cycle	0.102	0.111	0.121	0.299	0.155
DNA Repair					
Endolysosome	−0.0521	0.077	0.0664	0.149	0.0366
Epigenetic	0.188	0.316	0.252	0.289	0.171
Immune Response	0.0677	0.144	0.12	0.191	0.108
Lipid Metabolism	0.121	0.173	0.166	0.224	0.132
Metal Binding and Homeostasis	−0.0724	−0.15	−0.215	0.225	−0.0316
Mitochondrial Metabolism	−0.258	−0.446	−0.517	0.0794	−0.172
Myelination					
Oxidative Stress	−0.143	−0.00659	−0.123	0.131	−0.0426
Proteostasis	0.101	0.168	0.0959	0.332	0.139
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.123	0.317	0.267	0.186	0.124
Synapse	0.127	0.201	0.175	0.238	0.173
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.12	0.241	0.212	0.258	0.146
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Insulin resistance					
Apoptosis	0.146	0.296	0.261	0.0835	0.117
APP Metabolism					
Autophagy	0.225	0.473	0.451	0.0714	0.223
Cell Cycle	0.135	0.236	0.213	0.124	0.147
DNA Repair					
Endolysosome	0.242	0.289	0.335	0.272	0.262
Epigenetic	0.105	0.213	0.198	0.04	0.0987
Immune Response	0.147	0.296	0.261	0.0739	0.11
Lipid Metabolism	0.161	0.242	0.21	0.118	0.12
Metal Binding and Homeostasis	0.158	0.267	0.266	0.159	0.174
Mitochondrial Metabolism	0.15	0.294	0.281	0.0291	0.145
Myelination					
Oxidative Stress	0.199	0.473	0.313	0.124	0.188
Proteostasis	0.228	0.254	0.248	0.237	0.228
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.148	0.291	0.269	0.0888	0.148
Synapse	0.161	0.384	0.336	0.0831	0.132
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.246	0.351	0.351	0.257	0.249
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

AGE–RAGE signaling pathway in diabetic complications					
Apoptosis	0.122	0.202	0.168	0.151	0.162
	0.167	0.266	0.228	0.202	0.249
APP Metabolism	0.0536	0.114	0.125	0.153	0.156
Autophagy	−0.094	0.0185	−0.00321	−0.094	0.0263
Cell Cycle	0.0165	0.133	0.112	0.129	0.0978
DNA Repair	0.142	0.32	0.253	0.123	0.154
Endolysosome	0.0889	0.133	0.126	0.104	0.127
Epigenetic	0.0922	0.157	0.149	0.0932	0.114
Immune Response	0.0207	0.0461	0.116	−0.0402	0.0695
Lipid Metabolism	0.125	0.203	0.201	0.077	0.133
Metal Binding and Homeostasis	0.175	0.269	0.206	0.236	0.223
Mitochondrial Metabolism	0.0761	0.12	0.116	0.135	0.149
Myelination	0.127	0.146	0.153	0.141	0.158
Oxidative Stress	0.116	0.177	0.184	0.101	0.167
Proteostasis	0.13	0.147	0.162	0.121	0.152
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization					
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Cushing syndrome					
Apoptosis	0.0456	0.24	0.162	0.0106	0.0856
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle	−0.00867	0.172	0.129	0.00927	0.0804
DNA Repair	−0.0679	0.0829	0.109	−0.0902	0.0222
Endolysosome	0.118	0.199	0.136	0.122	0.121
Epigenetic	−0.00149	0.11	0.0718	−0.0272	0.0424
Immune Response	0.0806	0.16	0.107	0.0457	0.115
Lipid Metabolism	0.0814	0.21	0.187	0.0246	0.0786
Metal Binding and Homeostasis	0.107	0.242	0.226	0.0057	0.0641
Mitochondrial Metabolism	0.0585	0.142	0.142	−0.0311	0.0226
Myelination					
Oxidative Stress	0.125	0.237	0.182	0.132	0.156
Proteostasis	0.117	0.184	0.153	0.103	0.0958
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.113	0.205	0.146	0.0885	0.102
Synapse	0.129	0.249	0.187	0.0631	0.121
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0922	0.207	0.136	0.0935	0.135
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

EGFR tyrosine kinase inhibitor resistance					
Apoptosis	0.122	0.262	0.2	0.0935	0.144
APP Metabolism					
Autophagy	0.247	0.387	0.339	0.284	0.248
Cell Cycle	0.147	0.212	0.165	0.18	0.273
DNA Repair	0.168	0.221	0.264	0.248	0.204
Endolysosome	0.165	0.273	0.285	0.216	0.199
Epigenetic	0.112	0.297	0.17	0.0735	0.219
Immune Response	0.144	0.268	0.214	0.0998	0.174
Lipid Metabolism	0.157	0.273	0.248	0.0927	0.159
Metal Binding and Homeostasis	0.143	0.215	0.205	0.061	0.12
Mitochondrial Metabolism	0.205	0.319	0.28	0.175	0.252
Myelination	0.315	0.424	0.35	0.298	0.313
Oxidative Stress	0.191	0.349	0.244	0.208	0.294
Proteostasis	0.132	0.208	0.145	0.188	0.187
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.171	0.298	0.231	0.148	0.19
Synapse	0.126	0.251	0.191	0.0989	0.163
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.153	0.307	0.261	0.0574	0.158
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Platinum drug resistance					
Apoptosis	0.0166	0.124	0.112	0.0747	0.0583
APP Metabolism					
Autophagy	0.131	0.229	0.216	0.323	0.168
Cell Cycle	−0.0403	0.0122	0.0449	0.101	0.048
DNA Repair	−0.0218	0.0578	0.0824	0.0557	0.0268
Endolysosome	0.0384	0.0793	0.146	0.146	0.0115
Epigenetic	0.0812	0.221	0.204	0.0919	0.0704
Immune Response	0.0152	0.0997	0.117	0.105	0.0803
Lipid Metabolism	0.101	0.143	0.174	0.194	0.125
Metal Binding and Homeostasis	−0.1	0.0713	0.0784	−0.0681	−0.0673
Mitochondrial Metabolism	0.151	0.225	0.236	0.304	0.167
Myelination					
Oxidative Stress	−0.0172	0.108	0.134	0.109	0.0494
Proteostasis	0.0505	0.095	0.0816	0.168	0.129
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.132	0.3	0.276	0.207	0.142
Synapse	0.00438	0.0477	0.0687	0.207	0.146
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.0279	0.191	0.158	0.102	0.0709
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Antifolate resistance					
Apoptosis					
APP Metabolism					
Autophagy					
Cell Cycle					
DNA Repair					
Endolysosome					
Epigenetic					
Immune Response	0.132	0.178	0.0552	0.128	0.0981
Lipid Metabolism	0.0966	0.13	0.0772	0.121	0.0848
Metal Binding and Homeostasis					
Mitochondrial Metabolism					
Myelination					
Oxidative Stress					
Proteostasis	0.0233	0.148	0.167	0.12	0.069
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.101	0.163	0.101	0.22	0.149
Synapse					
Tau Homeostasis					
Vasculature					
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS

Endocrine resistance					
Apoptosis	0.0875	0.25	0.2	0.0617	0.102
APP Metabolism					
Autophagy	0.25	0.359	0.325	0.341	0.251
Cell Cycle	0.0223	0.116	0.0932	0.152	0.119
DNA Repair	0.0136	0.0949	0.0665	0.117	0.0852
Endolysosome	0.155	0.234	0.2	0.231	0.167
Epigenetic	0.0369	0.255	0.214	0.0105	0.0499
Immune Response	0.153	0.275	0.225	0.135	0.143
Lipid Metabolism	0.135	0.321	0.284	0.0624	0.112
Metal Binding and Homeostasis	0.129	0.222	0.159	0.132	0.0752
Mitochondrial Metabolism	0.178	0.258	0.203	0.208	0.176
Myelination	0.26	0.279	0.312	0.326	0.289
Oxidative Stress	0.163	0.348	0.272	0.306	0.229
Proteostasis	0.139	0.217	0.166	0.241	0.173
RNA Spliceosome					
Structural Stabilization	0.164	0.254	0.213	0.215	0.194
Synapse	0.146	0.27	0.238	0.096	0.13
Tau Homeostasis					
Vasculature	0.124	0.279	0.248	0.0694	0.0935
	WT/WT	WT/FC	FC/FC	WT/VS	VS/VS