

```

# !pip install networkx
# !pip install matplotlib
# !pip install tqdm

import random
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt
from itertools import combinations, groupby

```

## Generating graph

```

# You can use this function to generate a random graph with
# 'num_of_nodes' nodes
# and 'completeness' probability of an edge between any two nodes
# If 'directed' is True, the graph will be directed
# If 'draw' is True, the graph will be drawn
def gnp_random_connected_graph(num_of_nodes: int,
                               completeness: int,
                               directed: bool = False,
                               draw: bool = False):
    """
    Generates a random graph, similarly to an Erdős-Rényi
    graph, but enforcing that the resulting graph is conneted (in case
    of undirected graphs)
    """

    if directed:
        G = nx.DiGraph()
    else:
        G = nx.Graph()
    edges = combinations(range(num_of_nodes), 2)
    G.add_nodes_from(range(num_of_nodes))

    for _, node_edges in groupby(edges, key = lambda x: x[0]):
        node_edges = list(node_edges)
        random_edge = random.choice(node_edges)
        if random.random() < 0.5:
            random_edge = random_edge[::-1]
        G.add_edge(*random_edge)
        for e in node_edges:
            if random.random() < completeness:
                G.add_edge(*e)

    for (u,v,w) in G.edges(data=True):
        w['weight'] = random.randint(-5, 20)

    if draw:
        plt.figure(figsize=(10,6))

```

```

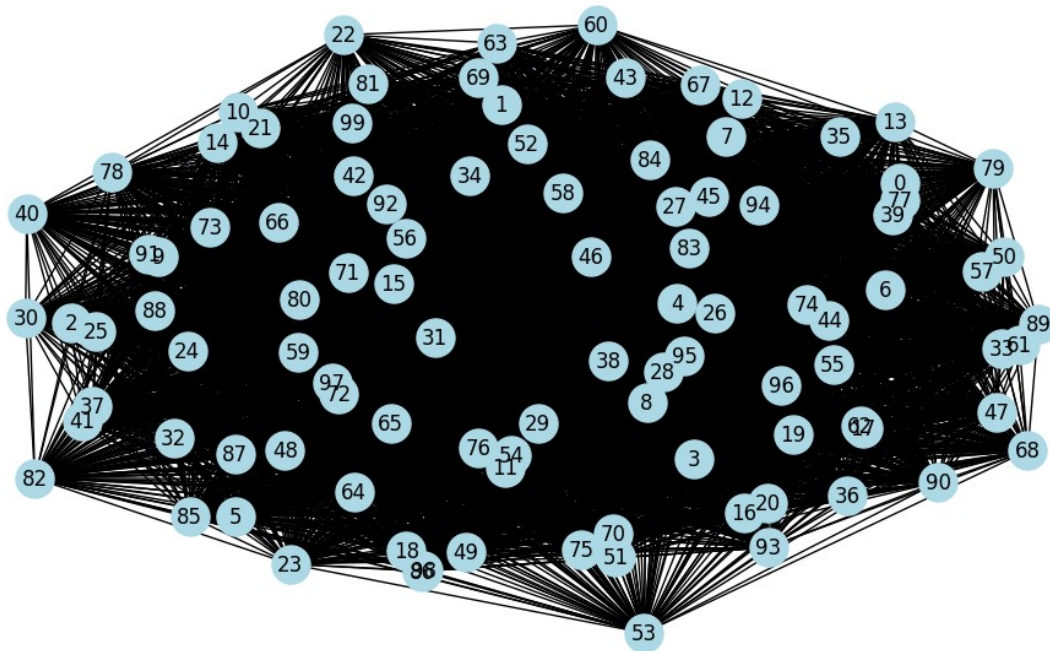
if directed:
    # draw with edge weights
    pos = nx.arf_layout(G)
    nx.draw(G, pos, node_color='lightblue',
            with_labels=True,
            node_size=500,
            arrowsize=20,
            arrows=True)
    labels = nx.get_edge_attributes(G, 'weight')
    nx.draw_networkx_edge_labels(G, pos, edge_labels=labels)

else:
    nx.draw(G, node_color='lightblue',
            with_labels=True,
            node_size=500)

return G

G = gnp_random_connected_graph(100, 1, False, True)

```

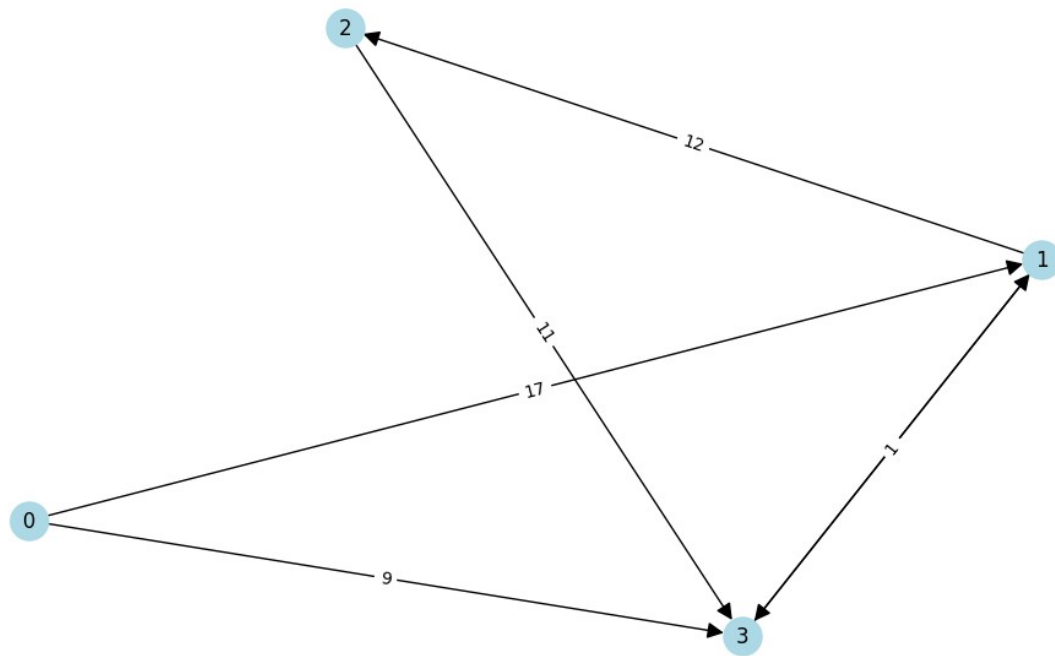


## For Task 2

```

G = gnp_random_connected_graph(4, 0.5, True, True)

```



## Bellman-Ford algorithm

```
from networkx.algorithms import bellman_ford_predecessor_and_distance
```

```
G = gnp_random_connected_graph(4, 0.5, True, True)
```

```
# pred is a dictionary of predecessors, dist is a dictionary of distances
```

```
try:
```

```
    pred, dist = bellman_ford_predecessor_and_distance(G, 0)
```

```
    for k, v in dist.items():
```

```
        print(f"Distance to {k}:", v)
```

```
except:
```

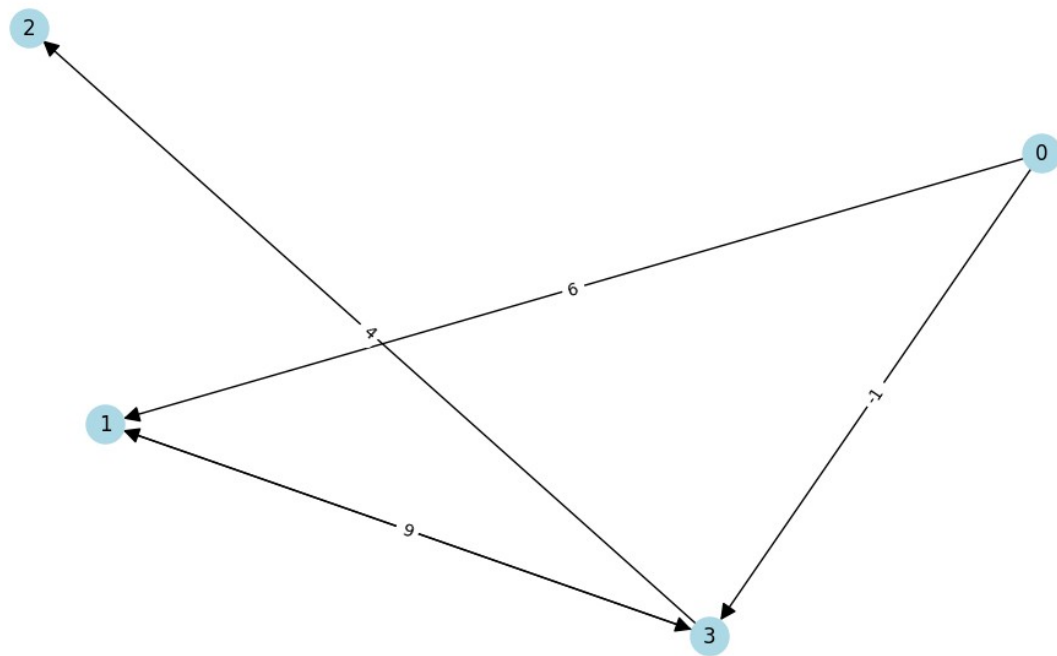
```
    print("Negative cycle detected")
```

```
Distance to 0: 0
```

```
Distance to 3: -1
```

```
Distance to 1: 6
```

```
Distance to 2: 3
```



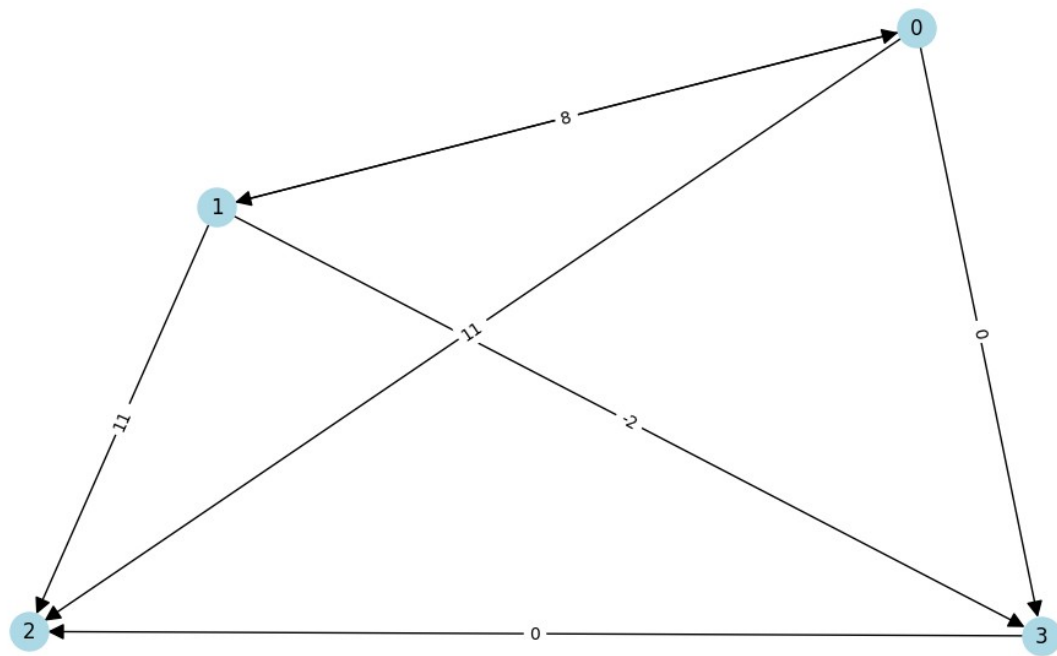
```

def bellman_ford(G, start=0):
    distances=[float('inf') for _ in range(len(G.nodes))]
    distances[start]=0
    pred=[[] for _ in range(len(G.nodes))]
    for _ in range(len(G.nodes)-1):
        for u,v,w in G.edges(data=True):
            if distances[u]+w['weight']<distances[v]:
                distances[v]=distances[u]+w['weight']
                pred[v]=[u]
            elif distances[u]+w['weight']==distances[v]:
                if u not in pred[v]:
                    pred[v].append(u)
    for u,v,w in G.edges(data=True):
        if distances[u]+w['weight']<distances[v]:
            return 'Negative cycle detected', None
    return {i:v for i,v in enumerate(pred)}, {i:v for i,v in
    enumerate(distances)}

G = gnp_random_connected_graph(4, 0.5, True, True)
print(bellman_ford_predecessor_and_distance(G,0))
bellman_ford(G,0)

({0: [], 1: [0], 2: [3], 3: [1]}, {0: 0, 1: 0, 2: -2, 3: -2})
({0: [], 1: [0], 2: [3], 3: [1]}, {0: 0, 1: 0, 2: -2, 3: -2})

```



## Floyd-Warshall algorithm

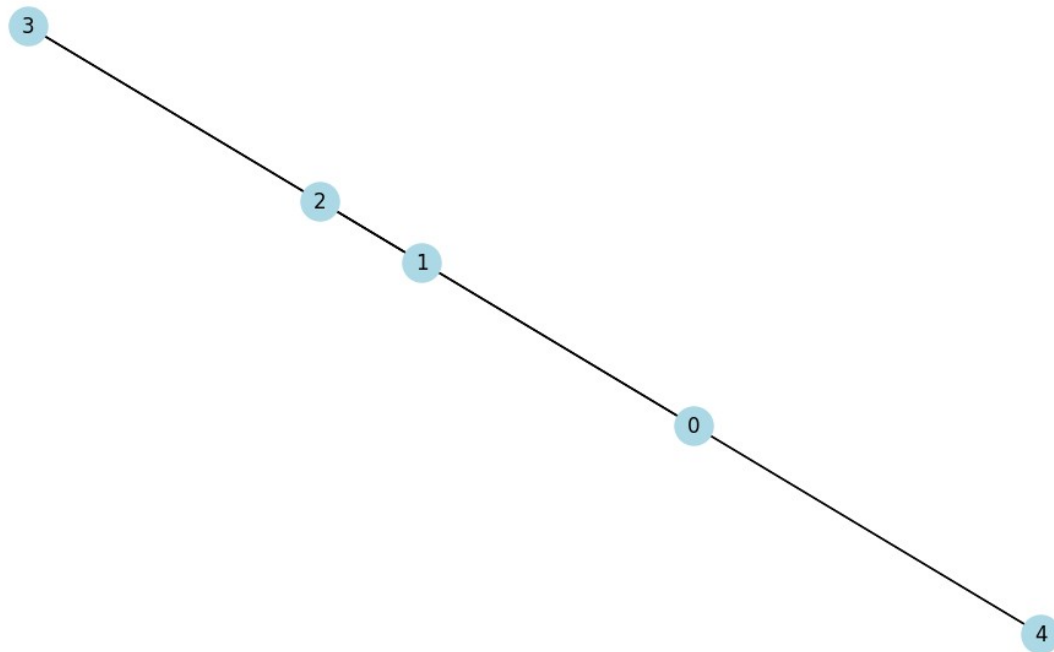
```

from networkx.algorithms import
floyd_warshall_predecessor_and_distance

G = gnp_random_connected_graph(5, 0.5, False, True)
for e, v, w in G.edges(data=True):
    print(e, v, w['weight'])
print(G)

0 4 17
0 1 12
0 2 9
1 3 6
1 2 8
2 3 14
3 4 -2
Graph with 5 nodes and 7 edges

```



```

# pred is a dictionary of predecessors, dist is a dictionary of
distances dictionaries
try:
    pred, dist = floyd_warshall_predecessor_and_distance(G)
    for k, v in dist.items():
        print(f"Distances with {k} source:", dict(v))
except:
    print("Negative cycle detected")

Distances with 0 source: {0: 0, 4: 12, 1: 12, 2: 9, 3: 14}
Distances with 1 source: {1: 0, 0: 12, 3: 2, 2: 8, 4: 0}
Distances with 2 source: {2: 0, 0: 9, 1: 8, 3: 10, 4: 8}
Distances with 3 source: {3: -4, 1: 2, 2: 10, 4: -6, 0: 14}
Distances with 4 source: {4: -8, 0: 12, 3: -6, 1: 0, 2: 8}

def create_matrix(graph):
    is_directed = isinstance(graph, nx.DiGraph)
    num_nodes = len(graph.nodes)
    matrix = [[float('inf')] * num_nodes for _ in range(num_nodes)]

    for u, v, w in graph.edges(data=True):
        matrix[u][v] = w['weight']
        if not is_directed:
            matrix[v][u] = w['weight']

    for i in range(num_nodes):
        matrix[i][i] = 0

```

```

    return matrix

def floyd_warshall(graph):
    matrix = create_matrix(graph)
    num_nodes = len(matrix)

    for k in range(num_nodes):
        for i in range(num_nodes):
            for j in range(num_nodes):
                if matrix[i][k] + matrix[k][j] < matrix[i][j]:
                    matrix[i][j] = matrix[i][k] + matrix[k][j]

    for i in range(num_nodes):
        if matrix[i][i] < 0:
            return "Negative cycle occurred"
    res_matrix={}
    for i in range(num_nodes):
        res_matrix[i]={}
        for k in range(num_nodes):
            res_matrix[i][k]=matrix[i][k]
    return res_matrix

floyd_warshall(G)

'Negative cycle occurred'

import time
from tqdm import tqdm

NUM_OF_ITERATIONS=100
def count_time(function, size):
    time_taken = 0
    for _ in tqdm(range(NUM_OF_ITERATIONS)):

        # note that we should not measure time of graph creation
        G = gnp_random_connected_graph(size, 0.4, False)

        start = time.time()
        try:
            function(G, 0)
        except:
            pass
        end = time.time()

        time_taken += end - start

    return time_taken / NUM_OF_ITERATIONS

```

## Bellman Ford

Спочатку ініціалізуємо список ваг, де початковій вершині присвоюємо значення 0, а решті нескінченність. Ініціалізуємо список індексів. Далі відбувається "релаксація" ребер, порівнюючи попередньо записані довжини шляху між вершинами, при знаходженні коротшого шляху, записуємо відповідні значення в список ваг та список індексів. Опісля проводимо перевірку на наявність від'ємного циклу.

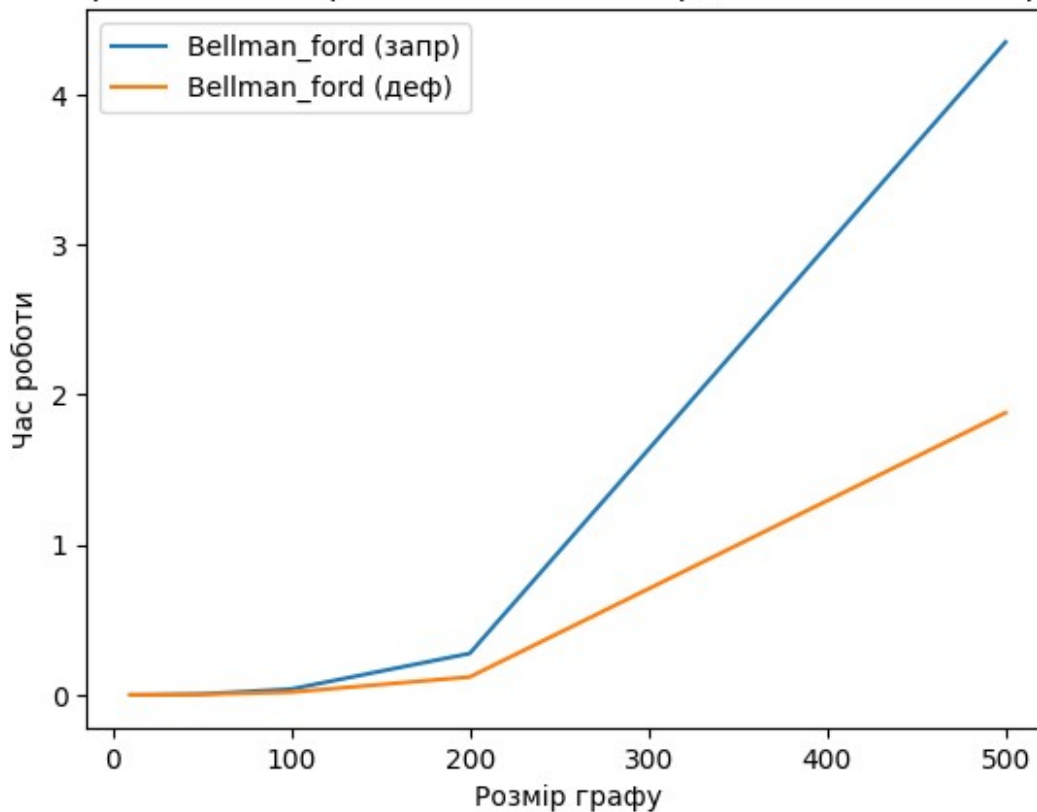
```
graph_sizes = [10, 20, 50, 100, 200, 500]
bellman_ford_mine = [count_time(bellman_ford, size) for size in
graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала
(запрограмованого)
bellman_ford_def = [count_time(bellman_ford_predecessor_and_distance,
size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму
Крускала (дефолтного)

plt.plot(graph_sizes, bellman_ford_mine, label='Bellman_ford (зап)')
plt.plot(graph_sizes, bellman_ford_def, label='Bellman_ford (деф)')
plt.xlabel('Розмір графу')
plt.ylabel('Час роботи')
plt.title('Порівняння алгоритмів Беллмана Форда та Беллмана Форда')
plt.legend()
plt.show()
```

100%		100/100	[00:00<00:00, 2696.23it/s]
100%		100/100	[00:00<00:00, 1895.16it/s]
100%		100/100	[00:00<00:00, 170.32it/s]
100%		100/100	[00:04<00:00, 24.10it/s]
100%		100/100	[00:28<00:00, 3.51it/s]
100%		100/100	[07:21<00:00, 4.42s/it]
100%		100/100	[00:00<00:00, 8638.61it/s]
100%		100/100	[00:00<00:00, 2258.10it/s]
100%		100/100	[00:00<00:00, 276.33it/s]
100%		100/100	[00:02<00:00, 49.85it/s]
100%		100/100	[00:12<00:00, 7.86it/s]
100%		100/100	[03:14<00:00, 1.94s/it]



## Порівняння алгоритмів Беллмана Форда та Беллмана Форда



Алгоритм працює чудово у всіх випадках окрім надто великих, але тоді вже мариці надто великі і важко справитись навіть вбудованому алгоритмові. Погіршення можуть виникати через не повністю оптимізований код, але ми не знаємо як його покращити.

## Floyd Warshall

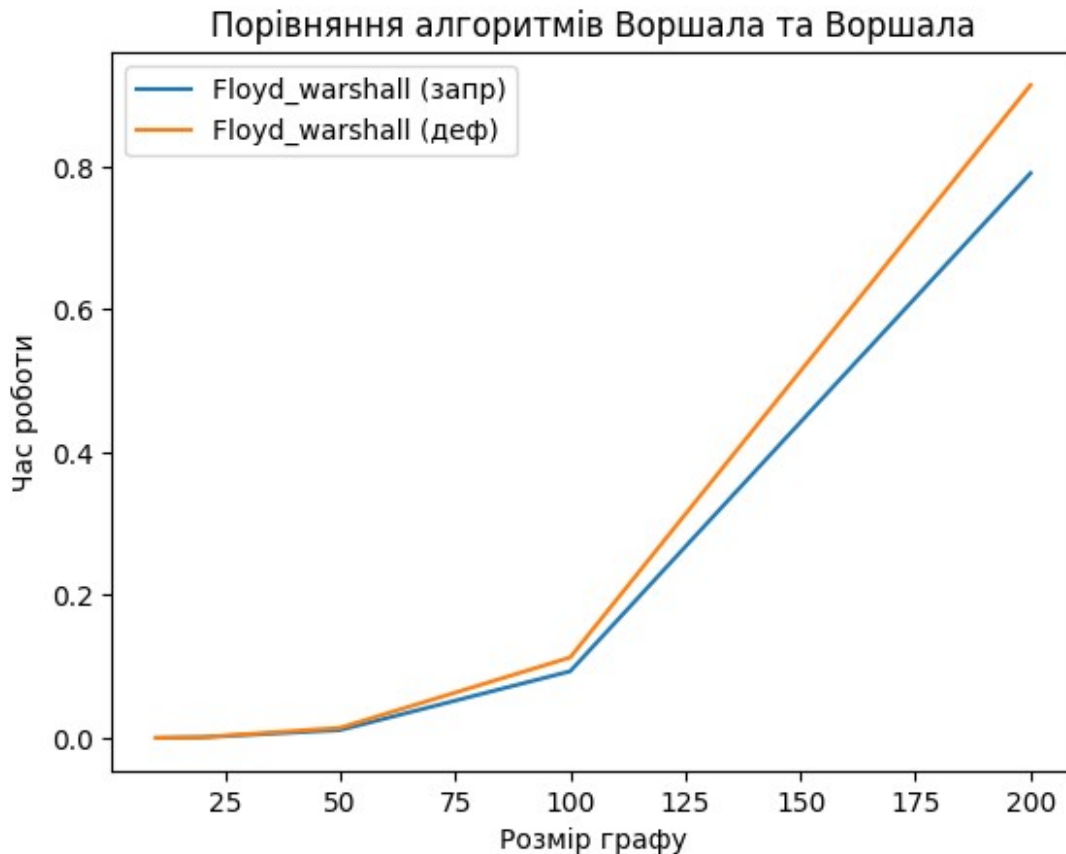
Зробили допоміжні функції, які створюють матрицю ваг. Потім код брав кожен рядок і відповідний стовпець і шукав нові значення за допомогою додавання значень на цих рядках і стовпцях, так робив доки не завершувалась матриця, потім перетворював в словник і повертав. Якщо якась вершина має до себе шлях менше 1, то код повертає "Negative cycle occurred".

```
graph_sizes = [10, 20, 50, 100, 200]
warshall_mine = [count_time(floyd_warshall, size) for size in
graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала
(запрограмованого)
warshall_def = [count_time(floyd_warshall_predecessor_and_distance,
size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму
Крускала (дефолтного)

plt.plot(graph_sizes, warshall_mine, label='Floyd_warshall (зап)')
plt.plot(graph_sizes, warshall_def, label='Floyd_warshall (деф)')
plt.xlabel('Розмір графу')
```

```
plt.ylabel('Час роботи')
plt.title('Порівняння алгоритмів Воршала та Воршала')
plt.legend()
plt.show()
```

```
100%|██████████| 100/100 [00:00<00:00, 7378.49it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:00<00:00, 988.53it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:01<00:00, 86.15it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:09<00:00, 10.46it/s]
100%|██████████| 100/100 [01:19<00:00, 1.25it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:00<00:00, 6138.31it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:00<00:00, 930.15it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:01<00:00, 67.95it/s]
100%|██████████| 100/100 [00:11<00:00, 8.69it/s]
100%|██████████| 100/100 [01:32<00:00, 1.08it/s]
```



З кожним разом алгоритм все сповільнювався і сповільнювався через розмір матриці, тож ми мусли зменшити максимальний розмір до 200, адже потім на виконання одного алгоритму йшло 15-20 секунд. Це може бути пов'язано з створенням матриці, та доволі примітивним обходом її, але наші алгоритми доволі схожі, похибка мінімальна