

Informe de la práctica: Laboratorio Python HPC-Bio-Mendel

En esta práctica he trabajado con notebooks en Python y con la ejecución en un entorno HPC mediante SLURM. Ha sido útil comprobar cómo se integran los resultados en Markdown dentro del notebook, ya que así todo queda documentado y más fácil de revisar. También me ha parecido interesante la actividad extra de cálculo de π con Monte Carlo, porque demuestra cómo un método sencillo de simulación puede aproximar valores reales y reforzar la utilidad de la aleatoriedad en problemas matemáticos. Además, he mejorado la organización de mi repositorio en GitHub, cuidando los nombres de los archivos y asegurando que estén completos y bien estructurados. Por otro lado, he tenido algunas dudas sobre qué archivos eran realmente necesarios para la entrega, especialmente con los ficheros de salida de SLURM, que finalmente no resultaban imprescindibles. También me encontré con dificultades al editar y volver a subir notebooks, lo que hizo el proceso más lento de lo esperado. En algunos casos los resultados de `%timeit` no eran tan claros al trabajar con valores grandes, lo que me obligó a repetir pruebas para interpretarlos mejor. A pesar de estos detalles, he conseguido completar la práctica con todos los materiales requeridos, incluyendo los notebooks, el script de envío, la versión `.py` y el informe final.