Majority Cascade in Cost Networks

Corso di **Reti Sociali**, a.a. 2023-2024 **proff. Luisa Gargano, Adele Anna Rescigno**

Antonio Gravino (matr. 0522501502) Dario Trinchese (matr. 0522501493) Carmine Napolitano (matr. 0522501538)



GitHub Repository: /cost-majority-cascade/

Indice dei contenuti

1	Dat	Dataset utilizzato 3					
	1.1	Descrizione del dataset	3				
	1.2	Caratteristiche del dataset	3				
	1.3	Visualizzazione del dataset	4				
	1.4	Scelta della rete	4				
2	Imp	plementazione	5				
	2.1	Algoritmo Costs-Seeds-Greedy	5				
		2.1.1 Funzioni submodulari	7				
	2.2	Algoritmo Weighted Target Set Selection (WTSS)	8				
	2.3	Algoritmo My-Seeds	10				
	2.4	Classe SpreadingAlgorithm	11				
	2.5	Funzioni di costo e classe CostFunctionFactory	14				
	2.6	Processo di diffusione e classe CascadeProcess	16				
	2.7	Caricamento della rete e classe NetworkLoader	17				
	2.8	Networking Mocking con Erdos-Reyni	19				
	2.9	Script Handler	20				
		2.9.1 CLI Parser	21				
		2.9.2 Classe SpreadingProcess	22				
		2.9.3 Configurazione programmatica	24				
		2.9.4 Salvare i risultati	25				
3	Inst	callazione ed utilizzo	27				
	3.1	Dipendenze e librerie	29				
4	Rist	ultati e conclusioni	30				
	4.1	Risultati per Cost Seeds Greedy	30				
	4.2	Risultati per Weighted Target Set Selection	32				
	4.3	Risultati per MySeeds	33				
	4.4	Processo di influenza: esempi di grafi					
	4.5	Conclusioni	35				
5	Bib	liografia e riferimenti	37				

1 Dataset utilizzato

1.1 Descrizione del dataset

Il dataset scelto per il progetto è *egoFacebook*, disponibile su **SNAP** (Stanford Network Analysis Platform): una libreria attiva dal 2004 che tutt'oggi è in crescita organica grazie all'attività di ricerca nell'analisi di grandi reti sociali e informative. In generale, la libreria offre dataset di reti di vario genere: dai dati relativi a Facebook, Twitter, fino a Wikipedia.

Questo dataset consiste in 'circles' (o 'liste di amici') provenienti da diversi utenti Facebook. I dati sono stati prelevati utilizzando un'applicazione di Facebook ad oggi non più disponibile a causa di un cambio di politiche di Meta, azienda proprietaria del social network. Dataset simili attualmente possono essere generati utilizzando l'API Graph di Facebook, il metodo principale tramite cui le app possono leggere e scrivere nel social graph di Facebook. È possibile ottenere l'accesso all'API Graph di Facebook creando un'applicazione sulla sezione Facebook for Developers di Facebook ed ottenere una API Key, da utilizzare poi nell'applicazione per inviare richieste all'API Graph tramite HTTP GET o POST.

1.2 Caratteristiche del dataset

Il dataset utilizzato presenta al proprio intero 4 reti, ognuna rappresentante la lista di amici di uno specifico utente Facebook che, per motivi di privacy, è reso anonimo. Le reti presentano una struttura abbastanza simile, tutte presentano una componente gigante che comprende la maggior parte dei nodi (per ogni rete, la componente gigante contiene almeno il 97% dei nodi.). Le reti differiscono nel numero dei nodi; la rete più piccola contiene appena 150 nodi, la più grande contiene 1034 nodi. La rete più piccola, rappresentante la rete di amicizie dell'individuo anonimo 414, contiene la percentuale più alta di triangoli. La percentuale di triangoli è stata calcolata come il rapporto tra i triangoli presenti nel grafo e i possibili triangoli del grafo $\binom{|V|}{3}$. Seguono ulteriori dettagli sulle reti nella seguente tabella:

Rete	Nodi	Edges	Size CG	CG (%)	Triangoli	Tr. (%)
Rete 414	150	1693	148	98.67%	10618	1.93%
Rete 348	224	3192	224	100%	23503	1.27%
Rete 0	333	2519	324	97.30%	10740	0.18%
Rete 107	1034	26749	1034	100%	420329	0.23%

Table 1: Dati delle reti nel dataset

1.3 Visualizzazione del dataset



Le immagini sono state generate con la libreria **matplotlib** di Python. Per favorire la visualizzazione è stato usato come algoritmo di posizionamento dei nodi lo Spring Layout della libreria **networkx**. Le reti presentano pressochè strutture simili anche graficamente. Dove la componente gigante non comprende la totalità dei nodi è possibili osservare pochi nodi sparsi ed isolati, lontani dal centro.

1.4 Scelta della rete

Per le nostre sperimentazioni è stata scelta la **rete 348**, il miglior compromesso tra dimensione e complessità; la scelta di questa specifica rete è giustificata dai tempi di esecuzione *accettabili* per l'ottenimento dei risultati finali da valutare e commentare relativi alle nostre sperimentazioni.

2 Implementazione

La rete scelta è stata implementata in Python sfruttando NetworkX, un package per la creazione e manipolazione delle dinamiche e delle funzioni di reti complesse.

In particolare, ogni algoritmo implementato sfrutta i seguenti import:

```
import math
import networkx
from networkx import Graph
from collections import Counter
```

2.1 Algoritmo Costs-Seeds-Greedy

L'idea alla base di questo algoritmo è quello di andare ad inserire nel seedset il nodo che permette di massimizzare l'influenza ma non solo, infatti è di cruciale importanza anche il costo del nodo stesso poiché, siccome si vuole un seedset massimale il nodo scelto deve sia massimizzare l'influenza ma allo stesso tempo costare poco. Il nodo selezionato è quindi quello che ad ogni iterazione finché c(S) < k va a massimizzare il rapporto sequente 1:

$$\frac{\Delta_v f_i\left(S_d\right)}{c(u)},\tag{1}$$

dove $\Delta_i f_i(S_d) = f(S_d \cup u - f(S_d))$, mentre c(u) è il costo associato al nodo. Quindi il rapporto risulta essere inversamente proporzionale al costo stesso.

L'algoritmo Costs-Seeds-Greedy è stato implementato con tre diverse funzioni submodulari f_i :

- $f_1(S)$: $\sum_{v \in V} \min \left\{ |N(v) \cap S|, \left\lceil \frac{d(v)}{2} \right\rceil \right\}$
- $f_2(S)$: $\sum_{v \in V} \sum_{i=1}^{|N(v) \cap S|} \max \left\{ \left\lceil \frac{d(v)}{2} \right\rceil i + 1, 0 \right\}$
- $f_3(S)$: $\sum_{v \in V} \sum_{i=1}^{|N(v) \cap S|} \max \left\{ \frac{\left\lceil \frac{d(v)}{2} \right\rceil i + 1}{d(v) i + 1}, 0 \right\}$

L'implementazione relativa viene mostrata nella sezione successiva con le funzioni first, secondo e third.

```
Sp = []
3
        step = 0
4
        while cost function(graph, Sd) <= threshold:</pre>
6
            u = argmaxselect(graph, submodular_function, Sd, cost_function,
             → verbose)
            Sp = Sd.copy()
8
            Sd.append(u)
9
            step = step + 1
10
11
12
        return Sp
```

```
def argmaxselect(G, submodular_function, Sd, cost_function, verbose):
        tempSet = list(G.nodes())
        if verbose:
3
            print("\t[ARGMAXSELECT] : V = ", tempSet)
4
            print("\t[ARGMAXSELECT] : Sd = ", Sd)
5
        set = tempSet.copy()
6
        for u in tempSet:
            if u in Sd:
                set.remove(u)
9
        if verbose:
10
            print("\t[ARGMAXSELECT] : V-Sd = ", set)
11
        if not set:
12
            if verbose:
13
                print("\t[ARGMAXSELECT] : V-Sd is empty!")
            return None # Restituisci None se set è vuoto
15
16
        bestNode = set[0]
17
        bestValue = 0.0
18
        for v in set:
19
            if verbose:
20
                print("\n\t[ARGMAXSELECT] : f(Sd U ",v,") = ",
21
                    submodular function(G, Sd + [v]))
                print("\t[ARGMAXSELECT] : f(Sd) = ", submodular_function(G,
22
                print("\t[ARGMAXSELECT] : c(",v,") = ", cost function(G,v))
23
24
            value = (submodular_function(G, Sd + [v]) -
25
                submodular function(G, Sd)) / cost function(G,v)
26
            if verbose:
27
                print("\t[ARGMAXSELECT] : value = ", value)
28
            if value>bestValue:
29
```

```
bestValue = value
bestNode = v
return bestNode
```

2.1.1 Funzioni submodulari

Il primo algoritmo sfrutta delle funzioni submodulari. Vengono presentate tre possibili funzioni submodulari, di cui l'ultima di nostra ideazione.

```
def first(G, s):
    sum = 0
    for v in list(G.nodes()):
        first_term = len(list(set(list(G.neighbors(v))) & set(s)))
        second_term = math.ceil(G.degree(v)/2)
        sum += min(first_term,second_term)
    return sum
```

2.2 Algoritmo Weighted Target Set Selection (WTSS)

Il WTSS è uno dei tre algoritmi utilizzati per selezionare il seed set che mi permetta di influenzare la maggior parte dei nodi nella reti. La condizione è che il c(S) < k, cioè che la somma dei costi dei nodi nel seedset sia inferiore al budget fissato.

```
def WTSS(G,k, cost function: callable):
        G copy = G.copy()
        assign_threshold(G_copy)
3
        costs(G_copy, cost_function)
5
        seed_set = []
6
        to_delete = None
        third_case_node_selection = Counter()
        sum = 0
10
11
        while len(G_copy.nodes()) > 0:
12
13
            first_case_activated = False
15
            for node in G_copy.nodes():
16
                if G copy.nodes[node]["t"] == 0:
17
                     first_case_activated = True
18
                     to_delete = node
19
                     neighbors = list(G copy.neighbors(node))
20
                     for neighbor in neighbors:
                         threshold = G_copy.nodes[neighbor]["t"]
22
                         G_copy.nodes[neighbor]["t"] = max(0,(treshold - 1))
23
                     G copy.remove node(to delete)
24
                     break
25
26
            if first case activated:
27
                continue
29
            second_case_activated = False
30
31
            for node in G copy.nodes():
32
                if G_copy.degree(node) < G_copy.nodes[node]["t"]:</pre>
33
                     second_case_activated = True
34
                     seed set.append(node)
                     sum += G copy.nodes[node]["cost"]
36
                     to delete = node
37
                     neighbors = list(G_copy.neighbors(node))
38
                     for neighbor in neighbors:
39
```

```
threshold = G_copy.nodes[neighbor]["t"]
40
                         G_copy.nodes[neighbor]["t"] -= 1
41
                     G copy.remove node(to delete)
                     break
43
44
            if second case activated:
45
                continue
46
47
            third case node selection = Counter()
48
            for node in G_copy.nodes():
49
                cost = G_copy.nodes[node] ["cost"]
50
                threshold = G copy.nodes[node]["t"]
51
                degree = G_copy.degree(node)
52
                third_case_node_selection[node] = ((cost * threshold) /
53
                     (degree * (degree + 1)))
            to delete = max(third case node selection,
54

→ key=third_case_node_selection.get)
            G_copy.remove_node(to_delete)
55
56
            if sum > k:
57
                return seed_set[:-1]
58
        return seed_set
```

```
def assign_treshold(G):
1
        for node in G.nodes():
2
            G.nodes[node]["t"] = math.ceil(G.degree(node)/2)
3
4
   def costs(G, cost_function: callable):
5
        for node in G.nodes():
6
            G.nodes[node]["cost"] = cost function(G,node)
   def print costs(G):
9
        for node in G.nodes():
10
            print("Costo del nodo", node, ":", G. nodes [node] ["cost"])
11
12
   def print_tresholds(G):
13
        for node in G.nodes():
            print("Treshold del nodo", node, ":", G. nodes[node]["t"])
15
```

Si inizia con il fare una copia del grafo considerato, per far si che le modifiche apportate non vadano a modificare il grafo originario, evitando cosi di dover caricare il grafo ad ogni esecuzione di WTSS. Sul grafo considerato andiamo poi a settare il threshold ed il costo associato ad ogni nodo. Il processo di riempimento del seedset è iterativo, e si continua finché c(S) < k. Chiaramente anche il caso in cui non ci sono più nodi nel

grado reppresenta una condizione di uscita, seppur poco probabile. Ciò che viene fatto dall'algoritmo WTSS è riassumibile nei seguenti passi:

- Passo 1: Se esiste un nodo v nel nel grafo la cui soglia corrente k(v) = 0 allora lo seleziono come nodo da eliminare e per tutti i vicini u di v vado ad impostare la soglia come k(u) = max(0, k(u) 1). Se non trovo un nodo che soddifa questa condizione vado al passo 2.
- Passo 2: Se esiste un nodo v nel nel grafo il cui grado corrente è minore della soglia corrente $\delta(v) < k(v)$ allora lo mettiamo nel seedset poiché rappresenta un nodo che non può essere attivato. A tutti i vicini u di v andiamo a diminuire la soglia di 1. Se non trovo un nodo che soddisfo questa condizione vado al passo 3.
- Passo 3: Se arrivo al passo 3 vado a selezionare il nodo che massimizza il rapporto definito nell'equazione 2:

$$v = \operatorname{argmax}_{u \in U} \left\{ \frac{c(u)k(u)}{\delta(u)(\delta(u) + 1)} \right\}, \tag{2}$$

dove c(u), k(u), $\delta(u)$ sono ripettivamente il costo, la soglia ed il grado associato al nodo u. L'idea è quella di andare ad eliminare il nodo che ha meno probabilità di attivarsi. Finito il passo 3, si ritorna al passo 1 finché una delle condizioni di uscita, sopraccitate viene raggiunta.

2.3 Algoritmo My-Seeds

Il seguente algoritmo cerca di selezionare iterativamente il nodo che contribuirà maggiormente all'aumento della copertura totale della rete. Come nel WTSS anche qui andiamo a lavorare su una copia del grafo per le medesime ragione. In questo caso però il nodo che viene selezionato da mettere nel seedset è quello che ha uno score maggiore, dove lo score di un nodo v è definito come il prodotto tra il coefficente di clustering del nodo e il grado dello stesso rapportato al costo del nodo. Quindi in linea generale, si va a stimare l'importanza del nodo sfruttando il coefficente di clustering, ma come detto in precedenza anche il costo del nodo è determinante nella scelta poiché si vuole un seedset massimale. Il coefficente di clustering è una misura che quantifica quanto i vicini di un nodo in una rete sono collegati tra loro. Esso viene utilizzato per valutare quanto una rete sociale sia "clusterizzata" o formi gruppi densamente interconnessi. Esistono diverse definizioni di coefficienti di clustering, ma una delle più comuni riguarda il coefficiente di clustering locale (o coefficiente di clustering di un nodo), che è calcolato come il rapporto tra il numero di collegamenti effettivi tra i vicini di un nodo e il numero massimo possibile di collegamenti tra di loro, quindi è un rapporto tra i casi favorevoli e quelli possibili. Ciò che è stato appena descritto può essere sintetizzato dall'equazione 3:

$$C_i = \frac{L_i}{\binom{k_i}{2}} = \frac{2L_i}{k_i(k_i - 1)},$$
 (3)

dove C_i rappresenta il coefficiente di clustering del nodo i, L_i corrisponde al numero di edges esistenti tra i vicini del nodo i e k_i equivale al grado del nodo i.

```
def my_seeds(G: Graph, k: int, cost_function: callable) -> list:
        costs(G, cost function)
2
3
        sum_costs = 0
        remaining_graph = G.copy()
5
        seed set = []
6
        while sum_costs < k:</pre>
            selected_node = None
9
            best_score = 0
10
11
            for node in remaining_graph.nodes():
12
                 score = networkx.clustering(G, node) * G.degree(node) /
                     remaining_graph.nodes[node] ["cost"]
14
                 if score > best_score:
15
                     best score = score
16
                     selected node = node
17
18
            if selected_node == None:
                 break
20
21
            sum_costs += remaining_graph.nodes[node]["cost"]
22
23
            if sum_costs > k:
24
                 return seed_set
25
            seed set.append(selected node)
            remaining_graph.remove_node(selected_node)
28
29
        return seed set
30
```

2.4 Classe SpreadingAlgorithm

Viene definita la classe SpreadingAlgorithm, la quale si occupa di gestire l'algoritmo di diffusione all'interno del grafo. Durante l'inizializzazione, vengono passati diversi parametri fondamentali, tra cui l'indice dell'algoritmo selezionato, l'indice della funzione submodulare selezionata, il grafo stesso, la soglia di diffusione, la funzione di costo e un flag per abilitare la modalità verbosa.

Una volta inizializzata, la classe configura la funzione submodulare in base all'indice specificato, qualora venga scelto il primo algoritmo fra i tre disponbiili. Questo viene fatto attraverso il metodo setup_submodular_function, che associa l'indice selezionato a una specifica funzione submodulare definita nel modulo helpers.submodular_functions.

Successivamente, il metodo <code>get_seed_set</code> determina il seed set ottimale in base all'algoritmo selezionato e alla funzione di costo. Se l'algoritmo è <code>COST_SEEDS_GREEDY</code>, viene invocata la funzione <code>cost_seeds_greedy</code> del modulo <code>algorithms.cost_seeds_greedy</code>, passando il grafo, la soglia di diffusione, la funzione di costo e la funzione submodulare. Altrimenti, se l'algoritmo è <code>WTSS</code> o <code>MY_SEEDS</code>, vengono chiamate le rispettive funzioni <code>WTSS</code> o <code>my_seeds</code> dei moduli <code>algorithms.WTSS</code> e <code>algorithms.my_seeds</code>. Infine, il seed set ottenuto viene restituito.

```
import algorithms.cost_seeds_greedy
1
   import algorithms.WTSS
2
   import algorithms.my_seeds
3
   import helpers.submodular_functions as sf
   from default_config import Algorithms
6
   class SpreadingAlgorithm():
8
        def __init__(self, selected_algorithm_index,
9

→ selected_submodular_function_index, graph, threshold,

→ cost_function, verbose):
            self.selected algorithm index = selected algorithm index
10
            self.selected submodular function index =
11
                selected_submodular_function_index
12
            self.verbose = verbose
13
14
            self.G = graph
            self.threshold = threshold
16
            self.cost function = cost function
17
            self.submodular function = self.setup submodular function()
18
19
20
        def setup_submodular_function(self):
21
            if self.selected submodular function index == 1:
                submodular_function = sf.first
23
            elif self.selected submodular function index == 2:
24
                submodular function = sf.second
25
            elif self.selected_submodular_function_index == 3:
26
                submodular_function = sf.third
27
            else:
28
                submodular_function = None
```

```
30
            return submodular_function
31
33
        def get_seed_set(self):
34
            if self.selected_algorithm_index ==
35
                Algorithms.COST_SEEDS_GREEDY.value:
                seed_set = algorithms.cost_seeds_greedy.cost_seeds_greedy(
36
                     graph = self.G,
37
                    threshold = self.threshold,
                     cost_function = self.cost_function,
39
                     submodular function = self.submodular function,
40
                     verbose = self.verbose
41
42
            elif self.selected algorithm index == Algorithms.WTSS.value:
43
                seed set = algorithms.WTSS.WTSS(
44
                    G = self.G,
45
                    k = self.threshold,
46
                     cost_function = self.cost_function
47
                )
48
            elif self.selected_algorithm_index == Algorithms.MY_SEEDS.value:
49
                seed_set = algorithms.my_seeds.my_seeds(
                     G = self.G,
                    k = self.threshold,
                     cost_function = self.cost_function
53
                )
54
55
            return seed_set
56
```

```
def costs(G: Graph, cost_function: callable) -> None:
    for node in G.nodes():
        G.nodes[node]["cost"] = cost_function(G,node)

def total_cost(G: Graph) -> int:
    total_cost = 0

for node in G.nodes():
    total cost += node["cost"]
```

2.5 Funzioni di costo e classe CostFunctionFactory

Le funzioni first, second e third sono definite per calcolare i costi associati ai nodi o ai sottoinsiemi di nodi all'interno del grafo. Queste funzioni vengono utilizzate all'interno del primo step (individuazione seed set) del processo di diffusione per determinare il costo di selezionare determinati nodi come parte del seed set.

La funzione first calcola il costo sommando i valori associati ai nodi in un certo vettore casuale ("cost map"). La funzione second utilizza il grado dei nodi nel grafo per calcolare il costo, utilizzando la funzione math.ceil per arrotondare verso l'alto il risultato. Infine, la funzione third calcola il costo basato sul quadrato del grado dei nodi nel grafo, normalizzato rispetto al massimo grado presente nel grafo.

```
def first(self, graph: Graph, v):
    if isinstance(v, list):
        costSum = 0

for u in v:
        costSum += self.cost_map[u]
        return costSum
else:
        return self.cost_map[v]
```

```
def second(self, G: Graph, v):
1
            if isinstance(v, list):
2
                costSum = 0
3
4
                for u in v:
5
                    costSum += math.ceil(G.degree(u) / 2)
6
                return costSum
            else:
8
                return math.ceil(G.degree(v) / 2)
9
```

```
def third(self, G: Graph, v):
    if isinstance(v, list):
        costSum = 0

for u in v:
        costSum += math.ceil((G.degree(u) ** 2) / self.d_max)
        return costSum
else:
        return math.ceil((G.degree(v) ** 2) / self.d_max)
```

La classe CostFunctionFactory è progettata per generare funzioni di costo utilizzate nel processo di diffusione all'interno di un grafo, in maniera programmatica. Durante l'inizializzazione, vengono passati diversi parametri essenziali, tra cui l'indice dell'algoritmo selezionato, il grafo stesso, il range minimo e massimo dei costi (relativi alla prima funzione di costo, che prevede una cost map casuale), il grado massimo del grafo e un flag per abilitare la modalità verbosa.

Il metodo get_function della classe determina la funzione di costo appropriata in base all'indice dell'algoritmo selezionato. Se l'indice non è compreso tra 1 e 3, viene sollevata un'eccezione. Altrimenti, l'indice viene utilizzato per associare il giusto metodo di calcolo del costo (first, second o third). Infine, la funzione corrispondente viene restituita per essere utilizzata nel processo di diffusione.

```
class CostFunctionFactory():
1
        def __init__(self, selected algorithm index, graph, range min,
2
        → range max, d max, verbose = False):
            self.selected_algorithm_index = selected_algorithm_index
            self.G = graph
5
            self.range min = range min
6
            self.range_max = range_max
            self.d_max = d_max
            self.verbose = verbose
10
11
            self.cost map = self.create cost map()
12
13
14
        def get_function(self):
15
            if self.selected_algorithm_index not in [1, 2, 3]:
                raise
17
                    IndexError("La funzione di costo indicata non è valida.")
18
            if self.selected algorithm index == 1:
19
                fn = self.first
20
            elif self.selected_algorithm_index == 2:
21
                fn = self.second
22
            elif self.selected algorithm index == 3:
23
                fn = self.third
24
25
            return fn
26
```

2.6 Processo di diffusione e classe CascadeProcess

La classe CascadeProcess è progettata per simulare il processo di diffusione all'interno di un grafo di rete sociale partendo da un insieme di nodi iniziali, noto come seed set. Durante l'inizializzazione, vengono passati il grafo, il seed set e un flag per abilitare la modalità verbosa.

Il metodo <code>get_influenced_nodes</code> esegue la simulazione del processo di diffusione. Viene utilizzato un approccio iterativo, in cui si aggiungono nodi all'insieme influenzato finché non si raggiunge la stabilità, cioè finché l'insieme influenzato non si modifica più in una nuova iterazione. All'interno del ciclo while, vengono confrontati gli insiemi di nodi influenzati nelle iterazioni precedente e attuale per determinare se sono stati influenzati nuovi nodi. Questo processo continua finché non viene raggiunta la stabilità dell'insieme influenzato, e infine viene restituito l'insieme completo dei nodi influenzati.

```
class CascadeProcess():
1
        def __init__(self, graph: Graph, seed_set: list, verbose: bool) ->
2
            self.graph: Graph = graph
3
            self.seed set: list = seed set
            self.verbose: bool = verbose
6
       def get_influenced_nodes(self) -> list:
8
            prev_influenced: list = []
9
            influencing: list = copy.deepcopy(self.seed set)
10
11
            while len(influencing) != len(prev_influenced):
12
13
                prev influenced: list = copy.deepcopy(influencing)
14
                casted_prev_influenced = [str(node) for node in
15
                  prev_influenced]
16
                for node in self.graph.nodes():
                    if node in casted prev influenced:
18
                        continue
19
20
                    intersection = len([x for x in casted prev influenced if
21
                        x in list(self.graph.neighbors(node))])
22
                    degree threshold = math.ceil(self.graph.degree(node) /
                     24
                    if intersection >= degree_threshold:
25
                         influencing.append(int(node))
26
```

```
27
28 return influencing
```

2.7 Caricamento della rete e classe NetworkLoader

La funzione read_network è progettata per leggere e creare un grafo da due file di testo, uno contenente gli archi (.EDGES) e l'altro contenente i nodi (.CIRCLES). All'interno di questa funzione, sono definite tre sotto-funzioni: read_edges, read_circles e create_graph. La prima legge gli archi dal file .EDGES, la seconda legge i cerchi dal file .CIRCLES, e la terza crea il grafo incorporando gli archi e associando i cerchi come attributi dei nodi. Una volta letti i file e creato il grafo, la funzione restituisce il grafo stesso.

La funzione main costituisce l'entry point del programma. All'interno di questa funzione, vengono definiti i percorsi ai file .EDGES e .CIRCLES, e successivamente viene chiamata la funzione read_network per leggere il network dal file e ottenere il grafo. Viene quindi stampato un riepilogo delle informazioni del grafo utilizzando nx.info, e infine il grafo viene visualizzato utilizzando nx.draw. Se lo script viene eseguito direttamente, la funzione main viene chiamata per eseguire il programma.

```
def read_network(edges_file_path, circles_file_path):
1
        # Funzione per leggere i file .EDGES
2
        def read_edges(file_path):
3
            edges = []
            with open(file_path, 'r') as file:
                for line in file:
6
                     nodes = line.strip().split()
                     if len(nodes) == 2:
8
                         edges.append((nodes[0], nodes[1]))
9
            return edges
10
        # Funzione per leggere i file .CIRCLES
12
        def read_circles(file_path):
13
            circles = {}
14
            with open(file path, 'r') as file:
15
                for line in file:
16
                     parts = line.strip().split()
17
                     if len(parts) > 1:
                         circle id = parts[0]
19
                         members = parts[1:]
20
                         circles[circle_id] = members
21
            return circles
22
```

```
23
        # Funzione per creare il grafo
24
        def create_graph(edges, circles):
25
            G = nx.Graph()
26
27
            # Aggiungi gli archi al grafo
28
            G.add_edges_from(edges)
29
30
            # Aggiungi i cerchi come attributi dei nodi
31
            for circle_id, members in circles.items():
                 for member in members:
33
                     if member in G.nodes:
34
                         if 'circles' not in G.nodes[member]:
35
                              G.nodes[member]['circles'] = []
36
                         G.nodes[member]['circles'].append(circle id)
37
38
            return G
39
40
        # Leggi i file
41
        edges = read edges(edges file path)
42
        circles = read_circles(circles_file_path)
43
44
        # Crea il grafo
45
        G = create_graph(edges, circles)
47
        return G
48
49
    def main():
50
        # Percorsi ai file .EDGES e .CIRCLES
51
        edges_file_path = 'sample_networks/0.edges'
52
        circles file path = 'sample networks/0.circles'
53
54
        # Leggi il network
55
        G = read network(edges file path, circles file path)
56
57
        # Stampa informazioni sul grafo
        print(nx.info(G))
59
60
        # Disegna il grafo
61
        pos = nx.spring_layout(G)
62
        nx.draw(G, pos, with_labels=True)
63
        plt.show()
64
65
    if __name__ == "__main__":
```

```
main()
```

2.8 Networking Mocking con Erdos-Reyni

Il codice fornito genera un grafo casuale utilizzando il modello di Erdős-Rényi con una probabilità p di collegamento tra i nodi. Il numero totale di nodi nel grafo è n. Il grafo viene quindi salvato in due file di testo: uno contenente gli archi del grafo con estensione .EDGES, e l'altro contenente i nodi con estensione .CIRCLES.

Nel primo passaggio, viene creato il file .EDGES dove ogni riga rappresenta un arco nel grafo, indicando i nodi connessi. Nel secondo passaggio, vengono generati casualmente dei cluster e assegnati i nodi ad essi. I nodi vengono distribuiti casualmente tra cinque cluster, e queste informazioni vengono salvate nel file .CIRCLES, dove ogni riga rappresenta un cluster e i nodi ad esso assegnati. Questi due file sono utilizzati successivamente per la costruzione del grafo all'interno del programma.

```
import networkx as nx
1
   import random
2
3
   n = 100
4
   p = 0.05
5
6
   G = nx.erdos renyi graph(n, p)
7
   # Salva gli archi del grafo nel file .EDGES
9
   with open('networks/generated_networks/graph.EDGES', 'w') as edges_file:
10
        for edge in G.edges():
11
            edges_file.write(f"{edge[0]} {edge[1]}\n")
12
13
   # Assegna casualmente i nodi ai cerchi e salva queste informazioni nel
14
    → file .CIRCLES
   circles = {}
15
16
   for node in G.nodes():
17
        circle id = f"circle {random.randint(1, 5)}" # Assegna casualmente
18
        → il nodo a uno dei 5 cerchi
        if circle_id not in circles:
19
            circles[circle id] = []
        circles[circle id].append(str(node))
22
   with open('networks/generated_networks/graph.CIRCLES', 'w') as
23
       circles file:
        for circle id, members in circles.items():
24
```

```
circles_file.write(f"{circle_id} {' '.join(members)} \n")
```

2.9 Script Handler

Eseguire lo script avvia un handler ("main") che, per prima cosa, individua un seed set massimale utilizzando l'algoritmo di diffusione specificato dall'utente, che - appunto - si occupa di individuare il seed set massimale tale che la funzione di costo associata sia minore di un certo budget. Il seed set individuato viene quindi stampato a schermo. In seguito, viene creato un oggetto CascadeProcess per simulare il processo di diffusione nel grafo utilizzando il seed set precedentemente identificato. L'output di questa simulazione sono i nodi influenzati dal processo di diffusione, inclusi quelli nel seed set, che vengono stampati a schermo. Infine, se l'opzione di salvataggio dei risultati è attiva, i risultati vengono salvati in una cartella specificata.

```
if name == " main ":
        spreading process: SpreadingProcess = SpreadingProcess(options =
            setup options())
3
4
        Individua il seed set massimale tale che la funzione di costo c(S)
5
        sia minore o uguale al threshold k.
        seed set: list = \
             spreading process
9
            .spreading_algorithm \
10
            .get_seed_set()
11
12
        print(f"Seed Set: {seed set}")
13
14
        0.00
15
        Simula il processo di diffusione a partire dal grafo G
16
        e il seed set S individuato in precedenza,
17
        restituendo i nodi influenzati al termine
18
        del processo (inclusivi dei nodi appartenenti al seed set).
19
        11 11 11
20
        cascade_process: CascadeProcess = CascadeProcess(
21
            graph = spreading process.G,
22
            seed set = seed set,
23
            verbose = spreading_process.options.verbose
24
        )
25
26
        influenced nodes: list = \
27
```

```
cascade process \
28
             .get_influenced_nodes()
29
        print(f"Influenced Nodes: {influenced nodes}")
31
32
33
        Persiste i risultati in una cartella.
34
35
        if spreading process.options.save:
36
            save_results(
                file_path = f"{spreading_process.results_path}",
38
                results = f"Seed Set: {len(seed set)} \
39
                Influenced Nodes: {len(influenced_nodes)}",
40
                graph = spreading_process.G,
41
                seed set = seed set,
42
                influenced nodes = influenced nodes
43
            )
```

2.9.1 CLI Parser

Questa funzione è progettata per configurare e gestire le opzioni della linea di comando dello script, utilizzando la libreria argparse per facilitare l'interpretazione e l'elaborazione degli argomenti forniti dall'utente. Inizialmente, viene creato un parser di argomenti con argparse. ArgumentParser(), che consente di definire una serie di opzioni configurabili dall'utente.

```
# Consultare il README per le possibili configurazioni dello script
   def setup_options() -> None:
           parser: argparse.ArgumentParser = argparse.ArgumentParser()
3
4
           parser.add_argument('-g', '--print_graph', action =
5
            parser.add_argument('-v', '--verbose', action = 'store true')
           parser.add_argument('-s', '--save', action = 'store_true')
           parser.add argument('-k', '--threshold', default =
9

→ config.DEFAULT_THRESHOLD)

           parser.add_argument('-e', '--edges', default =
10

→ config.DEFAULT EDGES)

           parser.add_argument('-c', '--circles', default =
11
               config.DEFAULT_CIRCLES)
12
           parser.add_argument('-cf', '--cost_function', default =
13
               config.DEFAULT_COST_FUNCTION, choices = ['1', '2', '3'])
```

```
parser.add argument('-sf', '--submodular function', default =
14
                config.DEFAULT_SUBMODULAR_FUNCTION, choices = ['1', '2',
                '3'])
            parser.add argument('-a', '--algorithm', default =
15
                config.DEFAULT_ALGORITHM, choices = ['1', '2', '3'])
16
            args = parser.parse_args()
17
18
            print(f"Caricati i nodi da {args.circles}")
19
            print(f"Caricati gli archi da {args.edges}")
21
            return args
22
```

2.9.2 Classe SpreadingProcess

La classe SpreadingProcess è progettata per gestire il processo di diffusione nel grafo, configurato secondo le opzioni specificate dall'utente tramite la CLI. Durante l'inizializzazione, vengono impostati i parametri fondamentali come il grafo, la soglia di diffusione (budget k), la funzione di costo e l'algoritmo di diffusione. Il percorso per salvare i risultati è generato dinamicamente, includendo i parametri selezionati per garantire tracciabilità e riproducibilità.

La funzione setup_graph legge i file degli archi e delle cerchie specificati dall'utente per costruire il grafo. Se l'opzione -g o --print_graph è attivata, il grafo viene visualizzato utilizzando Matplotlib. La funzione setup_cost_function seleziona una funzione di costo basata sull'opzione -cf o --cost_function, utilizzando una factory per ottenere la funzione appropriata. Infine, il metodo setup_spreading_algorithm configura l'algoritmo di diffusione secondo l'opzione -a o --algorithm, tenendo conto della funzione submodulare specificata. Questi metodi garantiscono che il processo di diffusione sia personalizzato e adattabile a diverse esigenze di sperimentazione.

```
class SpreadingProcess():
1
       def __init__(self, options):
2
            self.options = options
3
            self.G: Graph = self.setup graph()
5
            self.k: int = int(self.options.threshold)
6
            self.cost_function: callable = self.setup_cost_function()
            self.spreading algorithm: SpreadingAlgorithm =
                self.setup_spreading_algorithm()
            self.results path =
10
                f"{config.DEFAULT RESULTS PATH}/{time.time()} k {self.k}\
```

```
_a_{self.options.algorithm}_cf_{self.options.cost_function}"
11
12
        # Per selezionare liste di nodi ed archi differenti, usare le
14
        → opzioni -c (--circles) ed -e (--edges)
        def setup_graph(self) -> Graph:
15
            graph: Graph = nl.read_network(
16
                edges_file_path = self.options.edges,
17
                circles file path = self.options.circles
18
        )
20
            # Per stampare il grafo, usare l'opzione -g oppure --print graph
21
            if self.options.print_graph:
22
                nx.draw(G = graph, pos = nx.spring_layout(graph),
23

    with labels = True)

                plt.show(block = False)
24
            return graph
26
27
28
        # Per selezionare una funzione di costo, usare l'opzione -cf oppure
29
        → --cost-function, es. -cf 1 (valori ammessi: 1, 2, 3)
        def setup_cost_function(self) -> callable:
30
            selected_algorithm_index: int = int(self.options.cost_function)
            → # Rappresenta la funzione di costo scelta (1, 2 o 3)
32
            cost_function_factory: cf.CostFunctionFactory =
33

    cf.CostFunctionFactory(
                selected_algorithm_index = selected_algorithm_index,
34
                graph = self.G,
                range min = config.DEFAULT RANGE MIN,
                range_max = config.DEFAULT_RANGE_MAX,
37
                d_max = max(dict(self.G.degree()).values()),
38
                verbose = self.options.verbose
39
            )
40
            return cost_function_factory.get_function()
42
43
44
        # Per selezionare un algoritmo, usare l'opzione -a oppure
45
        → --algorithm, es. -a 1 (valori ammessi: 1, 2, 3)
        def setup_spreading_algorithm(self) -> SpreadingAlgorithm:
46
            selected algorithm index: int = int(self.options.algorithm) #
47
            → Rappresenta l'algoritmo scelto (1, 2 o 3)
```

```
48
            0.00
49
            Questa variabile rappresenta la funzione submodulare selezionata
            tramite l'opzione -sf oppure --submodular--function
51
            (valori ammessi: 1, 2, 3). La funzione entra in gioco solo
52
            nel caso dell'algoritmo Cost-Seeds-Greedy,
53
            ma viene ugualmente pre-impostato ad un valore di default.
54
            0.00
55
            selected submodular function index: int =
56
                int(self.options.submodular_function)
57
            spreading algorithm: SpreadingAlgorithm = SpreadingAlgorithm(
58
                selected_algorithm_index = selected_algorithm_index,
59
                selected_submodular_function_index =
60
                    selected submodular function index,
                graph = self.G,
61
                threshold = self.k,
62
                cost_function = self.cost_function,
63
                verbose = self.options.verbose
64
            )
65
66
            return spreading_algorithm
67
```

2.9.3 Configurazione programmatica

E' possibile configurare i parametri di default dello script modificando il file default_config.py . Le opzioni di default, indicate nel file, sono sovrascribili mediante CLI, come indicato nella sezione successiva.

```
from enum import Enum
   # Configurazioni di default, sovrascrivibili tramite CLI
3
   DEFAULT\_THRESHOLD = 6
5
6
   DEFAULT EDGES = 'networks/generated networks/graph.EDGES'
   DEFAULT_CIRCLES = 'networks/generated_networks/graph.CIRCLES'
8
   DEFAULT RANGE MIN = 1
10
   DEFAULT_RANGE_MAX = 10
11
12
   DEFAULT_COST_FUNCTION = 1
13
   DEFAULT SUBMODULAR FUNCTION = 1
14
```

```
DEFAULT_ALGORITHM = 1

DEFAULT_RESULTS_PATH = "results"

class Algorithms(Enum):
    COST_SEEDS_GREEDY = 1
    WTSS = 2
    MY_SEEDS = 3
```

2.9.4 Salvare i risultati

Questa semplice utility permette di persistere i risultati e salvarli in una cartella. In particolare, genera dei grafici appena generato il grafo, dopo aver individuato il seed set, e dopo aver effettuato il processo di influenza, colorando in modo diverso i rispettivi nodi del grafo.

```
def save_results(file_path, results, graph, seed_set, influenced_nodes):
1
        if not os.path.exists(file_path):
2
            os.makedirs(file_path)
        with open(f"{file_path}/data.txt", "a") as file:
5
            file.write(f"{results}\n")
6
        11/11/11
8
        Grafico della rete senza particolari colorazioni
9
10
        color map = []
11
12
        for node in graph.nodes():
13
            color_map.append('gray')
14
15
        nx.draw(G = graph, with_labels = False, pos =
16
        → nx.spring_layout(graph, scale = 3), node_color = color_map,
        \rightarrow node size = 10)
        plt.savefig(f"{file_path}/pre-influencing.png", format = "PNG")
17
        plt.clf()
18
19
20
        Grafico che evidenzia i nodi del seed set (rossi)
21
        e i nodi rimanenti (grigio)
23
        color map = []
24
25
```

```
for node in graph.nodes():
26
            if node in seed_set:
27
                 color_map.append('red')
            else:
                 color_map.append('gray')
30
31
        nx.draw(G = graph, with_labels = False, pos =
32
         → nx.spring_layout(graph, scale = 3), node_color = color_map,
         \rightarrow node size = 10)
        plt.savefig(f"{file_path}/influencing.png", format = "PNG")
        plt.clf()
34
35
        11 11 11
36
        Grafico che evidenzia i nodi del seed set (rossi),
37
        i nodi influenzati dal seed set (blu)
        e i nodi rimanenti (grigio)
39
        \Pi/\Pi/\Pi
40
        color_map = []
41
42
        for node in graph.nodes():
43
            if node in seed_set:
44
                 color_map.append('red')
45
            elif int(node) in influenced_nodes:
46
                 color_map.append('blue')
            else:
48
                 color_map.append('gray')
49
50
        nx.draw(G = graph, with_labels = False, pos =
51
         → nx.spring_layout(graph, scale = 3), node_color = color_map,
         \rightarrow node_size = 10)
        plt.savefig(f"{file path}/influencing and influenced.png", format =
52
            "PNG")
        plt.clf()
53
54
        print(f"Risultati salvati in {file_path}")
55
```

3 Installazione ed utilizzo

Il primo comando eseguito è conda create -n rs python=3.7.0. Questo comando utilizza Conda, un gestore di pacchetti e ambienti per Python, per creare un nuovo ambiente virtuale denominato rs. Specificando python=3.7.0, si impone l'installazione della versione 3.7.0 di Python all'interno di questo ambiente. La scelta di una versione specifica di Python è cruciale per assicurare la compatibilità con i pacchetti e le librerie che verranno successivamente installati, evitando potenziali conflitti dovuti a differenze di versione.

Successivamente, l'ambiente appena creato viene attivato con il comando conda activate rs. L'attivazione dell'ambiente rs fa sì che tutte le operazioni successive nel terminale avvengano all'interno di questo ambiente isolato. Ciò permette di gestire le dipendenze specifiche del progetto senza interferire con altre versioni di pacchetti o librerie installate globalmente o in altri ambienti.

Infine, il comando pip install -r requirements.txt viene eseguito per installare tutte le dipendenze elencate nel file requirements.txt. Il file requirements.txt contiene una lista di pacchetti necessari per il progetto, ognuno specificato con la sua versione.

```
conda create -n rs python=3.7.0
conda activate rs
pip install -r requirements.txt
```

```
python main.py [-h] [-g] [-v] [-s] [-k THRESHOLD] [-e EDGES] [-c \hookrightarrow CIRCLES] [-cf \{1,2,3\}] [-sf \{1,2,3\}] [-a \{1,2,3\}]
```

La CLI offre una serie di opzioni che permettono di eseguire il programma principale main.py con diversi parametri e modalità operative. Di seguito vengono illustrati i vari comandi utilizzabili, insieme alle loro rispettive funzioni.

L'esecuzione standard del programma, che avvia il processo di diffusione con i parametri di default, si ottiene semplicemente digitando python main.py. Questa modalità è utilizzata per eseguire l'algoritmo principale senza specificare ulteriori opzioni, sfruttando i valori predefiniti per tutti i parametri.

Per abilitare la modalità verbosa, che consente di ottenere informazioni dettagliate durante l'esecuzione del programma, si utilizza il comando python main.py -v. Questa opzione è utile per il debug e per monitorare in dettaglio il comportamento dell'algoritmo, fornendo un output più ricco di informazioni rispetto all'esecuzione standard.

L'opzione -g attiva la stampa di debug del grafo, mentre -s permette di salvare i risultati dell'esecuzione. Queste due opzioni possono essere combinate, come mostrato nel comando python main.py -g -s, che consente di visualizzare le informazioni dettagliate sul grafo utilizzato e di salvare i risultati prodotti dall'algoritmo.

Per utilizzare un grafo personalizzato, è possibile specificare i file contenenti le informazioni sulle connessioni e i nodi del grafo mediante le opzioni -e e -c.

La CLI permette anche di selezionare diversi algoritmi per l'individuazione del set di semi (seed set), utilizzando l'opzione -a seguita da un numero identificativo dell'algoritmo. Ad esempio, python main.py -a=1 utilizza l'algoritmo Cost-Seeds-Greedy, python main.py -a=2 utilizza l'algoritmo WTSS, mentre python main.py -a=3 utilizza l'algoritmo My-Seeds. Questa flessibilità consente di confrontare le performance di diversi algoritmi sotto le stesse condizioni.

Inoltre, è possibile selezionare specifiche funzioni di costo e funzioni submodulari mediante le opzioni -cf e -sf. Ad esempio, il comando python main.py -cf=1 seleziona i costi randomizzati come funzione di costo, mentre python main.py -sf=2 seleziona la seconda funzione submodulare. È possibile combinare queste opzioni come illustrato nel comando python main.py -cf=1 -sf=3, che utilizza costi randomizzati e la terza funzione submodulare.

```
### Esegue il processo di diffusione con i parametri di default
1
   python main.py
2
3
   ### Abilita la modalità verbosa
4
   python main.py -v
5
   ### Abilita la stampa di debug del grafo e salva i risultati
   python main.py -g -s
8
   ### Seleziona ed utilizza un grafo personalizzato
10
   python main.py -e=networks/sample_networks/0.edges
11
    → -c=networks/sample networks/0.circles
12
   ### Seleziona uno specifico algoritmo di individuazione del seed set
13
   python main.py -a=1 # Cost-Seeds-Greedy
14
   python main.py -a=2 # WTSS
15
   python main.py -a=3 # My-Seeds
16
17
   ### Seleziona specifiche funzioni di costo e funzioni submodulari (es.
18
    \rightarrow 1, 2, 3)
   python main.py -cf=1 # Random Costs
19
   python main.py -sf=2 # Second Submodular Function (ref.
20

→ Costs-Seeds-Greedy)

   python main.py -cf=1 -sf=3 # Random Costs & Second Submodular Function
```

3.1 Dipendenze e librerie

Le librerie Python utilizzate per il progetto sono state annotate con le rispettive versioni in un pratico file *requirements.txt* nella directory del progetto. E' possibile installarle tramite l'utility PIP. Si noti che queste dipendenze sono fondamentali per eseguire il progetto.

```
cycler==0.11.0
1
   fonttools==4.38.0
2
   kiwisolver==1.4.5
   matplotlib==3.5.3
4
   networkx==2.6.3
5
   numpy = 1.21.6
6
   packaging==24.0
   Pillow==9.5.0
   pyparsing==3.1.2
9
   python-dateutil==2.9.0.post0
10
   scipy==1.7.3
11
   six==1.16.0
12
   typing_extensions==4.7.1
```

4 Risultati e conclusioni

Ogni algoritmo, per stesso valore di budget k e stessa funzione di costo $c:V\to\mathbb{N}$ (e per stessa funzione submodulare $f:2^V\to\mathbb{R}^+$, nel caso dell'algoritmo Cost-Seeds-Greedy) è stato eseguito 10 volte. La sperimentazione è consistita nello studiare, al variare del budget k, il numero medio di nodi influenzati (la taglia media dell'insieme Inf) dal Seed-Set generato dall'algoritmo specificato, sulla funzione di costo specificata (e per la funzione submodulare specificata, nel caso dell'algoritmo Cost-Seeds-Greedy).

Gli algoritmi utilizzati sono:

- CSG (Cost Seeds Greedy)
- WTSS (Weighted Target Set Selection)
- My-Seeds (l'algoritmo ideato)

Le funzioni di costo $c: V \to \mathbb{N}$ sono:

- $c(v) \sim U(1, 10)$
- $c(v) = \lceil \frac{d(v)}{2} \rceil$
- $c(v) = \lceil \frac{d(v)^2}{d_{\max}} \rceil$

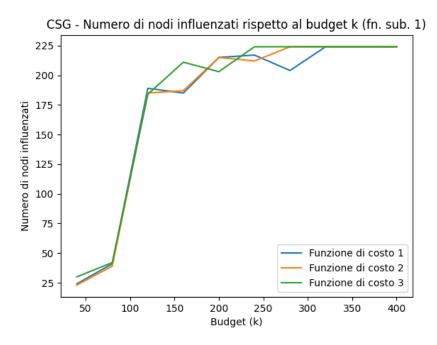
Nel caso specifico dell'algoritmo Costs-Seeds-Greedy, le funzioni submodulari sono:

- $f_1(S) = \sum_{v \in V} \min\{|N(v) \cap S|, \lceil \frac{d(v)}{2} \rceil\}$
- $f_2(S) = \sum_{v \in V} \sum_{i=1}^{|N(v) \cap S|} \max \left\{ \left\lceil \frac{d(v)}{2} i + 1, 0 \right\} \right\}$
- $f_3(S) = \sum_{v \in V} \sum_{i=1}^{|N(v) \cap S|} \max \left\{ \frac{\lceil \frac{d(v)}{2} i + 1 \rceil}{d(v) i + 1}, 0 \right\}$

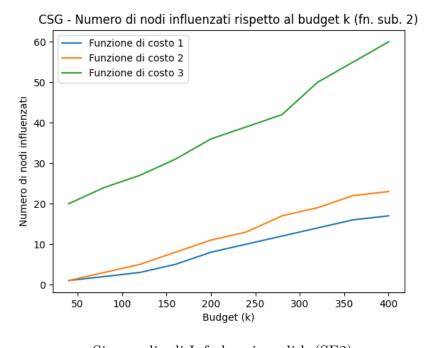
4.1 Risultati per Cost Seeds Greedy

Nei seguenti grafici è possibile osservare, rispettivamente per la prima funzione submodulare, la seconda e la terza, la size media di Inf al variare del budget k, per le tre diverse funzioni di costo (i tre colori diversi). L'algoritmo utilizzato è Cost-Seeds-Greedy.

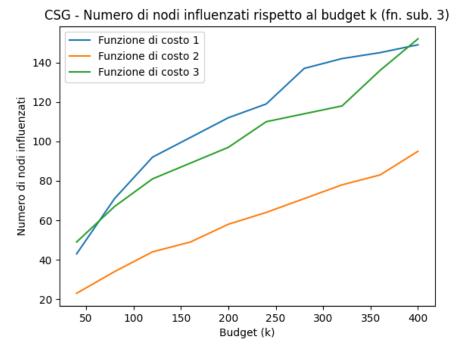
È possibile osservare, per ogni funzione submodulare, per ogni funzione di costo utilizzata, un andamento pressochè crescente per ogni funzione. La size media dell'insieme dei nodi influenzati aumenta con l'aumentare del budget.



Size media di Inf al variare di k (SF1)



Size media di Inf al variare di k (SF2)



Size media di Inf al variare di k (SF3)

I risultati migliori si ottengono con l'utilizzo della **prima funzione submodulare**, dove a prescindere alla funzione di costo, a partire da un budget di circa 300, il seed-set generato è in grado di raggiungere una complete cascade, influenzando tutti i nodi della rete.

I risultati peggiori sono ottenuti in corrispondenza dell'utilizzo della **seconda funzione** submodulare dove anche il budget massimo utilizzato per la sperimentazione (k = 400) genera seed-sets in grado di influenzare in media circa 60 nodi (compresi i nodi appartenenti ai seed-set stessi), appena poco più del 25% dei nodi totali della rete (224 nodi).

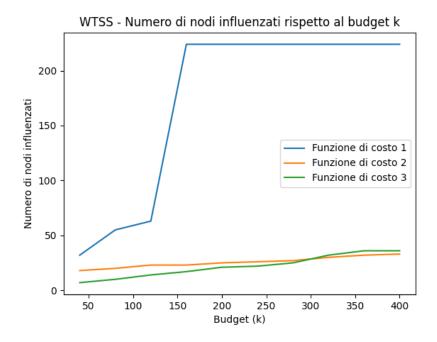
I grafici relativi alle funzioni submodulari 2 e 3 condividono una **natura lineare**, aventi offset diversi a seconda della funzione di costo specificata e quasi tutte lo stesso coefficiente angolare.

Differente la **natura quasi logaritmica** presentata dalle funzioni di costo nella sperimentazione dove è fissata la funzione submodulare 1.

4.2 Risultati per Weighted Target Set Selection

Nel seguente grafico è possibile osservare la size media di Inf al variare del budget k, per le tre diverse funzioni di costo (i tre colori diversi). L'algoritmo utilizzato è Weighted Target Set Selection.

È possibile osservare come, per lo stesso algoritmo WTSS, funzioni di costo diverse



Size media di Inf al variare di k

mostrano funzioni con comportamenti diversi. Tutte le funzioni hanno una natura crescente ma non lo stesso andamento; in particolare, per quanto riguarda la funzione di costo 1, in media è possibile raggiungere una complete cascade con un budget limitato, già a partire da k=160 circa.

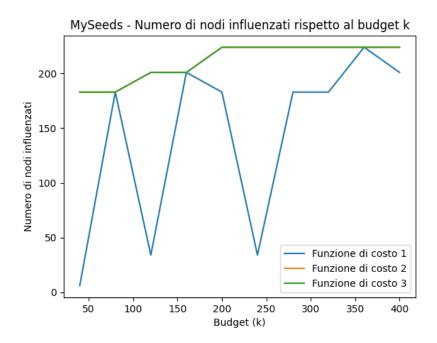
Per la funzione 1 è possibile osservare un rapido incremento della size media di Inf a partire da budget appena più grandi di k = 140, fenomeno che non è invece possibile osservare quando invece è utilizzata la seconda o la terza funzione di costo, che hanno un andamento lineare e non riescono ad influenzare più di 30 nodi anche avendo a disposizione il massimo budget (k = 400).

4.3 Risultati per MySeeds

Nel seguente grafico è possibile osservare la size media di Inf al variare del budget k, per le tre diverse funzioni di costo (i tre colori diversi). L'algoritmo utilizzato è l'algoritmo ideato per il progetto.

Ciò che è possibile osservare è che la funzione associata all'uso della funzione di costo 2 non è visibile nel grafico; in realtà essa ha lo stesso esatto andamento della funzione associata all'uso della funzione di costo 3, quindi le funzioni si accavallano graficamente.

L'andamento della funzione associata alla funzione di costo 2 e 3 è crescente all'aumentare del budget k; budget k=240 sono sufficienti per generare un seed-set che in media porta alla complete cascade nel processo di influenza.



Size media di Inf al variare di k

L'andamento della funzione associata alla funzione di costo 1 è altalenante, con momenti di crescita e momenti di decrescita, molto ripidi.

4.4 Processo di influenza: esempi di grafi

Di seguito vengono allegati i grafici dei grafi generati tramite il processo di diffusione. In particolare, ogni riga rappresenta una tripletta di grafici in cui il primo grafico è una semplice rappresentaizone del grafo in cui i nodi sono colorati di grigio; il secondo grafico è una rappresentazione in cui i nodi afferenti al seed set (individuati mediante uno dei tre algoritmi considerati) è colorato in rosso, e i restanti nodi sono colorati in grigio; il terzo grafico è una rappresentazione in cui i nodi afferenti al seed set sono colorati in rosso, e i nodi influenzati ("Inf") dal seed set sono colorati in blu, mentre i restanti nodi sono colorati in grigio.

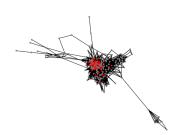
Queste rappresentazioni grafiche, di cui di seguito se ne rilascia solo una parte, mentre è possibile trovare ulteriori grafici sulla repository del progetto nella directory "graphs", permettono di capire quale configurazione riesce a raggiungere e quindi influenzare il maggior numero di nodi.

In particolare, si presentano grafici relativi a sperimentazioni legati alla rete 348, fissando la funzione di costo alla prima, e facendo variare il budget K (160, 320), e usando tutti gli algoritmi a disposizioni, per un totale di oltre 18 grafici. E' possibile produrre ulteriori grafici usando la CLI del programma, come descritto nelle sezioni precedenti.

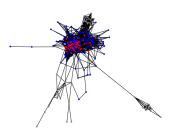
Ad esempio, dai grafici è possibile osservare che l'algoritmo MySeeds performi nettamente meglio in un contesto ad alto budget, mentre gli algoritmi WTSS e CSG riescono in ogni caso a penetrare notevolmente la rete. Si nota che i grafici per K=320 sono disponibili su GitHub.



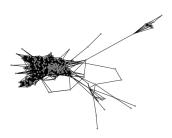
(a) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. CSG - Grafo di base



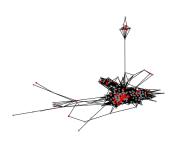
(b) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. CSG - Seed Set



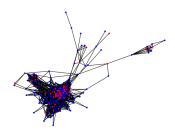
(c) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. CSG - Seed Set & Influenced



(d) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. WTSS - Grafo di base



(e) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. WTSS - Seed Set



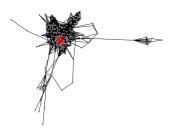
(f) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. WTSS - Seed Set & Influenced



(g) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. MySeeds - Grafo di base



(h) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. MySeeds - Seed Set



(i) Rete 348, K=160, CF=1, Alg. MySeeds - Seed Set & Influenced

4.5 Conclusioni

Dall'analisi dei grafici si può appurare che, oltre al valore k del budget a disposizione per la generazione del seed-set, anche l'algoritmo utilizzato incide fortemente sulla dimensione media dell'insieme dei nodi influenzati. Il Cost-Seeds-Greedy, a parità di budget, è

l'algoritmo che genera risultati migliori e più stabili rispetto agli altri algoritmi utilizzati ed implementati.

5 Bibliografia e riferimenti

- 1. SNAP Datasets: Stanford Large Network Dataset Collection
- 2. Matplotlib
- 3. Networkx
- 4. Ego-Facebook Dataset
- 5. Facebook Graph API