Липецкий государственный технический университет

Кафедра прикладной математики

КОМПЬЮТЕРНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ МАТЕМАТИЧЕСКИХ ИССЛЕДОВАНИЙ

Лекция 10

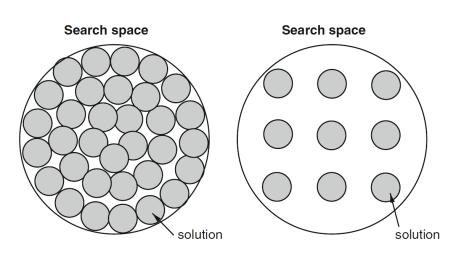
12. Оптимизация в R

Составитель - Сысоев А.С., к.т.н., доцент

Липецк - 2022

Outline

- 12.1. Процедуры слепого поиска
- 12.2. Процедуры локального поиска
- 12.3. Популяционные процедуры поисковой оптимизации
- 12.4. Генетические и эволюционные алгоритмы
- 12.5. Дифференциальная эволюция
- 12.6. Роиные алгоритмы
- 12.7. Estimation of Distribution Algorithm
- 12.8. Сравнение популяционных алгоритмов
- 12.9. Многоцелевая оптимизация



- Другие подходы не дали положительного результата
- Исследуется все пространство решений
- Дискретное пространство решений:
 - Все пространство представляют в виде матрицы и проверяют каждую строку
 - Пространство решений представляют в виде дерева, ветви которого значения переменных, листья решения
- Примеры: поиск в глубину, поиск в ширину
- Главный недостаток: процедура невыполнима, если пространство решений непрерывно или очень велико (что часто случается в реальных задачах)
- Жадный алгоритм (жадный поиск) используется сокращение пространства решений или применяются эвристики
- Метод Монте Карло генерация случайных точек. Очень популярен, т.к. легок в представлении и в компьютерной реализации

полностью слепой поиск

fsearch

• Пространство поиска должно быть определено как матрица формата solutions x D (search)

dfsearch

• Рекурсивная процедура поиска в глубину, требует определения области значений для каждой оптимизируемой переменной (domain)

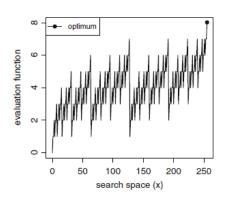
Аргументы – оптимизируемые функции, тип оптимизации – минимизация или максимизация, ...

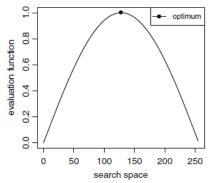
```
# full bind search method
# search - matrix with solutions x D
# FUN - evaluation function
# type - "min" or "max"
# ... - extra parameters for FUN
fsearch=function(search, FUN, type="min", ...)
{
    x=apply(search, 1, FUN, ...) # run FUN over all search rows
    ib=switch(type, min=which.min(x), max=which.max(x))
    return(list(index=ib, sol=search[ib,], eval=x[ib]))
}
```

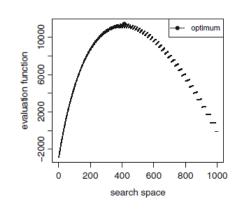
полностью слепой поиск

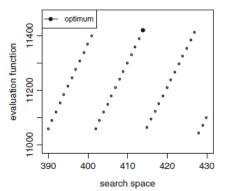
```
# depth-first full search method
  1 - level of the tree
   b - branch of the tree
   domain - vector list of size D with domain values
   FUN - eval function
   type - "min" or "max"
   D - dimension (number of variables)
   x - current solution vector
    bcur - current best sol
     ... - extra parameters for FUN
dfsearch=function(l=1,b=1,domain,FUN,type="min",
  D=length(domain),
                 x=rep(NA,D),
                 bcur=switch(type,min=list(sol=NULL,eval=Inf),
                                  max=list(sol=NULL,eval=-Inf))
{ if ((1-1)==D) # "leave" with solution x to be tested:
     { f=FUN(x,...); fb=bcur$eval
       ib=switch(type, min=which.min(c(fb,f)),
                      \max=\text{which.max}(c(fb,f))
       if(ib==1) return (bcur) else return(list(sol=x,eval=f))
  else # go through sub branches
     { for(j in 1:length(domain[[1]]))
          { x[l] = domain[[l]][j]
            bcur=dfsearch(l+1,j,domain,FUN,type,D=D,
                          x=x, bcur=bcur,...)
       return (bcur)
```

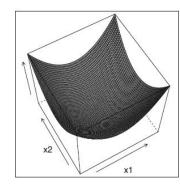
Сумма битов
$$f_{\text{sum of bits}}(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^{D} x_i$$
 $\mathbf{x} = (x_1, \dots, x_D)$ $(x_i \in \{0, 1\})$ Макс. $\sin f_{\text{max sin}}(\mathbf{x}) = \sin (\pi \frac{x'}{2^D})$ $x' = \sum_{i=1}^{D} x_i 2^{i-1}$

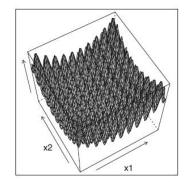












```
# read D bits from integer x:
binint=function(x,D)
 x=rev(intToBits(x)[1:D]) # get D bits
  # remove extra 0s from raw type:
  as.numeric(unlist(strsplit(as.character(x),""))[(1:D)*2])
# convert binary vector into integer: code inspired in
# http://stackoverflow.com/questions/12892348/
# in-r-how-to-convert-binary-string-to-binary-or-decimal-value
intbin=function(x) sum(2^{(which(rev(x==1))-1)})
# sum a raw binary object x (evaluation function):
sumbin=function(x) sum(as.numeric(x))
# max sin of binary raw object x (evaluation function):
maxsin=function(x,Dim) sin(pi*(intbin(x))/(2^Dim))
D=8 # number of dimensions
x=0:(2^D-1) # integer search space
# set full search space in solutions x D:
search=t(sapply(x,binint,D=D))
# set the domain values (D binary variables):
domain=vector("list",D)
for(i in 1:D) domain[[i]]=c(0,1) # bits
# sum of bits, fsearch:
S1=fsearch(search, sumbin, "max") # full search
cat("fsearch best s:",S1$sol,"f:",S1$eval,"\n")
# sum of bits. dfsearch:
S2=dfsearch(domain=domain, FUN=sumbin, type="max")
cat("dfsearch best s:",S2$sol,"f:",S2$eval,"\n")
# max sin, fsearch:
S3=fsearch(search, maxsin, "max", Dim=8) # full search
cat("fsearch best s:",S3$sol,"f:",S3$eval,"\n")
# max sin, dfsearch:
S4=dfsearch(domain=domain, FUN=maxsin, type="max", Dim=8)
cat("dfsearch best s:",S4$sol,"f:",S4$eval,"\n")
```

```
> x=intToBits(7)[1:4]; print(x)
[1] 01 01 01 00
> x=rev(x); print(x)
[1] 00 01 01 01
> x=strsplit(as.character(x),""); print(x)
[[1]]
[1] "0" "0"
[[2]]
[1] "0" "1"
[[3]]
[1] "0" "1"
[[4]]
[1] "0" "1"
> x=unlist(x); print(x)
[1] "0" "0" "0" "1" "0" "1" "0" "1"
> x=as.numeric(x[(1:4)*2]); print(x)
[1] 0 1 1 1
> source("binary-blind.R")
fsearch best s: 1 1 1 1 1 1 1 1 f: 8
dfsearch best s: 1 1 1 1 1 1 1 1 f: 8
fsearch best s: 1 0 0 0 0 0 0 0 f: 1
dfsearch best s: 1 0 0 0 0 0 0 0 f: 1
```

жадный поиск

- Сокращение размерности пространства решений:
 - равномерный план
 - гнездовой план (не полностью слепой, решение по результату)
- Проклятие размерности (оценка сложности O(L^D))
- Дополнительные параметры, которые требуют установки (шаг сетки, количество узлов гнезда)
- Нет гарантии достижения глобального оптимума

```
# standard grid search method (uses fsearch)
# step - vector with step size for each dimension D
# lower - vector with lowest values for each dimension
# upper - vector with highest values for each dimension
# FUN - evaluation function
# type - "min" or "max"
# ... - extra parameters for FUN
```

жадный поиск

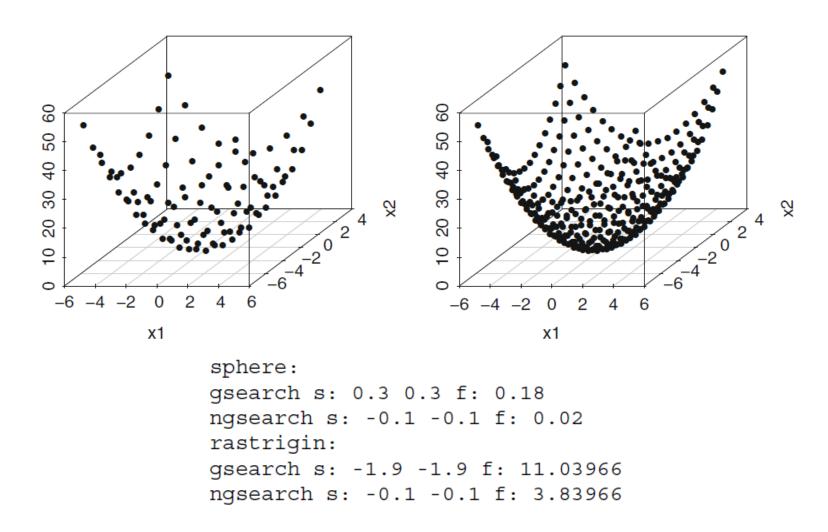
```
qsearch=function(step,lower,upper,FUN,type="min",...)
{ D=length(step) # dimension
  domain=vector("list",D) # domain values
  L=vector(length=D) # auxiliary vector
  for(i in 1:D)
     { domain[[i]] = seq(lower[i], upper[i], by=step[i])
       L[i] = length(domain[[i]])
  LS=prod(L)
  s=matrix(ncol=D, nrow=LS) # set the search space
  for(i in 1:D)
     if(i==1) E=1 else E=E*L[i-1]
     s[,i]=rep(domain[[i]],length.out=LS,each=E)
  fsearch(s,FUN,type,...) # best solution
# standard grid search method (uses dfsearch)
gsearch2=function(step,lower,upper,FUN,type="min",...)
{ D=length(step) # dimension
  domain=vector("list",D) # domain values
  for(i in 1:D) domain[[i]] = seq(lower[i], upper[i], by = step[i])
  dfsearch(domain=domain, FUN=FUN, type=type, ...) # solution
```

жадный поиск

```
# nested grid search method (uses fsearch)
     levels - number of nested levels
ngsearch=function(levels, step, lower, upper, FUN, type, ...)
{ stop=FALSE; i=1 # auxiliary objects
 bcur=switch(type,min=list(sol=NULL,eval=Inf),
                   max=list(sol=NULL,eval=-Inf))
 while(!stop) # cycle while stopping criteria is not met
     s=qsearch(step,lower,upper,FUN,type,...)
     # if needed, update best current solution:
     if( (type=="min" && s$eval<bcur$eval)||
         (type=="max" && s$eval>bcur$eval)) bcur=s
     if(i<levels) # update step, lower and upper:
       { step=step/2
         interval=(upper-lower)/4
         lower=sapply(lower, max, s$sol-interval)
         upper=sapply(upper,min,s$sol+interval)
    if(i>=levels | sum((upper-lower)<=step)>0) stop=TRUE
    else i=i+1
 return(bcur) # best solution
```

```
cost(x_i) = 100 + u_i \times sales(x_i)
  Цена
                                                       sales(x_i) = round((1000/\ln(x_i + 200) - 141) \times m_i)
            f_{\text{bag prices}} = \sum_{i=1}^{n} x_i \times sales(x_i) - cost(x_i)
портфеля
                                                       \mathbf{m} = (2.0, 1.75, 1.5, 1.25, 1.0)
                                                        \mathbf{u} = (\$30, \$25, \$20, \$15, \$10)
                      f_{\text{sphere}}(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^{D} x_i^2
 Сфера
Функция
             f_{\text{rastrigin}}(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^{D} (x_i^2 - 10\cos 2\pi x_i + 10)
Растриги-
    на
    # grid search for all bag prices, step of 100$
    PTM=proc.time() # start clock
    S1=qsearch(rep(100,5),rep(1,5),rep(1000,5),profit,"max")
    sec=(proc.time()-PTM)[3] # get seconds elapsed
    cat("gsearch best s:",S1$sol,"f:",S1$eval,"time:",sec,"s\n")
    # grid search 2 for all bag prices, step of 100$
    PTM=proc.time() # start clock
    S2=qsearch2(rep(100,5),rep(1,5),rep(1000,5),profit,"max")
    sec=(proc.time()-PTM)[3] # get seconds elapsed
    cat("gsearch2 best s:",S2$sol,"f:",S2$eval,"time:",sec,"s\n")
```

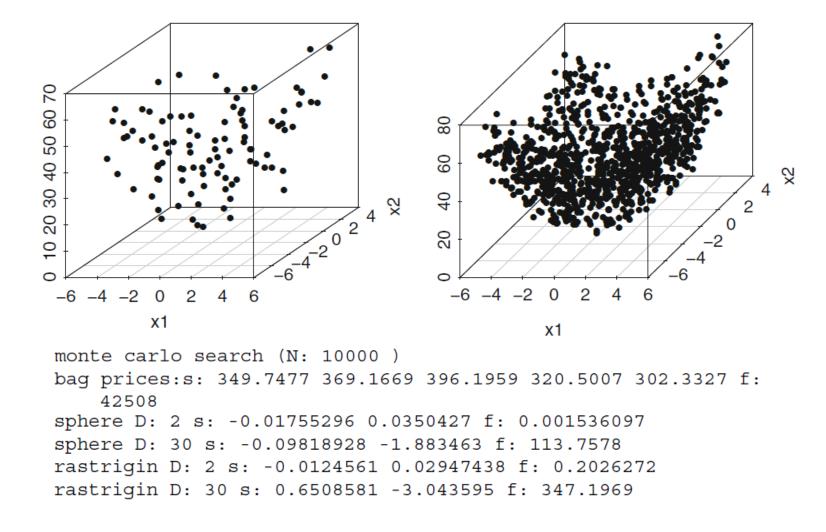
```
# nested grid with 3 levels and initial step of 500$
PTM=proc.time() # start clock
S3=ngsearch(3,rep(500,5),rep(1,5),rep(1000,5),profit,"max")
sec=(proc.time()-PTM)[3] # get seconds elapsed
cat("ngsearch best s:",S3$sol,"f:",S3$eval,"time:",sec,"s\n")
gsearch best s: 401 401 401 401 501 f: 43142 time: 4.149 s
gsearch2 best s: 401 401 401 401 501 f: 43142 time: 5.654 s
ngsearch best s: 376.375 376.375 376.375 501.375 501.375 f:
    42823 time: 0.005 s
# real-value functions: sphere and rastrigin:
sphere=function(x) sum(x^2)
rastrigin=function(x) 10*length(x) + sum(x^2 - 10*cos(2*pi*x))
cat("sphere:\n") # D=2, easy task
S=gsearch(rep(1.1,2), rep(-5.2,2), rep(5.2,2), sphere, "min")
cat("gsearch s:",S$sol,"f:",S$eval,"\n")
S=ngsearch(3,rep(3,2),rep(-5.2,2),rep(5.2,2),sphere,"min")
cat("ngsearch s:",S$sol,"f:",S$eval,"\n")
cat("rastrigin:\n") # D=2, easy task
S=gsearch(rep(1.1,2), rep(-5.2,2), rep(5.2,2), rastrigin, "min")
cat("gsearch s:",S$sol,"f:",S$eval,"\n")
S=ngsearch(3,rep(3,2),rep(-5.2,2),rep(5.2,2),rastrigin,"min")
cat("ngsearch s:",S$sol,"f:",S$eval,"\n")
```



МЕТОДЫ МОНТЕ КАРЛО

```
# montecarlo uniform search method
    N - number of samples
    lower - vector with lowest values for each dimension
    upper - vector with highest values for each dimension
     domain - vector list of size D with domain values
   FUN - evaluation function
  type - "min" or "max"
    ... - extra parameters for FUN
mcsearch=function(N,lower,upper,FUN,type="min",...)
{ D=length(lower)
  s=matrix(nrow=N,ncol=D) # set the search space
  for(i in 1:N) s[i,]=runif(D,lower,upper)
  fsearch(s,FUN,type,...) # best solution
               D=c(2,30)
               label="sphere"
               for(i in 1:length(D))
                   { S=mcsearch(N,rep(-5.2,D[i]),rep(5.2,D[i]),sphere,"min")
                    cat(label, "D: ", D[i], "s: ", S$sol[1:2], "f: ", S$eval, "\n")
               label="rastrigin"
               for(i in 1:length(D))
                   { S=mcsearch(N,rep(-5.2,D[i]),rep(5.2,D[i]),rastrigin,"min")
                    cat(label, "D: ", D[i], "s: ", S$sol[1:2], "f: ", S$eval, "\n")
```

МЕТОДЫ МОНТЕ КАРЛО

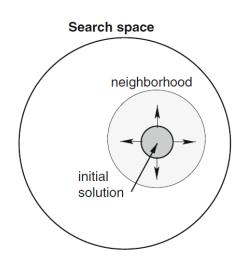


ПОИСК ВОСХОЖДЕНИЕМ К ВЕРШИНЕ

Поиск восхождением к вершине (восхождение) — это техника математической оптимизации, принадлежащая семейству алгоритмов локального поиска. Алгоритм является методом итерации, который начинается с произвольного решения задачи, а затем пытается найти лучшее решение путём пошагового изменения одного из элементов решения. Если решение даёт лучшее решение, делается приращение для получения нового решения и оно делается, пока не достигнем момента, в котором улучшение найти не удаётся.

Algorithm Pure hill climbing optimization method

1: **Inputs:** *S*, *f*, *C* $\triangleright S$ is the initial solution, f is the evaluation function, C includes control parameters $2: i \leftarrow 0$ $\triangleright i$ is the number of iterations of the method 3: while not termination_criteria(S, f, C, i) do $S' \leftarrow change(S, C)$ ▶ new solution $B \leftarrow best(S, S', f)$ ▶ best solution for next iteration 5: $S \leftarrow B$ ▶ deterministic select function 6: $i \leftarrow i + 1$ 8: end while 9: **Output:** *B* ▶ the best solution

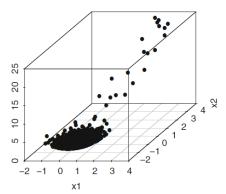


ПОИСК ВОСХОЖДЕНИЕМ К ВЕРШИНЕ

```
# pure hill climbing:
     par - initial solution
     fn - evaluation function
     change - function to generate the next candidate
     lower - vector with lowest values for each dimension
     upper - vector with highest values for each dimension
     control - list with stopping and monitoring method:
        $maxit - maximum number of iterations
       $REPORT - frequency of monitoring information
   type - "min" or "max"
    ... - extra parameters for FUN
hclimbing=function(par,fn,change,lower,upper,control,
                  type="min",...)
{ fpar=fn(par,...)
 for(i in 1:control$maxit)
     par1=change(par,lower,upper)
     fpar1=fn(par1,...)
     if(control$REPORT>0 &&(i==1||i%*control$REPORT==0))
       cat("i:",i,"s:",par,"f:",fpar,"s'",par1,"f:",fpar1,"\n")
     if( (type=="min" && fpar1<fpar)</pre>
        | (type=="max" && fpar1>fpar)) { par=par1;fpar=fpar1 }
 if(control$REPORT>=1) cat("best:",par,"f:",fpar,"\n")
 return(list(sol=par,eval=fpar))
```

ПОИСК ВОСХОЖДЕНИЕМ К ВЕРШИНЕ

```
# slight random change of vector par:
# par - initial solution
# lower - vector with lowest values for each dimension
# upper - vector with highest values for each dimension
# dist - random distribution function
# round - use integer (TRUE) or continuous (FALSE) search
# ... - extra parameters for dist
# examples: dist=rnorm, mean=0, sd=1; dist=runif, min=0,max=1
hchange=function(par,lower,upper,dist,round=TRUE,...)
{ D=length(par) # dimension
    step=dist(D,...) # slight step
    if(round) step=round(step)
    par1=par+step
    # return par1 within [lower,upper]:
    return(ifelse(par1<lower,lower,ifelse(par1>upper,upper,par1)))
}
```

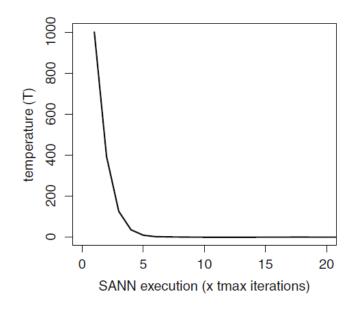


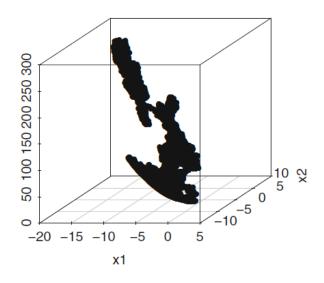
АЛИЖТО ВИДАТИМИ

Algorithm Simulated annealing search as implemented by the optim function $\triangleright S$ is the initial solution, f is the evaluation function, C contains control 1: **Inputs:** S, f, C parameters (maxit, T and tmax)2: $maxit \leftarrow get_maxit(C)$ ▶ maximum number of iterations 3: $T \leftarrow get_temperature(C)$ ▶ temperature, should be a high number 4: $tmax \leftarrow get_tmax(C)$ > number of evaluations at each temperature 5: $fs \leftarrow f(S)$ \triangleright evaluation of S 6: $B \leftarrow S$ ▶ best solution 7: $i \leftarrow 0$ $\triangleright i$ is the number of iterations of the method 8: while i < maxit do *maxit* is the termination criterion for $j = 1 \rightarrow tmax$ do \triangleright cycle *j* from 1 to *tmax* $S' \leftarrow change(S, C)$ ▶ new solution (might depend on T) 10: $fs' \leftarrow f(S')$ \triangleright evaluation of S'11: $r \leftarrow \mathcal{U}(0,1)$ 12: > random number, uniform within [0, 1] $p \leftarrow \exp\left(\frac{fs'-fs}{T}\right)$ 13: \triangleright probability P(S, S', T) (Metropolis function) if $fs' < fs \lor r < p$ then $S \leftarrow S'$ \triangleright accept best solution or worst if r < p14: end if 15: if fs' < fs then $B \leftarrow S'$ 16: end if 17: $i \leftarrow i + 1$ 18: 19: end for $T \leftarrow \frac{T}{\log(i/tmax) \times tmax + \exp(1)}$ 20: 21: end while 22: **Output:** *B* ▶ the best solution

АЛИЖТО ВИДАТИМИ

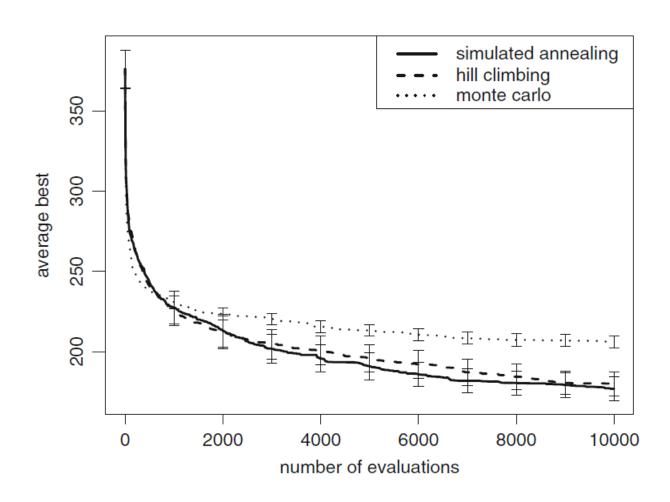
Алгоритм основывается на имитации физического процесса, который происходит при кристаллизации вещества, в том числе при отжиге металлов. Предполагается, что атомы уже выстроились в кристаллическую решётку, но ещё допустимы переходы отдельных атомов из одной ячейки в другую. Предполагается, что процесс протекает при постепенно понижающейся температуре. Переход атома из одной ячейки в другую происходит с некоторой вероятностью, причём вероятность уменьшается с понижением температуры. Устойчивая кристаллическая решётка соответствует минимуму энергии атомов, поэтому атом либо переходит в состояние с меньшим уровнем энергии, либо остаётся на месте.



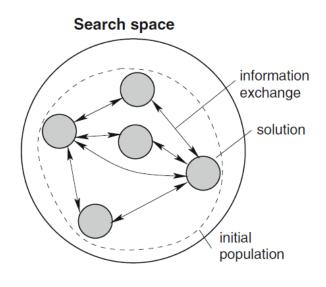


ПОИСК С ЗАПРЕТАМИ

Algorithm Tabu search 1: **Inputs:** *S*, *f*, *C* $\triangleright S$ is the initial solution, f is the evaluation function, C contains control parameters (maxit, L and N)2: $maxit \leftarrow get_maxit(C)$ ▶ maximum number of iterations 3: $L \leftarrow get_L(C)$ ▶ length of the tabu list 4: $N \leftarrow get_N(C)$ ▶ number of neighbor configurations to check at each iteration 5: $List \leftarrow \{\}$ ▶ tabu list (first in, first-out queue) 6: $i \leftarrow 0$ $\triangleright i$ is the number of iterations of the method \triangleright maxit is the termination criterion 7: while i < maxit do for $j = 1 \rightarrow N$ do \triangleright cycle *j* from 1 to *N* 9: $S' \leftarrow change(S, C)$ ▶ new solution 10: $CList \leftarrow \{\}$ ▷ candidate list if $S' \notin List$ then $CList \leftarrow CList \cup S'$ \triangleright add S' into CList11: 12: end if end for 13: $S' \leftarrow best(CList, f)$ 14: ▶ get best candidate solution \triangleright if S' is better than S15: if isbest(S', S, f) then $List \leftarrow List \cup S'$ \triangleright enqueue S' into List16: 17: if length(List) > L then dequeue(L)▶ remove oldest element 18: end if $S \leftarrow S'$ 19: \triangleright set S as the best solution S' 20: end if $i \leftarrow i + 1$ 21: 22: end while 23: **Output:** *S* ▶ the best solution



12.3. Популяционные процедуры поисковой оптимизации



- Локальный поиск в окрестности <u>одной</u> точки
- Популяционный поиск генетические алгоритмы, эволюционные алгоритмы, ...
- Больше вычислительных усилий, но: быстрее сходимость.
- Алгоритмы различаются: как представлены решения и какие атрибуты с ними связаны, как строится новое решение.

• В основном механизмы построения решений заимствованы из природы: генетика, естественный отбор, коллективное поведение животных и растений.

Эволюционные вычисления (ЭВ) лежат в основе нескольких алгоритмов оптимизации и основаны на феномене <u>естественного отбора</u> и <u>принципа состязательности</u>.

Генетические алгоритмы (ГА) в самом начале оперировали только бинарным представлением решения с применением процедуры кроссовера для получения нового решения. Позднее идеи ЭВ были применены для построения ГА с целью работы с исходным представлением решения задачи и регулирования генетических операторов от кроссовера до простой мутации.

Биологическая терминология:

Особь, популяция

Генотип, геном, хромосома – структура особи, популяции

Ген – позиция в хромосоме, аллель – значение гена

Фенотип – совокупность признаков, оценка, насколько особь «хороша» (целевая функция)

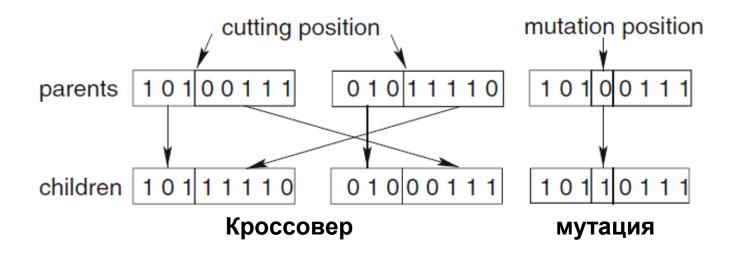
Размножение – совокупность кроссовера и мутаций. Участвуют два предка, получается потомок, отличный от остальных из-за мутации.

Genetic/evolutionary algorithm as implemented by the genalg

```
package
                             \triangleright f is the evaluation (fitness) function, C includes control parameters
 1: Inputs: f, C
 2: P \leftarrow initialization(C)
                                                                           > random initial population
 3: N_P \leftarrow get\_population\_size(C)
                                                                                      > population size
                                                           ▶ number of best individuals kept (elitism)
 4: E \leftarrow get\ elitism(C)
 5: i \leftarrow 0
                                                         \triangleright i is the number of iterations of the method
 6: while i < maxit do
 7: F_P \leftarrow f(P)
                                                                         > evaluate current population
    P_E \leftarrow best(P, F_P, E)
                                                \triangleright set the elitism population (lowest E fitness values)
       Parents \leftarrow selectparents(P, F_P, N_P - E) \triangleright select N_P - E parents from current
    population
                                                                  \triangleright create N_P - E children solutions
10: Children \leftarrow crossover(Parents, C)
11:
        Children \leftarrow mutation(Children, maxit, i)
                                                                  > apply the mutation operator to the
    children
12: P \leftarrow E \cup Children

    ▶ set the next population

13: i \leftarrow i + 1
14: end while
15: Output: P
                                                                                      ▶ last population
```



Мутация «реальных» генов

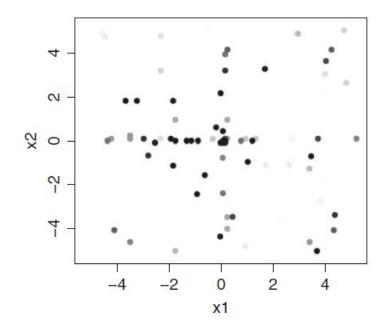
$$g' = 0.67 \times r_d \times d_f \times R_g$$

 $r_d \in \{-1, 1\}$
 $d_f = (maxit - i)/maxit$
 $R_g = \max(g) - \min(g)$

```
### bag-genalg.R file ###
library(genalg) # load genalg package
source("functions.R") # load the profit function
# genetic algorithm search for bag prices:
D=5 # dimension (number of prices)
MaxPrice=1000
Dim=ceiling(log(MaxPrice,2)) # size of each price (=10)
size=D*Dim # total number of bits (=50)
intbin=function(x) # convert binary to integer
{ sum(2^{(which(rev(x==1))-1)})} # explained in Chapter 3
bintbin=function(x) # convert binary to D prices
{ # note: D and Dim need to be set outside this function
  s=vector(length=D)
  for(i in 1:D) # convert x into s:
  \{ ini=(i-1)*Dim+1; end=ini+Dim-1 \}
    s[i]=intbin(x[ini:end])
  return(s)
bprofit=function(x) # profit for binary x
{ s=bintbin(x)
  s=ifelse(s>MaxPrice,MaxPrice,s) # repair!
  f=-profit(s) # minimization task!
  return(f)
```

```
# genetic algorithm execution:
G=rbga.bin(size=size,popSize=50,iters=100,zeroToOneRatio=1,
   evalFunc=bprofit,elitism=1)
# show results:
b=which.min(G$evaluations) # best individual
cat("best:", bintbin(G$population[b,]), "f:", -G$evaluations[b],
    "\n")
pdf("qenalq1.pdf") # personalized plot of G results
plot(-G$best,type="l",lwd=2,ylab="profit",xlab="generations")
lines(-G$mean, lty=2, lwd=2)
legend("bottomright",c("best","mean"),lty=1:2,lwd=2)
dev.off()
summary(G,echo=TRUE) # same as summary.rbga
> source("bag-genalg.R")
best: 427 431 425 355 447 f: 43671
GA Settings
                       = binary chromosome
 Type
 Population size
                       = 50
 Number of Generations = 100
 Elitism
 Mutation Chance = 0.0196078431372549
Search Domain
 Var 1 = [,]
 Var 0 = [,]
GA Results
 0\ 1\ 0\ 1\ 0\ 0\ 1\ 0\ 1\ 0\ 1\ 1\ 0\ 0\ 1\ 1\ 0\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1
```

```
### sphere-genalg.R file ###
library(genalg) # load genalg
# evolutionary algorithm for sphere:
sphere=function(x) sum(x^2)
monitor=function(obj)
{ if(i==1)
    { plot(obj$population,xlim=c(-5.2,5.2),ylim=c(-5.2,5.2),
           xlab="x1", ylab="x2", type="p", pch=16,
           col=gray(1-i/maxit))
  else if(i%%K==0) points(obj$population,pch=16,
                          col=gray(1-i/maxit))
  i<<-i+1 # global update
maxit=100
K=5 # store population values every K generations
i=1 # initial generation
# evolutionary algorithm execution:
pdf("genalg2.pdf", width=5, height=5)
set.seed(12345) # set for replicability purposes
E=rbga(rep(-5.2,D),rep(5.2,D),popSize=5,iters=maxit,
       monitorFunc=monitor,evalFunc=sphere)
b=which.min(E$evaluations) # best individual
cat("best:", E$population[b,], "f:", E$evaluations[b], "\n")
dev.off()
```



> source("sphere-genalg.R")
best: 0.05639766 0.009093091 f: 0.00326338

12.5. Дифференциальная эволюция

- Используются арифметические операции при построении нового решения
- Выбор трех особей (s₁, s₂, s₃)
- Создание мутанта

$$s_{m,j} = s_{1,j} + F \times (x_{2,j} - x_{3,j}), F \in [0,2]$$

• Если созданный мутант выходит за границы, то

$$s_{m,j} = \max(s_j) - \mathcal{U}(0,1)(\max(s_j) - \min(s_j))$$
 $s_{m,j} > \max(s_j)$
 $s_{m,j} = \min(s_j) + \mathcal{U}(0,1)(\max(s_j) - \min(s_j))$ $s_{m,j} < \max(s_j)$

- Новые потомки создаются до тех пор, пока все гены не мутируют или r > CR, r = U(0,1), CR вероятность кроссовера.
- Новая популяция полученные потомки и оставшиеся родители.

12.5. Дифференциальная эволюция

Differential evolution algorithm as implemented by the DEoptim

```
package
1: Inputs: f, C \triangleright f is the evaluation (fitness) function, C includes control parameters
2: P \leftarrow initialization(C)
                                                                              ▶ set initial population
3: B \leftarrow best(P, f)
                                                             ▶ best solution of the initial population
4: i \leftarrow 0
                                                       \triangleright i is the number of iterations of the method
 5: while not termination\_criteria(P, f, C, i) do
                                                            ▶ DEoptim uses up to three termination
    criteria
       for each individual s \in P do
                                                                   > cycle all population individuals
6:
           s' \leftarrow mutation(P,C) \triangleright differential mutation, uses parameters F and CR
           if f(s') < f(s) then P \leftarrow replace(P, s, s') > replace s by s' in the population
9:
           end if
           if f(s') < f(B) then B \leftarrow s'
10:
                                                                                 ▶ minimization goal
            end if
11:
12:
        end for
13:
        i \leftarrow i + 1
14: end while
15: Output: B, P
                                                                  ▶ best solution and last population
```

12.5. Дифференциальная эволюция

```
### sphere-DEoptim.R file ###
    library (DEoptim) # load DEoptim
    sphere=function(x) sum(x^2)
    D=2
    maxit=100
    set.seed(12345) # set for replicability
    C=DEoptim.control(strategy=1,NP=5,itermax=maxit,CR=0.9,F=0.8,
                     trace=25, storepopfrom=1, storepopfreq=1)
    # perform the optimization:
    D=suppressWarnings(DEoptim(sphere,rep(-5.2,D),rep(5.2,D),
                              control=C))
    # show result:
    summary(D)
    pdf("DEoptim.pdf", onefile=FALSE, width=5, height=9,
        colormodel="gray")
    plot(D,plot.type="storepop")
    dev.off()
    cat("best:",D$optim$bestmem,"f:",D$optim$bestval,"\n")
> source("sphere-DEoptim.R")
Iteration: 25 bestvalit: 0.644692 bestmemit:
                                               0.799515
     0.073944
Iteration: 50 bestvalit: 0.308293 bestmemit:
                                               0.550749
    -0.070493
Iteration: 75 bestvalit: 0.290737 bestmemit:
                                               0.535771
    -0.060715
Iteration: 100 bestvalit: 0.256731 bestmemit:
                                                0.504867
    -0.042906
**** summary of DEoptim object ****
best member : 0.50487 -0.04291
best value
            : 0.25673
after : 100 generations
fn evaluated : 202 times
*********
best: 0.5048666 -0.0429055 f: 0.2567311
```

12.6. Роиные алгоритмы

Particle swarm optimization pseudo-code for SPSO 2007 and 2011 1: **Inputs:** *f*, *C* \triangleright f is the fitness function, C includes control parameters 2: $P \leftarrow initialization(C)$ ▶ set initial swarm (topology, random position and velocity, previous best and previous best position found in the neighborhood) 3: $B \leftarrow best(P, f)$ ▶ best particle $4: i \leftarrow 0$ $\triangleright i$ is the number of iterations of the method 5: while not termination criteria (P, f, C, i) do for each particle $x = (s, v, p, l) \in P$ do > cycle all particles 6: 7: $v \leftarrow velocity(s, v, p, l)$ \triangleright compute new velocity for x \triangleright move the particle to new position s (mutation) $s \leftarrow s + v$ $s \leftarrow confinement(s, C)$ \triangleright adjust position s if it is outside bounds 10: if f(s) < f(p) then $p \leftarrow s$ □ update previous best 11: end if 12: $x \leftarrow (s, v, p, l)$ ▶ update particle 13: if f(s) < f(B) then $B \leftarrow s$ ▶ update best value 14: end if 15: end for 16: $i \leftarrow i + 1$ 17: end while 18: **Output:** *B* ▶ best solution

12.6. Роиные алгоритмы

```
### sphere-psoptim.R file ###
                                                                                         par1
library(pso) # load pso
sphere=function(x) sum(x^2)
D=2; maxit=10; s=5
set.seed(12345) # set for replicability
C=list(trace=1, maxit=maxit, REPORT=1, trace.stats=1, s=s)
# perform the optimization:
                                                                                20
                                                                                       40
                                                                                              60
                                                                                                     80
                                                                                                           100
PSO=psoptim(rep(NA,D),fn=sphere,lower=rep(-5.2,D),
                                                                                     stored population
             upper=rep(5.2,D),control=C)
# result:
                                                                                         par2
pdf("psoptim1.pdf", width=5, height=5)
j=1 # j-th parameter
plot(xlim=c(1, maxit), rep(1, s), PSO$stats$x[[1]][j,], pch=19,
     xlab="iterations",ylab=paste("s ",j," value",sep=""))
for(i in 2:maxit) points(rep(i,s), PSO$stats$x[[i]][j,],pch=19) > dev.off()
pdf("psoptim2.pdf", width=5, height=5)
plot (PSO$stats$error, type="l", lwd=2, xlab="iterations",
                                                                                20
                                                                                       40
                                                                                              60
                                                                                                     80
                                                                                                           100
     ylab="best fitness")
                                                                                     stored population
dev.off()
cat("best:", PSO$par, "f:", PSO$value, "\n")
```

12.7. Estimation of Distribution Algorithm

Generic EDA pseudo-code implemented in copulaedas package, adapted from Gonzalez-Fernandez and Soto (2012)

```
\triangleright f is the fitness function, C includes control parameters (e.g., N_P)
 1: Inputs: f, C
2: P \leftarrow initialization(C)
                                                            ▶ set initial population (seeding method)
 3: if required then P \leftarrow local\_optimization(P, f, C) > apply local optimization to P
4: end if
5: B \leftarrow best(P, f)
                                                                     ▶ best solution of the population
6: i \leftarrow 0
                                                        \triangleright i is the number of iterations of the method
 7: while not termination criteria (P, f, C) do
        P' \leftarrow selection(P, f, C)
                                                                             \triangleright selected population P'
     M \leftarrow learn(P')
                                               \triangleright set probabilistic model M using a learning method
    P' \leftarrow sample(M) > set sampled population from M using a sampling method
        if required then P' \leftarrow local\_optimization(P', f, C) \triangleright apply local optimization to
    P'
12:
        end if
13: B \leftarrow best(B, P', f)

    □ update best solution (if needed)

     P \leftarrow replacement(P, P', f, C) > create new population using a replacement method
15:
        i \leftarrow i + 1
16: end while
17: Output: B
                                                                                        ▶ best solution
```

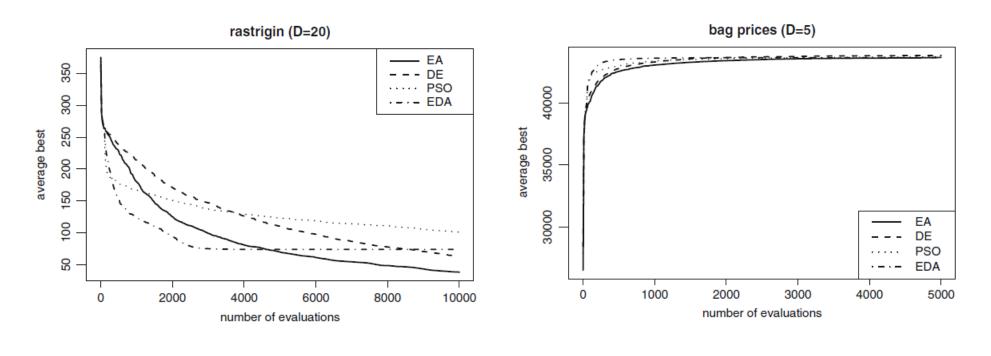
12.7. Estimation of Distribution Algorithm

```
### sphere-EDA.R file ###
library(copulaedas)
sphere=function(x) sum(x^2)
D=2; maxit=10; LP=5
set.seed(12345) # set for replicability
# set termination criterion and report method:
setMethod("edaTerminate", "EDA", edaTerminateMaxGen)
setMethod("edaReport", "EDA", edaReportSimple)
# set EDA type:
UMDA=CEDA(copula="indep", margin="norm", popSize=LP, maxGen=maxit)
UMDA@name="UMDA (LP=5)"
# run the algorithm:
E=edaRun(UMDA, sphere, rep(-5.2, D), rep(5.2, D))
# show result:
show(E)
cat("best:", E@bestSol, "f:", E@bestEval, "\n")
# second EDA execution, using LP=100:
maxit=10; LP=100;
UMDA=CEDA(copula="indep", margin="norm", popSize=LP, maxGen=maxit)
UMDA@name="UMDA (LP=100)"
setMethod("edaReport", "EDA", edaReportDumpPop) # pop *.txt files
E=edaRun(UMDA, sphere, rep(-5.2, D), rep(5.2, D))
show(E)
cat("best:",E@bestSol,"f:",E@bestEval,"\n")
# read dumped files and create a plot:
pdf("eda1.pdf", width=7, height=7)
i=1: # i-th parameter
i=1;d=read.table(paste("pop ",i,".txt",sep=""))
plot(xlim=c(1, maxit), rep(1, LP), d[, j], pch=19,
     xlab="iterations",ylab=paste("s ",j," value",sep=""))
for(i in 2:maxit)
{ d=read.table(paste("pop ",i,".txt",sep=""))
  points(rep(i,LP),d[,j],pch=19)
dev.off()
```

```
> source("sphere-EDA.R")
                 Minimum
                                        Std. Dev.
 Generation
                                Mean
          1 7.376173e+00 1.823098e+01 6.958909e+00
          2 7.583753e+00 1.230911e+01 4.032899e+00
          3 8.001074e+00 9.506158e+00 9.969029e-01
          4 7.118887e+00 8.358575e+00 9.419817e-01
          5 7.075184e+00 7.622604e+00 3.998974e-01
          6 7.140877e+00 7.321902e+00 1.257652e-01
          7 7.070203e+00 7.222189e+00 1.176669e-01
          8 7.018386e+00 7.089300e+00 4.450968e-02
          9 6.935975e+00 7.010147e+00 7.216829e-02
         10 6.927741e+00 6.946876e+00 1.160758e-02
Results for UMDA (LP=5)
Best function evaluation
                              6.927741e+00
No. of generations
No. of function evaluations 50
CPU time
                              0.103 seconds
best: 1.804887 -1.915757 f: 6.927741
Results for UMDA (LP=100)
Best function evaluation
                              5.359326e-08
No. of generations
No. of function evaluations 1000
CPU time
                              0.036 seconds
best: -0.00013545 0.0001877407 f: 5.359326e-08
       N
```

iterations

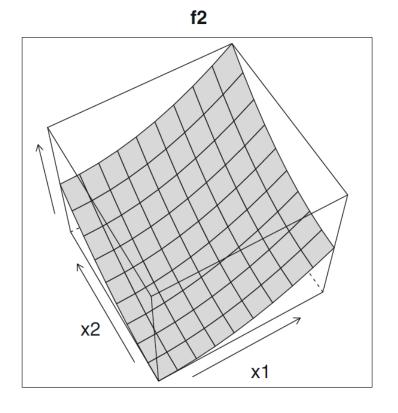
12.12. Сравнение популяционных алгоритмов



rastrigin (D=20) EA DE PSO EDA 38 64 101 74 (average best) 100 94 2 58 (%successes) EA DE PSO EDA 43674 43830 43722 43646 (average best) 96 100 100 92 (%successes)

12.9. Многоцелевая оптимизация

$$\{f_1 = \sum_{i=1}^{D} |x_i - \exp((i/D)^2)/3|^{0.5}, f_2 = \sum_{i=1}^{D} (x_i - 0.5\cos(10\pi i/D) - 0.5)^2\}$$



12.9. Многоцелевая оптимизация

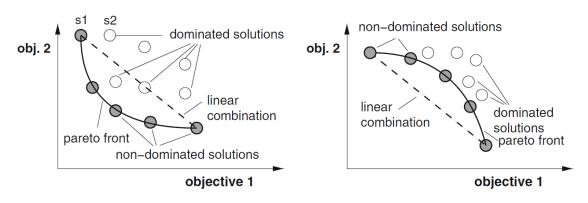
ВЗВЕШЕННЫЙ ФУНКЦИОНАЛ

$$Q = w_1 \times g_1 + w_2 \times g_2 + \dots + w_n \times g_n$$

$$Q = g_1^{w_1} \times g_1^{w_2} \times \dots \times g_n^{w_n}$$

 g_i – цели, w_i – веса.

Недостатки: идеальные веса определить невозможно (основание – интуиция); различные комбинации весов приводят к различным решениям (новые процедуры оптимизации); при корректном определении весов поиск исключает возможные «компромиссы».



12.9. Многоцелевая оптимизация

ЛЕКСИКОГРАФИЧЕСКИЙ ПОДХОД

• У различных целей разный приоритет оптимизации

Преимущество: по сравнению с взвешиванием отсутствует проблема смешивания несравнимых показателей.

Недостаток: необходимость определения приоритета и порога значимости.

ИСПОЛЬЗОВАНИЕ ПРИНЦИПА ПАРЕТО

Решение s_1 доминирует (в смысле Парето) над решением s_2 , если s_1 лучше хотя бы для одного показателя и не хуже, чем s_2 для других. Решение s_i не доминирует, если нет такого s_j , которое доминирует над s_i и линия Парето содержит все недоминирующие решения. Используя такой подход, многоцелевая оптимизация по Парето дает набор недоминирующих решений, а не одно решение.

Литература

P. Cortez Modern Optimization with R // Springer International Publishing Switzerland 2014