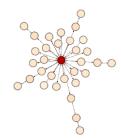
Jorge Fábrega

Redes **Sociales**



1

Objetivos de la clase

- Introducir aplicaciones estadísticas clave en teoría de redes que permiten modelar formación y evolución de vínculos.
- Mostrar cómo distintos modelos (ERGMs, Ising, EGA) capturan regularidades estructurales, dinámicas y latentes.
- Conectar intuiciones sociales con fundamentos matemáticos

2

¿Por qué estudiar estadísticas en redes?

- Las redes sociales no son aleatorias: muestran regularidades estructurales (reciprocidad, homofilia, cierre triádico).
- Los grafos empíricos son solo una muestra parcial: necesitamos inferir y generalizar.
- Nos interesa explicar cómo emergen configuraciones colectivas a partir de decisiones locales.
- Ante eso: La estadística nos permite:
 - Comparar la red observada con un mundo contrafactual (qué pasaría
 - ces.

"por azar").					
 Identificar mecanismos 	sociales	ocultos	detrás	de los	enlac

Tues	enfoques		
ires	entoques	brinciba	ıes

- Estructurales
 - Pregunta: ¿Qué patrones locales explican la red?
 Ejemplos: ERGMs, block models.

 - Enfoque: regularidades en triángulos, reciprocidad, centralidad.

• Dinámicos

- Pregunta: ¿Cómo cambian los enlaces en el tiempo?
 Ejemplos: TERGMs, preferential attachment.
- Enfoque: evolución de tríadas, coevolución de atributos y vínculos.

- Pregunta: ¿Qué estructuras invisibles generan la red?
 Ejemplos: Ising, Expected Graph Models (EGA).
- Enfoque: detectar dimensiones ocultas (ideología, rasgos psicológicos, etc.).

4



5



Exponential Random Graph Models





¿cuál es la probabilidad de que A sea amigo de B?

¿qué combinación de lazos de amistad en toda la clase es más probable, dadas las características de los nodos y de la red en su conjunto?

7

ERGMs



- Es el "equivalente" en redes a un general lineal model
- Expected Random Graph Model (ERGM) es una familia de modelos que permite testear hipótesis sobre qué explica la formación/características de una red.
 Por ejemplo: Si para una red G, tu hipótesis implica que:
 La cantidad de conexiones importa > testear densidad

 - La reciprocidad importa → testear relaciones no dirigidas
 - La formación de comunidades importa → testear tríadas
 - Los atributos de los nodos importa → testear su distribución, homofilia,... Etc...

8

La intuición



- · "Es como" una regresión logística, pero para redes.
- Básicamente, buscamos probabilidad de que exista un link entre los nodos i y j, $P(a_g$ =1) dado el resto de la estructura del grafo en las características que consideras que explican la red, G. Es decir: $P(a_g$ =1|G)
- El output de un ERGM es un odd-ratio para cada una de esas características del siguiente modo:

 $log(P(a_{ij}=1|G)/P(a_{ij}=0|G))$

- Por ejemplo, si tu modelo tiene una sola característica, digamos, el número de links y el valor que obtuviste fue: -1.19, la probabilidad es 0,23
 - ¿Por qué? Porque es un odd-ratio, debes transformarlo: exp(-1,19)/[1+exp(-1,19)]

Δŀ	nora	f∩r	ma	lme	nte
\neg	ıvıa	IUI	ma	นบเ	1110



- Sea G=(V,E) una red. Sea $Y_{ij}=Y_{ji}$ una variable binaria que adquiere valor 1 si $e_{ij}\in E$.
- Entonces $Y=[\gamma_{ij}]$ es la matriz aleatoria adyacente de G. Tal que $y=[y_{ij}]$ es una realización particular de dicha matriz.
- Un ERGM es la distribución de probabilidades conjunta de los elementos de Y=y:

$$P_{\theta}(Y = y) = \left(\frac{1}{k}\right) exp\left\{\sum_{H} \theta_{H}g_{H}(y)\right\}$$

- Donde: H es una "configuración" o set de posibles edges entre los vértices o nodos de G
- + $g_H(y) = \prod_{y_{ij \in H}} y_{ij}$, por lo tanto es 1 si la configuración H ocurre y 0 si no.
- k es una constante de normalización: $k = k(\theta) = exp\{\sum_{H}\theta_{H}g_{H}(y)\}$

¿Por qué una exponencial?



 Porque las distribuciones exponenciales tienen una característica muy atractiva: NO TIENEN MEMORIA.

(una breve explicación aquí:

https://llc.stat.purdue.edu/2014/41600/notes/prob3204.pdf)

• Entonces, podemos estudiar las probabilidades condicionales de cada link independiente de los otros, "como si" fuesen una cadena de eventos

11

Teorema de Hammersley–Clifford (1971)



- Toda distribución de probabilidad puede representarse como una cadena de Markov si cumple con ciertos requisitos en la distribución de probabilidades.
- Las distribuciones exponenciales cumplen con esas propiedades.
- Implicancia: toda familia de modelos de redes puede ser expresado (potencialmente) como un ERGM si se cuenta con las estadísticas fundamentales (\$1,\$2,...) de dicha familia de modelos $Pr(g) = \frac{e^{\theta_1 S_1(g) + \theta_2 S_2(g') + \cdots + \theta_k S_k(g)}}{\sum_{g' \in \mathcal{G}} e^{\theta_1 S_1(g') + \theta_2 S_2(g') + \cdots + \theta_k S_k(g')}}$

$$Pr(g) = \frac{e^{r_1 r_3 \cdots r_2 r_3}}{\sum_{g' \in G} e^{\theta_1 S_1(g') + \theta_2 S_2(g') + \dots + \theta_k S_k(g')}}$$

	MCMC: Markov Chain Monte Carlo	
	A. En redoc mus poquoñas (n.c. 9) en posible estimat todas los configuraciones para	
	 En redes muy pequeñas (n < 8) es posible estimar todas las configuraciones para un set de hipótesis/configuraciones (véase paquete <i>ergmit</i> ce n R) En redes más grandes deben hacerse aproximaciones estadísticas 	
	MCMC Markov Chain: Sólo el estado inmediatamente anterior importa (separar estimación en bloques)	
	 Monte Carlo: Aleatorización para sacar estimaciones de parámetros Juntos: Dados los valores de estadísticos de la red, simulaciones sucesivas para buscar la distribución que mejor explica las estadísticas observadas 	
13		
	Pasos para la estimación vía ERGMs	
	• •	
	Paso 1: Cada link es tratado como una variable aleatoria Paso 2: Un conjunto de hipótesis se postula para explicar formación de links	
	Ejemplo: links aleatorios, links por cercanía, por homofilia, triadic closure, etc Paso 3: Cada hipótesia es una configuración que se suma a otras posibles configuraciones.	
	 Ejemplo: El link ji puede ser por aleatoridad + por cercanía + por homofilia, Paso 4: Las configuraciones, aunque locales, son homogéneas en toda la red (reducción de parámetros) 	
	Paso 5: Estimación e interpretación de los parámetros del modelo	
14		
	Ejemplo	
	Supongamos que queremos estudiar simultáneamente la	
	probabilidad del grafo g considerando no sólo el número de links sino también el número de tríadas.	

_			
	\mathbf{n}	n	
_	iem	U	ιL

Aplicado a una red de Erdös-Renyi (en la que todos los links son independientes unos de otros, i.e. θ_T =0):

$$Pr(g) = p^{m}(1-p)\binom{n}{2}^{-m} = \frac{p^{m}}{(1-p)^{m}} * (1-p)\binom{n}{2}^{n}$$

$$Pr(g) = e^{\log\left(\frac{p}{(1-p)}\right) * m + onstante}$$

 $Pr(g) = e^{\theta_m m(g) + constante}$ sobre todos los posibles grafos g'

16

Ejemplo

• Entonces, sea m(g) el número de links y T(g) el número de tríadas de la red g:

La probabilidad del grafo ${\it g}$ depende de:

$$\begin{array}{c} \theta_m m(g) + \theta_T T(g) \\ \bullet \\ e^{\theta_m m(g) + \theta_T T(g)} \\ \bullet \\ Pr(g) = \frac{e^{\theta_m m(g) + \theta_T T(g)}}{\sum_{g' \in \mathcal{C}} e^{\theta_m m(g') + \theta_T T(g')}} \end{array} \quad \text{ergm}$$

17

¿Cómo se hace en la práctica?

En R se hace con el paquete statnet (compilado de varios paquetes) Referencias: https://statnet.org/trac

Algoritmo

- 1. Se estiman $\theta_1, \theta_2, \theta_3 \dots$ (varios métodos, maximum likelihood)
- 2. Se simulan redes con propiedades $\theta_1, \theta_2, \theta_3 \dots$
- 3. Se actualizan los valores de $\theta_1,\theta_2,\theta_3\dots$ a partir de esas redes simuladas
- 4. Se repite 2... hasta lograr convergencia

Ejemplo: Medici





19

Medici – ergm en base al número de links



Odd ratio = -1,609 * 1 (cambio de 0 a 1)

$$\Pr(l_{ij} = 1) = \frac{e^{-1,609}}{1 + e^{-1,609}}$$

= 0,1667

... que es justamente lo que esperábamos porque: 20 links reales /120 posibles = 0,1667

20

Medici – ergm en base al número de links + tríadas

Summary of model fit
-----Formula: flomarriage ~ edges * triangle Iterations: 2 out of 20
Monte Carlo MLE Results:

Estimate Std. Error MCMC % p-value edges -1.6603 0.3556 0 <1e-04 *** triangle 0.1300 0.5944 0 0.827

Signif. codes: 0 **** 0.001 *** 0.01 *** 0.05 ** 0.1 ** 1
Null Deviance: 166.4 on 120 degrees of freedom
Residual Deviance: 108.1 on 118 degrees of freedom
AIC: 112.1 BIC: 117.6 (Smaller is better.)

Odd ratio = -1,609 * 1 + 0,13*TSi T = 0 \rightarrow odd ratio: -1,609Si T = 1 \rightarrow odd ratio: -1,609+0,13=-1,47

 $\Pr\bigl(l_{ij}=1|T=1\bigr)=0{,}185$

... y sube en aprox.2 pts por tríada

	of model fit
	or model it
	flomarriage ~ edges + triangle + nodecov("wealth")
	2 out of 20
Monte Car	rlo MLE Results:
Es	timate Std. Error MCMC % p-value
edges	-2.580037 0.536265 0 <1e-04 ***
triangle	-0.116286 0.620783 0 0.8517
nodecov	wealth 0.010886 0.005018 0 0.0321 *
Signif. coc	les: 0 "***" 0.001 "**" 0.01 "*" 0.05 "." 0.1 " " 1
Null De	viance: 166.4 on 120 degrees of freedom
	Deviance: 103.1 on 117 degrees of freedom
AIC: 109.	BIC: 117.4 (Smaller is better.)

Como wealth son atributos de nodos, se consideran ambas riquezas al ver la probabilidad de cada link ij.

Wealth:

[1] 10 36 55 44 20 32 8 42 103 48 49 3 27 10 146 48

Ej: link con una tríada entre familias con riqueza 10 y 146: -2,58 - 0,11 + 0,01*(10+146) = -1,13

En prob: 0,24

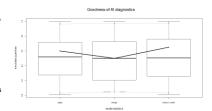
Este modelo sugiere mayor probabilidad de un link a mayor riqueza de ambas familias

22

Goodness of fit en los Medici

¿el modelo cómo se ajusta a los datos?

A partir del modelo se simulan redes y se calculan las mismas variables del modelo

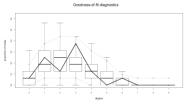


23

Goodness of fit en los Medici

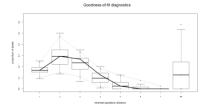
Y también otras que son descriptores básicos de la red, pero no estaban en el modelo:

Distribución de grado



Y también otras que son descriptores básicos de la red, pero no estaban en el modelo:

Geodésicas

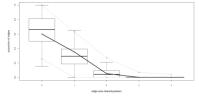


25

Goodness of fit en los Medici

Y también otras que son descriptores básicos de la red, pero no estaban en el modelo:

Vecinos compartidos



26

Simulaciones de redes

Para poder hacer GOF fue necesario hacer simulaciones.

Stored network statistics: edges triangle nodecov.wealth

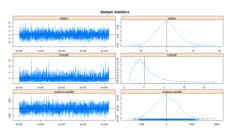
[1,]	23	5	2374	
[2,]	20	4	1961	
[3,]	22	4	2585	
[4,]	19	0	2092	
[5,]	18	0	1494	
rc 1	20	-	0070	





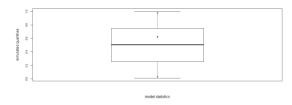


Diagnóstico



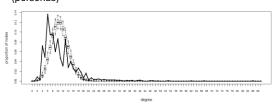
28

Un grafo aleatorio ajustado a los datos de interlocking (personas)

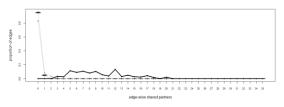


29

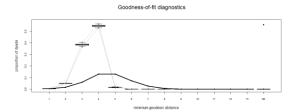
Un grafo aleatorio ajustado a los datos de interlocking (personas)



Un grafo aleatorio ajustado a los datos de int	erlocking
(personas)	



Un grafo aleatorio ajustado a los datos de interlocking (personas)



32

Referencias

- https://statnet.org/trac
- Buscar también p* models

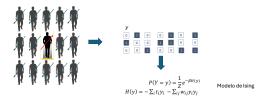
Qué estructuras invisibles generan la red?

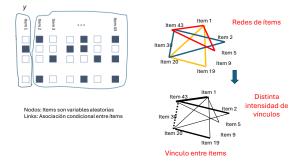
34



Ising model

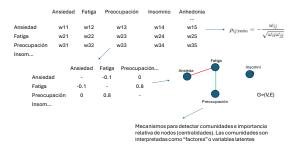
35





Exploratory Graph Analysis (EGA)





Ejemplo



	Anhedonia *	Insomnio *	Fatiga	Irritabilidad	Ansiedad *	Preocupacion	Nerviosismo *	Inquictud *
	0.00000000	0.33826200	0.609789545	0.0000000000	-0.01153948	-0.03252217	-0.01526122	-0.05895483
	0.33826200	0.00000000	0.235124011	0.042614595	0.05408452	0.10632328	0.05728066	0.07648377
Fatiga	0.60978954	0.23512401	0.000000000	-0.008633799	0.00000000	0.000000000	0.00000000	-0.05244861
Imitabilidad	0.00000000	0.04261459	-0.008633799	0.000000000	0.21940004	0.17640901	0.23452143	0.22784454
Ansieded	-0.01153948	0.05408452	0.000000000	0.219400042	0.00000000	0.32521116	0.22713263	0.18962141
Preocupacion	-0.03252217	0.10632328	0.000000000	0.176409014	0.32521116	0.00000000	0.26009430	0.13346242
	-0.01526122	0.05728066	0.000000000	0.234521430	0.22713263	0.26009430	0.00000000	0.28238449
Inquietud	-0.05895483	0.07648377	-0.052448609	0.227844540	0.18962141	0.13346242	0.28238449	0.00000000

40

Ejemplo

```
Model, GASDO CREEK (with pages #4.5)

CREEK (ASSOCIATE CREEK #1.5)

Mandre of redges #

Mandre of redges #1.50

Alpertians Maintenage

Important

Mandre of redges model

Important

Mandre of redges #

Mandr
```

41

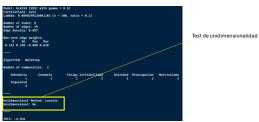
Configuración del modelo: Indica la regularización hecha Gamma—complejidad aceptada Lambda—penalización utilizada Lambda—penal

Ejemplo	Descripción de la red
Model: GLASSO (EBIC with gamma = 0.5) Correlations: auto Lambda: 0.0098249126841182 (n = 100, ratio = 0.1)	
Number of modes: B Number of edges: 24 Edge density: 0.857	
Non-zero edge weights: M 50 Min Nax 8.151 9.158 -0.059 9.610	
—	
Algorithm: Walktrap	
Number of communities: 2	
Anhedonia Insomnio Fatiga Irritabi 1 1 1 Inquietud 2	Ridad Ansiedad Preocupacion Nerviosismo 2 2 2 2
—	
Unidimensional Method: Louvain Unidimensional: No	
_	





Ejemplo



46

Ejemplo



Total Entropy Fit Index: mientras más negativo mejor ajuste

47

Volviendo al punto del algoritmo walktrap...

 \bullet El 4to paso era detectar comunidades y nodos relevantes...



Detección de comunidades	Dete	cción	de	comi	unid	ades
--------------------------	------	-------	----	------	------	------

- Básicamente encontrar dónde están las densidades locales más fuertes y un criterio para separar nodos en subgrafos.
- El principal: Modularidad \rightarrow maximizar Q:



• Algoritmo más popular: Louvain

49

Detección de comunidades

- Otros algoritmos frecuentes
- Walktrap
 - Intuición: Caminatas aleatorias en el grafo deberían rescatar cuando te estás dando vuelta en un mismo vecindario.
 Se calculan las distancias entre todos los pares de nodos usando caminatas aleatorias.
 Los nodos cercanos según esta distancia se agrupan iterativamente, creando una jerarquía de posibles particiones.
- - Objetivo: encontrar la partición de la red que comprime mejor la información de la caminata aleatoria

	\cap
Э	U