

# 多元线性回归分析

金林

2020-01

## 1 数据处理及读取

```
1 import pandas as pd
2 import numpy as np
```

接下来导入数据，本次使用的数据是 Github 上一个项目里的，也可以直接用 pandas 包导入，需要注意的是不能直接使用 Github 那个网址，否则会报错，需要将前面部分改成 <https://raw.githubusercontent.com/>，然后就是加入数据的目录地址。数据主要是三个文件，包含了疫情的确证数 (confirmed)，治愈数 (recovered)，死亡数 (deaths)，基本上每日会更新最新疫情数据。以下数据更新至 2020 年 2 月 28 日。

```
1 confirmed = pd.read_csv('./data/time_series_19-covid-Confirmed.csv')
2 recovered = pd.read_csv('./data/time_series_19-covid-Recovered.csv')
3 deaths = pd.read_csv('./data/time_series_19-covid-Deaths.csv')

1 print(confirmed.shape)
1 print(recovered.shape)
1 print(deaths.shape)
1 confirmed.head()
```

Province/State	Country/Region	Lat	Long	1/22/20	...	2/28/20
Anhui	Mainland China	31.8257	117.2264	1	...	990
Beijing	Mainland China	40.1824	116.4142	14	...	410
Chongqing	Mainland China	30.0572	107.8740	6	...	576
Fujian	Mainland China	26.0789	117.9874	1	...	296
Gansu	Mainland China	36.0611	103.8343	0	...	91

```
1 recovered.head()
```

Province/State	Country/Region	Lat	Long	1/22/20	...	2/28/20
Anhui	Mainland China	31.8257	117.2264	0	...	821
Beijing	Mainland China	40.1824	116.4142	0	...	257
Chongqing	Mainland China	30.0572	107.8740	0	...	422
Fujian	Mainland China	26.0789	117.9874	0	...	235
Gansu	Mainland China	36.0611	103.8343	0	...	82

```
1 deaths.head()
```

Province/State	Country/Region	Lat	Long	1/22/20	...	2/28/20
Anhui	Mainland China	31.8257	117.2264	0	...	6
Beijing	Mainland China	40.1824	116.4142	0	...	7
Chongqing	Mainland China	30.0572	107.8740	0	...	6
Fujian	Mainland China	26.0789	117.9874	0	...	1
Gansu	Mainland China	36.0611	103.8343	0	...	2

## 2 数据可视化

### 2.1 世界范围

```
1 import matplotlib.pyplot as plt
2 plt.rcParams['font.sans-serif']=['SimHei']#用来正常显示中文标签
3 plt.rcParams['axes.unicode_minus']=False#用来正常显示负号
```

首先看看哪些地区发生了疫区，一共有 61 个地区都有肺炎疫情。

```
1 countries = confirmed['Country/Region'].unique()
2 print(countries)
3 print(len(countries))
```

接下来看看世界疫情发展趋势，在此之前，需要计算出每日所有地区新冠肺炎的确诊人数，治愈数，死亡数。

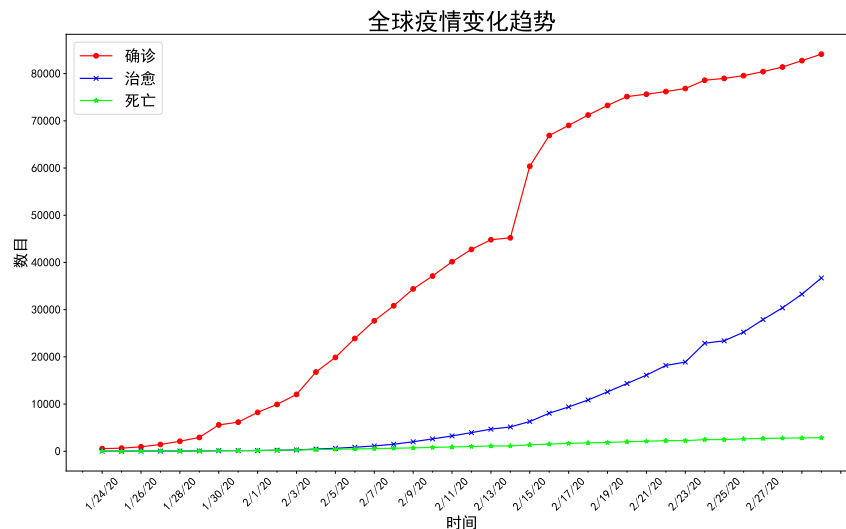
```
1 all_confirmed=np.sum(confirmed.iloc[:,4:])
2 all_recovered=np.sum(recovered.iloc[:,4:])
3 all_deaths=np.sum(deaths.iloc[:,4:])
4 all_confirmed.head()
```

接下来就可以画出疫情发展趋势图了。

```
1 import matplotlib.ticker as tkr
2 fig = plt.figure(figsize=(18,10))
3 ax = fig.add_subplot()
4 ax.plot(all_confirmed.values,color='red',label='确诊',marker='o')
5 ax.plot(all_recovered.values,color='blue',label='治愈',marker='x')
6 ax.plot(all_deaths.values,color='lime',label='死亡',marker='*')
7 ax.xaxis.set_major_locator(tkr.MultipleLocator(2.0))
8 ax.xaxis.set_minor_locator(tkr.MultipleLocator(1.0))
9 ## set the str format of major ticker of X axis
10 ax.xaxis.set_major_formatter(tkr.FormatStrFormatter('%m/%d/%y'))
11 ax.xaxis.set_ticklabels(all_confirmed.index[:,2],rotation=45,size=15)
12 #all_confirmed.index[:,2]#取出奇数位置的元素
13 #plt.xticks(rotation=45,size=15)

1 plt.yticks([0,10000,20000,30000,40000,50000,60000,70000,80000],size=15)

1 plt.xlabel('时间',size=20)
2 plt.ylabel('数目',size=20)
3 plt.title('全球疫情变化趋势',size=30)
4 plt.legend(loc='upper left',fontsize = 20)
5 plt.show()
```

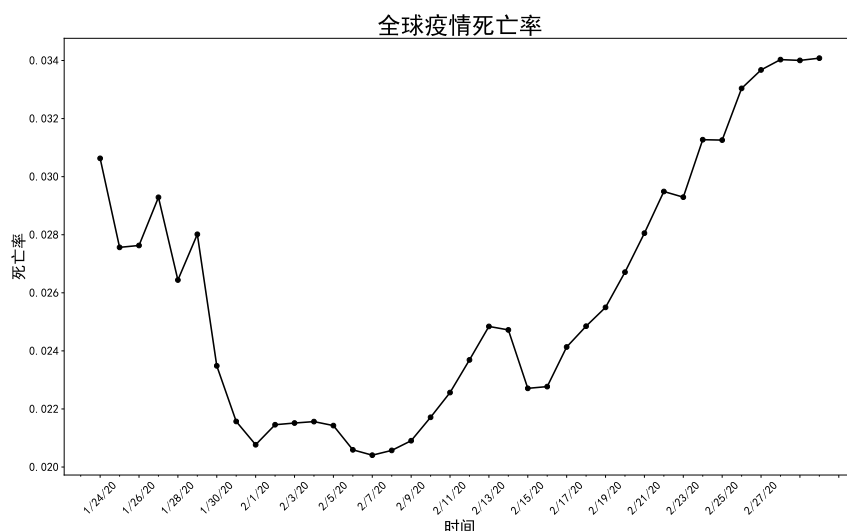


可以看出，目前新冠肺炎确诊病例还在持续增加，不过治愈人数也在持续增长，死亡率很少。

另外确诊人数在 2 月 13 日那天有较大幅度的增长。

下面看看新冠肺炎的死亡率，首先计算死亡率数据，然后再画图。

```
1 death_rate=(all_deaths/all_confirmed)
2 import matplotlib.ticker as tkr
3 fig=plt.figure(figsize=(18,10))
4 ax=fig.add_subplot()
5 ax.plot(death_rate.values,color='black',label='死亡率',marker='o',
6         linewidth=2)
7 ax.xaxis.set_major_locator(tkr.MultipleLocator(2.0))
8 ax.xaxis.set_minor_locator(tkr.MultipleLocator(1.0))
9 ## set the str format of major ticker of X axis
10 ax.xaxis.set_major_formatter(tkr.FormatStrFormatter('%m/%d/%y'))
11 ax.xaxis.set_ticklabels(death_rate.index[:,2],rotation=45,size=15)
12 #plt.xticks(rotation=45,size=15)
13
14 plt.yticks(size=15)
15
16 plt.xlabel('时间',size=20)
17 plt.ylabel('死亡率',size=20)
18 plt.title('全球疫情死亡率',size=30)
19 plt.show()
```



## 2.2 中国大陆

由于本次疫情主要发生在中国大陆，下面来具体研究下中国大陆的疫情情况。

### 2.2.1 数据提取

首先从全部数据中提取出中国大陆的数据。里面包含了省份，以及每个省最新的确诊数，治愈数，死亡数。

```
1 last_update = '2/28/20' # 设置最新数据日期
2 China_cases = confirmed[['Province/State',last_update]][confirmed['Country/Region'] == 'Mainland China']
3 China_cases['recovered'] = recovered[['last_update']][recovered['Country/Region'] == 'Mainland China']
4 China_cases['deaths']=deaths[['last_update']][deaths['Country/Region']=='Mainland China']
5 China_cases = China_cases.set_index('Province/State')
6 China_cases = China_cases.rename(columns = {last_update:'confirmed'})
7 China_cases.head()
```

Province/State	confirmed	recovered	deaths
Anhui	990	821	6
Beijing	410	357	7
Chongqing	576	422	6
Fujian	296	235	1
Gansu	91	82	2

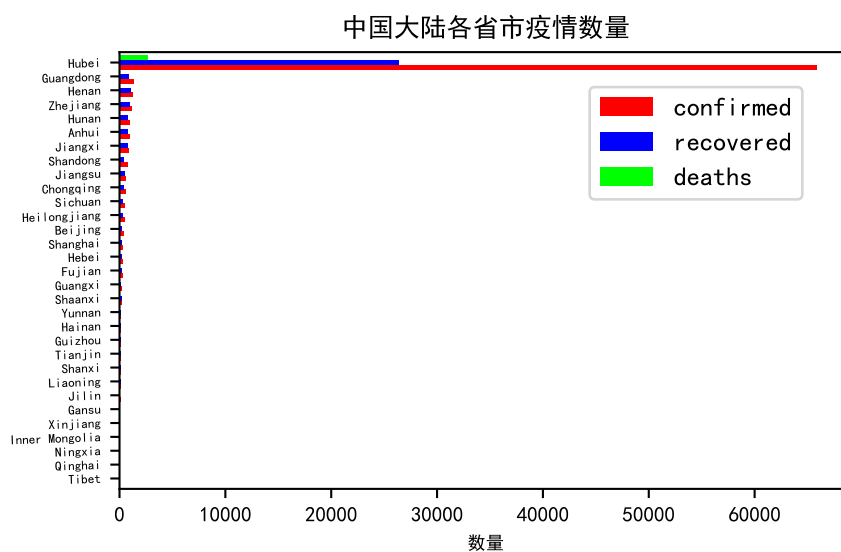
### 2.2.2 中国大陆各个省份确诊数，治愈数，死亡数条形图

下面画出中国大陆每个省份的疫情数量图。

```

1 Mainland_China = China_cases.sort_values(by = 'confirmed',ascending =
    True)
2 plt.figure(figsize=(8,25))
3 Mainland_China.plot(kind = 'barh',color=['red','blue','lime'],width = 1,
    rot=2)
4 plt.title('中国大陆各省市疫情数量', size=10)
5 #rot接受一个整数值，表示用于旋转刻度值的角度。
6 plt.ylabel('省/市',size=7)
7 plt.xlabel('数量',size=7)
8 plt.yticks(size=5)
1 plt.xticks(size=8)
1 plt.legend(bbox_to_anchor=(0.95,0.95),fontsize=10)

```



可以看到，湖北省三项数据高居第一位，且远远高于其他省份。

### 2.2.3 中国大陆治愈率，死亡率折线图

下面看看中国大陆的治愈率和死亡率数据，数据使用下面的代码即可计算出来，最终结果在 recovered\_rate 和 deaths\_rate 里。

```

1 confirmed_China = confirmed[confirmed['Country/Region'] == 'Mainland
    China']
2 #得到中国大陆每个省份每日的确诊人数
3 confirmed_China = np.sum(confirmed_China.iloc[:,4:])
4 #得到中国大陆每日共有的确诊人数
5
6 recovered_China = recovered[recovered['Country/Region'] == 'Mainland
    China']
7 #得到中国大陆每个省份每日的治愈人数
8 recovered_China = np.sum(recovered_China.iloc[:,4:])
9 #得到中国大陆每日共有的治愈人数
10
11 deaths_China = deaths[deaths['Country/Region'] == 'Mainland China']

```

```

12 #得到中国大陆每个省份每日的死亡人数
13 deaths_China = np.sum(deaths_China.iloc[:,4:])
14 #得到中国大陆每日共有的死亡人数
15
16 recovered_rate = (recovered_China/confirmed_China)*100
17 deaths_rate = (deaths_China/confirmed_China)*100

```

接下来画图，显示中国大陆每日的治愈率和死亡率。

```

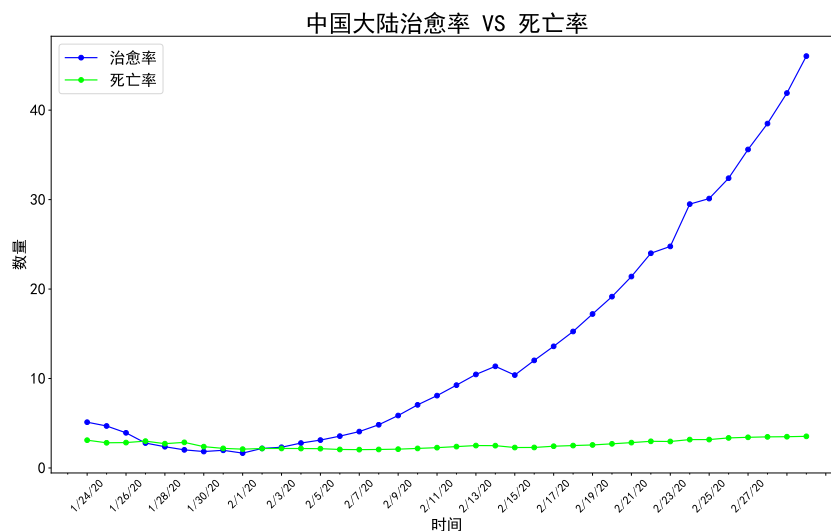
1 fig=plt.figure(figsize=(18,10))
2 ax=fig.add_subplot()
3 ax.plot(recovered_rate.values,color='blue',label='治愈率',marker='o')
4 ax.plot(deaths_rate.values,color='lime',label='死亡率',marker='o')
5 ax.xaxis.set_major_locator(tkr.MultipleLocator(2.0))
6 ax.xaxis.set_minor_locator(tkr.MultipleLocator(1.0))
7 ## set the str format of major ticker of X axis
8 ax.xaxis.set_major_formatter(tkr.FormatStrFormatter('%m/%d/%y'))
9 ax.xaxis.set_ticklabels(deaths_rate.index[:,2],rotation=45,size=20)

1 plt.title('中国大陆治愈率 VS 死亡率',size=30)
2 plt.ylabel('数量',size=20)
3 plt.xlabel('时间',size=20)
4 plt.xticks(rotation=45,size=15)

1 plt.yticks(size=20)

1 plt.legend(loc = "upper left",fontsize = 20)

```



虽然在 1 月 25 日到 1 月 31 日期间死亡率略高于治愈率，但其他时间段，治愈率远远高于死亡率。

## 2.3 除中国大陆以后世界其他地区

希望能够了解世界地区各国的疫情发展情况。

### 2.3.1 数据提取

首先从全部数据中提取出世界其他地区的数据。里面包含了每个地区最新的确诊数，治愈数，死亡数。

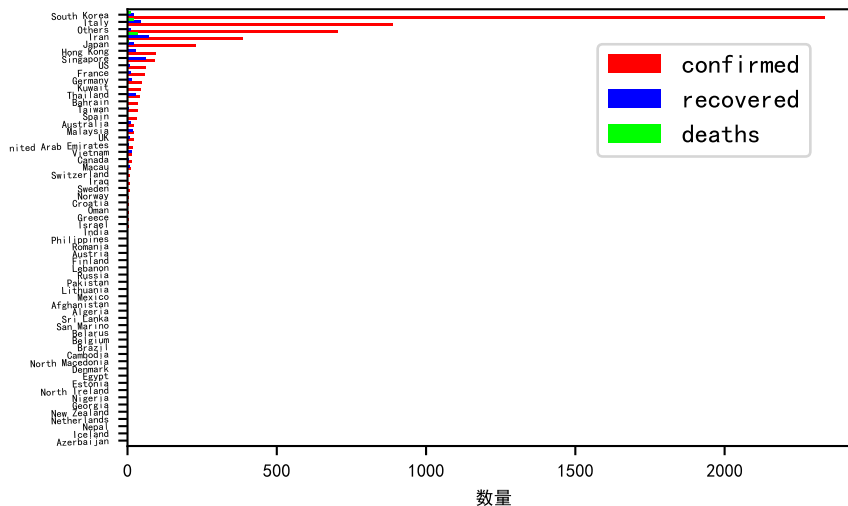
```
1 last_update = '2/28/20' # 设置最新数据日期
2 others_cases = confirmed[['Country/Region',last_update]][confirmed['
    Country/Region'] != 'Mainland China']
3 others_cases['recovered'] = recovered[['last_update']][recovered['Country/
    Region'] != 'Mainland China']
4 others_cases['deaths'] = deaths[['last_update']][deaths['Country/Region']
    != 'Mainland China']
5 others_cases = others_cases.set_index('Country/Region')
6 others_cases = others_cases.rename(columns = {last_update:'confirmed'})
7 others_countries = others_cases.groupby('Country/Region').sum()
8 #数据是按地区给的，需要用分组聚合统计每个国家的疫情数据
9 others_countries.head()
```

Country/Region	Lat	long	confirmed	recovered	deaths
Thailand	15.0000	101.0000	41	28	0
Japan	36.0000	138.0000	228	22	4
South Korea	36.0000	128.0000	2337	22	13
Taiwan	23.7000	121.0000	34	6	1
US	47.6062	-122.3321	1	1	0

### 2.3.2 其他国家确诊数，治愈数，死亡数条形图

```
1 plt.figure(figsize=(75,25))
2 others_countries.sort_values(by = 'confirmed',ascending = True).plot(
    kind='barh',color=['red','blue','lime'],width = 1,rot=2)
3 plt.title('世界其他地区疫情数量', size=10)
4 plt.ylabel('Country/Region',size = 7)
5 plt.xlabel('数量',size = 7)
6 plt.yticks(size=4)
7 plt.xticks(size=7)
8 plt.legend(bbox_to_anchor=(0.95,0.95),fontsize = 10)
```

世界其他地区疫情数量



```
1 others_countries['recovered'][others_countries['recovered']==max(others_countries.recovered)]
```

others 指钻石公主号游轮。从图可以看到，韩国，意大利，伊朗，日本这些地区也有很多新冠肺炎患者。不过伊朗的治愈人数是除中国以外最多的国家。韩国情况最为严重，确诊人数最多，治愈人数却很少。

### 2.3.3 其他国家治愈率，死亡率折线图

```
1 confirmed_others = confirmed[confirmed['Country/Region']!= 'Mainland China']
2 #世界其他地区每日的确诊人数
3 confirmed_others = np.sum(confirmed_others.iloc[:,4:])
4 #世界其他地区每日的确诊人数总和
5
6 recovered_others = recovered[recovered['Country/Region']!= 'Mainland China']
7 #世界其他地区每日的治愈人数
8 recovered_others = np.sum(recovered_others.iloc[:,4:])
9 #世界其他地区每日的治愈人数总和
10
11 deaths_others = deaths[deaths['Country/Region']!= 'Mainland China']
12 #世界其他地区每日的死亡人数
13 deaths_others = np.sum(deaths_others.iloc[:,4:])
14 #世界其他地区每日的死亡人数总和
15
16 recover_rate = (recovered_others/confirmed_others)*100
17 death_rate = (deaths_others/confirmed_others)*100

1 fig=plt.figure(figsize=(18,10))
2 ax=fig.add_subplot()
3 ax.plot(recover_rate.values,color='blue',label='治愈率',marker='o')
4 ax.plot(death_rate.values,color='lime',label='死亡率',marker='o')
5 ax.xaxis.set_major_locator(tkr.MultipleLocator(2.0))
6 ax.xaxis.set_minor_locator(tkr.MultipleLocator(1.0))
```



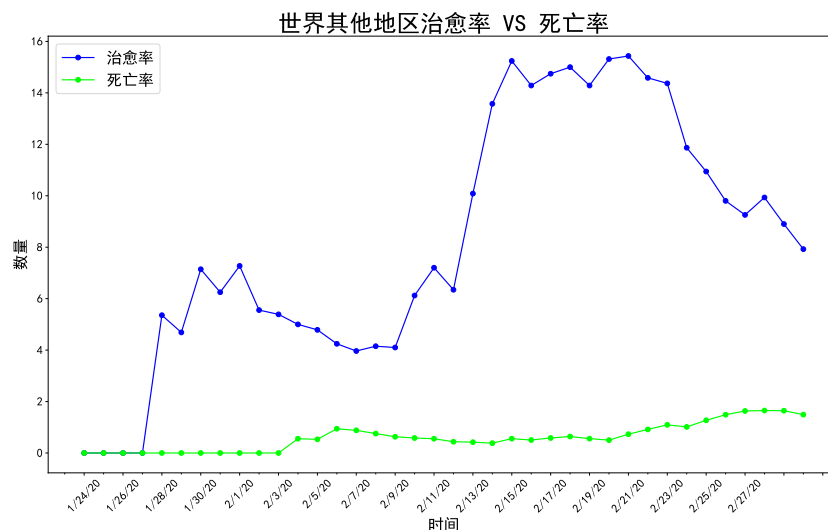
```

7  ## set the str format of major ticker of X axis
8  ax.xaxis.set_major_formatter(tkr.FormatStrFormatter('%m/%d/%y'))
9  ax.xaxis.set_ticklabels(death_rate.index[:,2],rotation=45,size=15)

1  plt.title('世界其他地区治愈率 VS 死亡率',size=30)
2  plt.ylabel('数量',size=20)
3  plt.xlabel('时间',size=20)
4  plt.yticks(size=15)

1  plt.legend(loc = "upper left",fontsize = 20)

```



中国大陆的治愈率超过世界其他地区

### 3 绘制疫情地图

这里主要用到两个 python 包，一个是 folium 包，这个包也是笔者最近才发现的绘图包，类似于 R 语言绘图里的 ggplot2，可以添加图层来定义一个 Map 对象，最后以几种方式将 Map 对象展现出来。这里有一个详细教程，感兴趣的可以看看 <https://python-visualization.github.io/folium/>。另一个包就是 plotly 了，这也是一个强大的绘图包，详细教程请看这里 <https://plot.ly/python/plotly-express/>。

#### 3.1 folium 包绘制地图

首先是 folium 包绘制地图，导入 folium，只需要导入包就可以了，没下载这个包的记得下载才能使用。我们在前面数据里加入中国大陆的数据，并使用武汉的经纬度。

```

1  import folium
2  others = confirmed[['Country/Region','Lat','Long',last_update]][
    confirmed['Country/Region'] != 'Mainland China']
3  others['recovered'] = recovered[[last_update]][recovered['Country/Region']
    != 'Mainland China']
4  others['death'] = deaths[[last_update]][deaths['Country/Region'] != '
    Mainland China']
5  others_countries = others.rename(columns = {last_update:'confirmed'})

```

```

6 others_countries.loc['94'] = ['Mainland China',30.9756,112.2707,
    confirmed_China[-1],recovered_China[-1],deaths_China[-1]]
7 #confirmed_China[-1]是中国大陆2月28日的确诊人数,把巴基斯坦的数据更换为中国大陆数
8 #据。
9 #others_countries.head().to_csv('./results/other_countries.csv')

1 library("kableExtra")
2 library('utils')
3 tab1 = read.csv('./results/other_countries.csv')
4 knitr::kable(tab1, row.names = F, align = "l", caption="各个国家疫情发展情
    况",
5               longtable = TRUE, booktabs = TRUE, linesep = "")

```

表 6 各个国家疫情发展情况

X	Country.Region	Lat	Long	confirmed	recovered	death
31	Thailand	15.00	101.0	41	28	0
32	Japan	36.00	138.0	228	22	4
33	South Korea	36.00	128.0	2337	22	13
34	Taiwan	23.70	121.0	34	6	1
35	US	47.61	-122.3	1	1	0

然后开始正式构建地图

```

1 world_map = folium.Map(location=[10, -20], zoom_start=2.3,tiles='Stamen
    Toner')

```

上面一行是定义一个 world\_map 对象; location 的格式为 [纬度, 经度]; zoom\_start 表示初始地图的缩放尺寸, 数值越大放大程度越大; tiles 为地图类型, 用于控制绘图调用的地图样式, 默认为'OpenStreetMap', 也有一些其他的内建地图样式, 如'Stamen Terrain'、'Stamen Toner'、'Mapbox Bright'、'Mapbox Control Room' 等; 也可以传入'None' 来绘制一个没有风格的朴素地图, 或传入一个 URL 来使用其它的自选 osm。

然后往 world\_map 里添加其他元素, 注意这里的 for 循环和最后的 add\_to 是把经纬度点的信息一个一个的加进去

```

1 for lat, lon, value, name in zip(others_countries['Lat'], others_
    countries['Long'], others_countries['confirmed'], others_countries['
    Country/Region']):
2     folium.CircleMarker([lat, lon],
3                           radius=10,
4                           popup = ('<strong>Country</strong>: ' + str(
    name).capitalize() + '<br>'
5                                   '<strong>Confirmed Cases</strong>: ' + str(
    value) + '<br>'),
6                           color='red',
7                           fill_color='red',
8                           fill_opacity=0.3 ).add_to(world_map)

1 world_map
2 #world_map.save('./results/world_map.html')

```



图 1 全球疫情分布图

```
1 import webbrowser
2 webbrowser.open('world_map.html')
```

这里主要说下 popup 参数 popup: str 型或 folium.Popup() 对象输入, 用于控制标记部件的具体样式 (folium 内部自建了许多样式), 默认为 None, 即不显示部件。代码使用的是自定义的网页样式, 其中表示加粗, 表示换行, 以便将各个数据显示出来。

然后再运行 world\_map, 即可出现下面的地图样式, 这是一种可交互的地图, 可以随意移动缩放, 鼠标点击地图上红点, 即可出现地区的疫情信息。

### 3.2 用 plotly 绘制每日疫情扩散地图。

```
1 import plotly.express as px
```

如果想绘制每日疫情扩散地图, 还需要增加一列, 里面记录了每天的日期, 因此我们的数据还需要再重新整理下, 这里需要用的 melt 函数, 它将列名转换为列数据 (columns name → column values), 重构 DataFrame,

```
1 confirmed = confirmed.melt(id_vars = ['Province/State', 'Country/Region',
    'Lat', 'Long'], var_name='date', value_name = 'confirmed')
```

主要参数说明 id\_vars: 不需要被转换的列名。value\_vars: 需要转换的列名, 如果剩下的列全部都要转换, 就不用写了。var\_name 和 value\_name 是自定义设置对应的列名。

还需要把 date 列转换成 datetime 格式的数据

```
1 confirmed['date_dt'] = pd.to_datetime(confirmed.date, format="%m/%d/%y")
2 confirmed.date = confirmed.date_dt.dt.date
3 confirmed.rename(columns={'Country/Region': 'country', 'Province/State':
    'province'}, inplace=True)
4 #confirmed_part=confirmed.head().to_csv('./results/confirmed_part.csv')

1 library("kableExtra")
2 library('utils')
3 tab2 = read.csv('./results/confirmed_part.csv')
```

```

4 knitr::kable(tab2, row.names = F, align = "l", caption="各个地区疫情确诊情
   况",
5       longtable = TRUE, booktabs = TRUE, linesep = "")

```

表 7 各个地区疫情确诊情况

X	Province.State	Country.Region	Lat	Long	date	confirmed
0	Anhui	Mainland China	31.83	117.2	1/22/20	1
1	Beijing	Mainland China	40.18	116.4	1/22/20	14
2	Chongqing	Mainland China	30.06	107.9	1/22/20	6
3	Fujian	Mainland China	26.08	118.0	1/22/20	1
4	Gansu	Mainland China	36.06	103.8	1/22/20	0

同时整理出治愈数据和死亡数据

```

1 recovered = recovered.melt(id_vars = ['Province/State', 'Country/Region'
   , 'Lat', 'Long'], var_name='date', value_name = 'recovered')
2 recovered['date_dt'] = pd.to_datetime(recovered.date, format="%m/%d/%y")
3 recovered.date = recovered.date_dt.dt.date
4 recovered.rename(columns={'Country/Region': 'country', 'Province/State':
   'province'}, inplace=True)
5 #recovered_part=recovered.head().to_csv('./results/recovered_part.csv')
6
7 deaths = deaths.melt(id_vars = ['Province/State', 'Country/Region', 'Lat'
   , 'Long'], var_name='date', value_name = 'deaths')
8 deaths['date_dt'] = pd.to_datetime(deaths.date, format="%m/%d/%y")
9 deaths.date = deaths.date_dt.dt.date
10 deaths.rename(columns={'Country/Region': 'country', 'Province/State': '
   province'}, inplace=True)
11 #deaths_part=deaths.head().to_csv('./results/deaths_part.csv')

1 library("kableExtra")
2 library('utils')
3 tab3 = read.csv('./results/recovered_part.csv')
4 knitr::kable(tab3, row.names = F, align = "l", caption="各个地区疫情治愈情
   况",
5       longtable = TRUE, booktabs = TRUE, linesep = "")

```

表 8 各个地区疫情治愈情况

X	province	country	Lat	Long	date	recovered	date_dt
0	Anhui	Mainland China	31.83	117.2	2020-01-22	0	2020-01-22
1	Beijing	Mainland China	40.18	116.4	2020-01-22	0	2020-01-22
2	Chongqing	Mainland China	30.06	107.9	2020-01-22	0	2020-01-22
3	Fujian	Mainland China	26.08	118.0	2020-01-22	0	2020-01-22
4	Gansu	Mainland China	36.06	103.8	2020-01-22	0	2020-01-22

```

1 library("kableExtra")
2 library('utils')

```

```

3 tab4 = read.csv('./results/deaths_part.csv')
4 knitr::kable(tab4, row.names = F, align = "l", caption="各个地区疫情死亡情况",
5               longtable = TRUE, booktabs = TRUE, linesep = "")

```

表 9 各个地区疫情死亡情况

X	province	country	Lat	Long	date	deaths	date_dt
0	Anhui	Mainland China	31.83	117.2	2020-01-22	0	2020-01-22
1	Beijing	Mainland China	40.18	116.4	2020-01-22	0	2020-01-22
2	Chongqing	Mainland China	30.06	107.9	2020-01-22	0	2020-01-22
3	Fujian	Mainland China	26.08	118.0	2020-01-22	0	2020-01-22
4	Gansu	Mainland China	36.06	103.8	2020-01-22	0	2020-01-22

现在三种数据都有了，我们把它们合并在一张表里面，主要用到 merge 函数

```

1 merge_on = ['province', 'country', 'date']
2 all_data = confirmed.merge(deaths[merge_on + ['deaths']], how='left', on
   =merge_on).merge(recovered[merge_on + ['recovered']], how='left', on
   =merge_on)
3
4 all_data.head()

```

```

1 confirmed.shape, recovered.shape, deaths.shape

```

由于要演示的是疫情扩散地图，因此笔者用实心圆来表示每个地区的疫情变化，而实心圆的大小则代表了三种数据的大小，所以在我们的数据里要加一列，使用 confirmed 数据的二分之一一次方来表示实心圆的大小。

```

1 Coronavirus_map = all_data.groupby(['date_dt', 'province'])['confirmed',
   'deaths', 'recovered', 'Lat', 'Long'].max().reset_index()
2 Coronavirus_map['size'] = Coronavirus_map.confirmed.pow(0.5) # 创建实心圆
   大小
3 Coronavirus_map['date_dt'] = Coronavirus_map['date_dt'].dt.strftime('%Y
   -%m-%d')
4 #Coronavirus_map_part=Coronavirus_map.head().to_csv('./results/Coronavirus_map_part.csv
   ')

1 library("kableExtra")
2 library('utils')
3 tab4 = read.csv('./results/Coronavirus_map_part.csv')
4 knitr::kable(tab4, row.names = F, align = "l", caption="各个地区疫情发展情况",
5               longtable = TRUE, booktabs = TRUE, linesep = "")>%
6               kable_styling(latex_options = c("striped", "scale_down", "
   repeat_header", "hold_position"), repeat_header_text = "(续)")

```

表 10 各个地区疫情发展情况

X	date_dt	province	confirmed	deaths	recovered	Lat	Long	size
0	2020-01-22	Montreal, QC	0	0	0	45.50	-73.57	0.000

亚洲地区疫情扩散图

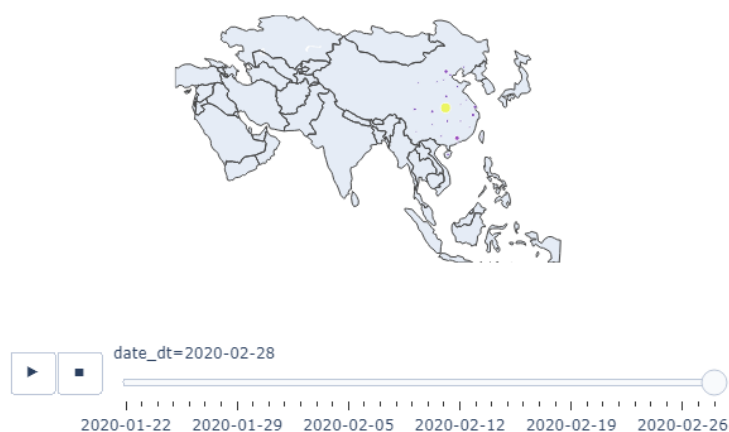


图 2 亚洲地区疫情扩散图

表 10 各个地区疫情发展情况 (续)

X	date_dt	province	confirmed	deaths	recovered	Lat	Long	size
1	2020-01-22	Anhui	1	0	0	31.83	117.23	1.000
2	2020-01-22	Beijing	14	0	0	40.18	116.41	3.742
3	2020-01-22	Boston, MA	0	0	0	42.36	-71.06	0.000
4	2020-01-22	British Columbia	0	0	0	49.28	-123.12	0.000

最后就是绘图部分，代码也很简单，如果有不懂得参数可以使用 `help(px.scatter_geo)` 来查看每个参数用法

```

1 fig = px.scatter_geo(Coronavirus_map, lat='Lat', lon='Long', scope='asia
    ',
2                             color="size", size='size', hover_name='province',
3                             hover_data=['confirmed', 'deaths', 'recovered'],
4                             projection="natural earth",animation_frame="date_dt
    ",title='亚洲地区疫情扩散图')
5 fig.update(layout_coloraxis_showscale=False)
1 fig.show()

```