# UNIVERSIDAD NACIONAL DE SAN AGUSTÍN DE AREQUIPA FACULTAD DE INGENIERÍA DE PRODUCCIÓN Y SERVICIOS

### Sílabos del Curso

#### ESCUELA PROFESIONAL DE CIENCIA DE LA COMPUTACIÓN

#### 1. Nombre del curso:

Código	Nombre	Semestre
1005155	Computación molecular biológica	2020-A

#### 2. Créditos y horas semanales:

N <sup>a</sup> créditos	H. Teoría	H. Práctica	Н. Т-Р	H. Lab	T. Horas
6	2	2	2		6

3. Nombre del instructor o coordinador del curso:

MSc. Vicente Machaca Arceda

- 4. Libro texto: Título, autor y año:
  - a. Obligatoria

Título	Autor	Año
Essential bioinformatics	Essential bioinformatics	2006

#### b. Otros materiales suplementarios

Título	Autor	Año
A Very Short Introduction	Archibald, John M	2018



## UNIVERSIDAD NACIONAL DE SAN AGUSTÍN DE AREQUIPA FACULTAD DE INGENIERÍA DE PRODUCCIÓN Y SERVICIOS

- 5. Información específica del curso:
  - a. Breve descripción del contenido del curso:

El curso tiene como objetivo que el alumno tenga un conocimiento sólido de los problemas biológicos moleculares que desafía la computación y que el alumno sea capaz de abstraer la esencia de los diversos problemas biológicos para plantear soluciones usando sus conocimientos de Ciencia de la Computación.

b. Requisitos previos o correquisitos:

1703238 - Estructuras de datos avanzadas

c. Obligatorio o Electivo:

Obligatorio	Electivo	X
-------------	----------	---

#### 6. Objetivos específicos del curso:

La comprensión intelectual y la capacidad de aplicar las bases matemáticas y la teoría de la informática (Resultado [a] nivel 2).

Analiza, diseña y propone soluciones frente a problemas bioinformáticos. (Resultado [b] nivel 1, Resultado [c] nivel 1, Resultado [d] nivel 1).

Sabe cómo utilizar y conoce las bases computacionales de herramientas modernas de secuenciamiento, alineamiento, árboles filogenéticos y mapeo de genomas. (Resultado [a] nivel 2 y Resultado [h] nivel 2).

7. Breve lista de temas a ser abordados en el curso:

Biología molecular Alineamiento de Secuencias Árboles Filogenéticos Ensamblaje de Secuencias Tópicos en Bioinformática