

1.-

Se debe dividir el ADN con algún método, por inducción de calor por ejemplo, con esto el adn se divide en fragmentos pequeños.

Se añade dntps fluorecentes, para que sirva de marcador y podamos saber con que marcas terminan los fragementos.

Desde aquí con ayuda de un aparato con carga se podrá alinear los fragmentos para poder estirarlos y ver las secuencias de los fragmentos e identificar los marcadores fluorecentes

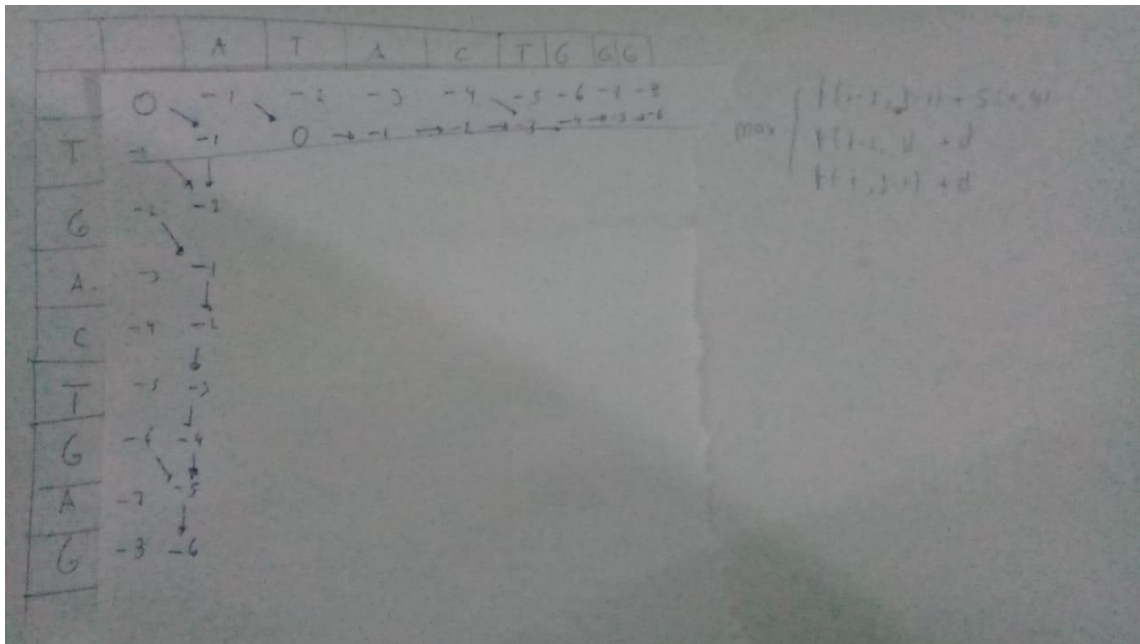
2.-

A las distintas formas que puede tomar un arn o proteínas, dando como resultado muchas veces mutacuiones.

3.-

Porque posee 3.2 millonres de bp

4.-



		A	T	C	G
		0	0	0	0
T	0	0	1	0	0
T	0	0	1	0	0
C	0	0	0	2	0
G	0	0	0	1	3

m_{gx}

$$\begin{cases} f(i-1, j-1) + s(x_i, y_j) \\ f(i-1, j) + d \\ f(i, j-1) + d \\ 0 \end{cases}$$

$$\begin{matrix} T & C & G \\ T & C & G \end{matrix} = 3$$

$$\begin{matrix} T & C \\ T & C \end{matrix} = 2$$

$$\begin{matrix} C & G \\ C & G \end{matrix} = 1$$