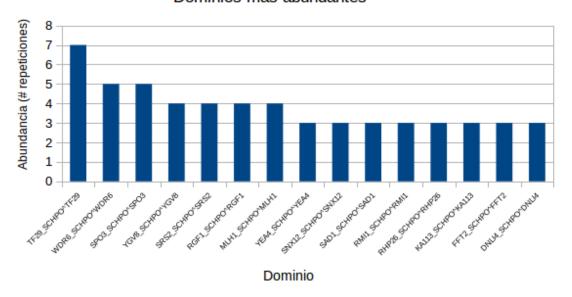
## Tarea: Gráfica de dominios

## Dominios más abundantes



La relevancia de conocer los dominios más abundantes en la anotación de nuestro transcriptoma radica en el conocimiento y cuantificación de la expresión de genes ya conocidos vinculados a ciertas proteínas, así como la caracterización de las funciones biológicas principales con las que están relacionadas y los tipos de interacciones que se llevan a cabo en determinadas circunstancias, principalmente en el momento en que se tomaron los transcritos.