

Cluster	Number of Genes
1	-2
2	-1
3	-1
4	1
5	0
6	0
7	0
8	1
9	1
10	1
11	1
12	1
13	1
14	1
15	1
16	1
17	1
18	1
19	1
20	1

[illegible]

Gene	log2 fold change (approx.)	Significance
myo1b	-4.5	
rep1a2	-4.5	
mal2	-3.5	
mal2as1	-3.5	
mal2as2	-3.5	
mal2as3	-3.5	
mal2as4	-3.5	
mal2as5	-3.5	
mal2as6	-3.5	
mal2as7	-3.5	
mal2as8	-3.5	
mal2as9	-3.5	
mal2as10	-3.5	
mal2as11	-3.5	
mal2as12	-3.5	
mal2as13	-3.5	
mal2as14	-3.5	
mal2as15	-3.5	
mal2as16	-3.5	
mal2as17	-3.5	
mal2as18	-3.5	
mal2as19	-3.5	
mal2as20	-3.5	
mal2as21	-3.5	
mal2as22	-3.5	
mal2as23	-3.5	
mal2as24	-3.5	
mal2as25	-3.5	
mal2as26	-3.5	
mal2as27	-3.5	
mal2as28	-3.5	
mal2as29	-3.5	
mal2as30	-3.5	
mal2as31	-3.5	
mal2as32	-3.5	
mal2as33	-3.5	
mal2as34	-3.5	
mal2as35	-3.5	
mal2as36	-3.5	
mal2as37	-3.5	
mal2as38	-3.5	
mal2as39	-3.5	
mal2as40	-3.5	
mal2as41	-3.5	
mal2as42	-3.5	
mal2as43	-3.5	
mal2as44	-3.5	
mal2as45	-3.5	
mal2as46	-3.5	
mal2as47	-3.5	
mal2as48	-3.5	
mal2as49	-3.5	
mal2as50	-3.5	
mal2as51	-3.5	
mal2as52	-3.5	
mal2as53	-3.5	
mal2as54	-3.5	
mal2as55	-3.5	
mal2as56	-3.5	
mal2as57	-3.5	
mal2as58	-3.5	
mal2as59	-3.5	
mal2as60	-3.5	
mal2as61	-3.5	
mal2as62	-3.5	
mal2as63	-3.5	
mal2as64	-3.5	
mal2as65	-3.5	
mal2as66	-3.5	
mal2as67	-3.5	
mal2as68	-3.5	
mal2as69	-3.5	
mal2as70	-3.5	
mal2as71	-3.5	
mal2as72	-3.5	
mal2as73	-3.5	
mal2as74	-3.5	
mal2as75	-3.5	
mal2as76	-3.5	
mal2as77	-3.5	
mal2as78	-3.5	
mal2as79	-3.5	
mal2as80	-3.5	
mal2as81	-3.5	
mal2as82	-3.5	
mal2as83	-3.5	
mal2as84	-3.5	
mal2as85	-3.5	
mal2as86	-3.5	
mal2as87	-3.5	
mal2as88	-3.5	
mal2as89	-3.5	
mal2as90	-3.5	
mal2as91	-3.5	
mal2as92	-3.5	
mal2as93	-3.5	
mal2as94	-3.5	
mal2as95	-3.5	
mal2as96	-3.5	
mal2as97	-3.5	
mal2as98	-3.5	
mal2as99	-3.5	
mal2as100	-3.5	

Year	Number of Publications
1980	1
1981	1
1982	1
1983	1
1984	1
1985	1
1986	1
1987	1
1988	1
1989	1
1990	1
1991	1
1992	1
1993	1
1994	1
1995	1
1996	1
1997	1
1998	1
1999	1
2000	1
2001	1
2002	1
2003	1
2004	1
2005	1
2006	1
2007	1
2008	1
2009	1
2010	1
2011	1
2012	1
2013	1
2014	1
2015	1
2016	1
2017	1
2018	1
2019	10

[illegible]

Correlation with factor

- p-value

—— .05 threshold