		Olard and The	End of the second	La a a Ha /Ia a \	# of De decree ONDs : "He're realized
			•	• , , ,	# of Perlegen SNPs within region
1	1	7679638	7895531	215893	58
2	1	37306272	37312776	6504	12
3	1	41686218	41740135	53917	34
4	1	58379197	58401959	22762	37
5	1	63665888	63919008	253120	220
6	1	65316038	65525324	209286	166
7	1	69166305	69237952	71647	42
8	1	75868385	75927505	59120	111
9	1	102808667	103219896	411229	272
10	1	105453656	105488315	34659	42
11	1	109030807	109120893	90086	61
12	1	112016546	112069456	52910	36
13	1	113282381	113376764	94383	29
14	1	119790083	120008080	217997	85
15	1	154701245	154808208	106963	78
16	1	156408440	156546373	137933	82
17	1	171609051	172158146	549095	201
18	1	174077193	174131762	54569	72
19	1	176503672	176539877	36205	29
20	1	226946151	226980259	34108	34
21	1	231315554	231352079	36525	43
22	1	231372106	231479440	107334	77
23	1	232913814	233114743	200929	47
24	1	236030960	236197519	166559	84
25	2	3778907	3797414	18507	20
26	2	9275645	9366498	90853	60
27	2	12886505	12972351	85846	64
28	2	17271623	17415351	143728	99
29	2	17435465	17971196	535731	327
30	2	21250361	21422223	171862	118
31	2	38280989	38350496	69507	75
32	2	40089005	40115064	26059	52
33	2	43891273	43916479	25206	44
34	2	53143221	53202283	59062	61
35	2	56150565	56194805	44240	56
36	2	56828724	56881787	53063	53
37	2	72363872	73154528	790656	288
38	2	73619019	73134320	199768	80
39	2	78468490	78508436	39946	22
39 40	2	82721084	82817113	96029	62
40 41	2	86558790		257924	64
			86816714		
42	2	103406419	103529550	123131	80 104
43	2	103692936	103852695	159759	104
44 45	2	107655548	107777434	121886	112
45 46	2	108558105	109050546	492441	173
46	2	119025203	119094829	69626	50
47	2	121763047	121823667	60620	61
48	2	126096502	126386145	289643	197
49	2	126703633	126765734	62101	39
50	2	145921003	146058002	136999	109
51	2	147114623	147208409	93786	73

52	2	153239499	153431113	191614	75
53	2	171601580	171628398	26818	23
54	2	172013276	172286719	273443	83
55	2	177721973	178046876	324903	471
56	2	184141716	184192406	50690	45
57	2	188356205	188396006	39801	53
58	2	198155394	198259226	103832	67
59	2	199320881	199377428	56547	57
60	2	211743405	211926797	183392	160
61	2	213085468	213298887	213419	290
62	2	216049719	216100687	50968	42
63	2	216204532	216282670	78138	37
64	2	216445459	216520779	75320	91
65	2	218061201	218140839	79638	91
66	2	220390057	220495278	105221	50
67	2	232752699	232961941	209242	65
68	2	237964678	238059575	94897	61
69	2	238137166	238270023	132857	74
70	3	12463882	12690292	226410	113
71	3	25706292	26341919	635627	255
72	3	27116773	27387145	270372	150
73	3	31707783	31771022	63239	75
74	3	35969307	36111561	142254	110
75	3	106034782	106136778	101996	72
76	3	136016252	136147646	131394	90
77	3	139668866	139883444	214578	55
78	3	158038793	158106680	67887	50
79	3	163050796	163101067	50271	51
80	3	168846239	169008194	161955	89
81	3	170578146	170606522	28376	41
82	3	174473672	174622863	149191	89
83	3	181456281	181635192	178911	70
84	3	189468094	189605126	137032	87
85	3	198622622	199093566	470944	66
86	4	5925753	6033906	108153	109
87	4	9667545	9791072	123527	124
88	4	13289839	13444207	154368	105
89	4	28576370	28677349	100979	50
90	4	29140421	29215955	75534	52
91	4	34762467	34810721	48254	42
92	4	41743417	42062199	318782	175
93	4	86950413	87055379	104966	70
94	4	94712539	94720707	8168	13
95	4	105299015	105763311	464296	178
96	4	107165876	107259860	93984	55
97	4	150141870	150252374	110504	136
98	4	153545357	153600290	54933	67
96 99	4	159046491	159119720	73229	76
	4	159886279	160061031	73229 174752	76 94
100					
101	4	160761157	160866067	104910	55 50
102	4	170508914	170627549	118635	52
103	4	171258674	171458628	199954	88

	_				
104	4	172145188	172280308	135120	76
105	4	178319767	178440422	120655	72
106	5	10271906	10314172	42266	53
107	5	14440227	14515554	75327	68
108	5	21893798	21957017	63219	58
109	5	30074058	30090301	16243	35
110	5	41691052	42269036	577984	265
111	5	57811707	57857934	46227	25
112	5	59135468	59292325	156857	105
113	5	66574444	66673621	99177	49
114	5	71779953	71807717	27764	21
115	5		81074431		113
		80750541		323890	
116	5	81613316	81794121	180805	100
117	5	87203742	87616331	412589	177
118	5	89347573	89546720	199147	113
119	5	98196355	98394874	198519	89
120	5	99860332	100016912	156580	93
121	5	101018671	101110128	91457	100
122	5	103215909	103292307	76398	74
123	5	109083471	109293884	210413	216
124	5	110238756	110269985	31229	23
125	5	112812954	112960944	147990	83
126	5	116611415	116740891	129476	87
127	5	116961234	117116134	154900	122
128	5	117407205	117572676	165471	74
129	5	117938065	117984433	46368	61
130	5	127904934	128136365	231431	147
131	5	153145758	153266833	121075	72
132	5	153540838	153650216	109378	68
133	5	170102703	170181530	78827	54
134	6	10751821	10967063	215242	71
135	6	11971122	12069956	98834	66
136	6		13071948		77
		12927558		144390	
137	6	25806460	25888311	81851	89
138	6	26383628	26502299	118671	63
139	6	33700303	33823732	123429	89
140	6	44587169	44614278	27109	27
141	6	54785082	54885285	100203	99
142	6	55807524	55932945	125421	84
143	6	56154017	56206644	52627	34
144	6	68035449	68326561	291112	119
145	6	69738888	69822105	83217	86
146	6	71829706	71919603	89897	39
147	6	83317598	83428441	110843	69
148	6	84708348	84920494	212146	87
149	6	91306453	91374538	68085	82
150	6	93435249	93477431	42182	23
151	6	93569014	93623958	54944	55
152	6	97698965	97768051	69086	34
153	6	105856878	105975427	118549	42
154	6	108139150	108214717	75567	55
155	6	108643304	108879680	236376	69
	•	. 500 .000 F		_555,6	•••

156	6	117360780	117427770	66990	46
157	6	126429915	127059355	629440	157
158	6	129249982	129391306	141324	81
159	6	137291619	137326844	35225	46
160	6	139348167	139564560	216393	98
161	6	153946505	153958239	11734	17
162	7	14477743	14503478	25735	29
163	7	30743347	30821150	77803	36
164	7	54850926	54918445	67519	62
165	7	80449442	80570126	120684	104
166	7	82613606	82700023	86417	86
167	7	85832084	85946157	114073	68
168	7	101232338	101446240	213902	85
169	7	105438239	105506107	67868	32
170	7	107980525	108076936	96411	36
171	7	108359082	108613284	254202	148
172	7	116932859	117004347	71488	31
173	7	118998749	119088363	89614	53
174	7	120424663	120473283	48620	46
175	7	130939203	131036087	96884	69
176	7	131229702	131262270	32568	19
177	7	142173115	142392164	219049	37
178	7	144820308	144993391	173083	74
179	7	145299665	145404521	104856	74
180	7	145457635	145565353	107718	79
181	7	145689391	145721070	31679	39
182	7	147105543	147164820	59277	100
183	7	148152242	148295725	143483	40
184	7	150356118	150387089	30971	15
185	7	152755775	152802732	46957	17
186	8	8863285	8980840	117555	100
187	8	10764252	11135214	370962	255
188	8	11452981	11500424	47443	41
189	8	11815386	11955859	140473	82
190	8	16658547	16684460	25913	45
191	8	20719274	20801290	82016	93
192	8	21073477	21191145	117668	93
193	8	24384693	24420737	36044	62
194	8	26368343	26455473	87130	97
195	8	30658103	30819286	161183	78
196	8	34589769	34734815	145046	84
197	8	50346101	50458482	112381	80
198	8	50522898	50904123	381225	266
199	8	50918330	51071044	152714	130
200	8	51106301	51297160	190859	178
201	8	63055374	63081222	25848	36
202	8	66736048	67076354	340306	116
203	8	68867802	68979954	112152	84
204	8	72128018	72216214	88196	72
205	8	73868984	73976976	107992	112
206	8	75650399	75742362	91963	72
207	8	82084413	82169465	85052	71
201	J	02007710	<i>32</i> 100 1 00	00002	, ,

208	8	82830485	82899414	68929	37
209	8	107067485	107244932	177447	104
210	8	111371312	111789188	417876	192
211	8	116717446	116779630	62184	59
212	8	120797997	120896024	98027	81
213	8	122461232	122590692	129460	131
214	8	126840040	127106959	266919	145
215	8	129758111	129858241	100130	71
216	8	134807790	134913678	105888	110
217	8	138904222	138997803	93581	68
218	9	379285	507715	128430	116
219	9	9710505	9741905	31400	53
220	9	16001896	16038844	36948	51
221	9	25086906	25250926	164020	91
222	9	26766084	27098810	332726	156
223	9	81703814	81779859	76045	50
224	9	86378510	86712262	333752	65
225	9	90275056	90900072	625016	205
226	10	4194572	4283008	88436	73
227	10	5890155	5908924	18769	11
228	10	11048662	11101618	52956	48
229	10	21503883	21647727	143844	47
230	10	23823923	23909921	85998	61
231	10	34575057	34631218	56161	68
232	10	37100344	37224215	123871	84
233	10	50252667	50335502	82835	29
234	10	52556052	52584625	28573	56
235	10	52636416	52701367	64951	61
236	10	55214898	55418805	203907	173
237	10	58060596	58195170	134574	104
238	10	58922998	59040022	117024	75
239	10	63412946	63529886	116940	62
240	10	73626234	73962617	336383	81
241	10	91700034	91743274	43240	41
242	10	94504229	94683031	178802	100
243	10	95209965	95316717	106752	63
244	10	109282144	109478059	195915	141
245	10	114413084	114472659	59575	15
246	10	116345915	116467150	121235	51
247	10	126484196	126544361	60165	29
248	11	10627361	10682915	55554	54
249	11	40206372	40225416	19044	33
250	11	56787635	56924091	136456	43
251	11	78264308	78365751	101443	66
252	11	80977813	81018817	41004	75
253	11	83779387	83887723	108336	79
254	11	91272587	91420739	148152	112
255	11	96141021	96225538	84517	64
256	11	105736567	105789231	52664	49
257	11	110960935	111116758	155823	64
258	11	120544302	120603847	59545	47
259	11	120982926	121108172	125246	83

260	11	121166659	121305945	139286	81
261	11	126091301	126181855	90554	49
262	12	956166	1217347	261181	100
263	12	4039860	4116563	76703	40
264	12	9096807	9159740	62933	34
265	12	11172759	11241928	69169	98
266	12	25134382	25290388	156006	95
267	12	33137238	33230638	93400	69
268	12	33655815	33805354	149539	103
269	12	34029191	34320727	291536	48
270	12	69425931	69461731	35800	39
271	12	86873734	87179792	306058	83
272	12	101686992	101868452	181460	80
273	12	105187232	105440433	253201	110
274	12	110716306	111236426	520120	137
275	12	122054040	122337031	282991	69
276	12	126776271	126795028	18757	41
277	13	17888357	18401778	513421	193
278	13	19003619	19247692	244073	149
279	13	19609448	19654429	44981	37
280	13	23827660	23975867	148207	110
281	13	28932432	29034085	101653	76
282	13	31692672	31750408	57736	39
283	13	32699406	32795343	95937	117
284	13	36593241	36622237	28996	37
285	13	43508748	43690644	181896	74
286	13	46684283	46868513	184230	97
287	13	60788475	60883921	95446	56
288	13	61593997	61690524	96527	114
289	13	73637023	73669535	32512	34
290	13	79881611	79942805	61194	56
291	13	82942359	83148897	206538	116
292	13	92749561	92805149	55588	32
293	13	95220799	95272230	51431	42
294	13	103069215	103091372	22157	59
295	13	103920221	104003855	83634	64
296	14	22400158	22415186	15028	14
297	14	27152871	27185308	32437	21
298	14	28056968	28149737	92769	66
299	14	36823483	36962907	139424	114
300	14	44788297	44873747	85450	60
301	14	50641549	50704564	63015	39
302	14	55638362	55828063	189701	81
	14				125
303		67398608	67764027	365419	
304	14	75839013	76013560	174547	114
305	15	22963120	23066323	103203	50
306	15	28913620	29058800	145180	115
307	15	34083083	34129960	46877	72
308	15	35634441	35822219	187778	90
309	15	39610631	39927542	316911	142
310	15	43882076	43982544	100468	81
311	15	44418049	44471742	53693	64

312	15	61459214	61998765	539551	271
313	15	69660828	69683364	22536	40
314	15	70461724	70639527	177803	57
315	15	91224746	91316064	91318	72
316	16	5694671	5774467	79796	95
317	16	9942883	10005353	62470	62
318	16	17317832	17415251	97419	61
319	16	30493410	31178053	684643	81
320	16	65538205	65657699	119494	113
321	16	75338036	75511534	173498	96
322	16	75874488	75993546	119058	106
323	16	87167857	87236865	69008	31
324	17	29023852	29505567	481715	68
325	17	36379441	36868166	488725	38
326	17	48923336	49127992	204656	95
327	17	49730612	49920792	190180	75
328	17	50493952	50628496	134544	70
329	17	54316960	54369154	52194	39
330	17	56487189	56733087	245898	94
331	17	58549207	59330368	781161	191
332	17	61423448	61680736	257288	92
333	17	63015628	63194587	178959	68
334	17	64495009	64675432	180423	133
			22223763		47
335	18	22084021		139742	
336	18	36327443	36415916	88473	48
337	18	36597442	36713184	115742	111
338	18	41188655	41222511	33856	46
339	18	61614014	61682943	68929	70
340	18	65721368	66020312	298944	225
341	19	58419094	58436372	17278	21
342	20	1436841	1492623	55782	42
343	20	2069922	2140080	70158	51
344	20	20087843	20229312	141469	99
345	20	24713729	24743432	29703	57
346	20	30829415	31171297	341882	102
347	20	31441392	31819372	377980	117
348	20	53877134	53939289	62155	63
349	20	54586709	54691952	105243	104
350	20	55713589	55782470	68881	55
351	20	56446707	56640511	193804	96
352	20	62946088	63092214	146126	49
353	21	16294659	16328153	33494	59
354	21	16498436	16537556	39120	60
355	21	38281595	38285992	4397	18
356	21	42879152	42914787	35635	55
357	21	43111630	43232546	120916	57

20	# of top 1% SNPs within region	ratio of top 1% SNPs to total # of SNPs	average Fst	average Fst p-value
13	20	0.345		
12	10	0.833	0.602	0.000
53 0.241 0.536 0.001 34 0.205 0.416 0.024 12 0.286 0.525 0.011 16 0.144 0.402 0.039 74 0.272 0.509 0.012 15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.206 0.452 0.015	13	0.382	0.539	0.011
34 0.205 0.416 0.024 12 0.286 0.525 0.011 16 0.144 0.402 0.039 74 0.272 0.509 0.012 15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.192 0.417 0.019 15 0.193 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011	12	0.324	0.468	0.009
12 0.286 0.525 0.011 16 0.144 0.402 0.039 74 0.272 0.509 0.012 15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.044 0.018 12 0.353 0.534 0.040 0.01 0.01 16 0.208 0.452 0.015 0.11 0.204 0.460 0.010 0.01 0.550 0.599 0.000 0.010 0.167 0.449 0.016 0.205 0.481 0.007 0.016 0.205 0.481 <	53	0.241	0.536	0.001
16 0.144 0.402 0.039 74 0.272 0.509 0.012 15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.488 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.234 0.400 0.010 15 0.179 0.455 0.011	34	0.205	0.416	0.024
74 0.272 0.509 0.012 15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013	12	0.286	0.525	0.011
15 0.357 0.503 0.011 11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007	16	0.144	0.402	0.039
11 0.180 0.382 0.034 14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 15 0.179 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013	74	0.272	0.509	0.012
14 0.389 0.547 0.004 10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.273 0.478 0.033 12 <	15	0.357	0.503	0.011
10 0.345 0.458 0.013 18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 15 0.179 0.455 0.011 11 0.234 0.460 0.010 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006	11	0.180	0.382	0.034
18 0.212 0.521 0.007 15 0.192 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.007 23 0.195 0.481 0.001 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005	14	0.389	0.547	0.004
15 0.192 0.417 0.019 15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.273 0.478 0.005 23 0.377 0.501 0.005	10	0.345	0.458	0.013
15 0.183 0.414 0.023 59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.231 0.337 0.501 0.005 11 0.196 0.482	18	0.212	0.521	0.007
59 0.294 0.464 0.012 14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010	15	0.192	0.417	0.019
14 0.194 0.347 0.060 10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 111 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 17	15	0.183	0.414	0.023
10 0.345 0.448 0.018 12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 12 0.226 0.405 0.019 88 <	59	0.294	0.464	0.012
12 0.353 0.534 0.004 17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 <	14	0.194	0.347	0.060
17 0.395 0.619 0.000 16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 <	10	0.345	0.448	0.018
16 0.208 0.452 0.015 11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.773 0.619 0.001 18 0.225 0.498 0.004 23 <	12	0.353	0.534	0.004
11 0.234 0.460 0.010 15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 <	17	0.395	0.619	0.000
15 0.179 0.455 0.011 11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.377 0.577 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 <	16	0.208	0.452	0.015
11 0.550 0.599 0.000 10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 22 0.196 0.369 0.044 38 <	11	0.234	0.460	0.010
10 0.167 0.449 0.016 12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 <	15	0.179	0.455	0.011
12 0.188 0.433 0.013 30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 <	11	0.550	0.599	0.000
30 0.303 0.481 0.007 67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 <	10	0.167	0.449	0.016
67 0.205 0.461 0.006 23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 <	12	0.188	0.433	0.013
23 0.195 0.481 0.001 12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 <	30	0.303	0.481	0.007
12 0.160 0.378 0.033 12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	67	0.205	0.461	0.006
12 0.231 0.337 0.057 12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	23	0.195	0.481	0.001
12 0.273 0.478 0.006 23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	12	0.160	0.378	0.033
23 0.377 0.501 0.005 11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	12	0.231	0.337	0.057
11 0.196 0.482 0.010 12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	12	0.273	0.478	0.006
12 0.226 0.405 0.019 88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	23	0.377	0.501	0.005
88 0.306 0.613 0.000 23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	11	0.196	0.482	0.010
23 0.288 0.563 0.003 17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042		0.226	0.405	0.019
17 0.773 0.619 0.001 17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042		0.306	0.613	0.000
17 0.274 0.521 0.009 10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042		0.288	0.563	0.003
10 0.156 0.403 0.016 18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	17	0.773	0.619	0.001
18 0.225 0.498 0.004 23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042		0.274		0.009
23 0.221 0.490 0.005 22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042		0.156	0.403	0.016
22 0.196 0.369 0.044 38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	18	0.225	0.498	0.004
38 0.220 0.523 0.012 15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042	23	0.221	0.490	0.005
15 0.300 0.509 0.004 24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042				
24 0.393 0.526 0.002 49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042				
49 0.249 0.473 0.007 11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042				
11 0.282 0.466 0.008 15 0.138 0.341 0.042				
15 0.138 0.341 0.042				
11 0.151 0.433 0.017				
	11	0.151	0.433	0.017

15	0.200	0.414	0.020
11	0.478	0.475	0.011
15	0.181	0.434	0.019
90	0.191	0.494	0.003
10	0.222	0.438	0.022
15	0.283	0.430	0.011
15	0.224	0.502	0.005
11	0.193	0.478	0.008
35	0.219	0.430	0.016
45	0.155	0.398	0.020
17	0.405	0.565	0.000
13	0.351	0.544	0.003
14	0.154	0.409	0.015
16	0.176	0.469	0.008
11	0.220	0.376	0.025
17	0.262	0.466	0.011
15	0.246	0.468	0.011
13	0.176	0.405	0.015
22	0.195	0.483	0.009
55	0.216	0.509	0.004
27	0.180	0.433	0.014
12	0.160	0.371	0.029
16	0.145	0.375	0.026
20	0.278	0.576	0.000
30	0.333	0.449	0.013
15	0.273	0.542	0.002
10	0.200	0.410	0.017
11	0.216	0.431	0.012
14	0.157	0.412	0.014
23	0.561	0.541	0.001
14	0.157	0.408	0.014
11	0.157	0.400	0.020
24	0.276	0.402	0.017
10	0.152	0.378	0.017
25	0.229	0.450	0.009
47	0.379	0.479	0.009
28	0.267	0.552	0.002
10	0.200	0.456	0.010
12	0.231	0.405	0.018
13	0.310		0.016
		0.527	
62	0.354	0.552	0.002
15	0.214	0.545	0.004
13	1.000	0.632	0.000
44	0.247	0.499	0.001
10	0.182	0.424	0.021
25	0.184	0.458	0.016
16	0.239	0.502	0.002
12	0.158	0.408	0.020
20	0.213	0.476	0.020
11			
	0.200	0.519	0.005
14	0.269	0.508	0.006
12	0.136	0.385	0.031

15	0.197	0.439	0.008
20	0.278	0.499	0.007
10	0.189	0.442	0.012
14	0.206	0.446	0.013
10	0.172	0.441	0.011
15	0.429	0.565	0.001
46	0.174	0.457	0.007
12	0.480	0.565	0.001
16	0.152	0.439	0.017
11	0.224	0.463	0.008
12	0.571	0.586	0.001
31	0.274	0.472	0.004
28	0.280	0.522	0.000
43	0.243	0.476	0.010
25	0.221	0.416	0.012
13	0.146	0.470	0.007
24	0.258	0.461	0.003
21	0.210	0.506	0.004
13	0.176	0.397	0.012
43	0.199	0.362	0.027
10	0.435	0.560	0.003
13	0.157	0.382	0.023
29	0.333	0.532	0.000
36	0.295	0.552	0.002
14	0.189	0.493	0.003
13	0.213	0.507	0.001
23	0.156	0.419	0.016
14	0.194	0.446	0.008
25	0.368	0.576	0.001
15	0.278	0.441	0.005
11	0.155	0.356	0.032
20	0.303	0.553	0.001
14	0.182	0.344	0.043
41	0.461	0.558	0.003
10	0.159	0.431	0.009
38	0.427	0.576	0.000
13	0.481	0.702	0.000
21	0.212	0.474	0.007
26	0.310	0.518	0.008
16	0.471	0.581	0.000
34	0.286	0.481	0.007
14	0.163	0.492	0.004
20	0.513	0.603	0.000
12	0.174	0.371	0.028
15	0.172	0.498	0.005
29	0.354	0.522	0.002
11	0.478	0.574	0.001
10	0.182	0.423	0.014
10	0.294	0.426	0.011
12	0.286	0.541	0.001
11	0.200	0.394	0.017
11	0.159	0.399	0.018

17	0.370	0.549	0.000
64	0.408	0.585	0.001
18	0.222	0.493	0.003
23	0.500	0.565	0.002
36	0.367	0.532	0.003
14	0.824	0.727	0.000
10	0.345	0.479	0.006
12	0.333	0.558	0.001
12	0.194	0.461	0.009
19	0.183	0.349	0.041
33	0.384	0.511	0.002
18	0.265	0.380	0.023
26	0.306	0.598	0.000
11	0.344	0.569	0.002
12	0.333	0.533	0.002
30	0.203	0.501	0.006
11	0.355	0.620	0.001
18	0.340	0.541	0.000
10	0.217	0.417	0.008
15	0.217	0.490	0.004
13	0.684	0.693	0.000
11	0.297	0.493	0.002
15	0.203	0.488	0.003
17	0.230	0.501	0.001
15	0.190	0.415	0.012
19	0.487	0.512	0.003
21	0.210	0.442	0.013
19	0.475	0.575	0.000
10	0.667	0.626	0.000
10	0.588	0.501	0.003
19	0.190	0.419	0.016
58	0.227	0.510	0.004
11	0.268	0.531	0.002
14	0.171	0.423	0.006
11	0.244	0.504	0.002
15	0.161	0.364	0.017
19	0.204	0.434	0.009
10	0.161	0.445	0.009
17	0.175	0.434	0.009
13	0.167	0.425	0.013
25	0.298	0.482	0.003
22	0.275	0.456	0.004
54	0.203	0.477	0.005
25	0.192	0.495	0.001
44	0.247	0.476	0.004
22	0.611	0.568	0.002
34	0.293	0.583	0.001
24	0.286	0.363	0.024
12	0.167	0.451	0.005
29	0.259	0.478	0.003
16	0.222	0.437	0.007
11	0.155	0.457	0.008

13	0.351	0.534	0.002
30	0.288	0.532	0.002
53			
	0.276	0.522	0.003
20	0.339	0.470	0.007
27	0.333	0.496	0.002
25	0.191	0.432	0.007
37	0.255	0.459	0.007
16	0.225	0.477	0.004
19	0.173	0.438	0.003
15	0.221	0.478	0.006
15	0.129	0.407	0.017
26	0.491	0.643	0.000
12	0.235	0.409	0.009
16	0.176	0.379	0.018
24	0.154	0.428	0.009
13	0.260	0.478	0.004
16	0.246	0.453	0.013
35	0.171	0.506	0.000
13	0.178	0.445	0.000
10	0.909	0.701	0.000
10	0.208	0.379	0.000
11	0.234	0.505	0.002
20	0.328	0.551	0.000
12	0.176	0.414	0.012
19	0.226	0.443	0.006
13	0.448	0.610	0.001
14	0.250	0.441	0.011
10	0.164	0.437	0.004
40	0.231	0.513	0.002
26	0.250	0.483	0.006
14	0.187	0.516	0.003
15	0.242	0.454	0.007
33	0.407	0.623	0.001
13	0.317	0.557	0.000
25	0.250	0.533	0.005
12	0.190	0.512	0.001
32	0.227	0.455	0.009
11	0.733	0.693	0.000
18	0.353	0.597	0.001
14	0.483	0.616	0.000
10	0.185	0.408	0.009
21	0.636	0.544	0.009
11			0.002
	0.256	0.388	
11	0.167	0.364	0.023
18	0.240	0.473	0.002
17	0.215	0.447	0.008
20	0.179	0.425	0.008
10	0.156	0.388	0.014
15	0.306	0.455	0.005
29	0.453	0.577	0.001
20	0.426	0.577	0.000
16	0.193	0.397	0.008

4-	0.405	0.475	0.000
15	0.185	0.475	0.002
11	0.224	0.460	0.001
20	0.200	0.415	0.007
13	0.325	0.521	0.005
10	0.294	0.496	0.001
29	0.296	0.355	0.036
34	0.358	0.575	0.003
14	0.203	0.406	0.012
25	0.243	0.448	0.009
13	0.271	0.551	0.000
10	0.256	0.493	0.002
21	0.253	0.473	0.003
14	0.175	0.355	0.029
51	0.464	0.568	0.003
43	0.314	0.450	0.005
32	0.464	0.584	0.000
18	0.439	0.516	0.001
33	0.171	0.421	0.008
	0.171	0.445	0.005
29			
11	0.297	0.502	0.007
25	0.227	0.531	0.000
22	0.289	0.487	0.004
13	0.333	0.621	0.000
22	0.188	0.432	0.003
11	0.297	0.484	0.005
16	0.216	0.462	0.005
16	0.165	0.433	0.007
12	0.214	0.484	0.006
18	0.158	0.432	0.002
12	0.353	0.508	0.005
20	0.357	0.513	0.001
21	0.181	0.347	0.031
10	0.313	0.431	0.009
12	0.286	0.520	0.003
16	0.271	0.524	0.000
10	0.156	0.324	0.037
13	0.929	0.638	0.000
10	0.476	0.563	0.000
11	0.167	0.401	0.006
20	0.175	0.395	0.018
19	0.317	0.541	0.001
11	0.282	0.415	0.006
29	0.358	0.542	0.001
23	0.184	0.510	0.001
33	0.289	0.566	0.001
10	0.200	0.385	0.012
22	0.191	0.434	0.007
15	0.208	0.384	0.011
14	0.156	0.436	0.004
23	0.162	0.345	0.017
27	0.333	0.547	0.000
29	0.453	0.536	
۷3	0.400	0.550	0.001

57	0.210	0.549	0.000
14	0.350	0.498	0.001
12	0.211	0.450	0.005
14	0.194	0.448	0.002
19	0.200	0.382	0.022
10	0.161	0.419	0.010
10	0.164	0.408	0.007
17	0.210	0.501	0.005
28	0.248	0.498	0.001
17	0.177	0.350	0.014
31	0.292	0.501	0.002
10	0.323	0.575	0.000
11	0.162	0.345	0.021
14	0.368	0.474	0.003
14	0.147	0.435	0.007
17	0.227	0.437	0.003
14	0.200	0.434	0.003
10	0.256	0.460	0.002
14	0.149	0.403	0.010
36	0.188	0.439	0.003
19	0.207	0.472	0.001
21	0.309	0.545	0.000
65	0.489	0.579	0.000
14	0.298	0.502	0.000
11	0.229	0.450	0.002
15	0.135	0.392	0.016
16	0.348	0.526	0.000
15	0.214	0.469	0.002
46	0.204	0.466	0.002
11	0.524	0.542	0.000
14	0.333	0.523	0.001
11	0.216	0.512	0.000
56	0.566	0.538	0.000
10	0.175	0.438	0.002
34	0.333	0.539	0.001
29	0.248	0.444	0.005
13	0.206	0.565	0.000
18	0.173	0.530	0.001
10	0.182	0.375	0.006
23	0.240	0.477	0.000
14	0.286	0.465	0.000
10	0.169	0.419	0.004
10	0.167	0.446	0.002
13	0.722	0.588	0.000
18	0.327	0.555	0.000
12	0.211	0.503	0.000

bot votic (Clay (Afv)	lant vations value	Afr. I Di licet. # of LleaMen CNDs within region
het-ratio (Chn/Afr)		Afr_LRHtest_# of HapMap SNPs within region
0.584	0.129	66 2
0.303	0.066	
0.418	0.088	20
0.281	0.039	8
0.317	0.008	116
0.475	0.035	51
0.053	0.004	19
0.526	0.084	26
0.270	0.004	0
0.557	0.142	15
0.365	0.044	40
0.272	0.035	14
1.468	0.978	16
0.253	0.009	0
0.507	0.081	41
0.924	0.642	43
0.363	0.012	142
0.695	0.264	23
0.482	0.109	11
0.040	0.001	0
0.493	0.113	11
0.436	0.056	41
0.307	0.029	33
0.253	0.009	56
0.081	0.011	5
0.263	0.013	32
0.571	0.114	27
0.866	0.506	57
0.332	0.011	173
0.288	0.015	52
0.433	0.055	24
0.686	0.247	13
0.419	0.068	10
0.574	0.135	16
0.523	0.105	21
0.545	0.125	15
0.074	0	183
0.311	0.027	71
0.091	0.008	10
0.028	0.001	25
0.203	0.014	0
0.023	0	40
0.272	0.01	55
0.366	0.015	0
0.060	0.001	27
0.205	0.013	24
0.084	0.003	37
0.343	0.007	91
0.287	0.033	25
0.510	0.076	55
0.661	0.184	40

0.429	0.053	59
1.820	0.995	14
0.498	0.077	79
0.139	0	134
0.358	0.049	22
0.536	0.119	14
0.208	0.01	47
0.176	0.019	22
0.883	0.546	62
0.469	0.029	72
0.112	0.008	11
0.031	0.002	30
0.270	0.017	34
0.387	0.046	17
0.603	0.175	40
0.564	0.139	45
0.456	0.07	29
0.469	0.083	38
0.343	0.028	52
0.111	0.001	146
0.688	0.173	52
0.644	0.186	15
0.898	0.595	43
0.215	0.015	40
0.671	0.197	38
0.138	0.004	70
0.402	0.063	26
0.916	0.585	6
0.462	0.064	50
1.935	1	13
0.456	0.06	53
0.145	0.004	70
0.383	0.03	59
0.292	0.019	120
0.336	0.016	34
0.709	0.226	1
0.207	0.006	64
0.517	0.11	29
0.754	0.328	20
0.532	0.127	23
0.175	0.003	98
0.162	0.004	30
0.000	0.003	3
0.340	0.012	95
0.440	0.061	19
0.267	0.012	35
0.432	0.054	11
0.409	0.056	22
0.403	0.037	51
0.126	0.003	24
0.291	0.021	29
0.348	0.026	54
0.040	0.020	J -1

0.592	0.157	41
0.157	0.008	43
0.525	0.114	8
0.217	0.015	28
0.501	0.089	15
0.685	0.238	5
0.256	0.004	152
0.430	0.098	13
0.369	0.025	46
0.136	0.005	29
0.742	0.336	0
0.759	0.322	69
0.526	0.073	42
0.262	0.007	135
0.515	0.092	49
0.253	0.011	49
0.314	0.02	25
0.383	0.025	39
0.581	0.142	20
0.818	0.39	75
0.141	0.013	11
0.867	0.525	36
0.192	0.009	43
0.208	0.003	58
0.139	0.005	46
0.282	0.019	14
0.373	0.02	56
0.167	0.008	33
0.320	0.034	29
0.557	0.127	24
0.657	0.185	66
0.558	0.112	35
0.491	0.082	64
0.773	0.349	39
0.773	0.112	44
0.547	0.086	46
0.230	0.000	13
		49
0.312	0.01	49 49
0.422	0.048	
0.917	0.634	22
0.479	0.048	84
0.546	0.092	38
0.168	0.013	34
0.456	0.062	38
0.106	0.005	78
0.697	0.252	28
0.960	0.659	15
0.467	0.068	17
0.650	0.247	19
0.101	0.006	46
0.455	0.067	35
0.834	0.457	57

0.376	0.053	29
0.300	0.01	174
0.193	0.005	64
0.167	0.007	26
0.663	0.188	70
0.000	0.001	5
0.339	0.045	8
0.258	0.027	20
0.446	0.08	18
0.519	0.088	42
0.310	0.016	22
0.816	0.425	29
0.067	0	17
0.878	0.535	19
0.147	0.017	43
0.061	0	67
0.017	0	18
0.260	0.03	26
0.376	0.053	14
0.171	0.007	30
0.225	0.043	9
0.178	0.019	35
0.265	0.019	43
0.195	0.007	43
		43 47
0.665	0.224	
1.156	0.906	15
1.225	0.966	27
0.285	0.033	38
0.518	0.148	7
0.340	0.071	14
0.443	0.036	50
0.219	0.003	147
0.191	0.017	21
0.279	0.022	0
0.467	0.091	6
0.319	0.022	32
0.646	0.163	39
0.355	0.049	16
0.588	0.12	32
0.309	0.024	43
0.423	0.048	42
0.288	0.023	62
0.175	0.023	245
0.238	0.004	83
0.433	0.027	115
0.312	0.045	30
0.342	0.021	107
0.883	0.549	69
0.647	0.206	56
0.592	0.11	80
0.658	0.212	32
0.182	0.007	37

0.399	0.074	33
0.429	0.044	89
0.222	0.003	168
0.502	0.104	36
0.303	0.02	74
		64
0.399	0.023	
0.422	0.027	129
0.626	0.144	54
0.321	0.026	53
0.061	0.003	62
0.368	0.023	79
0.693	0.27	42
0.991	0.716	36
0.508	0.083	80
0.614	0.103	126
0.582	0.163	36
0.649	0.215	0
0.607	0.081	189
0.488	0.06	32
0.279	0.072	16
0.538	0.12	24
0.179	0.013	57
0.137	0.004	36
0.833	0.469	21
1.300	0.984	25
0.476	0.103	0
0.467	0.079	20
0.467	0.079	
		25
0.204	0.007	86
0.249	0.009	48
0.230	0.018	37
0.720	0.288	38
0.083	0.001	76
0.125	0.004	18
0.357	0.023	61
0.538	0.106	42
0.429	0.035	57
0.112	0.009	27
0.274	0.031	50
	0.014	19
0.196		
0.537	0.111	17
0.307	0.03	9
0.839	0.481	36
0.584	0.124	24
0.590	0.139	12
0.457	0.063	28
0.783	0.315	50
0.692	0.23	23
0.581	0.149	14
0.222	0.016	53
0.222	0.07	16
0.761	0.324	46

0.364	0.036	47
0.304	0.026	22
0.383	0.025	73
0.352	0.052	27
0.387	0.073	24
0.841	0.491	0
0.330	0.018	51
0.539	0.11	32
0.959	0.697	28
0.129	0.007	8
0.220	0.021	16
0.133	0.005	115
0.586	0.139	40
0.318	0.025	67
1.191	0.967	116
0.561	0.122	0
0.578	0.166	6
0.268	0.005	165
0.453	0.032	98
0.015	0.002	16
0.285	0.019	50
0.588	0.153	34
0.132	0.007	25
0.445	0.044	49
0.493	0.114	11
0.195	0.007	63
0.294	0.024	82
0.642	0.207	30
0.356	0.026	33
0.434	0.097	18
0.284	0.03	23
0.551	0.084	56
1.043	0.775	21
0.819	0.423	15
0.222	0.009	17
0.481	0.064	43
0.107	0.012	5
0.729	0.317	8
0.440	0.056	29
0.667	0.189	45
0.112	0.004	28
0.522	0.123	18
0.250	0.009	40
0.448	0.043	100
0.292	0.016	59
0.499	0.102	36
0.520	0.07	0
0.637	0.194	18
0.393	0.033	59
0.665	0.159	81
0.068	0.001	25
0.225	0.018	22

0.091	0	155
0.757	0.327	7
0.502	0.104	41
0.329	0.032	27
0.965	0.713	20
0.409	0.067	17
0.639	0.19	21
0.113	0.002	0
0.255	0.015	39
0.712	0.253	41
0.558	0.118	38
0.495	0.108	21
0.693	0.246	86
0.518	0.107	0
0.436	0.039	54
0.651	0.192	43
0.840	0.47	35
0.656	0.232	18
0.221	0.005	62
0.134	0.001	182
0.431	0.05	74
0.182	0.013	0
0.150	0.005	53
0.772	0.364	56
0.298	0.032	53
0.255	0.019	56
0.466	0.095	38
0.231	0.011 0	51
0.046 0.506	0.123	138 5
0.653	0.123	21
0.055	0.026	18
3.326	1	45
0.140	0.011	8
0.046	0.001	0
0.381	0.025	83
0.005	0	25
0.070	0.001	44
0.687	0.243	21
0.503	0.078	53
0.964	0.669	25
0.283	0.016	28
0.269	0.014	27
0.465	0.119	9
0.563	0.12	25
0.877	0.498	54

ACLIBUTE TO CONTRACT ON THE	AC I DI II COMPANIA	AC. I Dilli
	Afr_LRHtest_proportion of extreme SNPs 0.045454545	Afr_LRHtest_p-value
3 0	0.0454545	
0	0	
0	0	
2	0.017241379	
0	0.017241379	
3	0.157894737	0.101
0	0.157694757	0.101
0	NA	
0	0	
4	0.1	0.154
0	0	0.134
7	0.4375	0.020
0	NA	0.020
1	0.024390244	
4	0.093023256	0.164
6	0.042253521	0.104
0	0	
0	0	
0	NA	
0	0	
7	0.170731707	0.098
0	0.170701707	0.000
1	0.017857143	
0	0	
0	0	
0	Ö	
2	0.035087719	
0	0	
5	0.096153846	0.159
1	0.041666667	01100
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
3	0.2	0.065
74	0.404371585	0.012
0	0	0.0.2
6	0.6	0.005
0	0	0.000
0	NA	
1	0.025	
1	0.018181818	
0	NA	
2	0.074074	0.237
2	0.083333333	0.175
1	0.027027027	0.170
8	0.087912088	0.192
1	0.04	0.102
2	0.036363636	
0	0	
U	V	

0	0	
1	0.071428571	0.226
5	0.063291139	0.210
3	0.02238806	
0	0	
0	0	
3	0.063829787	0.227
0 2	0 0.032258065	
2	0.032236065	
0	0	
1	0.033333333	
2	0.058823529	0.240
0	0	
2	0.05	
0	0	
0	0	
0	0	
5	0.096153846	0.170
2	0.01369863	
1	0.019230769	
0	0 0.023255814	
0	0.023253614	
0	0	
1	0.014285714	
0	0	
0	0	
1	0.02	
0	0	
0	0	
6	0.085714286	0.209
0	0	
3	0.025	
0	0	
0	0	0.007
16 1	0.25 0.034482759	0.037
1	0.05	
0	0	
24	0.244897959	0.052
1	0.033333333	0.002
0	0	
5	0.052631579	0.256
0	0	
1	0.028571429	
0	0	
0	0	
1	0.019607843	
0	0	
0	0	
2	0.037037037	

0	0	
2	0.046511628	
0	0	
1	0.035714286	
2	0.133333333	0.106
0	0	
5	0.032894737	
0	0	
7	0.152173913	0.102
0	0	
0	NA	
1	0.014492754	
0	0	
33	0.24444444	0.045
3	0.06122449	0.261
0	0	
0	0	
9	0.230769231	0.041
0	0	
44	0.586666667	0.003
3	0.272727273	0.026
0	0	0.400
3	0.069767442	0.189
1	0.017241379	
1	0.02173913	2.252
3	0.214285714	0.053
10	0.178571429	0.049
0	0	0.000
4	0.137931034	0.086
0	0	
1	0.015151515	0.400
4	0.114285714	0.132
0	0 05100051	0.060
2 4	0.051282051 0.090909091	0.269 0.165
7	0.152173913	0.165
0	0.152175915	0.063
1	0.020408163	
0	0.020400103	
4	0.181818182	0.060
0	0	0.000
4	0.105263158	0.129
0	0	0.125
1	0.026315789	
7	0.08974359	0.157
2	0.071428571	0.192
3	0.2	0.059
2	0.117647059	0.138
0	0	3.130
3	0.065217391	0.227
2	0.057142857	0.261
0	0.037 142037	0.201
-	•	

1 36 2 0	0.034482759 0.206896552 0.03125 0	0.056
16 0 0	0.228571429 0 0	0.036
3 0 0	0.15 0 0	0.085
0 3 0 0	0 0.103448276 0 0	0.149
0 5 3	0 0.27777778 0.115384615	0.025 0.119
0 0 4	0 0 0.444444444	0.005
2 2	0.057142857 0.046511628	0.281
9 2 0	0.209302326 0.042553191 0	0.041
0 0 0	0 0 0	
0 0 13	0 0 0.088435374	0.173
0 0 0	0 NA 0	0.173
0 5	0 0.128205128	0.108
3 3 0 2	0.1875 0.09375 0 0.047619048	0.067 0.151
4 78 8	0.064516129 0.318367347 0.096385542	0.227 0.020 0.177
18 1 6 1	0.156521739 0.033333333 0.056074766 0.014492754	0.090
3 5 1	0.053571429 0.0625 0.03125	0.276 0.266
8	0.216216216	0.039

0	0	
6	0.06741573	0.200
27	0.160714286	0.074
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
2	0.032258065	
2	0.025316456	
32	0.761904762	0.001
0	0	0.00.
2	0.025	
3	0.023809524	
0	0	
0	NA	
19	0.100529101	0.148
0	0	0.110
1	0.0625	0.234
8	0.33333333	0.014
5	0.087719298	0.157
1	0.02777778	0.107
0	0	
3	0.12	0.128
0	NA	0.120
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
1	0.027027027	
0	0	
6	0.078947368	0.191
1	0.05555556	0.280
1	0.016393443	0.200
0	0	
0	0	
0	0	
8	0.16	0.084
0	0	0.004
1	0.058823529	0.228
Ö	0	0.220
3	0.08333333	0.174
1	0.041666667	0.174
0	0	
8	0.285714286	0.020
0	0.265714266	0.020
0	0	
0	0	
5	0.094339623	0.152
5 11	0.094339623	0.132
1	0.0675	0.000
ı	0.021/3913	

0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
1	0.041666667	
0	NA	
0	0	0.000
5	0.15625	0.092
1	0.035714286	0.104
1 0	0.125	0.104
2	0 0.017391304	
0	0.017391304	
0	0	
0	0	
0	NA	
0	0	
5	0.03030303	
7	0.071428571	0.210
0	0	0.210
1	0.02	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
6	0.095238095	0.144
5	0.06097561	0.254
2	0.066666667	0.228
0	0	
1	0.05555556	0.270
3	0.130434783	0.085
1	0.017857143	
0	0	
0	0	
2	0.117647059	0.110
1	0.023255814	
0	0	
0	0	
0	0	
2	0.044444444	
3	0.107142857	0.117
0	0	
3	0.075	0.179
7	0.07	0.183
2	0.033898305	
2	0.055555556	0.257
0	NA 0.05555550	0.040
1	0.05555556	0.248
3	0.050847458	0.297
4	0.049382716	
0	0	
0	0	

0	0	
0	0	
2	0.048780488	
6	0.22222222	0.033
0	0	
0	0	
0	0	
0	NA	
0	0	
9	0.219512195	0.032
0	0	
3	0.142857143	0.093
13	0.151162791	0.073
0	NA	
3	0.05555556	0.288
0	0	
13	0.371428571	0.005
1	0.05555556	0.278
0	0	
4	0.021978022	
0	0	
0	NA	
1	0.018867925	
2	0.035714286	
7	0.132075472	0.075
6	0.107142857	0.097
3	0.078947368	0.204
3	0.058823529	0.256
0	0	
0	0	
0	0	
9	0.5	0.002
1	0.02222222	
0	0	
0	NA	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
1	0.04	
0	0	
6	0.22222222	0.016
1	0.11111111	0.105
3	0.12	0.111
14	0.259259	0.005
דו	0.203203203	0.003

Chn_LRHtest_# of HapMap SNPs within region Chn_LRHtest_# of extreme SNPs

54			
15 55 46			
7 13			
18 14			
54 53			
9 2			
20 18			
28 33			
20 30 44			
48 59			
17 45			
33 39			
49 23			
8 44 12			
41			
44 75			
33 1			
4 27			
18 20 78			
29 3			
84 12			
29 9			
21 35			
18 21 39			
JJ			

9	
0	
0	
13 0	
0	
0	
13	
5	
9	
0	
6	
1	
0	
0	
2	
0 8	
6	
12	
0	
2	
13	
0	
Λ	
0	
19	
1 18	
0	
1	
2	
9	
0	
0 5	
2	
4	
10	
0	
0	
0	
9	
3	
2	
0	
3 8	
1	
•	

26 23			
9 26 14			
6 49 17			
33 11			
0 82 36			
37 43 43			
23 14			
18 63 11			
41 34 24			
31 15			
48 32 32			
21 39 35			
40 39 46			
48 11			
28 40 23			
83 39 16			
44 39 26			
13 19			
19 30 28			
43			

6 0 8 0 0 0 0	
2 0 29 0 1 0 5 1	
0 0 12 0 0 1 7	
0 1 2 0 0 13 8 6 23	
0 3 9 7 6 4 0 5 4	
0 3 0 0 6	

15 46 16 6 74 8 7 13 11 29 17 30 10 15 29		
5 0 14 12 17 4 21 36 17 13 23 30 7 9 43 98 10		
0 4 17 25 8 25 31 37 37 171 60 87 25 81 69 53 79 44 5		

0 4
0
0
0 2
1 3
0
9
0
0
0
2
0 3
0
0
0
0
0 5
43 6
0
0 4
0
3
0
5 2
33 0
1 0
4
5
U

32 58 103 23 71 50 92 50 36 44 44 16 43 79 100 39 0			
212			
28 14			
15			
27 34			
21			
27 0			
18 20			
60			
20 22			
29			
70 4			
42 32			
41			
14 31			
12			
18 9			
28 27			
13			
23 41			
27 15			
49			
13 39			
55			

40 12			
54 18			
22 0 40			
31 30			
1 9 57			
44 72			
114 0 5			
129 61 6			
29 24			
14 37 5			
58 38			
25 36 12			
12 51 17			
8 6			
16 1 8			
20 40			
20 15 35			
69 32 32			
0 19			
36 84 15			
13			

19 1 2 0 0 0 0 9	
7 0 0 12 0 1 0 0	
8 0 0 3 0 0 12 0 6 0	
2 11 0 1 10 5 0 0	
0 0 1 0 1 0 0 4	
0 0 3 1 7 2	

112 7			
23 20			
21 13 24			
0 30			
40 40 7			
51 0			
57 32			
32 13 29			
94 45			
0 55 41			
32 33			
34 30 7			
4 13			
13 42 9			
0 56			
3 4 16			
37 30			
20 16 8			
25 50			

37 2 0 5 0 0 7 0 23 13 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0	
21 0	
0	
0	
0 10	
6	
0	
0	
0	
0	
0	
0	
0	
۱ 5	
8	
0	
1	
0	
0	
0 0 0 0 0 0 0 0	
0	
0	
0 1	
ı	

Chn_LRHtest_proportion of extreme SNPs	Chn_LRHtest_p-value
0	
0	
0	
0	0.000
0.313253012	0.060
0.509433962	0.014
0	0.055
0.33333333 NA	0.055
0	
0	
0	
0	
NA	
0.119047619	0.139
0.0454545	0.100
0	
0.11111111	0.140
0	0.1.10
NA	
0	
0.2	0.090
0.142857143	0.146
0.108695652	0.163
NA	
0	
0.08	0.201
0.551020408	0.007
0.322033898	0.041
0.108108108	0.156
0	
0	
0.66666667	0.000
0	
0.11111111	0.145
0	
0.788461538	0.002
0	
0	
0	
NA	
0	
0	
NA 0.00000007	0.040
0.06666667	0.246
0	
0	0.010
0.558441558	0.012
0 0	
0.170731707	0.090
0.170/31/0/	0.090

0.166666667 0	0.094
0 0.282608696 0 0	0.031
0 0.928571429 0.092592593 0.169811321 0 0	0.001 0.181 0.088
0.3 0.055555556 0	0.040 0.246
0.1 0	0.158
0.181818182 0.125 0.203389831 0 0.044444444	0.095 0.140 0.071
0.03030303 0.333333333 0 0	0.035
0 0.431818182 0.083333333 0.43902439 0 0.022727273 0.026666667	0.020 0.185 0.009
0.272727273 0	0.035
0 0.185185185 0.111111111 0.2 0.128205128 0 0 0	0.059 0.163 0.087 0.130
0.310344828 0.333333333 0.095238095	0.033 0.025 0.130
0 0.166666667 0.380952381 0.025641026	0.078 0.022

0.230769231	0.049
0 0.88888889	0.000
0.000000009	0.000
0	
0	
0 0	
0.060606061	0.270
0	0.270
NA	
0.353658537	0.024
0 0.027027027	
0.027027	
0.11627907	0.158
0.043478261	
0	
0 0	
Ö	
0.292682927	0.038
0	
0 0.032258065	
0.466666667	0.007
0.104166667	0.188
0	
0.03125 0.095238095	0.175
0.095236095	0.175
Ö	
0.325	0.031
0.205128205	0.066
0.130434783 0.479166667	0.107 0.008
0.479100007	0.000
0.107142857	0.169
0.225	0.062
0.304347826	0.033
0.072289157 0.102564103	0.198 0.126
0	0.120
0.113636364	0.127
0.102564103	0.131
0 0.230769231	0.057
0.157894737	0.057
0	
0	
0.214285714	0.052
0	

0 0.086956522 0 0 0	0.216
0 0.285714286 0.076923077 0.272727273 0	0.029 0.225 0.046
0 0.3 0.2 0 0	0.030 0.058
NA 0 0.166666667 0	0.064
0 0.142857143 0 0	0.089
0 0 0 0	
0 0.11627907 0.43877551 0.6 NA	0.132 0.008 0.002
0 0 0.16 0 0.04	0.116
0.096774194 0 0 0 0.029239766	0.178
0.03333333 0.379310345 0 0.012345679	0.017
0 0.075471698 0.101265823 0.113636364 0	0.208 0.166 0.135

0	
0 0.009708738	
0 0.169014085	0.082
0	
0 0.14	0.095
0 0.090909091	0.198
0.045454545	000
0.837209302	0.001
0.151898734 0.1	0.093 0.142
0	···-
NA 0.04245283	
0.178571429	0.060
0.071428571 0.333333333	0.240 0.018
0.111111111	0.141
0.5 0	0.002
0.333333333 NA	0.018
0.166666667	0.087
0.1 0.133333333	0.141 0.110
0	0.004
0.772727273 0.137931034	0.001 0.097
0.057142857	0.276
0 0.785714286	0.000
0.0625	0.260
0.43902439 0.785714286	0.011
0 0	
0.05555556	0.236
0 0.25	0.040
0 0.307692308	0.019
0.260869565	0.038
0.097560976 0.037037037	0.174
0	
0 0	
0.307692308	0.014

0.475 0.083333333 0.037037037 0	0.009 0.192
0 NA 0	
0.290322581 0.233333333 0	0.028 0.040
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0.040
0.272727273 0 0.00877193	0.046
NA 0	
0.062015504	0.202
0 0.103448276 0	0.143
0 0.324324324 0	0.007
0.103448276 0	0.165
0.08 0.30555556	0.213 0.020
0 0.083333333 0.196078431 0.294117647	0.215 0.075 0.019
0 0 0	
0	
0.05 0	
0.05 0	
0 0.057971014 0 0	0.281
NA 0.157894737	0.096
0.02777778 0.083333333 0.133333333 0	0.162 0.111
U	

0.330357143 0.285714286	0.015 0.024
0 0.25 0	0.040
0 0 0.291666667	0.024
NA	
0.766666667	0.000
0.325 0.05	0.013
0	
0	
NA 0.368421053	0.011
0.366421053	0.011
0	
0	
0 0.106382979	0.147
0.133333333	0.098
NA	
0	
0 0	
0	
0.411764706	0.012
0 0	
0	
0.076923077	0.213
0.384615385	0.004
0.19047619 0	0.044
NA	
0.017857143	
0	
0 0	
0	
0	
0 0	
0	
0	
0.02	

Genbank mRNA identifier

AK125490,BC006196,BC008188,BC025337

AF278765,AB046775 AF263547,BC012915 BC006374,M97675 U50748

J04177

AY358366,BC031648,AB037745,AJ512826,BC009390,AK093718,AF234887,AK127745,AK127086

AF257238,AF213259
AL133036,AF315356,AK027869,BX537434,AK127414
AK090423,AK090475,AF397453,AY358085,AF329492,AF329490
AK096400,X06948
BC041888,AK095838,NM_005684,AB019493,AB019490,AB019489,AB019491,BC018630,AB007940,AL049701,E
AB006627,BC015438
AK098470,L21934

AK095031 AK095031,BC037878 U67615

D87119

BC022012,BC039828,AK025769,AK098188 AF113010 BC031410

BC063310,AB095948,AL833400

AK023791,AB023136,BC017310,S71376,BC045762,X68879,AY044437 AJ417593,AB002326,BC050330

BX640698,BC038297,AB018285,AF151907,BC035053

BC058861,NM_006588,AF055584,AB002334,BC004487,AK095987,BC005341,D42063,U19240,U19248,BC0505

AB007295

AB067489

AF369908, AF391554, AF391555, AF391556, AF391557

AL117430,AK023201,BC001408,D50927,Z25421,AK130559,AF116684

BC035000,AK125657,BC047029

AL133087,AK097086,BC016985,BC063622,BC050586

BC058010,AF154830

L07868

AY219711,AF418105,AY033486

AY219711

BX640999,BX640638,BX640608,BX640731,BX640875,BX640920,BX649182,BX537590,U60067,U60068,BX538(

BC000653,AK001777,BC003040,BC004854,AK021871,BC032116,BC010072,AY125465 BC022433,M14630,AF452640,BC007831,BC001054,BT007278,AK024273,AK022674,AK126326

AL122100

AK074794,BC019582,BC021975,NM_014160,AF161555,BC018119 BC007226,BC000963,BC017220,AK001867,AK022471,AK000611 BC045758,AK057247,AK098832,BX537852,AK123061,AK128585 AF392451,AK000370

AF037332

AK125477,BC022049,BC003393,S67334

BC018043

AK096400

U49957

D86979,BC014173,BC033615,BC035006,BC007504,BC010565,AL137527,AK128758,AL136889,AK021729,BC00 BC000252,BT006806,AK127243,AK128339

AF210317,BC018897,AF421859

AF009801,AB037748,BC016987,AL137350,AK025965,AF528529,BC065546

AK001387,BC014384,AL122070,BC016949,AY319413,BC022981,AK125953 AK091196,BC047918,AK130576 AF009014

AK023335,BC032942

AF190500

AB002311,AL117397

AF464873,AB023209,BC013867,AY211921,AF077041,AF151909,BX537391,BC033650,AK027337 X78520,BC054877,AB019542,BC010367

BC035212 BC063406,BC035499,BC002971,BC009454,AF275798 AF091395,BC035585,AL390214 L33477

BC009001,AL833916,AK001003,AF129534,AF176703,AL359579

AY245866

AB078619,AF161465,BC017020 BC029268,BC027718,D14530,AK123303 BC037287,AY358693,AF138860

AF006513,BC054860 AY359108

D63998

AK128596,AK125966,BC022515

U03272,AF193046 M81886 BC050333,AB078145,AK074132 BC050375 AK000631,AK096781,BC016820,AF151028,AF164962,BC013913,AF505623,BC039825

AB051520

BC000336,AF420280,BC062211,BC066243,AB020527 BC010926,U90546,BC002832,U90144,AF257505,U90143,U90550,BC017497 D26351,AK126969,AK127468,BC006007,AK056586,AF393812,BC051803,Y00695

AK055204

AF330693,AL136624

AB011122

AK090775,AB023226,BC063632

AK128060 X74496 AK093571,AK074125 AF520418 Z26653

AF184971,AY358883

AB033492,AL832322,AF111704,AL831988,AL834248,AB085905

AB018261

L09237,AF282259,AF282260,AF282261,AF282262,AB058895,S79912 X00588

AB002329

BC041407,X77748

BC066592,L12579,BC025422,M74099,AK098270

U02020,BC020691

AF377960,AK096565

AL832619,AY358220,AK025639

AB046770,AK095606,AL834504,AK092345 AF286696,BC010951,NM_176881,BC020909,NM_176882

AF319045

AF319045

AF319045

AF319045

AL834510,AY049743,D30612,BC055287,BC041704

U66619

BC035279

BC024146,AJ305312,AJ312027,AJ312026,AJ307469,AJ301560

S76617,AJ291678

AK091259

AF215824,BC043207

AB020690, AK092377

D83767,AY302140,BC012022,AF285605

AL161971

AL161971

AL161971

L12052,AF332652,AY266364,AL133660

AJ437636

AJ000098,AF467247

AF338730,U40705,BC029378,AK128828

AK124441

AF040701,AF026445,BC047732,BC064830,BC001316,AL136678,AK023916 U54804

AK127771 AK090429,BC019102,BC037495,AL832454

BC014658,AJ238243,AL133608,AK002143,AK023707,BC023634,AY040325,BC056875,AK024955,AK026274 BC039294,AK125815,BC010066,AK074535 BC013571,AL136719,AF317228,BC022521 BX537429,BX538109,BC065552,BX537417,D28473,BC008318,AF113680,AF469044,AK024245,BC013788,AK02

AL137614 AF090693,BC036391,AF090694

AF196185,BC011711,AF454059,AF454057,AF454058

BC028127,AB033116,AK001713 D45864,Y07512,BC062688 D45864,Y07512,BC062688 AY029205,AL834134

AJ505148,AJ505149,AB020651,BC060817,AJ505147 AL117423,BC004190,AK022697,Y17711,BC034235,BC010682

BC022500

Y11306 BC030601 AK097855 AF081249,AF081250 AB046800,BC041374 AK124903,BC023622,BC046216,AF441771,BC005116,Y07683,AF132209 AF009227

U32376

AK055539,AY358554,AL136764,AB018324,AB084424 NM_005422 NM_003105,U60975 AB058770,AF480410,AY358743 AB015617,AB053470,AB053468,AB053469,AB053471,AB029004,AK092201

BC028195,BC040071 BC064553,AK123548,NM_181429 U10485,AK001783,AY423543,M54968,BC010502,M35505,BC029545,M17087

AK096400

AJ312278,AK027657

BX571751,D64053

AK093140,BC062424,BC058014,BX640968,BC035136,AL137488,AB002371,AF273044,BC008641,AK025632,AkU49897,S61396,BC004425

BC033617,AY358241,BC046238,AK127416

BC041049,BC000833,AL110301,BC022360,AK074648,BC000282,X94910,BX641140,AK023151,AB054990,BC0(AB040890,X98258,AK023016,AK095982,BC020885,AF006484,AK001563,AB014772,BC058837,AK001695,BC05

AY219890,AJ421032,BC003542,X98259,BC046214,AK056785,AL834505,BC014184,AK001817,AF449627,AF13 U20362,BC030776,BX640833,BC036243,AK130916,BC018091,AL831819,AB051508,BC042504,BC050680

AK127263,AK126031 BC038103

BC001771,BC018063 BC040540,M19701,BX537392,BC029052

AB011175

AF105267,AJ132932,AJ132933,D17547

BX247982,BC003019

X75756

AF118083,U85946,AL136685

X15804,BX248020,AL831823,AB058727,AL831932,AL834533,AF044774,BC022967,BX161412,AK001600,AB036 BC066965,NM_138791,BC015054,BC000321,BC007398,AK075445,BC033140,BX248280,BX248277,BX248770,

BC047882,AB023235,BC044890,BC063296,AK000320,AF071787,AB115500,AB115501,AB115502

BC051815,BC038449,AK022696,AK025751,AL713737,AK023360,AB011090,AL050181,AF176922,AB011168,AL

AF073344,BT007269,AF077040,BC065833,U50078,BC040929,AB018001 BX641106,BC008840,AY358143 AK097130,AJ009771 AF006514,AL831836

U09002

AJ539163,AJ277441

AK123224,BC008777,Y00796,BC013760,BC001361,AK054567,BC000016,BC008821,BC018997,AK056692,BC0

AF246718,BC063677,AY358612,BC029601,AK001687,BC002758,BC004132,AK126584,AF285758,BC022428

AF318348,BC012748,AK025556,AL834298,BC028304,AB011151,AB030243,AL117532

AL117394,AK125981,AK075282,AL713754,BC047718,BC023567,AF120151,AJ314648,AK022797,AJ314645,AK0 AF540953,AF540953,AF540953,BC006235

BC021986,AK055926,BC016470,AF119857,BC052279,AY358660,AF371328,AK002026,BC005854,BC028393,AI AK000062,AK124061,AF151806,AK124832

AF288385

BC012084,BC005112

BC056882.D28118.AK126318.BC010264.BC010744.X89670.X74862.AF303373

AF349752,BX640819,AK025740,BC057792,AL834444,AF533230,BC054344,AF119882,BC036356,BC048806,D8

AF142992,BC016027,BX571764,BT006943,AK057326,BC009518,AF130069,BC009527,AY014180 AF458591,AK096929,BC037991 Y09321

BC036786,AB035301 U56102,BC046222,AK126538,AK128137,AL117635,BC007359,BC026879,BC047602,AK096404 BC050038 AK001511,AY424277 BC034792,BC017340 BC028708,AK127765

AY169310,AY169312,BC062595,AF172086,AK074686,BC012420,BT007443,AF257180,BC019307,BT007208,AFAK126534,D87444,AF336876,NM_178465,D83784,AF375884,AB002357,BC064984,AJ438952,AB084280,AL834AF132732

BC027951,BC003359,BC002769,AY320413 BC008584,BC004248,AF169385,BC033591,U84720,AK126024 AB033095,BC009381,BC013933,AF217795,AK131105,AF217793,X91504,BC019338,AB058750

AF486622

AF311320,AF289589,AK127597 BC001074,BC006341,AK056041,BC021217,BC033766,BC005107,

Gene name

AK125490,TNFRSF9,PARK7,MIG-6

HIVEP3,HIVEP3 DAB1,MPRP-1 BC006374,ROR1 LEPR

COL11A1

KIAA1324,KIAA1324,KIAA1324,KIAA1324,SARS,AK093718,CELSR2,AK127745,AK127086

AF257238,MAGI-3 NOTCH2,NOTCH2,NOTCH2,BX537434,AK127414 AK090423,AK090475,IRTA2,AY358085,IRTA1,IRTA1 AK096400,FCER1A HHL,HHL,GPR52,HHL,HHL,HHL,HHL,HHL,HHL,HHL ASTN,BC015438 RALGPS2,SOAT1

SLC35F3 SLC35F3,SLC35F3 CHS1

TRB2

VSNL1,SMC6L1,SMC6L1,FLJ40869 AF113010 MGC34824

KIAA2028,KIAA2028,KIAA2028

AK023791,SEC15L2,SPR,S71376,EMX1,EMX1,SFXN5 ALMS1,ALMS1,ALMS1

JMJD1,JMJD1,JMJD1,VPS24,RNF103

BC058861, SULT1C2, GCC2, MGC10701, AK095987, LIMS1, RANBP2, RANBP2, FLJ32745, FLJ327

GLI2

FMNL2 MYO3B,MYO3B,MYO3B,MYO3B,MYO3B GORASP2,GORASP2,TLK1,Z25421,AK130559,AF116684

DUSP19,DUSP19,LOC129401

LOC91526,LOC91526,BC016985,BC063622,BC050586

CPS1,CPS1 ERBB4 ABCA12,ABCA12,ABCA12 ABCA12 FN1,FN1,FN1,FN1,FN1,FN1,FN1,FN1,FN1,FN1

DNPEP,DNPEP,DNPEP,DNPEP,DES,DES,AY125465 PTMA,PTMA,AF452640,PDE6D,PDE6D,BT007278,COPS7B,COPS7B

AL122100 MGC2776,MGC2776,MGC2776,MKRN2,MKRN2,RAF1 NGLY1,NGLY1,NGLY1,NGLY1,NGLY1,FLJ20604 FLJ32685,FLJ32685,FLJ32685,FLJ32685,FLJ32685 OSBPL10,OSBPL10

EPHB1 FAIM,BC022049,PIK3CB,PIK3CB

SERPINI1 AK096400

LPP

D86979,BC014173,BC033615,DKFZp761B1514,MGC4126,BC010565,MGC4126,AK128758,AL136889,AK021729 CRMP1,CRMP1,AK127243,AK128339 SLC2A9,SLC2A9,AF421859 BAPX1,AB037748,BC016987,AL137350,AK025965,FLJ33215,FLJ33215

FLJ10525,BC014384,AL122070,SLC30A9,SLC30A9,SLC30A9,AK125953 AK091196,BC047918,AK130576 GRID2

FLJ13273,FLJ13273

LGR7
AB002311,AL117397
KIAA0992,KIAA0992,KIAA0992,KIAA0992,KIAA0992,KIAA0992,FLJ14431,FLJ14431
CLCN3,CLCN3,CLCN3,FLJ20534

VEGFC LOC134145,CCT5,CCT5,CCT5,CCT5 TRIO,TRIO,AL390214 CDH12

OXCT,LOC285636,FBXO4,FBXO4,FBXO4,FBXO4

AY245866

CACH-1,SSBP2,SSBP2 APG10L,APG10L,RPS23,AK123303 MGC33214,AY358693,AF138860

CHD1,BC054860 UNQ1912

MAN2A1

AK128596,AK125966,STK22A

FBN2,FBN2 GRIA1 GALNT10,GALNT10 KCNIP1 PAK1IP1,AK096781,C6orf52,C6orf53,AF164962,TMEM14B,MAK,MAK

RPEL1

SCGN,AF420280,HIST1H2AA,HIST1H2BA,SLC17A4 HIST1H4A,BTN3A2,BTN3A2,BTN3A2,BTN3A2,U90143,BTN2A2,BTN2A2 ITPR3,AK126969,AK127468,C6orf125,IHPK3,IHPK3,LEMD2,MLN

C6orf143

COL21A1,COL21A1

BAI3

C6orf117,C6orf84,BC063632

C6orf167 PREP AK093571,SCML4 LACE1 LAMA2 IL20RA,IL20RA HECA,AL832322,AF111704,AL831988,AL834248,AB085905

DGKB GHRHR,GHRHR,GHRHR,GHRHR,AB058895,GHRHR FGFR

SEMA3E GRM3,GRM3 CUTL1,CUTL1,CUTL1,AK098270 PBEF1,PBEF1

CORTBP2, CORTBP2

FLJ21986,FLJ21986,FLJ21986

PLXNA4,AK095606,AL834504,AK092345 sdolf,PIP,TAS2R39,BC020909,TAS2R40

CNTNAP2 CNTNAP2 CNTNAP2 CNTNAP2 DKFZp762I137,ZNF398,ZNF282,ZNF282,ZNF282 SMARCD3

3'HEXO LOC286046,C8orf5,C8orf15,AJ312026,C8orf6,C8orf7 BLK,C8orf14 AK091259

ADAM7,ADAM7 AB020690,DPYSL2 D8S2298E,AY302140,PPP2CB,TEX15

SNTG1 SNTG1 SNTG1

PDE7A,PDE7A,AY266364,DNAJC5B DEPDC2 EYA1,EYA1 KCNB2,TERF1,TERF1,AK128828

AK124441

TAF2,TAF2,TAF2,MGC5528,DEPDC6,DEPDC6 HAS2

AK127771 DOCK8,DOCK8,ANKRD15,ANKRD15

ANKRD16 CUGBP2,CUGBP2,CUGBP2

PARD3,PARD3,PARD3,PARD3

LOC282966,FLJ10851,FLJ10851 PRKG1,PRKG1,BC062688 PRKG1,PRKG1,BC062688 PCDH15,AL834134

ZNF365,ZNF365,ZNF365,ZNF365 CBARA1,CBARA1,CBARA1,C10orf42,C10orf42

LGI1

TCF7L2
TRUB1
AK097855
MRVI1,MRVI1
AB046800,BC041374
TNKS1BP1,TNKS1BP1,TNKS1BP1,SSRP1,P2RX3,PRG3
NRG1

DLG2

LOC143903,LOC143903,SIK2,SIK2,SIK2 TECTA SORL1,SORL1 KIRREL3,KIRREL3 ELKS,ELKS,ELKS,ELKS,ELKS,ELKS

MGC40170,A2M BC064553,AK123548,hT2R55 LRMP,CASC1,CASC1,KRAS2,KRAS2,KRAS2,KRAS2,M17087

AK096400 ALG10,ALG10

PTPRR,PTPRR

FLJ35821,BC062424,BC058014,BX640968,BC035136,AL137488,AB002371,AF273044,FLJ13615,AK025632,FLJ PAH.S61396.ASCL1

MGC40368,AY358241,RPC2,AK127416

MAPKAPK5,MAPKAPK5,LOC89894,LOC89894,LOC89894,C12orf8,FLJ13089,FLJ1508,FL

TPIP,TPIP,HSMPP8,HSMPP8,HSMPP8,HSMPP8,AL834505,PSPC1,PSPC1,PSPC1,AF130061,PSPC1,ZNF237,ZTG737,TG737,BX640833,IL17D,AK130916,LOC221143,XPO4,XPO4,XPO4,XPO4

ATP8A2,ATP8A2 D13S106E

GTF2F2,KCTD4 RB1,RB1,P2RY5,CHC1L

TBC1D4

GPC6,DCT,AJ132933,DCT

BX247982,DHRS4

PRKCM

SEC10L1,SEC10L1,C14orf108

ACTN1,BX248020,AL831823,WDR22,AL831932,AL834533,AF044774,BC022967,BX161412,C14orf114,AB03295 BC066965,LOC122945,C14orf133,AHSA1,AHSA1,THSD3,THSD

BC047882,AB023235,BC044890,FLJ20313,FLJ20313,TRPM1,TRPM1,TRPM1,TRPM1

BC051815,BC038449,AK022696,AK025751,AL713737,MGA,AB011090,AL050181,AF176922,AB011168,AL83441

USP3,USP3,AF077040,LOC283807,HERC1,HERC1,DAPK2 BX641106,FLJ13710,AY358143 AK097130,ARIH1 CHD2,AL831836

GRIN2A

XYLT1,XYLT1

AK123224,ITGAL,ITGAL,FLJ23436,MGC2474,MGC2474,MGC13138,MGC13138,LOC146542,FLJ32130,FLJ3215

CHST5,BC063677,AY358612,GABARAPL2,ADAT1,ADAT1,KARS,KARS,KARS,TERF2IP

AF318348,MGC15419,MAP1LC3B,MAP1LC3B,BDG29,BDG29,BDG29,BDG29

DKFZP434O047,AK125981,AK075282,AL713754,BC047718,CRLF3,CRLF3,FLJ12735,FLJ12735,FLJ22729,FLJ2 TBC1D3,TBC1D3,TBC1D3,TBC1D3,MRPL45

MRPL27,EME1,EME1,PRO1855,PRO1855,FLJ20920,CHAD,FLJ11164,FLJ11164,MYCBPAP,MYCBPAP,EPN3,FMBTD1,AK124061,CGI-48,AK124832

CA10

PCTP.PCTP

CUEDC1,ZNF161,AK126318,SFRS1,Dlc2,OR4D1,X74862,AF303373

ABC1,ABC1,ABC1,CA4,AL834444,USP32,USP32,AF119882,LOC124773,LOC124773,APPBP2,APPBP2,PPM1D

POLG2,DDX5,DDX5,DDX5,LOC90799,LOC90799,AF130069,SMURF2,SMURF2 MGC33887,AK096929,MGC33887 TAF4B

HM13,HM13,HM13,AF172086,HM13,ID1,ID1,COX4I2,BCL2L1,BT007208,TPX2,TPX2,TPX2,MYLK2 TM9SF4,AF336876,TSPYL3,PLAGL2,POFUT1,KIF3B,BC064984,ASXL1,ASXL1,DKFZP566G1424,C20c DOK5

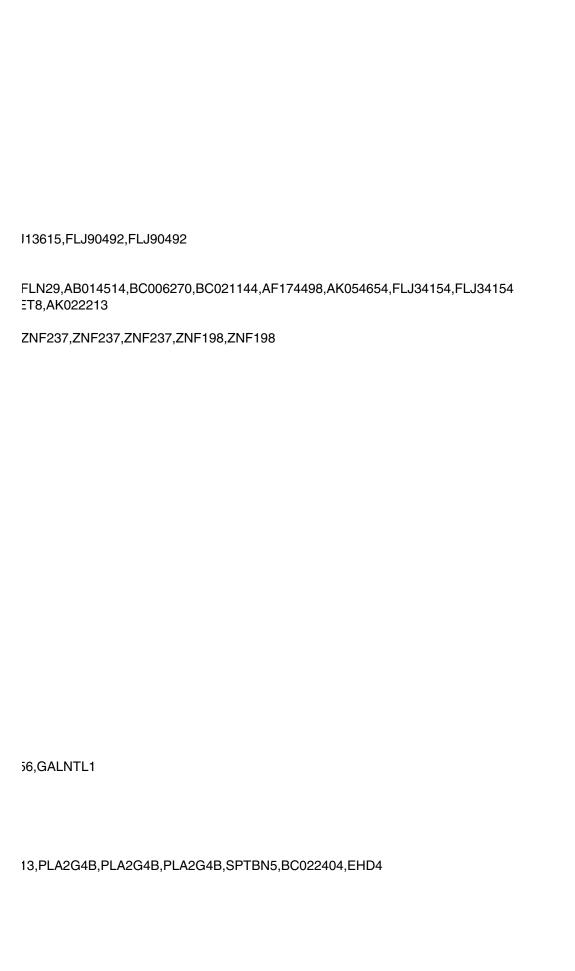
C20orf32,C20orf43,C20orf43,AY320413 BMP7,BMP7,SPO11,SPO11,RAE1,AK126024 GMEB2,STMN3,BC013933,C20orf41,TNFRSF6B,TNFRSF6B,ARFRP1,KIAA1847,KIAA1847

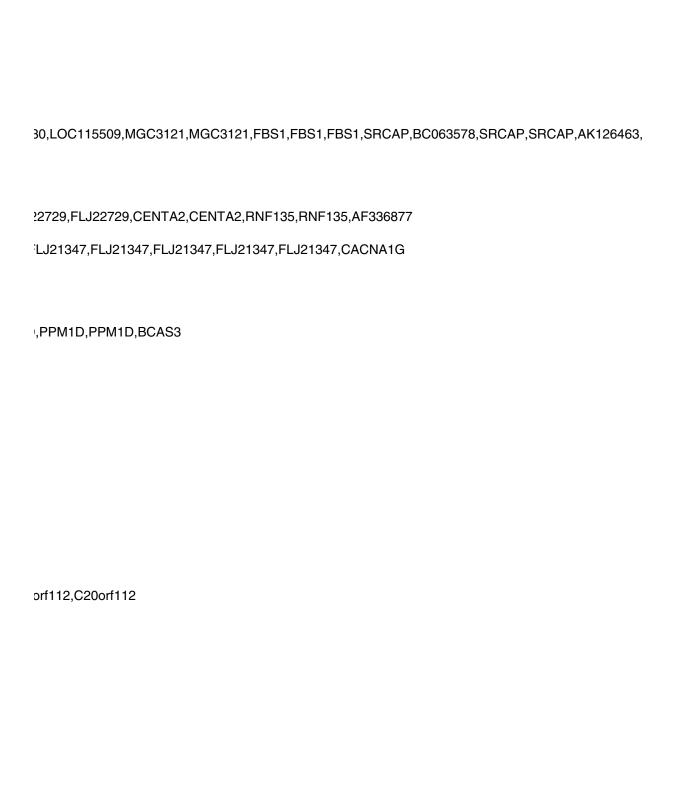
AF486622

SLC37A1,AF289589,AK127597 WDR4,WDR4,NDUFV3,NDUFV3,NDUFV3,C21orf105,



,OGN,AF173383,OMD,ASPN,BX537976,ECM2,BC036806,C9orf12,C9orf12,BICD2,BICD2	





,BC052963,PHKG2,RNF40,RNF40,RNF40,RNF40,RNF40,RNF40,AB002324,BC058863,BC010	

)017,BCL7C,CTF1,LOC283932,Dk	(FZp434K0410,DKFZp43	4K0410,DKFZp434K0410,	MGC13024,AB00

2337,BC035795,BC027450,HSD3B7,HSD3B7,AY203924,STX1B2,STX4A,BT007326,FLJ13479,FLJ	13

479,KIAA0296,KIAA0296,VKORC1,VKORC1,VKORC1,VKORC1,VKORC1,BCKDK,BCKDK,MYS	T1,M\

YST1,MYST1,MYST1