region #	chromosome	Start position	End position	length (bp)	# of top 1% SNPs within region
1	1	2894652	2971062	76410	13
2	1	25553639	25685462	131823	10
3	1	34812267	36055721	1243454	44
4	1	36594377	36688747	94370	11
5	1	37304063	37312776	8713	11
6	1	41590641	41667082	76441	16
7	1	52680877	52896165	215288	23
8	1	63634181	63888142	253961	68
9	1	72439588	72479256	39668	18
10	1	93035575	93330090	294515	23
11	1	99657228	99737593	80365	32
12	1	102814246	102907602	93356	21
13	1	115431117	115519461	88344	15
14	1	115627901	115678613	50712	24
15	1	119790083	119875313	85230	15
16	1	144517881	144567591	49710	17
17	1	186606405	186794538	188133	13
18	1	195609104	195672404	63300	23
19	1	212155847	212172461	16614	11
20	1	226946151	226980259	34108	17
21	1	244976678	245045242	68564	19
22	2	13183159	13319790	136631	19
23	2	39390992	39557981	166989	31
24	2	40089005	40233587	144582	28
25	2	56828724	56917158	88434	15
26	2	72408198	72951691	543493	40
27	2	74612395	74938205	325810	31
28	2	84394527	84682930	288403	31
29	2	84746107	84830507	84400	10
30	2	96827768	97911239	1083471	20
31	2	104354451	104578761	224310	18
32	2	107815423	108001931	186508	11
33	2	109182793	109204713	21920	11
34	2	114682577	114895807	213230	34
35	2	116296099	116333893	37794	17
36	2	117345943	117384150	38207	17
37	2	119023823	119112820	88997	17
38	2	119185579	119282034	96455	12
39	2	121769558	121823674	54116	29
40	2	122157544	122558328	400784	32
41	2	123324857	123397251	72394	15
42	2	136533445	136951669	418224	26
43	2	158222175	158368934	146759	20
44	2	158846595	159068376	221781	16
45	2	163414875	163603724	188849	14
46	2	177685667	177751057	65390	23
47	2	185224977	185256367	31390	10
48	2	192438297	192505285	66988	18
49	2	194347608	194413334	65726	11
50	2	195777127	195937119	159992	33
51	2	200733123	200831043	97920	13

52	2	213363109	213368894	5785	22
53	2	216049719	216112610	62891	19
54	2	216736375	216813395	77020	22
55	2	220336549	220418388	81839	13
56	2	238544646	238788126	243480	20
57	3	1790482	1805268	14786	15
58	3	25706292	25899663	193371	18
59	3	26120151	26341919	221768	28
60	3	35882802	35945926	63124	10
61	3	39485135	39536034	50899	25
62	3	40642721	40777688	134967	10
63	3	41679813	41706252	26439	10
64	3	87342199	87462270	120071	17
65	3	112026775	112234731	207956	10
66	3	144891780	144942568	50788	11
67	3	149276883	149502775	225892	17
68	3	156533915	156629785	95870	11
69	3	160605745	160732515	126770	30
70	3	161919006	162097877	178871	23
71	3	166760715	166923718	163003	15
72	3	169226908	169489734	262826	25
73	3	184288348	184412243	123895	16
74	3	189960237	190042496	82259	20
75	3	198972856	199093566	120710	10
76	4	21518597	21617323	98726	12
77	4	26273669	26412493	138824	11
78	4	34679254	34763018	83764	14
79	4	61019215	61234050	214835	18
80	4	80181536	80279967	98431	14
81	4	82462219	82581182	118963	21
82	4	86473864	86487734	13870	10
83	4	86695845	86745074	49229	10
84	4	91575397	91614989	39592	21
85	4	94712539	94720707	8168	13
86	4	107084083	107220657	136574	10
87	4	111383592	111430309	46717	10
88	4	117522816	117685532	162716	11
89	4	149102479	149444215	341736	28
90	4	151234230	151408755	174525	17
91	4	152096859	152468608	371749	18
92	4	159942121	160061031	118910	16
93	4	163227282	163296757	69475	13
94	4	166071129	166137622	66493	29
95	4	168026568	168066965	40397	12
96	4	172047196	172340774	293578	42
97	4	173458139	173582315	124176	17
98	4	178261613	178546413	284800	31
99	4	179433724	179452248	18524	11
100	4	180628751	180812898	184147	11
101	4	186995409	187144366	148957	12
102	5	11455188	11490378	35190	14
103	5	19101250	19233860	132610	11

104	5	19695537	19817335	121798	14
105	5	21679184	21769154	89970	15
106	5	21804142	21957017	152875	30
107	5	23415402	23586459	171057	11
108	5	33877670	34046029	168359	25
109	5	36216921	36302253	85332	11
110	5	37207119	37797916	590797	37
111	5	52475694	52483690	7996	18
112	5	67967231	68019651	52420	14
113	5	72706813	72873339	166526	14
114	5	79755314	79878230	122916	10
115	5	80927801	80955475	27674	13
116	5	87363454	87471645	108191	12
117	5	90509115	90864540	355425	23
118	5	91227049	91420691	193642	19
119	5	91624003	91967865	343862	19
120	5	101018671	101110128	91457	50
121	5	104640581	104903178	262597	17
122	5	109732928	110030085	297157	21
123	5	112474742	112658930	184188	38
124	5	117044293	117116134	71841	14
125	5	119328635	119520063	191428	25
126	5	121141897	121248138	106241	15
127	5	123539207	123692949	153742	35
128	5	127981827	128084572	102745	15
129	5	129666393	130016222	349829	36
130	5	130669939	131406731	736792	50
131	5	132088941	132204726	115785	10
132	5	142102633	142294914	192281	29
133	5	142364095	142469569	105474	22
134	5	146253754	146354555	100801	25
135	5	150024948	150192753	167805	13
136	6	10343791	10445237	101446	15
137	6	10662596	10889146	226550	18
138	6	11998048	12129525	131477	17
139	6	14779856	14895707	115851	12
140	6	53142276	53324046	181770	15
141	6	71835371	71958353	122982	11
142	6	73749629	73854028	104399	11
143	6	76839750	77256663	416913	97
144	6	84488946	84920494	431548	40
145	6	95225389	95336159	110770	14
146	6	95437789	95552462	114673	15
147	6	105755988	105975427	219439	12
148	6	108515490	108732237	216747	11
149	6	113852449	113926930	74481	13
150	6	120888596	121046995	158399	29
151	6	121286119	121635172	349053	49
152	6	123937133	124078004	140871	19
153	6	135734500	135884914	150414	10
154	6	136462182	136547242	85060	12
155	6	137290216	137326844	36628	29

156	6	144626537	144767817	141280	16
157	6	153954234	154018112	63878	17
158	6	167177207	167244965	67758	11
159	7	3770310	3852104	81794	19
160	7	9206650	9269439	62789	25
161	7	18814481	18872517	58036	13
162	7	21624502	21650900	26398	11
163	7	30330881	30481797	150916	16
164	7	30701836	30882818	180982	14
165	7	33266007	33420571	154564	25
166	7	41725055	41728938	3883	13
167	7	78289921	78394674	104753	13
168	7	80271510	80330741	59231	19
169	7	92734725	92806619	71894	13
170	7	93333527	93619093	285566	15
171	7	96883874	96907024	23150	12
172	7	98072221	99030623	958402	75
173	7	107222143	107263408	41265	20
174	7	107938973	108076936	137963	20
175	7	117943455	118067340	123885	15
176	7	118998749	119217452	218703	18
177	7	131229702	131262270	32568	13
178	7	131510098	131556120	46022	13
179	7	145334473	145552019	217546	37
180	8	6210533	6324639	114106	57
181	8	15943377	16300351	356974	34
182	8	20350547	20423415	72868	11
183	8	21055792	21168046	112254	24
184	8	28231452	28296405	64953	10
185	8	30619789	30788839	169050	13
186	8	31861202	32003586	142384	26
187	8	34589769	34848328	258559	31
188	8	35437789	35640550	202761	17
189	8	36611397	36692499	81102	17
190	8	42003944	42341370	337426	26
191	8	42580306	47884542	5304236	58
192	8	48234056	48680647	446591	18
193	8	49646018	49808001	161983	12
194	8	50294324	50453231	158907	21
195	8	50522898	51083383	560485	79
196	8	51101995	51229166	127171	32
197	8	51447854	51581868	134014	10
198	8	52476699	52575586	98887	11
199	8	52669483	53161012	491529	87
200	8	53289482	53346945	57463	11
201	8	54255515	54327250	71735	17
202	8	54700043	55005015	304972	24
203	8	56181780	56273629	91849	19
204	8	62195263	62222629	27366	13
205	8	62331832	62537498	205666	34
206	8	63575790	63693176	117386	18
207	8	66999810	67076354	76544	12

208	8	68380357	68507358	127001	10
209	8	76467840	76518101	50261	20
210	8	81945830	82004339	58509	14
211	8	91808246	91899169	90923	33
212	8	98342454	98482881	140427	14
213	8	102627099	102703019	75920	16
214	8	105332990	105358730	25740	15
215	8	107067485	107250734	183249	31
216	8	111298823	111604247	305424	28
217	8	111673063	111938631	265568	22
218	8	116618650	116779630	160980	30
219	8	121520799	121675079	154280	18
220	8	126039782	126318214	278432	23
221	9	16651092	16792531	141439	34
222	9	30371743	30596008	224265	21
223	9	84020183	84178371	158188	12
224	9	86292885	86646827	353942	19
225	9	106466234	106490585	24351	11
226	9	135851451	136174161	322710	10
227	10	15554414	15577639	23225	19
228	10	19825657	19864533	38876	12
229	10	22543863	22767715	223852	25
230	10	23671529	23849423	177894	16
231	10	23898980	23984239	85259	17
232	10	25862314	26018396	156082	23
233	10	26509502	26582469	72967	12
234	10	27200105	27388253	188148	10
235	10	31499980	31905127	405147	34
236	10	34336333	34402526	66193	12
237	10	34709565	34931307	221742	31
238	10	65141410	65468921	327511	25
239	10	68303169	68598492	295323	22
240	10	68959645	69190878	231233	10
241	10	75892296	76157463	265167	30
242	10	76572756	76859378	286622	35
243	10	83692985	83982468	289483	47
244	10	92810017	92943781	133764	23
245	10	95189803	95217512	27709	11
246	10	108415183	108436642	21459	16
247	10	110856769	110895775	39006	10
248	10	111422261	111665596	243335	15
249	10	112691037	112782168	91131	12
250	10	117812252	117874497	62245	13
251	11	19562753	19661545	98792	10
252	11	37809101	37872564	63463	11
253	11	38387194	38639636	252442	33
254	11	39766912	39902956	136044	10
255	11	80090315	80150122	59807	11
256	11	81806318	81924005	117687	12
257	11	87973210	88127051	153841	34
258	11	105467901	105789231	321330	51
259	11	109168715	109377645	208930	24

260	11	116366852	116497965	131113	13
261	11	117100864	117160461	59597	17
262	12	10221018	10329886	108868	19
263	12	11172759	11277501	104742	30
264	12	12989531	13038234	48703	11
265	12	15639287	15864539	225252	15
266	12	19178683	19362484	183801	14
267	12	20897245	21056671	159426	17
268	12	23094824	23152719	57895	12
269	12	37213217	37454229	241012	34
270	12	42701095	42958653	257558	29
271	12	54744621	55067711	323090	12
272	12	58792254	58932086	139832	22
273	12	64206717	64308595	101878	10
274	12	65782886	65806240	23354	10
275	12	71298182	71402836	104654	14
276	12	78297026	78608791	311765	22
277	12	79534009	79606818	72809	17
278	12	84105999	84378846	272847	29
279	12	86770912	87157906	386994	24
280	12	87454101	87715987	261886	13
281	12	89854875	90033334	178459	43
282	12	115637031	115880826	243795	24
283	12	120155511	120206730	51219	11
284	12	126561912	126661577	99665	10
285	13	20859547	21022008	162461	24
286	13	29070805	29108579	37774	13
287	13	31982754	32037526	54772	10
288	13	39486557	39567660	81103	13
289	13	45970217	46045373	75156	13
290	13	46529504	46955177	425673	38
291	13	55360128	55956128	596000	56
292	13	62006134	62248614	242480	22
293	13	70052320	70126393	74073	14
294	13	72585238	72683821	98583	15
295	13	75304935	75685427	380492	31
296	13	95965406	95987699	22293	10
297	13	100359606	100417851	58245	11
298	13	101738713	101763376	24663	17
299	13	102225072	102238127	13055	10
300	13	103064995	103130274	65279	28
301	13	103920221	104003855	83634	10
302	13	110611017	110727429	116412	11
303	14	22400158	22640175	240017	14
304	14	24908596	25122790	214194	29
305	14	51285744	51374659	88915	12
306	14	55638362	55866616	228254	42
307	14	59899218	60030428	131210	38
308	14	60078427	60190242	111815	16
309	14	77216917	77365387	148470	13
310	14	100332787	100394782	61995	11
311	15	22983429	23066323	82894	12

312	15	25885800	27121431	1235631	34
313	15	31954860	32034251	79391	21
314	15	43271827	43476426	204599	23
315	15	50158890	50252365	93475	12
316	15	51190767	51241471	50704	11
317	15	51378681	51396884	18203	14
318	15	68727104	68832560	105456	11
319	15	70182130	70639527	457397	43
320	15	72244947	72517113	272166	15
321	15	87295639	87310067	14428	10
322	15	88184525	88249385	64860	10
323	16	12185844	12351926	166082	13
324	16	60644233	60790881	146648	24
325	16	79578330	79638154	59824	12
326	16	82099338	82218696	119358	24
327	17	14742231	14783855	41624	14
328	17	29076401	29849001	772600	47
329	17	35510804	35666470	155666	13
330	17	39583944	39593450	9506	12
331	17	51595971	51746264	150293	28
332	17	54198233	54276849	78616	15
333	17	54316960	54369154	52194	10
334	17	54924314	55070864	146550	16
335	17	58549207	59786469	1237262	84
336	17	62923124	63599553	676429	36
337	18	17739131	17873633	134502	14
338	18	38586317	38643597	57280	28
339	18	50047080	50138331	91251	11
340	18	65721368	65886896	165528	30
341	18	66367549	66410156	42607	13
342	18	68356309	68442583	86274	14
343	19	11207252	11665501	458249	21
344	19	16162544	16218238	55694	20
345	20	5911200	5923245	12045	13
346	20	7706820	7816833	110013	10
347	20	54590803	54687576	96773	17
348	20	59351067	59379554	28487	13
349	21	16510721	16547326	36605	15
350	21	16798235	16934712	136477	25
351	21	28048148	28091571	43423	14
352	21	30352554	30448664	96110	38
353	22	17731021	17781898	50877	10
354	22	24078331	24470754	392423	30

# of Perlegen SNPs within region	ratio of top 1% SNPs to total # of SNPs	average Fst	average Fst p-value
68	0.191	0.334	0.031
43	0.233	0.359	0.018
233	0.189	0.395	0.011
63	0.175	0.339	0.010
13	0.846	0.597	0.001
46	0.348	0.417	0.009
128	0.180	0.338	0.017
188	0.362	0.497	0.000
55	0.327	0.409	0.009
94	0.245	0.352	0.015
66	0.485	0.426	0.012
84	0.250	0.357	0.008
82	0.183	0.327	0.017
78	0.308	0.346	0.011
75	0.200	0.332	0.016
52	0.327	0.447	0.002
82	0.159	0.261	0.058
65	0.354	0.393	0.010
20	0.550	0.454	0.006
34	0.500	0.535	0.002
40	0.475	0.414	0.003
101	0.188	0.347	0.012
131	0.237	0.382	0.010
136	0.206	0.365	0.010
77	0.195	0.374	0.015
201	0.199	0.318	0.024
137	0.226	0.476	0.002
178	0.174	0.367	0.016
41	0.244	0.416	0.005
100	0.200	0.342	0.020
59	0.305	0.420	0.006
75	0.147	0.282	0.040
19	0.579	0.574	0.000
145	0.234	0.341	0.016
28	0.607	0.467	0.004
30	0.567	0.445	0.004
69	0.246	0.400	0.004
60	0.200	0.311	0.014
58	0.500	0.484	0.001
131	0.244	0.413	0.005
67	0.224	0.377	0.015
165	0.158	0.351	0.014
107	0.187	0.409	0.006
120	0.133	0.311	0.029
85	0.165	0.404	0.006
81	0.284	0.432	0.004
41	0.244	0.385	0.010
46	0.391	0.534	0.001
23	0.478	0.463	0.001
74	0.446	0.510	0.000
70	0.186	0.367	0.011

39	0.564	0.455	0.003
61	0.311	0.400	0.001
90	0.244	0.390	0.007
33	0.394	0.386	0.007
130	0.154	0.292	0.018
34	0.441	0.444	0.002
63	0.286	0.425	0.009
103	0.272	0.419	0.007
21	0.476	0.531	0.001
87	0.287	0.406	0.009
72	0.139	0.350	0.012
18	0.556	0.456	0.001
82	0.207	0.339	0.009
33	0.303	0.451	0.000
63	0.175	0.332	0.014
84	0.202	0.389	0.004
56	0.196	0.336	0.027
71	0.423	0.491	0.000
146	0.158	0.249	0.060
118	0.127	0.250	0.058
132	0.189	0.352	0.014
77	0.208	0.366	0.007
91	0.220	0.420	0.000
24	0.417	0.436	0.001
50	0.240	0.344	0.012
49	0.224	0.343	0.015
42	0.333	0.426	0.006
129	0.140	0.336	0.014
45	0.311	0.404	0.004
81	0.259	0.442	0.005
18	0.556	0.485	0.000
63	0.159	0.396	0.005
25	0.840	0.502	0.000
13	1.000	0.549	0.000
69	0.145	0.270	0.055
38	0.263	0.331	0.015
67	0.164	0.361	0.003
169	0.166	0.406	0.002
90	0.189	0.361	0.008
102	0.176	0.344	0.010
81	0.198	0.356	0.012
62	0.210	0.380	0.008
79	0.367	0.531	0.001
26	0.462	0.483	0.001
164	0.256	0.419	0.003
88	0.193	0.339	0.010
180	0.172	0.334	0.008
25	0.440	0.504	0.000
117	0.094	0.180	0.145
56	0.214	0.331	0.015
46	0.304	0.386	0.009
41	0.268	0.289	0.024

46	0.304	0.434	0.001
82	0.183	0.340	0.011
139	0.216	0.356	0.009
69	0.159	0.353	0.009
134	0.187	0.388	0.007
71	0.155	0.408	0.003
180	0.206	0.375	0.016
24	0.750	0.533	0.000
44	0.318	0.458	0.001
49	0.286	0.411	0.002
43	0.233	0.411	0.004
16	0.813	0.489	0.002
37	0.324	0.444	0.003
143	0.161	0.370	0.004
95	0.200	0.327	0.021
45	0.422	0.416	0.004
100	0.500	0.611	0.000
110	0.155	0.284	0.031
147	0.143	0.388	0.000
177	0.215	0.356	0.010
70	0.200	0.345	0.017
117	0.214	0.266	0.030
84	0.179	0.412	0.002
112	0.313	0.378	0.003
61	0.246	0.335	0.010
134	0.269	0.381	0.004
248	0.202	0.382	0.006
50	0.200	0.357	0.004
118	0.246	0.456	0.002
80	0.275	0.395	0.004
101	0.248	0.407	0.003
53	0.245	0.390	0.005
58	0.259	0.326	0.009
87	0.207	0.362	0.006
84	0.202	0.379	0.011
70	0.171	0.315	0.018
85	0.176	0.371	0.008
46	0.239	0.388	0.005
57	0.193	0.420	0.004
240	0.404	0.472	0.000
183	0.219	0.394	0.007
55	0.255	0.333	0.009
62	0.242	0.466	0.002
109	0.110	0.370	0.008
70	0.157	0.329	0.011
28	0.464	0.454	0.001
119	0.244	0.346	0.012
214	0.229	0.387	0.006
112	0.170	0.379	0.005
64	0.156	0.344	0.010
47	0.255	0.459	0.000
54	0.537	0.510	0.001

57	0.281	0.367	0.012
28	0.607	0.499	0.000
39	0.282	0.394	0.002
93	0.204	0.367	0.007
44	0.568	0.475	0.002
23	0.565	0.491	0.002
38	0.289	0.376	0.009
96	0.167	0.289	0.021
75	0.187	0.290	0.025
100	0.250	0.369	0.009
16	0.813	0.496	0.000
80	0.163	0.339	0.009
79	0.241	0.310	0.015
69	0.188	0.304	0.021
90	0.167	0.292	0.027
31	0.387	0.369	0.007
254	0.295	0.445	0.001
32	0.625	0.526	0.000
67	0.299	0.443	0.000
62	0.242	0.372	0.006
86	0.209	0.328	0.013
19	0.684	0.563	0.000
43	0.302	0.449	0.005
137	0.270	0.418	0.004
192	0.297	0.428	0.000
227	0.150	0.333	0.008
79	0.139	0.316	0.012
115	0.209	0.403	0.001
26	0.385	0.465	0.000
81	0.160	0.343	0.011
155	0.168	0.376	0.006
137	0.226	0.413	0.003
122	0.139	0.289	0.018
43	0.395	0.445	0.003
118	0.220	0.401	0.000
289	0.201	0.376	0.004
75	0.240	0.322	0.013
62	0.194	0.442	0.001
125	0.168	0.313	0.016
424	0.186	0.334	0.011
123	0.260	0.386	0.005
72	0.139	0.361	0.004
72	0.153	0.347	0.003
350	0.249	0.432	0.000
52	0.212	0.329	0.013
34	0.500	0.487	0.000
96	0.250	0.400	0.002
98	0.194	0.360	0.005
47	0.277	0.351	0.007
164	0.207	0.366	0.008
94	0.191	0.293	0.030
43	0.279	0.439	0.001

42	0.238	0.311	0.015
47	0.426	0.459	0.001
51	0.275	0.430	0.003
60	0.550	0.436	0.003
82	0.171	0.323	0.011
58	0.276	0.346	0.005
24	0.625	0.520	0.000
106	0.292	0.412	0.000
141	0.199	0.357	0.004
144	0.153	0.296	0.020
120	0.250	0.410	0.003
90	0.200	0.331	0.012
146	0.158	0.354	0.014
122	0.279	0.375	0.003
103	0.204	0.379	0.008
46	0.261	0.428	0.002
94	0.202	0.384	0.003
33	0.333	0.326	0.007
64	0.156	0.313	0.012
32	0.594	0.442	0.001
44	0.273	0.417	0.001
98	0.255	0.398	0.000
107	0.150	0.329	0.013
87	0.195	0.288	0.016
131	0.176	0.288	0.019
72	0.167	0.287	0.022
72	0.139	0.339	0.009
108	0.315	0.411	0.002
47	0.255	0.365	0.007
163	0.190	0.317	0.009
146	0.171	0.403	0.000
124	0.177	0.415	0.001
68	0.147	0.292	0.020
102	0.294	0.507	0.000
134	0.261	0.385	0.003
194	0.242	0.380	0.004
35	0.657	0.524	0.000
24	0.458	0.398	0.002
33	0.485	0.443	0.000
20	0.500	0.487	0.001
103	0.146	0.395	0.005
71	0.169	0.349	0.008
39	0.333	0.487	0.000
54	0.185	0.382	0.002
56	0.196	0.362	0.002
153	0.216	0.363	0.005
68	0.147	0.268	0.016
54	0.204	0.317	0.010
73	0.164	0.324	0.007
149	0.228	0.376	0.001
191	0.267	0.413	0.001
121	0.198	0.285	0.020

68	0.191	0.337	0.005
53	0.321	0.439	0.000
81	0.235	0.336	0.007
114	0.263	0.366	0.002
43	0.256	0.372	0.003
82	0.183	0.381	0.002
100	0.140	0.344	0.013
55	0.309	0.476	0.001
66	0.182	0.334	0.007
155	0.219	0.295	0.016
144	0.201	0.366	0.008
52	0.231	0.341	0.006
115	0.191	0.283	0.019
71	0.141	0.332	0.006
31	0.323	0.348	0.002
42	0.333	0.427	0.000
91	0.242	0.408	0.000
69	0.246	0.360	0.007
107	0.271	0.396	0.001
114	0.211	0.409	0.002
97	0.134	0.396	0.002
135	0.319	0.376	0.002
122	0.197	0.374	0.001
16	0.688	0.582	0.000
60	0.167	0.284	0.017
159	0.151	0.328	0.020
51	0.255	0.358	0.003
51	0.196	0.442	0.000
43	0.302	0.578	0.000
74	0.176	0.184	0.097
179	0.212	0.435	0.000
366	0.153	0.322	0.010
130	0.169	0.359	0.002
43	0.326	0.561	0.000
76	0.197	0.375	0.005
168	0.185	0.350	0.002
15	0.667	0.518	0.000
76	0.145	0.279	0.025
43	0.395	0.479	0.001
44	0.227	0.364	0.002
104	0.269	0.444	0.000
64	0.156	0.259	0.026
49	0.224	0.272	0.017
60	0.233	0.336	0.014
113	0.257	0.338	0.004
72	0.167	0.360	0.004
103	0.408	0.503	0.000
243	0.156	0.362	0.003
80	0.200	0.357	0.006
76	0.171	0.358	0.003
39	0.282	0.395	0.002
40	0.300	0.429	0.001

201	0.169	0.349	0.000
77	0.273	0.391	0.001
151	0.152	0.290	0.010
59	0.203	0.351	0.005
78	0.141	0.299	0.016
35	0.400	0.412	0.000
55	0.200	0.317	0.007
149	0.289	0.436	0.000
93	0.161	0.353	0.002
10	1.000	0.675	0.000
25	0.400	0.483	0.001
94	0.138	0.280	0.018
109	0.220	0.343	0.002
55	0.218	0.329	0.006
119	0.202	0.344	0.003
42	0.333	0.428	0.000
164	0.287	0.437	0.000
72	0.181	0.384	0.003
18	0.667	0.463	0.000
117	0.239	0.366	0.000
79	0.190	0.339	0.004
39	0.256	0.375	0.003
113	0.142	0.266	0.020
359	0.234	0.408	0.000
147	0.245	0.379	0.002
59	0.237	0.360	0.005
66	0.424	0.464	0.001
80	0.138	0.216	0.061
147	0.204	0.380	0.002
37	0.351	0.522	0.000
42	0.333	0.427	0.000
114	0.184	0.312	0.007
30	0.667	0.484	0.000
23	0.565	0.491	0.000
65	0.154	0.227	0.035
94	0.181	0.388	0.000
37	0.351	0.470	0.000
52	0.288	0.412	0.000
114	0.219	0.384	0.000
36	0.389	0.426	0.000
116	0.328	0.421	0.000
35	0.286	0.356	0.002
213	0.141	0.287	0.001

het-ratio (Euro/Afr)	het-ratio p-value	Afr_LRHtest_# of HapMap SNPs within region
0.473	0.038	22
0.492	0.049	0
0.178	0	301
0.881	0.413	29
0.231	0.015	2
0.586	0.092	35
0.359	0.006	72
0.359	0.004	111
0.658	0.141	16
0.781	0.217	96
1.584	0.998	38
0.887	0.387	0
0.461	0.026	0
0.752	0.182	16
0.657	0.112	0
0.516	0.051	19
1.026	0.723	52
0.358	0.013	29
1.008	0.615	9
0.034	0	0
0.290	0.013	0
0.456	0.028	41
0.459	0.016	48
0.445	0.015	52
0.667	0.121	30
0.818	0.25	127
0.334	0.006	86
0.413	0.004	86
0.197	0.001	36
0.728	0.168	0
0.655	0.115	75
0.489	0.04	0
0.293	0.03	1
0.761	0.153	4
0.367	0.031	23
0.636	0.135	11
0.397	0.023	30
0.440	0.037	32
0.152	0.001	31
0.330	0.005	96
0.308	0.005	38
0.384	0.004	132
0.405	0.015	42
0.477	0.02	72
0.109	0	68
0.573	0.065	25
0.738	0.211	13
0.013	0	39
1.836	0.992	17
0.249	0.004	65
0.448	0.036	28

0.621	0.124	1
0.423	0.023	17
0.588	0.073	29
0.776	0.236	33
0.599	0.048	70
0.539	0.092	1
0.657	0.123	50
0.243	0.003	45
0.564	0.107	16
0.440	0.019	18
0.110	0	53
0.144	0.004	12
0.669	0.108	38
0.280	0.011	55
0.108	0	28
0.252	0.006	70
1.027	0.686	24
0.125	0	52
1.162	0.951	59
0.671	0.094	53
0.415	0.013	94
0.345	0.008	45
0.106	0	38
0.504	0.061	25
0.466	0.039	36
0.339	0.016	50
0.334	0.019	21
0.331	0.003	57
0.046	0	20
0.167	0.001	29
0.082	0.001	5
0.701	0.166	17
2.729	1	2
0.184	0.008	3
0.734	0.173	28
0.566	0.111	10
0.578	0.06	41
0.183	0	113
0.560	0.059	43
0.336	0.006	78
0.684	0.123	40
0.424	0.026	28
0.205	0	28
0.411	0.036	0
0.522	0.015	90
0.803	0.234	25
0.530	0.031	82
0.235	0.011	5
0.865	0.38	55
0.402	0.035	43
0.346	0.018	18
1.034	0.701	31

0.689	0.166	35
0.371	0.011	27
0.595	0.046	38
0.773	0.214	39
0.381	0.008	34
0.506	0.036	30
0.637	0.065	156
0.196	0.004	7
0.337	0.021	20
0.675	0.133	46
0.103	0.003	45
2.019	0.998	3
0.301	0.016	40
0.429	0.013	88
0.580	0.055	47
0.711	0.157	71
0.185	0.001	39
0.560	0.037	63
0.267	0.001	93
0.640	0.059	57
0.841	0.296	25
0.966	0.614	46
0.266	0.007	29
0.971	0.598	38
0.561	0.063	30
0.928	0.535	96
0.420	0.005	165
0.831	0.293	29
0.400	0.009	70
0.753	0.15	43
0.669	0.113	32
0.198	0.004	44
0.898	0.446	37
0.661	0.107	78
0.988	0.668	44
0.516	0.053	40
1.398	0.994	69
0.649	0.136	44
0.309	0.009	47
0.840	0.264	131
0.364	0.006	161
0.791	0.277	0
0.241	0.007	0
0.363	0.008	79
0.536	0.06	60
0.173	0.003	27
0.767	0.181	59
0.586	0.027	121
0.277	0.007	67
0.262	0.007	51
0.054	0.001	39
0.225	0.006	27

0.290	0.007	52
0.638	0.129	12
0.435	0.036	20
0.298	0.004	15
0.216	0.007	12
0.222	0.011	19
0.673	0.175	9
0.774	0.204	30
0.754	0.204	39
0.849	0.368	35
0.058	0.002	0
0.856	0.31	33
0.716	0.14	18
0.598	0.082	29
0.466	0.034	114
0.848	0.35	7
0.338	0	196
0.185	0.002	13
0.257	0.004	55
0.587	0.071	47
0.643	0.077	64
0.648	0.17	9
0.448	0.038	23
0.637	0.06	91
0.529	0.015	53
0.471	0.008	133
0.434	0.021	29
0.807	0.223	40
0.356	0.021	14
0.454	0.023	50
0.513	0.028	60
0.428	0.013	81
0.626	0.074	64
0.109	0.003	29
0.330	0.008	50
0.461	0.006	3
1.311	0.966	0
0.467	0.036	61
0.687	0.094	95
0.514	0.005	348
0.620	0.071	75
0.538	0.057	72
0.680	0.149	58
0.562	0.009	290
0.281	0.01	33
0.604	0.123	33
0.250	0.003	89
0.823	0.259	38
0.881	0.393	20
0.907	0.444	89
0.660	0.094	61
0.565	0.081	37

0.654	0.148	63
2.951	0.999	22
0.560	0.075	27
1.127	0.877	44
0.992	0.638	89
0.709	0.183	39
0.865	0.363	27
0.754	0.157	92
0.572	0.05	113
0.509	0.018	113
0.468	0.019	87
0.819	0.283	88
0.699	0.103	103
0.610	0.065	79
0.689	0.118	83
0.495	0.045	46
0.536	0.037	19
0.590	0.096	11
0.550	0.057	60
0.854	0.336	13
0.497	0.061	10
0.044	0	96
0.534	0.041	60
0.554	0.049	27
0.762	0.191	55
0.674	0.143	25
0.807	0.28	61
0.486	0.025	132
0.278	0.008	26
0.881	0.383	85
0.349	0.005	136
0.381	0.004	102
1.087	0.836	55
0.264	0.005	87
0.692	0.108	92
0.808	0.222	91
0.174	0.004	47
0.578	0.092	12
0.323	0.014	10
0.281	0.023	15
0.381	0.012	98
0.728	0.167	36
0.245	0.005	26
0.318	0.014	40
0.241	0.014	19
0.914	0.442	62
0.788	0.24	44
0.892	0.401	22
0.745	0.197	36
0.455	0.017	57
0.513	0.025	104
0.798	0.219	71

0.668	0.122	40
0.190	0.003	31
0.449	0.022	39
0.879	0.359	0
1.047	0.743	18
0.242	0.002	59
0.351	0.009	67
0.454	0.033	43
0.634	0.081	16
0.591	0.045	65
0.239	0.002	70
0.256	0.009	63
0.615	0.061	49
0.463	0.028	34
0.534	0.082	15
0.681	0.166	31
0.824	0.269	73
0.763	0.195	32
0.629	0.082	76
0.360	0.012	136
0.302	0.006	75
0.493	0.015	63
0.379	0.007	79
0.472	0.077	0
0.546	0.07	24
0.465	0.013	50
0.906	0.464	17
0.092	0	29
0.382	0.026	26
0.929	0.497	27
0.300	0	172
1.628	1	152
0.282	0.003	81
0.272	0.009	33
0.585	0.056	43
0.577	0.027	110
0.213	0.01	11
0.467	0.022	19
0.182	0.004	12
0.843	0.347	8
0.350	0.014	33
0.612	0.082	43
0.694	0.147	42
0.665	0.13	56
0.857	0.305	62
0.223	0.005	22
0.294	0.007	50
0.353	0.004	45
0.717	0.111	32
0.463	0.022	43
0.548	0.068	24
0.384	0.03	30

0.378	0.006	0
0.525	0.041	26
0.499	0.021	89
0.891	0.41	27
0.515	0.043	22
0.622	0.113	8
0.441	0.029	24
0.278	0.004	117
0.642	0.081	29
0.209	0.029	4
0.250	0.012	16
0.821	0.277	41
0.977	0.603	38
0.463	0.035	18
0.467	0.021	35
0.562	0.089	13
0.709	0.1	141
0.657	0.136	40
0.128	0.004	4
0.622	0.065	43
0.571	0.054	26
0.908	0.495	18
0.703	0.103	49
0.186	0	315
0.364	0.004	0
0.470	0.033	10
0.602	0.063	30
1.266	0.959	85
0.292	0.002	78
0.463	0.047	19
0.710	0.186	49
0.661	0.099	116
0.675	0.168	18
0.342	0.034	7
0.615	0.085	33
0.342	0.003	41
0.158	0.004	9
0.344	0.016	18
0.259	0.003	83
0.186	0.005	31
0.382	0.004	45
0.411	0.038	24
0.591	0.024	144

Afr_LRHtest_# of extreme SNPs	Afr_LRHtest_proportion of extreme SNPs	Afr_LRHtest_p-value
2	0.090909091	0.140
0	NA	
12	0.03986711	
15	0.517241379	0.014
0	0	
4	0.114285714	0.139
2	0.027777778	
2	0.018018018	
0	0	
1	0.010416667	
0	0	
0	NA	
0	NA	
0	0	
0	NA	
1	0.052631579	0.233
0	0	
0	0	
0	0	
0	NA	
0	NA	
0	0	
1	0.020833333	
1	0.019230769	
3	0.1	0.169
61	0.480314961	0.016
5	0.058139535	0.261
1	0.011627907	
0	0	
0	NA	
1	0.013333333	
0	NA	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
3	0.1	0.133
2	0.0625	0.259
0	0	
0	0	
3	0.078947368	0.176
2	0.015151515	
0	0	
2	0.027777778	
13	0.191176471	0.059
0	0	
0	0	
1	0.025641026	
7	0.411764706	0.016
2	0.030769231	
0	0	

0	0	
0	0	
0	0	
1	0.03030303	
3	0.042857143	
0	0	
1	0.02	
1	0.022222222	
0	0	
0	0	
3	0.056603774	0.261
0	0	
2	0.052631579	0.275
0	0	
5	0.178571429	0.060
0	0	
0	0	
0	0	
7	0.118644068	0.126
6	0.113207547	0.169
1	0.010638298	
1	0.022222222	
0	0	
0	0	
9	0.25	0.039
2	0.04	
1	0.047619048	
0	0	
1	0.05	
0	0	
0	0	
9	0.529411765	0.002
0	0	
0	0	
0	0	
1	0.1	0.143
1	0.024390244	
9	0.079646018	0.181
1	0.023255814	
11	0.141025641	0.119
1	0.025	
2	0.071428571	0.211
0	0	
0	NA	
2	0.022222222	
0	0	
6	0.073170732	0.216
1	0.2	0.066
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	

5	0.142857143	0.091
1	0.037037037	
2	0.052631579	0.268
0	0	
1	0.029411765	
1	0.033333333	
4	0.025641026	
0	0	
0	0	
2	0.043478261	
0	0	
0	0	
12	0.3	0.018
2	0.022727273	
0	0	
2	0.028169014	
9	0.230769231	0.038
0	0	
13	0.139784946	0.080
2	0.035087719	
1	0.04	
1	0.02173913	
0	0	
0	0	
9	0.3	0.031
18	0.1875	0.067
6	0.036363636	
1	0.034482759	
4	0.057142857	0.231
6	0.139534884	0.110
1	0.03125	
1	0.022727273	
0	0	
0	0	
4	0.090909091	0.169
0	0	
4	0.057971014	0.251
0	0	
3	0.063829787	0.208
20	0.152671756	0.068
16	0.099378882	0.160
0	NA	
0	NA	
3	0.037974684	
5	0.083333333	0.180
0	0	
9	0.152542373	0.087
3	0.024793388	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	

1	0.019230769	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
0	0	
3	0.076923077	0.204
3	0.085714286	0.194
0	NA	
0	0	
1	0.055555556	0.220
0	0	
0	0	
0	0	
7	0.035714286	
0	0	
1	0.018181818	
12	0.255319149	0.032
5	0.078125	0.217
4	0.444444444	0.007
0	0	
11	0.120879121	0.125
2	0.037735849	
0	0	
0	0	
3	0.075	0.199
0	0	
0	0	
7	0.116666667	0.115
8	0.098765432	0.151
3	0.046875	
1	0.034482759	
0	0	
0	0	
0	NA	
6	0.098360656	0.149
13	0.136842105	0.102
93	0.267241379	0.030
12	0.16	0.075
8	0.111111111	0.121
5	0.086206897	0.163
4	0.013793103	
4	0.121212121	0.124
0	0	
3	0.033707865	
0	0	
8	0.4	0.014
14	0.157303371	0.075
12	0.196721311	0.050
4	0.108108108	0.136

19	0.301587302	0.025
2	0.090909091	0.165
0	0	
0	0	
10	0.112359551	0.113
0	0	
7	0.259259259	0.015
7	0.076086957	0.220
26	0.230088496	0.034
13	0.115044248	0.111
12	0.137931034	0.096
0	0	
5	0.048543689	
0	0	
2	0.024096386	
3	0.065217391	0.212
0	0	
0	0	
8	0.133333333	0.090
1	0.076923077	0.170
0	0	
5	0.052083333	0.286
4	0.066666667	0.237
0	0	
2	0.036363636	
4	0.16	0.082
4	0.06557377	0.240
1	0.007575758	
0	0	
3	0.035294118	
7	0.051470588	0.310
6	0.058823529	0.261
7	0.127272727	0.097
6	0.068965517	0.198
4	0.043478261	
14	0.153846154	0.080
3	0.063829787	0.228
0	0	
0	0	
1	0.066666667	0.222
2	0.020408163	
1	0.027777778	
0	0	
3	0.075	0.192
3	0.157894737	0.084
32	0.516129032	0.003
2	0.045454545	
0	0	
0	0	
0	0	
6	0.057692308	0.257
14	0.197183099	0.039

2	0.05	
0	0	
0	0	
0	NA	
1	0.055555556	0.251
0	0	
3	0.044776119	
10	0.23255814	0.033
0	0	
3	0.046153846	
0	0	
1	0.015873016	
1	0.020408163	
2	0.058823529	0.252
0	0	
0	0	
42	0.575342466	0.001
7	0.21875	0.033
9	0.118421053	0.108
2	0.014705882	
0	0	
2	0.031746032	
4	0.050632911	0.291
0	NA	
0	0	
0	0	
0	0	
4	0.137931034	0.089
5	0.192307692	0.034
0	0	
13	0.075581395	0.176
73	0.480263158	0.006
3	0.037037037	
1	0.03030303	
0	0	
3	0.027272727	
0	0	
1	0.052631579	0.290
0	0	
0	0	
2	0.060606061	0.251
1	0.023255814	
1	0.023809524	
1	0.017857143	
0	0	
0	0	
3	0.06	0.259
0	0	
7	0.21875	0.030
1	0.023255814	
5	0.208333333	0.036
1	0.033333333	

0	NA	
3	0.115384615	0.106
9	0.101123596	0.131
3	0.111111111	0.115
0	0	
0	0	
0	0	
7	0.05982906	0.259
1	0.034482759	
0	0	
0	0	
3	0.073170732	0.212
0	0	
1	0.055555556	0.296
1	0.028571429	
1	0.076923077	0.194
29	0.205673759	0.031
1	0.025	
0	0	
0	0	
2	0.076923077	0.193
1	0.055555556	0.256
1	0.020408163	
6	0.019047619	
0	NA	
2	0.2	0.029
0	0	
10	0.117647059	0.090
0	0	
1	0.052631579	0.294
1	0.020408163	
1	0.00862069	
0	0	
0	0	
1	0.03030303	
0	0	
0	0	
1	0.055555556	0.288
1	0.012048193	
1	0.032258065	
4	0.088888889	0.159
6	0.25	0.021
6	0.041666667	

Eur_LRHtest_# of HapMap SNPs within region	Eur_LRHtest_# of extreme SNPs
19	1
0	0
153	81
23	1
2	0
16	0
52	9
83	10
12	0
95	2
32	0
0	0
0	0
10	1
0	0
7	1
31	0
27	10
7	0
0	0
0	0
37	0
47	3
36	0
15	1
155	31
58	12
73	0
33	0
0	0
72	23
0	0
1	0
4	0
26	0
11	0
20	0
28	1
9	0
95	29
22	8
97	67
38	0
55	13
25	8
21	1
12	3
25	21
14	0
47	16
32	1

1	0
17	0
27	0
29	4
61	4
1	0
43	24
30	0
19	0
23	0
21	3
11	0
41	10
47	3
6	0
63	0
31	7
10	0
58	16
55	26
56	0
22	0
12	5
24	7
31	0
12	0
10	0
60	38
7	0
30	16
6	0
18	0
9	0
2	0
33	10
11	2
33	0
54	14
38	3
75	3
36	0
21	0
5	0
0	0
90	0
26	0
85	15
6	0
45	0
41	9
15	1
37	0

23	0
24	16
37	32
40	2
31	5
11	2
96	11
9	0
8	0
44	7
41	15
8	0
13	1
86	12
43	0
67	2
12	0
72	5
61	33
51	8
24	6
50	0
32	1
38	0
33	3
83	17
186	54
32	4
47	26
41	7
30	18
34	0
32	0
41	0
41	1
34	0
68	2
40	2
25	14
121	0
130	42
1	0
0	0
59	19
48	1
4	0
51	7
115	3
45	13
17	0
7	2
25	0

20	0
12	0
16	0
20	2
11	0
11	0
7	0
40	11
41	0
43	4
1	0
32	13
19	0
23	0
71	9
7	0
181	39
12	0
42	0
30	1
47	1
9	0
17	9
52	3
47	0
107	13
22	1
40	7
11	0
43	0
48	0
43	1
52	1
3	0
43	4
1	0
0	0
33	1
79	25
247	23
56	0
62	49
53	22
254	89
26	7
30	1
77	1
56	0
26	0
71	10
42	0
32	7

44	6
47	5
27	9
55	0
80	21
40	0
24	1
77	1
93	1
93	2
55	0
94	23
77	2
80	13
69	3
40	4
18	8
12	0
36	0
7	0
8	0
14	6
42	0
19	0
51	0
21	0
57	4
98	0
9	0
63	0
52	16
82	27
62	30
59	13
83	0
78	22
38	1
12	0
1	0
9	0
36	7
28	0
12	8
26	5
15	0
69	0
32	0
25	0
36	0
53	1
89	22
41	0

36	6
6	0
38	0
0	0
17	2
23	1
48	14
41	0
23	1
69	1
64	0
48	0
26	0
31	9
16	0
26	0
43	2
32	0
68	5
60	4
56	7
60	25
51	3
0	0
24	1
47	0
15	0
15	0
20	1
24	0
83	0
159	3
31	3
10	1
35	5
93	8
4	0
16	1
8	0
9	0
19	0
22	0
27	1
54	0
34	0
23	0
45	1
31	17
34	25
39	4
24	15
32	0

0	0
25	3
50	1
27	7
24	4
9	0
23	0
79	10
28	13
5	0
13	4
35	1
35	1
22	16
34	16
14	0
113	2
32	0
2	0
45	0
25	0
12	6
43	1
162	3
0	0
7	0
29	1
69	3
61	40
16	2
35	4
106	15
15	0
8	0
31	1
20	0
6	0
8	0
26	0
22	0
51	21
25	0
112	6

Eur_LRHtest_proportion of extreme SNPs	Eur_LRHtest_p-value
0.052631579	0.139
NA	
0.529411765	0.014
0.043478261	
0	
0	
0.173076923	0.081
0.120481928	0.142
0	
0.021052632	
0	
NA	
NA	
0.1	0.181
NA	
0.142857143	0.114
0	
0.37037037	0.028
0	
NA	
NA	
0	
0.063829787	0.234
0	
0.066666667	0.231
0.2	0.106
0.206896552	0.078
0	
0	
NA	
0.319444444	0.035
NA	
0	
0	
0	
0	
0	
0.035714286	
0	
0.305263158	0.041
0.363636364	0.021
0.690721649	0.003
0	
0.236363636	0.065
0.32	0.040
0.047619048	
0.25	0.058
0.84	0.003
0	
0.340425532	0.031
0.03125	

0	
0	
0	
0.137931034	0.113
0.06557377	0.229
0	
0.558139535	0.011
0	
0	
0	
0.142857143	0.103
0	
0.243902439	0.050
0.063829787	0.220
0	
0	
0.225806452	0.070
0	
0.275862069	0.048
0.472727273	0.009
0	
0	
0.416666667	0.008
0.291666667	0.033
0	
0	
0	
0.633333333	0.005
0	
0.533333333	0.007
0	
0	
0	
0	
0.303030303	0.040
0.181818182	0.055
0	
0.259259259	0.040
0.078947368	0.212
0.04	
0	
0	
0	
NA	
0	
0	
0.176470588	0.092
0	
0	
0.219512195	0.054
0.066666667	0.244
0	

0	
0.666666667	0.004
0.864864865	0.002
0.05	
0.161290323	0.088
0.181818182	0.068
0.114583333	0.156
0	
0	
0.159090909	0.099
0.365853659	0.016
0	
0.076923077	0.211
0.139534884	0.091
0	
0.029850746	
0	
0.069444444	0.229
0.540983607	0.004
0.156862745	0.099
0.25	0.050
0	
0.03125	
0	
0.090909091	0.169
0.204819277	0.046
0.290322581	0.029
0.125	0.137
0.553191489	0.004
0.170731707	0.095
0.6	0.002
0	
0	
0	
0.024390244	
0	
0.029411765	
0.05	
0.56	0.002
0	
0.323076923	0.026
0	
NA	
0.322033898	0.023
0.020833333	
0	
0.137254902	0.124
0.026086957	
0.288888889	0.028
0	
0.285714286	0.034
0	

0	
0	
0	
0.1	0.139
0	
0	
0	
0.275	0.031
0	
0.093023256	0.187
0	
0.40625	0.012
0	
0	
0.126760563	0.127
0	
0.215469613	0.046
0	
0	
0.033333333	
0.021276596	
0	
0.529411765	0.004
0.057692308	0.246
0	
0.121495327	0.120
0.045454545	
0.175	0.076
0	
0	
0	
0.023255814	
0.019230769	
0	
0.093023256	0.157
0	
NA	
0.03030303	
0.316455696	0.016
0.093117409	0.173
0	
0.790322581	0.001
0.41509434	0.005
0.350393701	0.021
0.269230769	0.042
0.033333333	
0.012987013	
0	
0	
0.14084507	0.106
0	
0.21875	0.049

0.136363636	0.110
0.106382979	0.150
0.333333333	0.019
0	
0.2625	0.037
0	
0.041666667	
0.012987013	
0.010752688	
0.021505376	
0	
0.244680851	0.039
0.025974026	
0.1625	0.088
0.043478261	
0.1	0.145
0.444444444	0.003
0	
0	
0	
0	
0.428571429	0.007
0	
0	
0	
0	
0.070175439	0.210
0	
0	
0	
0.307692308	0.016
0.329268293	0.019
0.483870968	0.005
0.220338983	0.049
0	
0.282051282	0.027
0.026315789	
0	
0	
0	
0.194444444	0.065
0	
0.666666667	0.002
0.192307692	0.055
0	
0	
0	
0	
0	
0.018867925	
0.247191011	0.026
0	

0.166666667	0.086
0	
0	
NA	
0.117647059	0.114
0.043478261	
0.291666667	0.026
0	
0.043478261	
0.014492754	
0	
0	
0	
0.290322581	0.024
0	
0	
0.046511628	
0	
0.073529412	0.230
0.066666667	0.241
0.125	0.128
0.416666667	0.010
0.058823529	0.282
NA	
0.041666667	
0	
0	
0	
0.05	
0	
0	
0.018867925	
0.096774194	0.147
0.1	0.159
0.142857143	0.101
0.086021505	0.185
0	
0.0625	0.252
0	
0	
0	
0	
0.037037037	
0	
0	
0	
0.022222222	
0.548387097	0.001
0.735294118	0.000
0.102564103	0.152
0.625	0.002
0	

NA	
0.12	0.121
0.02	
0.259259259	0.021
0.166666667	0.073
0	
0	
0.126582278	0.098
0.464285714	0.005
0	
0.307692308	0.010
0.028571429	
0.028571429	
0.727272727	0.000
0.470588235	0.004
0	
0.017699115	
0	
0	
0	
0	
0.5	0.004
0.023255814	
0.018518519	
NA	
0	
0.034482759	
0.043478261	
0.655737705	0.002
0.125	0.089
0.114285714	0.129
0.141509434	0.081
0	
0	
0.032258065	
0	
0	
0	
0	
0	
0.411764706	0.002
0	
0.053571429	0.337

Genbank mRNA identifier
AB051462
AF261655,AF318353
BC042172,BC029439,AF055470,AB037774,BC007070,BC037313,BX537537,AK026804,X70944,BC004534,BC0

AF278765,AB046775
BC051887,AK001810,BC044574,AF258590,AK127175,M75883
BC006374,M97675

AJ010014,AF086908,BC010013,BC016556,BC056667,AK126045,BX538286,AY211914,AY211918,BC002809,B

J04177

BC022288
AL133036,AF315356,AK027869
Y13620

Y00062

BC028158

AF000145,NM_003618

AK023791,AB023136
BC051848,BC051753,AF049227,AF290512,BC004558,BC017727,BC064425,BC010012,X87237,BC012163,AK0
BC000504
AK094676,U61736,AJ132086
AY358929,BC000347,BC063295,AF202777,AB046812,AK022833,AK124781,AL833905,BC037272,BC007199,Al

AF130988
BC044590
BC030832,AY387785

AB007295
BC032563,AB014522,AF347693,AY425956,AJ288057

BC001217,D21852,BC041093,AK056055,BC035594,X07994,AY191611,BC032374,J05032,BT006710
AY277591,AJ245539,AF154107
BC033867,BC033529
BC005214,AF032897,BC035815
BC013438

BC053558,AK022489,AJ001381

L07868
AY219711,AF418105,AY033486

AK024002,BC011609,S37374,S37375,BT007088,BC007713,L18983
BC033174,X52022,BX641155,BC001653,AY358857,AB015419,AK022600,BC009827

BC007226,BC000963,BC017220,AK001867,AK022471,AK000611

BC022471,D28113,D28114,AK124766

BC040739,AL133104

AF282874,AK075105,AL050071,BC001336,BC017572

AK022610,AB028992
BC036535,AF145715
AK055115
M16541,BC008396

AB020668,AY172737,BC064632,AB045278,AK124500
AK123232
AL136889,AK021729,BC004816,BC017093,AJ312398,AJ312399
AK127999
AK001944

AL137275,BC029604
X94612

AB051467,AL390173,BC051694
AF009014
BC014442,AK023335,BC032942
X04571,AK074813,AK027031

BC046128,AK001708,AK000169,AF305823,BC004337,AL137452,BC064403,AK128483,BC021250,AK096041,Al

AF467287,AF216648
AF190500
BC036502,AB033089,AL137695

BC035212

AB037746,AL161975,AY296056,AK002062,BC010493,BC038515,AB080722,AK097605,AK129607,BC027870,Al
U96136

U59325

L33477
AF275816
AJ250725,AY358745,D88437,AF172849,BC064405,BC009471,AF158378,AY330489,AY330488
BC001441,BC062567,AY360463,BC047660
AK024779,AB018334,BC039257,AL512685,BC009648

U59832
BC032227,BX537424,AB002303,BC030808,AL833087,AY358256
AF161465,BC017020

AF435925,AF055084,AB014586,AF452720,BC053619,AB037797

AK125070
BX537952,M62397,AK128596

AF189692,AF117947,AF478567,AK074318,AL832008,AB075841,BC001956,BC020539,AB020644,BC047453,AL
BC066278,M13982,AF043336,BC045542,BC039592,D86957
NM_015071,AF141884
NM_015071,AF141884

AL831818,AB028952,AF499136,Y11072,AK091066,AJ300586,AJ300587,AJ277961,AK056449,AK001152,U394(

AK000631,AK090483,AK098105,L19659,AY435147,AK096781,BC016820,AF151028,AF164962,BC013913,AF5(
X51435

AF338241,AK074748,BC017270,AK097937

BC050689,AF202977

BC025380,AF305820,AK124658,AK090775,AB023226,BC063632

X74496
AF220532,BC016863,BC014580,BT007114,AF520418

AK055461,AK091554,AK125385
U18985,AJ489257,BC057222
AJ459824,AK024085,AK000076,AJ459825,BC065712,BC029417,AY133243
AJ251860,AK125758,BC011716,BC063688
AF184971,AY358883

X69086

AY310398,AK074083

AJ320497,AK054657
AK096400,AK097240,BC007722,BC000065,U34587,Y10152
BC022486,U41518,L09237,AF282259,AF282260,AF282261,AF282262,AB058895,S79912,D17516,AY462278,AY
AF095771,U85995,U87408,AF095770

AB014605

L00587

BC030793,AL834349,AL832523,BC037895,AF110377,BC032759,AK001533,AK126471,AL834242,AB046845,AF
AF028816,AK075165,BC045172,AF029325

AB046770,AK095606,AL834504,AK092345
AY358850,AK123428
AF319045
BC030702,AK022909
D90187,AF037351

AK023418,AB044750,AB057659,AB044751
X15722,X54507,D83767,AY302140,BC012022,AF285605

AY358147,AB055056

BC056257,D38293,BC002795,BC007231,BC018636,BT007060,AF260825,AF282882,AF080158,D29013,S69873
U62438,BC014456,AK001339,BC032393,AK027748,AK090864,AL136620,BC013422,BC039461,AF209504,BC0
D63480,AF116680,BC015561
AK128232,BC025676

AL161971
AL161971
AL161971

AF293366,BC032670,AB011107
AB011107

AF113222,BC007454,BC025275,AF125105,AY046538,BC063490,BC015614,X57198
AB067476

AK091641,BC042617,U03109,S83325
AK096949
AL133660

AY044833,BC033684
BC054009,Z49826
AK000680
AF414126,AF193756

AK023844,AF251061
AF090901,BC034395,AY203950
AK124441

AF183810
AF028828
D83780,BC026951,BC032797
AK130915

AK025266,AK026296,AK075542,BC001740,AK074188
BC013571,AL136719,AF317228,BC022521

BC047504,AB058779,AK097611,AK124119,AK125987,AF461894,AK128414,M94172
L36531

BC022898,BC011652,BC030585,AL080136

AY528411,AB032962
AK127375,M74826,AJ251501
AL137351,AL162063,AK128577,AB028997,AK001137
AK091478,D15050,U19969,AK094743,AK125175
AF196185
AF196185,AF454059,AF454057,AF454058

AF091606,BC065819,BC022004
AF083106,AB046813,BC039600,AL096715
BC014143,AF217500,AF119230,AB002381,AJ299261,BC021128,AJ299262

AK094625,AL713675
BC022500
AF284756,AY099452,AY099453

D67031,BC062559,BC035128,BC012907,L07648

AB063115,AJ488204

D28539
BX640672,AF136978,AF302110,AF201943,AL050073,AF132199

AB023216
AF304305,AF334384,AF491813,AB032958
AY358845,AF287012
BC064553,AK123548,NM_181429
AF209923,AB099817,AF117615
Z48541,AF152378,AF187042,U12535
BC044245,AF302150,AB051473,BC000969,BC013133
AJ251506

BC046366,AY177785,AK098593
BC060798
M29366,BC002706,U88357,U88358,U88359,U88360,U87954,BC001951,BC032111,U50137,BC017820,BC0187

AF126372
M55047,U63809
AF169351,BC017834
BC010923
AK093140,BC062424,BC058014,BX640968,BC035136,AL137488,AB002371,AF273044,BC008641,AK025632,AI
AF400436
BC030958,AF205403,BC007038,BT006707
BC011878,AK027533,AY358585,U76376,BC037296
BC006301,AB019409

BC018538

AK096608,BC022033

AF136973,AF246221,BC040540,M19701,BX537392,BC029052,AK058039
AK097615,AK097615,AK097615,AK097615,AK097615
AL137719,AK098560,AK127969,AL137719
AF356492,BC021219

AF068227,AF126028,AF075587,AB020723,AF083244,BC037971,AL110277,AK000968

AY188178

NM_005986
BX247982,BC003019,BC000663,AK074167,AL834197,BC008134,BC018046,AL050397,M95925,BT006942,BC0
U04840
AF443279
AF118083,U85946,AL136685
M55284,BC001000
BC012527,BT009776
AJ316284,AB018286
U37352,BC016183,BX248254

BC012097,M99564,AF071172,AL834183,AK125229,AK093450,AL833871,AL833871,AK093450,BC047911,AF04
BC010488,AB084282
U84392,BC004141,AK023232,BC051861,BC000981,AK022348,AF228422
AL117471,BC013997,BC011671,AF272390,AF161352

AF322916,AB046781
BC038451,BC019265,BC000481,BC012811,M23725,AL122091,AL390093,BC015176,AK021790,AL390087,AK0
BC031684,AK026821,BC025689,M14565,AF069493,BC007913

BC053602,AK093274
AK074072,BC029857,AK126938

AK075282,AL713754,BC047718,BC023567,AF120151,AJ314648,AK022797,AJ314645,AK026382,BC009025,AJ
AF083208,BC000591,AF161395,BC031485,U19822,AY237919,AY315627
AJ406929,AJ302536,BC012486

AK001832
BC012084,BC005112
AK095654
AF349752,BX640819,AK025740,BC057792,AL834444,AF533230,BC054344,AF119882,BC036356,BC048806,D8
M28526,AF393678,BC053534,AF142992,BC016027,BX571764,BT006943,AK057326,BC009518,AF130069,BC0

BC018060,U78166
AF140501,AF480305,BX640877
U56102,BC046222,AK126538,AK128137,AL117635,BC007359,BC026879,BC047602

AY359074
AB037816,AF271350,AY358356,AF133424,BC029908,AF161365,BC016471,AY358949,AK127147,AK127284,AK
BC000639,BC004447,BC017469
BC001262,AB032979,AF132943

AF486622
AF486622

X89887
AL137651,AK125903,BC036797,X69117,AJ310931,

Gene name
PRDM16
MAN1C1,AF318353
MGC14276,ZNF258,ZNF258,ZNF258,ZNF258,FLJ23151,FLJ23151,FLJ23151,SFPQ,SFPQ,SFPQ,ZNF262,AF11

HIVEP3,HIVEP3
FLJ10948,FLJ10948,FLJ10948,FLJ10948,AK127175,SCP2
BC006374,ROR1

M96,M96,M96,CGI-100,BC056667,AK126045,BX538286,AY211914,AY211918,DR1,BT006972

COL11A1

CASQ2
NOTCH2,NOTCH2,NOTCH2
BCL9

PTPRC

MGC40047

MAP4K3,MAP4K3

AK023791,SEC15L2
FLJ12953,FLJ12953,RTKN,RTKN,RTKN,RTKN,HMGA1L4,WBP1,GCS1,MRPL53,AK075209,FLJ14397,FLJ1439
SUCLG1
FLJ37357,U61736,DNAH6
LMAN2L,LMAN2L,CNNM4,CNNM4,CNNM4,CNNM4,AK124781,CNNM4,CNNM3,CNNM3,CNNM3,CNNM3,CNNM

EDAR
ACTR3
DPP10,DPP10

GLI2
CLASP1,CLASP1,CLASP1,CLASP1,CLASP1

R3HDM,R3HDM,R3HDM,AK056055,UBXD2,LCT,AY191611,MCM6,DARS,DARS
GALNT5,GALNT5,GALNT5
ACVR1,UPP2
GCA,KCNH7,KCNH7
BC013438

MYO1B,MYO1B,MYO1B

ERBB4
ABCA12,ABCA12,ABCA12

TUBA4,DNAJB2,DNAJB2,DNAJB2,DNAJB2,PTPRN,PTPRN
COL6A3,COL6A3,BX641155,MLPH,MLPH,PRH,RAB17,RAB17

NGLY1,NGLY1,NGLY1,NGLY1,NGLY1,FLJ20604

MOBP,MOBP,MOBP,AK124766

BC040739,AL133104

PVRL3,AK075105,PVRL3,PVRL3,PVRL3

AK022610,AB028992
SCHIP1,SCHIP1
PPM1L
BCHE,BCHE

KIAA0861,KIAA0861,KIAA0861,B3GNT5,AK124500
FLJ41238
AL136889,AK021729,BC004816,RPL35A,LMLN,LMLN
AK127999
FLJ11082

BMP2K,PAQR3
PRKG2

AB051467,AL390173,BC051694
GRID2
LOC57117,FLJ13273,FLJ13273
EGF,ELOVL6,ELOVL6

FLJ10846,FLJ10846,FLJ10846,FLJ10846,LOC90826,LOC90826,LOC90826,AK128483,LOC90826,AK096041,AB

LRBA,LRBA
LGR7
DKFZp566D234,DKFZp566D234,DKFZp566D234

VEGFC

DKFZp761O0113,DKFZp761O0113,Lrp2bp,FLJ11200,FLJ11200,MGC33607,MGC33607,MGC33607,AK129607,F
CTNND2

CDH18

CDH12
PRDM9
ADAMTS12,AY358745,SALPR,MATP,MATP,AMACR,AMACR,AMACR,AMACR
SKP2,FLJ30596,AY360463,FLJ25422
FLJ13231,NUP155,NUP155,FLJ10233,FLJ10233

FOXD1
ZFYVE16,ZFYVE16,ZFYVE16,ZFYVE16,ZFYVE16,UNQ9217
SSBP2,SSBP2

MASS1,MASS1,MASS1,AF452720,ARRDC3,ARRDC3

AK125070
MCC,MCC,AK128596

SPEC2,RAPGEF6,RAPGEF6,RAPGEF6,AL832008,AB075841,BC001956,BC020539,ACSL6,ACSL6,AL390168
BC066278,IL4,IL4,KIF3A,KIF3A,D86957
GRAF,AF141884
GRAF,AF141884

SYNPO,SYNPO,SYNPO,SYNPO,SYNPO,MYOZ3,MYOZ3,AJ277961,AK056449,FLJ10290,U39402,DCTN4,DCTI

PAK1IP1,GCNT2,GCNT2,GCNT2,GCNT2,AK096781,C6orf52,C6orf53,AF164962,TMEM14B,MAK,MAK
HIVEP1

ELOVL5,ELOVL5,ELOVL5,AK097937

BC050689,KCNQ5

NCB5OR,AF305820,AK124658,C6orf117,C6orf84,BC063632

PREP
NR2E1,SNX3,SNX3,BT007114,LACE1

C6orf170,C6orf170,C6orf170
TRDN,TRDN,BC057222
AHI1,AK024085,AHI1,AHI1,AHI1,AHI1,AY133243
PDE7B,DUFD1,DUFD1,DUFD1
IL20RA,IL20RA

UTRN

SDK1,SDK1

DNAH11,AK054657
AK096400,AK097240,GARS,GARS,CRHR2,Y10152
AQP1,AQP1,GHRHR,GHRHR,GHRHR,GHRHR,GHRHR,AB058895,GHRHR,ADCYAP1R1,AY462278,AY462279,
B1,B1,B1,B1

AIP1

CALCR

DKFZp761L1417,DKFZp761L1417,DKFZp761L1417,DKFZp761L1417,TRRAP,BC032759,AK001533,AK126471,S
AF028816,AK075165,BC045172,AF029325

PLXNA4,AK095606,AL834504,AK092345
AY358850,DKFZp434G0625
CNTNAP2
FLJ12847,FLJ12847
MSR1,MSR1

PBF,PBF,AB057659,AB044751
GSR,X54507,D8S2298E,AY302140,PPP2CB,TEX15

AY358147,UNC5D

AP3M2,AP3M2,PLAT,PLAT,PLAT,PLAT,PLAT,AF282882,IKBKB,POLB,S69873,DKK4,VDAC3,SLC20A2
CHRNB3,CHRNA6,THAP1,DKFZP564A022,DKFZP564A022,DKFZP564A022,DKFZP564A022,DKFZP564A022,D
D63480,AF116680,BC015561
AK128232,FLJ11767

SNTG1
SNTG1
SNTG1

LOC115294,LOC115294,ST18
ST18

AF113222,ATP6V1H,ATP6V1H,ATP6V1H,RGS20,RGS20,RGS20,TCEA1
AB067476

AK091641,MGC34646,ASPH,ASPH
FLJ39630
DNAJC5B

CPA6,CPA6
BC054009,HNF4G
PAG
EFCBP1,EFCBP1

TFCP2L3,NCALD
AF090901,DPYS,AY203950
AK124441

TRPS1
SNTB1
KIAA0196,KIAA0196,FLJ32440
AK130915

FLJ21613,FLJ21613,GOLPH2,GOLPH2,GOLPH2
SPIN,SPIN,SPIN,LOC158046

Eu-HMTase1,Eu-HMTase1,AK097611,AK124119,AK125987,AF461894,AK128414,CACNA1B
ITGA8

COMMD3,BMI1,SPAG6,SPAG6

AY528411,GPR158
AK127375,GAD2,GAD2
AL137351,AL162063,AK128577,AB028997,AK001137
TCF8,TCF8,U19969,AK094743,AK125175
PARD3
PARD3,PARD3,PARD3,PARD3

CTNNA3,BC065819,CTNNA3
SIRT1,DKFZP564G092,DKFZP564G092,DKFZP564G092
MYST4,MYST4,MYST4,MYST4,AJ299261,MYST4,AJ299262

FLJ37306,FLJ37306
LGI1
SORCS1,SORCS1,SORCS1

ADD3,ADD3,MXI1,MXI1,MXI1

NAV2,AJ488204

GRM5
KBTBD3,AASDHPPT,AASDHPPT,AASDHPPT,AASDHPPT,AF132199

KIAA0999
DSCAML1,DSCAML1,DSCAML1,DSCAML1
FLJ31166,GABARAPL1
BC064553,AK123548,hT2R55
GPRC5D,AB099817,HEBP1
PTPRO,PTPRO,PTPRO,EPS8
PEPP2,PEPP2,PEPP2,PEPP2,PEPP2
SLCO1B3

CPNE8,CPNE8,CPNE8
DKFZp434K2435
ERBB3,ERBB3,U88357,U88358,U88359,U88360,PA2G4,PA2G4,PA2G4,U50137,RPL41,FLJ14451,MBC2,MBC2

TRHDE
SYT1,PAWR
PTPRQ,MYF6
CART1
FLJ35821,BC062424,BC058014,BX640968,BC035136,AL137488,AB002371,AF273044,FLJ13615,AK025632,FL
KITLG
DSPG3,KERA,LUM,LUM
FLJ14627,FLJ14627,FLJ14627,HRK,FBXW8
ANAPC5,AB019409

ALOX5AP

KBTBD6,KBTBD7

ITM2B,ITM2B,RB1,RB1,P2RY5,CHC1L,AK058039
FLJ40296,FLJ40296,FLJ40296,FLJ40296,FLJ40296
OR7E104P,FLJ25694,AK127969,OR7E104P
DACH,DACH

CLN5,FBXL3A,PAM,PAM,PAM,PAM,AL110277,PAM

FGF14

SOX1
BX247982,DHRS4,DHRS4L2,LOC90668,LOC90668,LOC90668,CPNE6,CPNE6,NRL,BT006942,PCK2,BX248272
NOVA1
PLEKHC1
SEC10L1,SEC10L1,C14orf108
PRKCH,PRKCH
HIF1A,HIF1A
NRXN3,NRXN3
PPP2R5C,PPP2R5C,PPP2R5C

OCA2,OCA2,HERC2,AL834183,AK125229,FLJ36131,AL833871,AL833871,FLJ36131,BC047911,APBA2,AK1247
AVEN,CHRM5
SLC28A2,GATM,SPATA5L1,SPATA5L1,SPATA5L1,SPATA5L1,NMES1
GNB5,GNB5,GNB5,MYO5C,MYO5C

UACA,UACA
BC038451,PKM2,PKM2,PKM2,PKM2,LOC56965,LOC56965,LOC56965,LOC56965,LOC56965,LOC56965,LOC5
FLJ32855,FLJ32855,FLJ32855,CYP11A1,SEMA7A,BMSC-UbP

MGC61550,AP3S2
AK074072,BC029857,AK126938

AK075282,AL713754,BC047718,CRLF3,CRLF3,FLJ12735,FLJ12735,FLJ22729,FLJ22729,FLJ22729,CENTA2,CE
AATF,AATF,AATF,ACACA,ACACA,ACACA,ACACA
AJ406929,KRTAP2-2,KRTAP2-4

FLJ10970
PCTP,PCTP
FLJ38335
ABC1,ABC1,ABC1,CA4,AL834444,USP32,USP32,AF119882,LOC124773,LOC124773,APPBP2,APPBP2,PPM1D
PECAM1,PECAM1,BC053534,POLG2,DDX5,DDX5,DDX5,LOC90799,LOC90799,AF130069,SMURF2,SMURF2,A

RIT2,RIT2
POLI,STARD6,MGC33382
CD226,RTTN,RTTN,RTTN,RTTN,RTTN,RTTN,RTTN

CBLN2
DOCK6,LOC55908,AY358356,AF133424,TM4-B,AF161365,RAB3D,AY358949,AK127147,AK127284,LPPR2,LPP
FAM32A,FAM32A,AP1M1
CGI-09,CGI-09,CGI-09

AF486622
AF486622

HIRA
DKFZp434O0213,AK125903,ADRBK2,ADRBK2,MYO18B,

8068,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,PKD1-like,P

7,FLJ12788,FLJ12788,AY203953,AY305861,NSPC1,AF087884,TLX2,DQX1,DQX1,AUP1,AUP1,PRSS

/3,ANKRD23,ANKRD23,ANKRD23,ANKRD23,MGC41816,MGC41816,SEMA4C,AF370374,SEMA4C,S

3050785,FLJ20896

PDLIM3,PDLIM3,PDLIM3

N4,NID67,NID67

,AY495951,AY495952

SMURF1,SMURF1,SMURF1,AK025690,ARPC1A,ARPC1B,PDAP1,G10,KIAA0632,KIAA0632,CPSF4,A

DKFZP564A022,AF209504,DKFZP564A022,HOOK3,FNTA,FNTA,FNTA,AK027009,BC042037,AF3368

,MBC2,MBC2,MBC2,MBC2,MLC1SA,MYL6,MYL6,SMARCC2,SMARCC2,SMARCC2,RNF41,RNF41,M

J13615,FLJ90492,FLJ90492

2,WDR23,WDR23,LOC161247,PSME1,PSME1,C14orf122,PSME2,AK074144,ISGF3G,REC8L1,IPO4

794

6965,LOC56965,HEXA,BRUNOL6,BRUNOL6,BRUNOL6,HEXA,HEXA,S61298,AK023377,AK097130,A

ENTA2,RNF135,RNF135,AF336877,NF1,NF1,BX537850,OMG,EVI2B,EVI2A

),PPM1D,PPM1D,BCAS3,BCAS3
AK126557,BC032382,AK123704,FLJ34306,KIAA0563,FLJ32065,GNA13

PR2,FLJ35119,EPOR,EPOR,MGC20983,PRKCSH,PRKCSH,PRKCSH,DKFZp547J036,ELAVL3,ELAVL

KD1-like,NCDN,NCDN,NCDN,AP2E,PSMB2,BT007137,FLJ38984,FLJ38984,CLSPN,CLSPN,BC06221

25,LOXL3,LOXL3,DOK1,LOC130951,LOC130951,LOC130951,SEMA4F,SEMA4F

SEMA4C,SEMA4C,SEMA4C,SEMA4C,SEMA4C,LOC51252,LOC51252,LOC51252,DKFZp434N062,DK

AK123419,ATP5J2,ZNF394,AJ297365,ZFP95,ZFP95,DKFZp727G131,DKFZp727G131,VIK,VIK,VIK,VIK

77,AK057293,AK025895,AF015251

IGC2731,AY203942,SLC39A5,AY358160,AK091555,AK098479,FLJ32452,FLJ32452,FLJ32452,FLJ32

\RIH1

.3,LOC115950,SITPEC,SITPEC,CNN1,MGC4549,ACP5,LOC199692,AF024694,LOC199692,AK12675

l5,EIF2C4,EIF2C4,EIF2C1,BC066888,EIF2C3,TEKT2,ADPRHL2,COL8A2,TRAPPC3,FLJ10350

:FZp434N062,AY358571,BC046186,KIAA1641,KIAA1641,KIAA1641,KIAA1641,KIAA1641,KIAA1641,KI

(,VIK,ZNF498,AK124190,CYP3A5,CYP3A5,AF355802,CYP3A5,CYP3A7,CYP3A7,CYP3A4,D00003,AJ

452,FLJ32452,FLJ32452,CS,CS,BC015876,TMEM4,TMEM4,USP52,USP52,IL23A,STAT2,STAT2,APO

IAA1641,KIAA1641,KIAA1641,KIAA1641,BC044844,AK074570,COX5B,BT006742,ACTR1B,ACTR1

I563377,AJ56337