Slektstre med NetworkX

Et Python-bibliotek for å bygge, administrere og visualisere familie-trær ved hjelp av NetworkX og Jupyter notebooks.



Podcast / Lydinnhold

Slektstre med Python og Grafteori - Slik Analyserer du Din Familie

```
Last ned podcast-filer: - MP3 (universell kompatibilitet) - 20MB - M4A (høy kvalitet) - 40MB
```

► For å spille av: 1. Klikk på lenken ovenfor for å laste ned 2. Åpne med din foretrukne lydspiller 3. Eller høre direkte i nettleseren (støtter MP3/M4A)

Tips: Du kan også høre på podcasten direkte i Jupyter Notebook ved å bruke:

Eller åpne <u>notebook 00 slektstraer og grafer.ipynb</u> som har en forbedret audiospiller med: - Automatisk path-deteksjon (fungerer både lokalt og i Google Colab) -HTML5 audio som fallback - Automatisk cleanup for å unngå store notebook-filer -Bilingual instruksjoner og feedback

Norsk / English

Norsk (Hovedspråk)

Slektstre-prosjektet lar deg bygge komplekse familie-trær med rike metadata, importere/eksportere data i flere formater, og visualisere slektskap på forskjellige måter. Prosjektet støtter både norsk og engelsk språk.

Hovedfunksjoner

- **II** Rike metadata: Fødselsdatoer, steder, bilder, historier og notater
- Fleksibel datainput: Manuell programmatisk opprettelse og fil-basert import
- Avanserte visualiseringer: Hierarkisk, vifte-diagram, interaktiv og timeglassvisning
- **Tospråklig støtte**: Norsk (primær) og engelsk
- Flere dataformater: YAML, JSON, CSV og GEDCOM
- Slektsanalyse: Beregning av slektskap, generasjonsnivåer og statistikk

Installasjon

```
# Opprett conda-miljø (anbefalt)
conda env create -f environment.yml
conda activate slektstre
# Eller installer pakker direkte
pip install -r requirements.txt
# For kun bok-generering
pip install -r requirements-book.txt
Rask start
# Importer modulene direkte fra src-mappen
import sys
sys.path.append('src')
from models import Person, Gender
from tree import Slektstre
from datetime import date
# Opprett personer
person = Person(
    fornavn="Arvid",
    etternavn="Lundervold",
    kjønn=Gender.MALE,
    fødselsdato=date(1985, 12, 10),
    fødested="Bergen"
)
# Opprett slektstre
slektstre = Slektstre()
slektstre.add_person(person)
# Visualiser
from visualization import plot_hierarchical_tree
import matplotlib.pyplot as plt
fig = plot_hierarchical_tree(slektstre)
plt.show()
```

Jupyter Notebooks

Prosjektet inkluderer seks omfattende notebooks:

- 0. **00_slektstraer_og_grafer.ipynb** Introduksjon til slektstrær og grafteori
- $1.\, \boldsymbol{01_introduksjon.ipynb} Oversikt \ og \ grunnleggende \ konsepter$
- 2. **02_bygg_tre_manuelt.ipynb** Bygge slektstreet programmatisk
- 3. 03_importer_data.ipynb Import/eksport av data
- 4. **04_visualisering.ipynb** Alle visualiseringsalternativer
- 5. **05_eksterne_databaser.ipynb** Integrasjon med genealogi-databaser og API-er

Nytt: 00_slektstraer_og_grafer.ipynb er en omfattende introduksjonsnotebook som kobler sammen genealogi og grafteori. Den dekker grunnleggende konsepter, praktiske øvelser, og viser hvordan NetworkX brukes til å bygge og analysere slektstrær. Perfekt for nybegynnere som vil forstå både slektstrær og den underliggende matematikken.

Åpne i Google Colab / Open in Google Colab

Alle notebooks kan kjøres direkte i Google Colab uten installasjon:

- Open in Colab 00_slektstraer_og_grafer.ipynb Introduksjon til slektstrær og grafteori
- Open in Colab 01_introduksjon.ipynb Oversikt og grunnleggende konsepter
- Open in Colab 02_bygg_tre_manuelt.ipynb Bygge slektstreet programmatisk
- Open in Colab 03_importer_data.ipynb Import/eksport av data
- Open in Colab 04_visualisering.ipynb Alle visualiseringsalternativer
- Open in Colab 05_eksterne_databaser.ipynb Integrasjon med genealogidatabaser og API-er

Tips: Klikk på Colab-badgen for å åpne notebooken direkte i Google Colab. Alle avhengigheter installeres automatisk!

Dataformat

Slektstreet støtter flere formater:

YAML (anbefalt):

```
personer:
   - id: "p1"
    fornavn: "Arvid"
    etternavn: "Lundervold"
    kjønn: "male"
    fødselsdato: "1985-12-10"
    fødested: "Bergen"
ekteskap:
   - partner1_id: "p1"
    partner2_id: "p2"
    ekteskapsdato: "2010-06-18"
```

JSON, CSV og GEDCOM støttes også.

Visualiseringer

- Hierarkisk slektstre: Tradisjonell tre-struktur
- Vifte-diagram: Sirkulær visning av forfedre
- Interaktiv visning: Plotly-basert med hover-info
- Timeglass-visning: Fokusperson i midten
- Statistikk-diagrammer: Kjønnsfordeling, aldersfordeling, etc.

Eksterne databaser

- FamilySearch API: Verdens største genealogi-database (gratis)
- **Digitalarkivet**: Norske historiske kilder og arkiver (gratis)
- Wikipedia API: Biografisk informasjon om kjente personer (gratis)
- Data-konvertering: Automatisk konvertering fra eksterne formater
- Eksport: Til forskjellige formater for deling med andre

English

The Slektstre project allows you to build complex family trees with rich metadata, import/export data in multiple formats, and visualize relationships in various ways. The project supports both Norwegian and English languages.

Podcast / Audio Content

Slektstre med Python og Grafteori - Slik Analyserer du Din Familie

Note: Since this is a private repository, you need to download the podcast files locally to play them.

Download podcast files: - MP3 (universal compatibility) - 20MB - M4A (high quality) - 40MB

Note: Podcast files are not included in the Git repository due to size. You need to download them separately or generate them locally.

To play: 1. Download the file to your computer 2. Open with your preferred audio player 3. Or use an online audio player that supports local files

Tip: You can also listen to the podcast directly in Jupyter Notebook using:

```
import IPython.display as ipd
ipd.Audio('podcast/Slektstre_med_Python_og_Grafteori__Slik_Analyserer_du_Din_Famil.mp3')
```

Key Features

- **II** Rich metadata: Birth dates, places, photos, stories and notes
- Elexible data input: Manual programmatic creation and file-based import
- Advanced visualizations: Hierarchical, fan chart, interactive and hourglass views
- **O** Bilingual support: Norwegian (primary) and English
- Multiple data formats: YAML, JSON, CSV and GEDCOM
- Gramily analysis: Relationship calculation, generation levels and statistics
- **External databases**: Integration with FamilySearch, Digitalarkivet and Wikipedia API

Installation

```
# Create conda environment (recommended)
conda env create -f environment.yml
conda activate slektstre

# Or install packages directly
pip install -r requirements.txt

# For book generation only
pip install -r requirements-book.txt

Quick Start

# Import modules directly from src folder
import sys
sys.path.append('src')

from models import Person, Gender
from tree import Slektstre
from datetime import date
```

Create person
person = Person(

```
fornavn="Arvid",
  etternavn="Lundervold",
  kjønn=Gender.MALE,
  fødselsdato=date(1985, 12, 10),
  fødested="Bergen"
)

# Create family tree
slektstre = Slektstre()
slektstre.add_person(person)

# Visualize
from visualization import plot_hierarchical_tree
import matplotlib.pyplot as plt

fig = plot_hierarchical_tree(slektstre)
plt.show()
```

Jupyter Notebooks

The project includes six comprehensive notebooks:

- 0. 00_slektstraer_og_grafer.ipynb Introduction to family trees and graph theory
- 1. 01_introduksjon.ipynb Overview and basic concepts
- 2. **02_bygg_tre_manuelt.ipynb** Building family trees programmatically
- 3. **03** importer data.ipvnb Data import/export
- 4. **04_visualisering.ipynb** All visualization options
- 5. **05_eksterne_databaser.ipynb** Integration with genealogy databases and APIs

New: 00_slektstraer_og_grafer.ipynb is a comprehensive introductory notebook that bridges genealogy and graph theory. It covers fundamental concepts, practical exercises, and shows how NetworkX is used to build and analyze family trees. Perfect for beginners who want to understand both family trees and the underlying mathematics.

Data Format

The family tree supports multiple formats:

YAML (recommended):

```
personer:
   - id: "p1"
    fornavn: "Arvid"
    etternavn: "Lundervold"
    kjønn: "male"
    fødselsdato: "1985-12-10"
    fødested: "Bergen"
ekteskap:
   - partner1_id: "p1"
    partner2_id: "p2"
    ekteskapsdato: "2010-06-18"
```

JSON, CSV and GEDCOM are also supported.

Visualizations

- Hierarchical family tree: Traditional tree structure
- Fan chart: Circular ancestor view
- Interactive view: Plotly-based with hover info
- Hourglass view: Focus person in center
- Statistics charts: Gender distribution, age distribution, etc.

README 10/11/25, 8:21 PM

External Databases

- FamilySearch API: World's largest genealogy database (free)
- **Digitalarkivet**: Norwegian historical sources and archives (free)
- Wikipedia API: Biographical information about notable people (free)
- Data conversion: Automatic conversion from external formats
- Export: To various formats for sharing with others

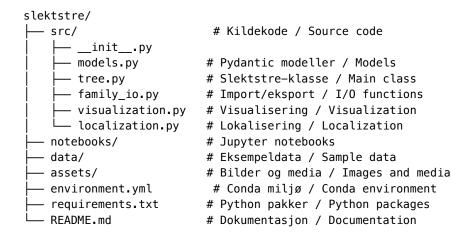
Teknisk informasjon / Technical Information

Avhengigheter / Dependencies

```
Core slektstre packages: - Python 3.12+ - NetworkX 3.0+ - Matplotlib 3.7+ - Plotly
5.0+ - Pydantic 2.0+ - PyYAML 6.0+ - Pandas 2.0+ - Jupyter 1.0+
```

Book generation packages: - Jupyter Book 0.15+ - Sphinx 5.0+ - nbconvert[webpdf] 7.0+ - Playwright 1.55+ - PyPDF2 3.0+ - Pandoc 3.0+

Prosjektstruktur / Project Structure



Lisens / License

MIT License - se LICENSE fil for detaljer / see LICENSE file for details.



Håndtering av sensitive data / Handling Sensitive Data

For detaljert veiledning om å håndtere private familie-data, se SENSITIVE DATA GUIDE.md.

For detailed guidance on managing private family data, see SENSITIVE DATA GUIDE.md.

En privat repository template er tilgjengelig i templates/private-repo/.

A private repository template is available in templates/private-repo/.



Public Repository / Offentlig Repository

Dette er nå et **public repository** som alle kan se og bruke. Dette betyr:

Fordeler: - Alle kan teste notebooks i Google Colab uten autentisering - Bedre muligheter for å dele kunnskap og lære sammen - Open source-utvikling og bidrag fra samfunnet - Enklere å finne og bruke for nye brukere

> Viktig: - Ingen sensitive familie-data er inkludert i dette repositoryet - Kun syntetiske eksempler og læringsressurser - For ekte familie-data, bruk private repository-malen

Bidrag / Contributing

Bidrag er velkommen! Se <u>DEVELOPER.md</u> for detaljerte instruksjoner.

Hvordan bidra: 1. Fork repositoryet 2. Lag en feature branch (git checkout -b feature/ny-funksjon) 3. Test endringene dine i Google Colab 4. Send en pull request

Contributions are welcome! See DEVELOPER.md for detailed instructions.

How to contribute: 1. Fork the repository 2. Create a feature branch (git checkout -b feature/new-feature) 3. Test your changes in Google Colab 4. Submit a pull request



🝃 Generer PDF-bok / Generate PDF Book

Du kan generere en komplett PDF-bok av hele prosjektet:

You can generate a complete PDF book of the entire project:

```
# Enkel metode / Simple method
make book
# Eller manuelt / Or manually
pip install -r requirements-book.txt
jupyter-book build . --builder pdfhtml
```

Boken vil inkludere README.md som introduksjon, fulgt av alle notebooks som separate kapitler.

The book will include README.md as introduction, followed by all notebooks as separate chapters.

Bok-redigering / Book Editing

For detaljerte instruksjoner om hvordan du redigerer boken, legger til kapitler, eller setter opp automatisk oppdatering, se **BOK-REDIGERING.md**.

For detailed instructions on how to edit the book, add chapters, or set up automatic updates, see **BOK-REDIGERING.md**.

Rask start for bok-redigering / Quick start for book editing

```
# Valider eksisterende bok / Validate existing book
make validate
# Start automatisk overvåkning / Start automatic monitoring
make watch
# Generer bok på nytt / Regenerate book
make book
```

X Utviklingsverktøy / Development Tools

For detaljerte instruksjoner om utvikling og repository-vedlikehold, se DEVELOPER.md.

For detailed instructions on development and repository maintenance, see DEVELOPER.md.

Hurtigreferanse / Quick reference:

```
# Fjern store filer / Remove large files
pip install git-filter-repo
git filter-repo --path large_file.ipynb --invert-paths --force
# Rydd notebook outputs / Clean notebook outputs
jupyter nbconvert --clear-output --inplace notebook.ipynb
```

Kontakt / Contact

Arvid Lundervold - GitHub