Prácticas de Bioestadística con R

Alfredo Sánchez Alberca
asalber@ceu.es
https://aprendeconalf.es

Tabla de contenidos

Prefacio

¡Bienvenido a Prácticas de Bioestadística con R!

Este libro presenta una recopilación de prácticas de Bioestadística Descriptiva e Inferencial con el lenguaje de programación R, con problemas aplicados a las Ciencias de la Salud.

No es un libro para aprender a programar con R, ya que solo enseña el uso del lenguaje y de algunos de sus paquetes para resolver problemas de Bioestadística. Para quienes estén interesados en aprender a programar en este lenguaje, os recomiendo leer este manual de R.

Capítulos

1. Introducción a R
2. Tipos y estructuras de datos
3. Preprocesamiento de datos
4. Distribuciones de frecuencias y representaciones gráficas

Licencia

1 Introducción a R

La gran potencia de cómputo alcanzada por los ordenadores ha convertido a los mismos en poderosas herramientas al servicio de todas aquellas disciplinas que, como la Estadística, requieren manejar un gran volumen de datos. Actualmente, prácticamente nadie se plantea hacer un estudio estadístico serio sin la ayuda de un buen programa de análisis de datos.

R es un potente lenguaje de programación que incluye multitud de funciones para la representación y el análisis de datos. Fue desarrollado por Robert Gentleman y Ross Ihaka en la Universidad de Auckland en Nueva Zelanda, aunque actualmente es mantenido por una enorme comunidad científica en todo el mundo.

Figura 1.1: Logotipo de R

Las ventajas de R frente a otros programas habituales de análisis de datos, como pueden ser SPSS, SAS o Matlab, son múltiples:

- Es software libre y por tanto gratuito. Puede descargarse desde la web http://www.r-project.org/.
- Es multiplataforma. Existen versiones para Windows, Mac, Linux y otras plataformas.
- Está avalado y en constante desarrollo por una amplia comunidad científica distribuida por todo el mundo que lo utiliza como estándar para el análisis de datos.
- Cuenta con multitud de paquetes para todo tipo de análisis estadísticos y representaciones gráficas, desde los más habituales, hasta los más novedosos y sofisticados que no incluyen otros programas. Los paquetes están organizados y documentados en un repositorio CRAN (Comprehensive R Archive Network) desde donde pueden descargarse libremente.
- Es programable, lo que permite que el usuario pueda crear fácilmente sus propias funciones o paquetes para análisis de datos específicos.
- Existen multitud de libros, manuales y tutoriales libres que permiten su aprendizaje e ilustran el análisis estadístico de datos en distintas disciplinas científicas como las Matemáticas, la Física, la Biología, la Psicología, la Medicina, etc.

1.1. Instalación de R

R puede descargarse desde el sitio web oficial de R o desde el repositorio principal de paquetes de R CRAN. Basta con descargar el archivo de instalación correspondiente al sistema operativo

de nuestro ordenador y realizar la instalación como cualquier otro programa.

El intérprete de R se arranca desde la terminal, aunque en Windows incorpora su propia aplicación, pero es muy básica. En general, para trabajos serios, conviene utilizar un entorno de desarrollo para R.

1.2. Entornos de desarrollo

Por defecto el entorno de trabajo de R es en línea de comandos, lo que significa que los cálculos y los análisis se realizan mediante comandos o instrucciones que el usuario teclea en una ventana de texto. No obstante, existen distintas interfaces gráficas de usuario que facilitan su uso, sobre todo para usuarios noveles. Algunas de ellas, como las que se enumeran a continuación, son completos entornos de desarrollo que facilitan la gestión de cualquier proyecto:

- RStudio. Probablemente el entorno de desarrollo más extendido para programar con R ya que incorpora multitud de utilidades para facilitar la programación con R.

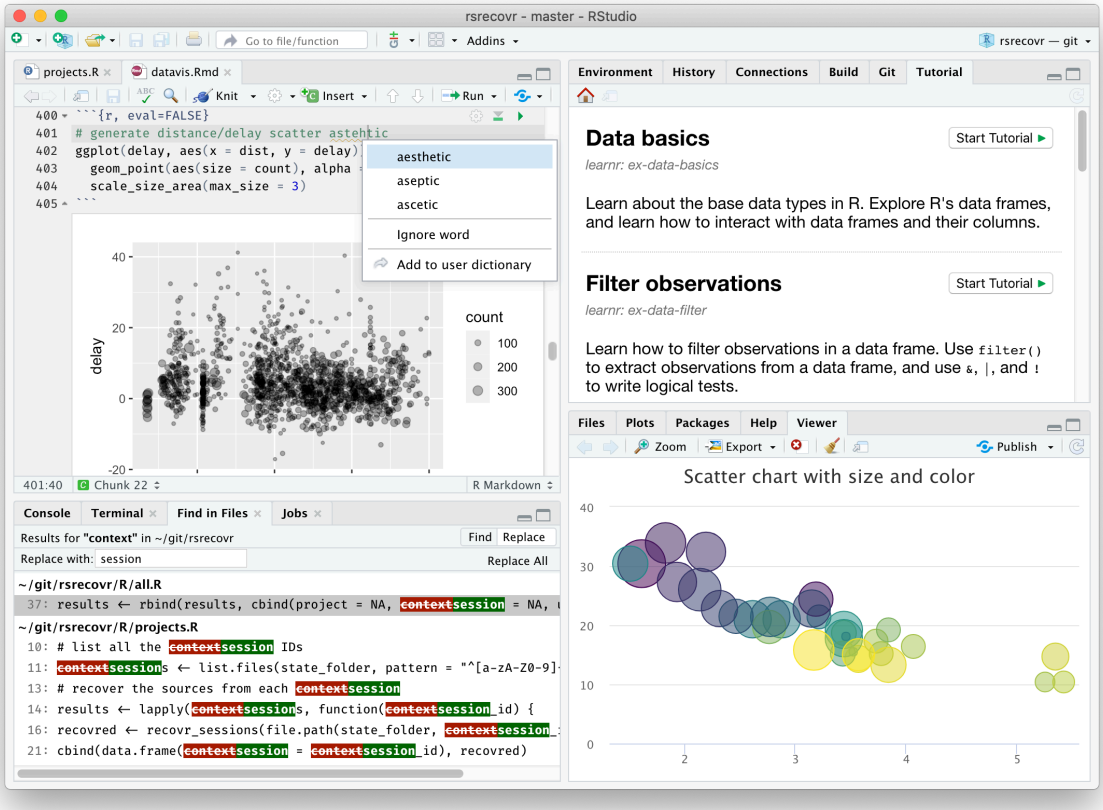


Figura 1.2: Entorno de desarrollo RStudio

- RKWard. Es otra otro de los entornos de desarrollo más completos que además incluye a posibilidad de añadir nuevos menús y cuadros de diálogo personalizados.

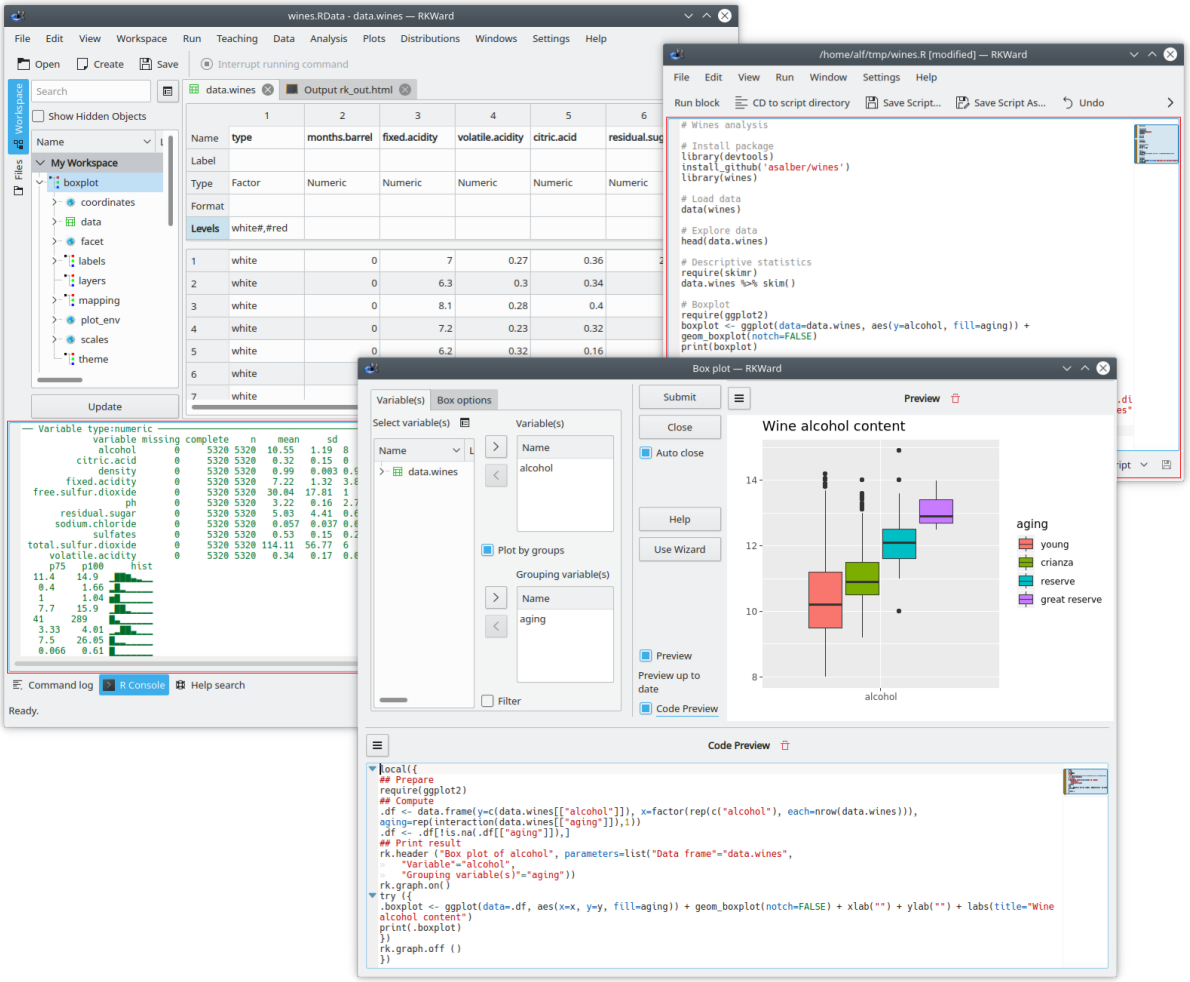


Figura 1.3: Entorno de desarrollo RKWard

- Jupyter Lab. Es un entorno de desarrollo interactivo que permite la creación de documentos que contienen código, texto, gráficos. Aunque no es un entorno de desarrollo específico para R, incluye un kernel para R que permite ejecutar código R en los documentos.

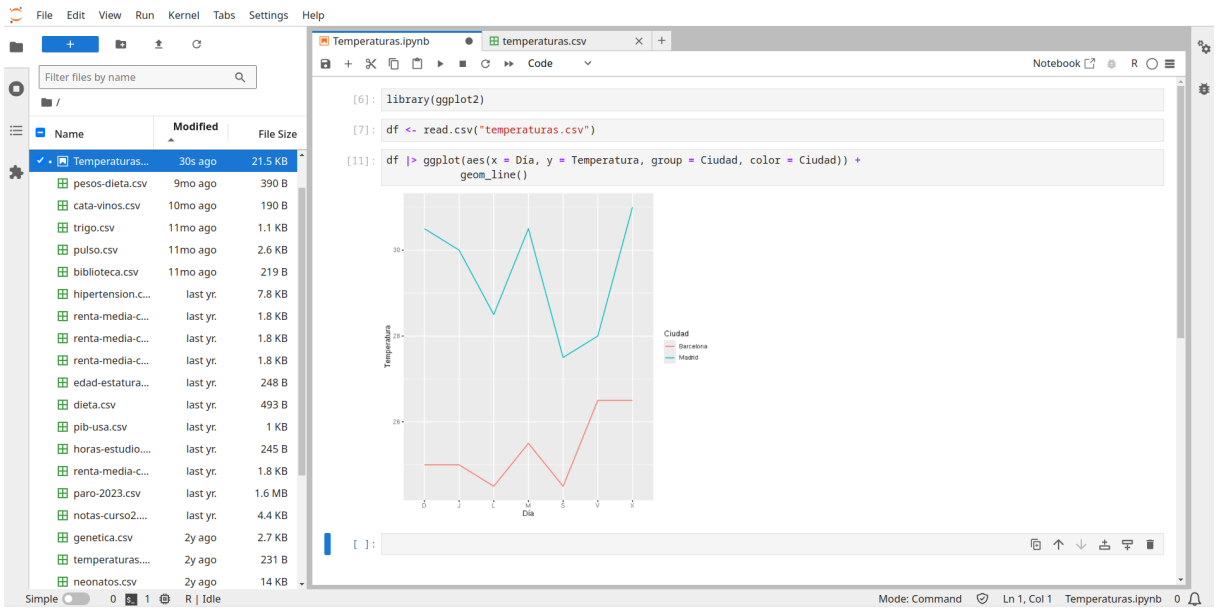


Figura 1.4: Entorno de desarrollo Jupyter Lab

- Visual Studio Code. Es un entorno de desarrollo de propósito general ampliamente extendido. Aunque no es un entorno de desarrollo específico para R, incluye una extensión con utilidades que facilitan mucho el desarrollo con R.

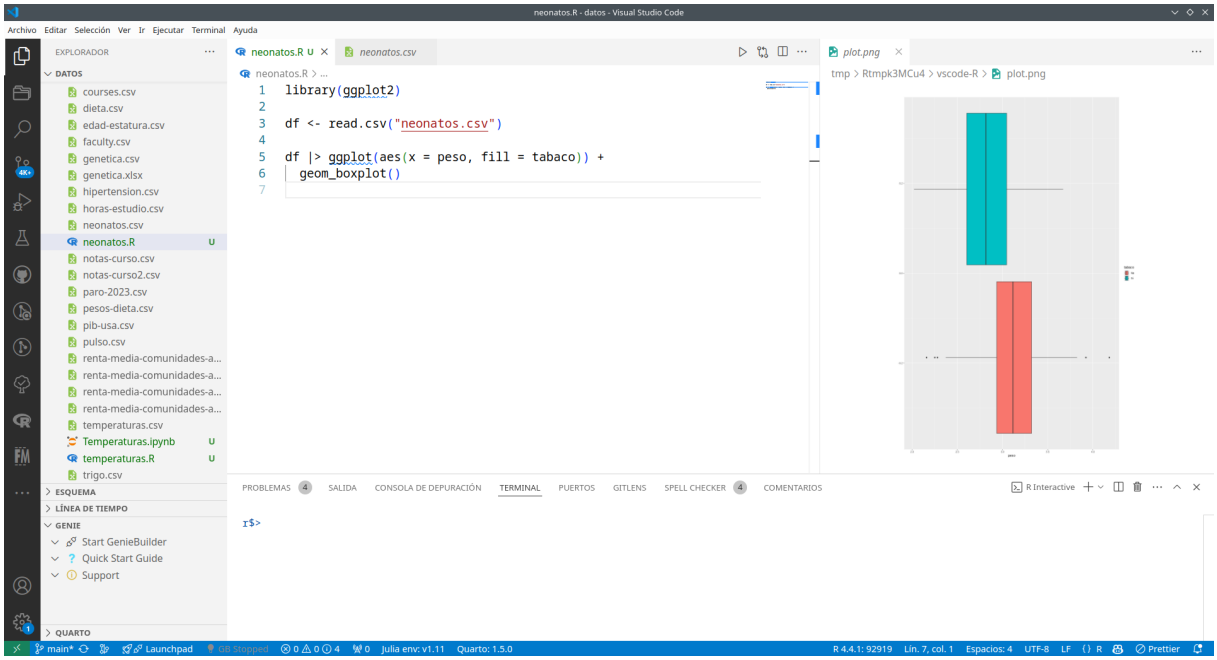


Figura 1.5: Entorno de desarrollo Visual Studio Code

1.3. Instalación de paquetes

R es un lenguaje de programación modular, lo que significa que su funcionalidad se extiende mediante paquetes. Los paquetes son colecciones de funciones, datos y documentación sobre el uso de esas funciones o conjuntos de datos.

El repositorio de paquetes más importante es CRAN (Comprehensive R Archive Network), pero existen otros repositorios como Bioconductor que contiene paquetes específicos para el análisis de datos biológicos.

1.3.1. Instalación de paquetes desde CRAN

Para instalar un paquete en R basta con ejecutar la función `install.packages()` con el nombre del paquete que se desea instalar. Por ejemplo, para instalar el paquete `ggplot2` que es uno de los paquetes más utilizados para realizar gráficos en R, basta con ejecutar el siguiente comando:

```
install.packages("ggplot2")
```

Los ubicación de los paquete instalados en R depende del sistema operativo, pero puede consultarse en la variable `.libPaths()`.

1.3.2. Instalación de paquetes desde Bioconductor

Para instalar un paquete desde Bioconductor es necesario instalar primero el paquete `BiocManager` y después utilizar la función `BiocManager::install()` con el nombre del paquete que se desea instalar. Por ejemplo, para instalar el paquete `DESeq2` que es uno de los paquetes más utilizados para el análisis de datos de expresión génica, basta con ejecutar el siguiente comando:

```
install.packages("BiocManager")
BiocManager::install("DESeq2")
```

1.4. Actualización de paquetes

Cada cierto tiempo conviene actualizar los paquetes instalados en R para asegurarse de que se dispone de las últimas versiones de los mismos. Para ello se puede utilizar la función `update.packages()`. Por ejemplo, para actualizar todos los paquetes instalados en R sin necesidad de confirmación por parte del usuario, basta con ejecutar el siguiente comando:

```
update.packages(ask = FALSE)
```

2 Tipos y estructuras de datos

Esta práctica contiene ejercicios que muestran cómo trabajar con los tipos y estructuras de datos en R. En concreto, las estructuras de datos que se utilizan son

- Vectores.
- Factores.
- Matrices.
- Listas.
- Dataframes.

2.1. Ejercicios Resueltos

Para la realización de esta práctica se requieren los siguientes paquetes.

```
library(tidyverse)
# Incluye los siguientes paquetes:
# - readr: para la lectura de ficheros csv.
# - dplyr: para el preprocesamiento y manipulación de datos.
library(knitr) # Para el formateo de tablas.
```

Ejercicio 2.1. Realizar las siguientes operaciones con vectores.

a. Crear un vector con los números del 1 al 10.

Solución

2.2. Función c

La función `c()` permite combinar elementos en un vector. Los elementos se introducen separados por comas.

```
numeros <- c(1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10)
numeros
```

```
 [1]  1  2  3  4  5  6  7  8  9 10
```

2.3. Operador :

El operador `inicio:fin` permite crear un vector con la secuencia de números enteros desde el número `inicio` hasta el número `fin`.

```
numeros <- 1:10
numeros
```

```
 [1]  1  2  3  4  5  6  7  8  9 10
```

b. Mostrar el número de elementos del vector anterior.

Solución

```
length(numeros)
```

```
[1] 10
```

c. Crear un vector con los números pares del 1 al 10.

Solución

2.4. Función c

```
pares <- c(2, 4, 6, 8, 10)
pares
```

```
[1]  2  4  6  8 10
```

2.5. Función seq

La función `seq(inicio, fin, salto)` permite crear un vector con la secuencia de números enteros desde el número `inicio` hasta el número `fin` con un salto de `salto`.

```
pares <- seq(2, 10, by = 2)
pares
```

```
[1]  2  4  6  8 10
```

d. Crear un vector con el cuadrado de los elementos del vector anterior.

Solución

El operador `^` permite elevar un número a otro. Cuando se aplica a un vector, eleva cada elemento del vector al número indicado.

```
cuadrados <- pares^2
cuadrados
```

```
[1]   4  16  36  64 100
```

e. Crear un vector con 5 números aleatorios entre 1 y 10.

Solución

La función `sample(vector, n)` permite seleccionar `n` elementos aleatorios de `vector`. El muestreo es sin reemplazamiento.

```
aleatorios <- sample(1:10, 5)
aleatorios
```

```
[1] 6 3 8 4 7
```

f. Crear un vector booleano con los números del vector anterior que son pares.

Solución

El operador `%%` permite calcular el resto de la división entera de dos números. Si el resto es 0, el número es par. Y el operador `==` permite comparar dos vectores elemento a elemento.

```
par <- aleatorios %% 2 == 0
par
```

```
[1]  TRUE FALSE  TRUE  TRUE FALSE
```

g. Crear un vector con 100 números aleatorios entre 0 y 1.

Solución

La función `runif(n, min, max)` permite generar `n` números aleatorios entre `min` y `max`.

```
aleatorios2 <- runif(100, 0, 1)
aleatorios2
```

```
  [1] 0.1745409642 0.8289490622 0.3387814090 0.2167543538 0.1134076703
  [6] 0.6286752101 0.0106526525 0.1093907864 0.4900617937 0.1743749664
 [11] 0.6800843242 0.3646354883 0.6454122416 0.6526214175 0.9228122986
 [16] 0.3606315583 0.9950923640 0.3035428333 0.3958196980 0.2882284960
 [21] 0.2466872018 0.7218768313 0.6346673232 0.1410502058 0.8611289370
 [26] 0.0003058636 0.3754426709 0.4195440877 0.8103933139 0.9372969284
 [31] 0.7834821693 0.5671130815 0.3657950263 0.5821609648 0.1728922669
 [36] 0.1561128458 0.5271299311 0.3742025893 0.0244430660 0.1007965880
 [41] 0.3624238258 0.5429654324 0.7071530661 0.8355117675 0.5359205685
 [46] 0.3299977432 0.8245965624 0.3711511579 0.3284018056 0.7122194655
 [51] 0.7498793411 0.0470338808 0.0745800762 0.0610937241 0.8508216981
 [56] 0.9843574974 0.5178964895 0.8918249931 0.3667059876 0.1444752673
 [61] 0.3411170160 0.7664597644 0.4821867910 0.1529245593 0.7845511439
 [66] 0.3426257242 0.2204916265 0.6151761415 0.7651914931 0.2320692504
 [71] 0.4251030553 0.0818873062 0.2786484116 0.3453063101 0.4440597491
 [76] 0.0636016356 0.8731953043 0.7871375214 0.6084885013 0.6492142531
 [81] 0.6086444778 0.0130130642 0.2902684920 0.3225914293 0.1915048878
 [86] 0.8669210437 0.3068271666 0.7916705245 0.4637930305 0.8580898261
 [91] 0.8771222837 0.3976583821 0.5987865699 0.8512456813 0.5968641667
 [96] 0.1862874334 0.9470176871 0.8725937384 0.8956902823 0.4447817269
```

h. Ordenar el vector anterior de menor a mayor.

Solución

La función `sort(vector)` permite ordenar los elementos de un vector de menor a mayor.

```
sort(aleatorios2)
```

```
  [1] 0.0003058636 0.0106526525 0.0130130642 0.0244430660 0.0470338808
  [6] 0.0610937241 0.0636016356 0.0745800762 0.0818873062 0.1007965880
 [11] 0.1093907864 0.1134076703 0.1410502058 0.1444752673 0.1529245593
```

```
 [16] 0.1561128458 0.1728922669 0.1743749664 0.1745409642 0.1862874334
 [21] 0.1915048878 0.2167543538 0.2204916265 0.2320692504 0.2466872018
 [26] 0.2786484116 0.2882284960 0.2902684920 0.3035428333 0.3068271666
 [31] 0.3225914293 0.3284018056 0.3299977432 0.3387814090 0.3411170160
 [36] 0.3426257242 0.3453063101 0.3606315583 0.3624238258 0.3646354883
 [41] 0.3657950263 0.3667059876 0.3711511579 0.3742025893 0.3754426709
 [46] 0.3958196980 0.3976583821 0.4195440877 0.4251030553 0.4440597491
 [51] 0.4447817269 0.4637930305 0.4821867910 0.4900617937 0.5178964895
 [56] 0.5271299311 0.5359205685 0.5429654324 0.5671130815 0.5821609648
 [61] 0.5968641667 0.5987865699 0.6084885013 0.6086444778 0.6151761415
 [66] 0.6286752101 0.6346673232 0.6454122416 0.6492142531 0.6526214175
 [71] 0.6800843242 0.7071530661 0.7122194655 0.7218768313 0.7498793411
 [76] 0.7651914931 0.7664597644 0.7834821693 0.7845511439 0.7871375214
 [81] 0.7916705245 0.8103933139 0.8245965624 0.8289490622 0.8355117675
 [86] 0.8508216981 0.8512456813 0.8580898261 0.8611289370 0.8669210437
 [91] 0.8725937384 0.8731953043 0.8771222837 0.8918249931 0.8956902823
 [96] 0.9228122986 0.9372969284 0.9470176871 0.9843574974 0.9950923640
```

i. Ordenar el vector anterior de mayor a menor.

Solución

La función `sort(vector, decreasing = TRUE)` permite ordenar los elementos de un vector de mayor a menor.

```
sort(aleatorios2, decreasing = TRUE)
```

```
 [1] 0.9950923640 0.9843574974 0.9470176871 0.9372969284 0.9228122986
 [6] 0.8956902823 0.8918249931 0.8771222837 0.8731953043 0.8725937384
[11] 0.8669210437 0.8611289370 0.8580898261 0.8512456813 0.8508216981
[16] 0.8355117675 0.8289490622 0.8245965624 0.8103933139 0.7916705245
[21] 0.7871375214 0.7845511439 0.7834821693 0.7664597644 0.7651914931
[26] 0.7498793411 0.7218768313 0.7122194655 0.7071530661 0.6800843242
[31] 0.6526214175 0.6492142531 0.6454122416 0.6346673232 0.6286752101
[36] 0.6151761415 0.6086444778 0.6084885013 0.5987865699 0.5968641667
[41] 0.5821609648 0.5671130815 0.5429654324 0.5359205685 0.5271299311
[46] 0.5178964895 0.4900617937 0.4821867910 0.4637930305 0.4447817269
[51] 0.4440597491 0.4251030553 0.4195440877 0.3976583821 0.3958196980
[56] 0.3754426709 0.3742025893 0.3711511579 0.3667059876 0.3657950263
[61] 0.3646354883 0.3624238258 0.3606315583 0.3453063101 0.3426257242
[66] 0.3411170160 0.3387814090 0.3299977432 0.3284018056 0.3225914293
[71] 0.3068271666 0.3035428333 0.2902684920 0.2882284960 0.2786484116
[76] 0.2466872018 0.2320692504 0.2204916265 0.2167543538 0.1915048878
[81] 0.1862874334 0.1745409642 0.1743749664 0.1728922669 0.1561128458
[86] 0.1529245593 0.1444752673 0.1410502058 0.1134076703 0.1093907864
[91] 0.1007965880 0.0818873062 0.0745800762 0.0636016356 0.0610937241
[96] 0.0470338808 0.0244430660 0.0130130642 0.0106526525 0.0003058636
```

j. Crear un vector con los días laborables de la semana.

Solución

```
dias_laborables <- c("Lunes", "Martes", "Miércoles", "Jueves",
 ↪  "Viernes")
dias_laborables
```

```
[1] "Lunes"     "Martes"    "Miércoles" "Jueves"    "Viernes"
```

k. Añadir los días del fin de semana al vector anterior y guardar el resultado en una nueva variable.

Solución

```
dias <- c(dias_laborables, "Sábado", "Domingo")
dias
```

```
[1] "Lunes"     "Martes"    "Miércoles" "Jueves"    "Viernes"
[6] "Sábado"    "Domingo"
```

l. Acceder al tercer elemento del vector.

Solución

```
dias_laborables[3]
```

```
[1] "Miércoles"
```

m. Seleccionar los días pares del vector.

Solución

2.6. Índices numéricos

```
dias[c(2, 4, 6)]
```

```
[1] "Martes" "Jueves" "Sábado"
```

2.7. Índices numéricos negativos

```
dias[-c(1, 3, 5, 7)]
```

```
[1] "Martes" "Jueves" "Sábado"
```

2.8. Índices lógicos

```
dias[c(FALSE, TRUE)]
```

```
[1] "Martes" "Jueves" "Sábado"
```

n. Concatenar los elementos del vector en una cadena de texto.

Solución

La función `paste(vector, collapse = " ")` permite concatenar los elementos de un vector en una cadena de texto separados por un espacio.

```
paste(dias, collapse = " ")
```

```
[1] "Lunes Martes Miércoles Jueves Viernes Sábado Domingo"
```

ñ. Concatenar los elementos del vector en una cadena de texto separados por comas.

Solución

```
semana <- paste(dias, collapse = ", ")
semana
```

```
[1] "Lunes, Martes, Miércoles, Jueves, Viernes, Sábado, Domingo"
```

o. Dividir la cadena anterior en subcadenas usando como separador la coma.

Solución

La función `strsplit(cadena, separador)` permite dividir una cadena de texto en subcadenas usando como separador el valor de `separador`.

```
strsplit(semana, ", ")
```

```
[[1]]
[1] "Lunes"     "Martes"    "Miércoles" "Jueves"    "Viernes"
[6] "Sábado"    "Domingo"
```

Ejercicio 2.2. Se ha tomado una muestra de alumnos de una clase y se ha recogido la información sobre el sexo de los alumnos obteniendo los siguientes datos:

Mujer, Hombre, Mujer, Hombre, Mujer, Mujer, Hombre, Hombre

a. Crear un vector con los datos de la muestra.

Solución

```
sexo <- c("Mujer", "Hombre", "Mujer", "Hombre", "Mujer", "Mujer",
 ↪  "Hombre", "Hombre")
sexo
```

```
[1] "Mujer"  "Hombre" "Mujer"  "Hombre" "Mujer"  "Mujer"  "Hombre"
[8] "Hombre"
```

b. Convertir el vector anterior en un factor.

Solución

La función `factor(vector, labels)` permite convertir `vector` en un factor con los niveles o categorías especificados en `labels`. Si no se indica `labels`, los niveles se

toman de los elementos del vector y se ordenan alfabéticamente.

```
sexo <- factor(sexo)
sexo
```

```
[1] Mujer  Hombre Mujer  Hombre Mujer  Mujer  Hombre Hombre
Levels: Hombre Mujer
```

c. Mostrar los niveles del factor.

Solución

La función `levels(factor)` permite mostrar los niveles del factor `factor`.

```
levels(sexo)
```

```
[1] "Hombre" "Mujer"
```

d. Reordenar los niveles del factor para que la categoría "Mujer" sea la primera.

Solución

```
sexo <- factor(sexo, levels = c("Mujer", "Hombre"))
sexo
```

```
[1] Mujer  Hombre Mujer  Hombre Mujer  Mujer  Hombre Hombre
Levels: Mujer Hombre
```

Ejercicio 2.3. Realizar las siguientes operaciones con matrices.

a. Crear una matriz de 2 filas y 2 columnas con los números del 1 al 4.

Solución

La función `matrix(vector, nrow, ncol)` permite crear una matriz con los datos de `vector` el número de filas indicado en `nrow` y el número de columnas indicado en `ncol`.

```
A <- matrix(1:4, nrow = 2, ncol = 2)
A
```

```
     [,1] [,2]
[1,]    1    3
[2,]    2    4
```

b. Añadir a la matriz anterior una nueva columna con los números del 5 y 6.

Solución

La función `cbind(matriz, vector)` permite añadir una nueva columna a la matriz `matriz` con los datos de `vector`.

```
A <- cbind(A, 5:6)
A
```

```
     [,1] [,2] [,3]
[1,]    1    3    5
[2,]    2    4    6
```

c. Crear una matriz de 2 filas y 2 columnas con los números del 1 al 4, rellenando los elementos por filas.

> Solución
>
> La función `matrix` rellena los elementos de la matriz por columnas. Para rellenar los elementos por filas, se puede utilizar el parámetro opcional `byrow = TRUE`.

```
B <- matrix(1:4, nrow = 2, ncol = 2, byrow = TRUE)
B
```

```
     [,1] [,2]
[1,]    1    2
[2,]    3    4
```

d. Crear otra matriz a partir de la anterior añadiendo una fila con los números 5 y 6.

> Solución

```
B <- rbind(B, 5:6)
B
```

```
     [,1] [,2]
[1,]    1    2
[2,]    3    4
[3,]    5    6
```

e. Acceder al elemento de la segunda fila y la primera columna de la matriz anterior.

> Solución

```
B[2, 1]
```

```
[1] 3
```

f. Seleccionar la primera fila de la matriz.

> Solución

```
B[1, ]
```

```
[1] 1 2
```

g. Seleccionar la segunda columna de la matriz.

Solución

```
B[, 2]
```

```
[1] 2 4 6
```

h. Multiplicar la matriz A por la matriz B.

Solución

La multiplicación de matrices se realiza con el operador `%*%`.

```
A %*% B
```

```
     [,1] [,2]
[1,]   35   44
[2,]   44   56
```

i. Calcular la transpuesta de la matriz A.

Solución

La función `t(matriz)` permite calcular la transpuesta de `matriz`.

```
t(A)
```

```
     [,1] [,2]
[1,]    1    2
[2,]    3    4
[3,]    5    6
```

Ejercicio 2.4. Realizar las siguientes operaciones con listas.

a. Crear una lista con los siguientes con los datos del siguiente alumno:

- Nombre: Juan.
- Edad: 20 años.

Solución

Para crear una lista se utiliza la función `list(nombre1 = valor1, nombre2 = valor2, ...)`.

```
alumno <- list(Nombre = "Juan", Edad = 20)
alumno
```

```
$Nombre
[1] "Juan"

$Edad
[1] 20
```

b. Obtener la edad del alumno.

Solución

Para acceder a los elementos de una lista se utiliza el operador `$`.

```
alumno$Edad
```

```
[1] 20
```

c. Crear una lista con las siguientes notas del alumno:

- Matemáticas: 7.
- Química: 8.

Solución

```
notas <- list(Matemáticas = 7, Química = 8)
notas
```

```
$Matemáticas
[1] 7

$Química
[1] 8
```

d. Añadir la lista de notas a la lista del alumno.

Solución

```
alumno$Notas <- notas
alumno
```

```
$Nombre
[1] "Juan"

$Edad
[1] 20

$Notas
$Notas$Matemáticas
[1] 7

$Notas$Química
[1] 8
```

e. Añadir a la lista anterior la nota del examen de Física, que ha sido un 6.

Solución

```
alumno$Notas$Física <- 6
alumno
```

```
$Nombre
[1] "Juan"
```

```
$Edad
[1] 20

$Notas
$Notas$Matemáticas
[1] 7

$Notas$Química
[1] 8

$Notas$Física
[1] 6
```

Ejercicio 2.5. La siguiente tabla contiene los ingresos y gastos de una empresa durante el primer trimestre del año.

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100

a. Crear un data frame con los datos de la tabla.

Solución

Para crear un data frame se utiliza la función `data.frame(columna1 = vector1, columna2 = vector2, ...)`, donde `columna1`, `columna2`, … son los nombres de las columnas y `vector1`, `vector2`, … son los vectores con los datos de cada columna, que deben tener la misma longitud.

```
df <- data.frame(
    Mes = c("Enero", "Febrero", "Marzo"),
    Ingresos = c(45000, 41500, 51200),
    Gastos = c(33400, 35400, 35600)
    )
df
```

Mes	Ingresos	Gastos
Enero	45000	33400
Febrero	41500	35400
Marzo	51200	35600

b. Añadir una nueva columna con los siguientes impuestos pagados.

Mes	Impuestos
Enero	6450
Febrero	6300
Marzo	7100

Solución

2.9. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df$Impuestos <- c(6450, 6300, 7100)
df
```

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100

2.10. tidyverse

Con las funciones del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> mutate(Impuestos = c(6450, 6300, 7100))
df
```

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100

c. Añadir una nueva fila con los siguientes datos de Abril.

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Abril	49700	36300	6850

Solución

2.11. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df <- rbind(df, list(Mes = "Abril", Ingresos = 49700, Gastos = 36300,
 ↪  Impuestos = 6850))
df
```

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100
Abril	49700	36300	6850

2.12. tidyverse

Con las funciones del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> add_row(Mes = "Abril", Ingresos = 49700, Gastos = 36300,
 ↪  Impuestos = 6850)
df
```

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100
Abril	49700	36300	6850

d. Cambiar los ingresos de Marzo por 50400.

Solución

```
df[3, "Ingresos"] <- 50400
df
```

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	50400	35600	7100
Abril	49700	36300	6850

e. Guardar el data frame en un fichero csv.

Solución

La función `write.csv(dataframe, "fichero.csv")` permite guardar el data frame `dataframe` en el fichero `fichero.csv`.

```
write.csv(df, "datos/ingresos_gastos.csv", row.names = FALSE)
```

Ejercicio 2.6. El fichero `colesterol.csv` contiene información de una muestra de pacientes donde se han medido la edad, el sexo, el peso, la altura y el nivel de colesterol, además de su nombre.

a. Crear un data frame con los datos de todos los pacientes del estudio a partir del fichero `colesterol.csv` y mostrar las primeras filas.

Solución

2.13. Base

Con las funciones del paquete `base` de R. La función `read.csv("fichero.csv")` permite leer un fichero csv y cargar los datos en un data frame. Y la función

`head(dataframe)` permite mostrar las primeras filas del data frame `dataframe`.

```
df <- read.csv(
  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/colesterol.csv"
  )
head(df)
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
José Luis Martínez Izquierdo	18	H	85	1.79	182
Rosa Díaz Díaz	32	M	65	1.73	232
Javier García Sánchez	24	H	NA	1.81	191
Carmen López Pinzón	35	M	65	1.70	200
Marisa López Collado	46	M	51	1.58	148
Antonio Ruiz Cruz	68	H	66	1.74	249

2.14. tidyverse

Con la función `read_csv` del paquete del paquete `readr` de `tidyverse`.

```
df <- read_csv(
  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/colesterol.csv"
  )
head(df)
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
José Luis Martínez Izquierdo	18	H	85	1.79	182
Rosa Díaz Díaz	32	M	65	1.73	232
Javier García Sánchez	24	H	NA	1.81	191
Carmen López Pinzón	35	M	65	1.70	200
Marisa López Collado	46	M	51	1.58	148
Antonio Ruiz Cruz	68	H	66	1.74	249

b. Mostrar las variables del data frame.

Solución

2.15. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
colnames(df)
```

```
[1] "nombre"     "edad"       "sexo"       "peso"       "altura"
[6] "colesterol"
```

2.16. tidyverse

Con la función `glimpse` del paquete `dplyr` de `tidyverse`. Esta función muestra las columnas del data frame en filas, de manera que permite ver todas las columnas de un data frame cuando este tiene muchas columnas.

```
glimpse(df)
```

```
Rows: 14
Columns: 6
$ nombre     <chr> "José Luis Martínez Izquierdo", "Rosa Díaz Díaz",~
$ edad       <dbl> 18, 32, 24, 35, 46, 68, 51, 22, 35, 46, 53, 58, 2~
$ sexo       <chr> "H", "M", "H", "M", "M", "H", "H", "M", "H", "H",~
$ peso       <dbl> 85, 65, NA, 65, 51, 66, 62, 60, 90, 75, 55, 78, 1~
$ altura     <dbl> 1.79, 1.73, 1.81, 1.70, 1.58, 1.74, 1.72, 1.66, 1~
$ colesterol <dbl> 182, 232, 191, 200, 148, 249, 276, NA, 241, 280, ~
```

c. Mostrar el número de filas del data frame, que corresponde al número de pacientes.

Solución

La función `nrow(dataframe)` permite mostrar el número de filas del data frame `dataframe`.

```
nrow(df)
```

```
[1] 14
```

d. Mostrar 5 filas aleatorias del data frame.

Solución

2.17. Base

La función `sample(vector, n)` permite seleccionar `n` elementos aleatorios de `vector`. El muestreo es sin reemplazamiento.

```
df[sample(nrow(df), 5), ]
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
Miguel Angel Cuadrado Gutiérrez	27	H	109	1.98	210
José María de la Guía Sanz	58	H	78	1.87	198
Antonio Fernández Ocaña	51	H	62	1.72	276
Macarena Álvarez Luna	53	M	55	1.62	262
Carmen López Pinzón	35	M	65	1.70	200

2.18. tidyverse

La función `sample_n(dataframe, n)` del paquete `dplyr` de `tidyverse` permite seleccionar `n` filas aleatorias del data frame `dataframe`.

```
df |> sample_n(5)
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
Marisa López Collado	46	M	51	1.58	148
Antonio Fernández Ocaña	51	H	62	1.72	276
Antonio Ruiz Cruz	68	H	66	1.74	249
Carmen López Pinzón	35	M	65	1.70	200
Javier García Sánchez	24	H	NA	1.81	191

e. Obtener los datos de colesterol de los pacientes.

Solución

2.19. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df$colesterol
```

```
 [1] 182 232 191 200 148 249 276  NA 241 280 262 198 210 194
```

2.20. tidyverse

Con la función `select` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> select(colesterol)
```

colesterol
182
232
191
200
148
249
276
NA
241
280
262
198
210
194

f. Obtener los datos del quinto paciente.

Solución

2.21. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[5, ]
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
Marisa López Collado	46	M	51	1.58	148

2.22. tidyverse

Con la función `slice` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> slice(5)
```

nombre	edad	sexo	peso	altura	colesterol
Marisa López Collado	46	M	51	1.58	148

2.23. Ejercicios Propuestos

Ejercicio 2.7. La siguiente tabla contiene las notas de un grupo de alumnos en dos asignaturas.

Alumno	Grupo	Física	Química
Juan	A	7.0	6.7
María	B	3.5	5.0
Pedro	B	6.0	7.1
Ana	A	5.2	4.5
Luis	A	4.5	NA
Sara	B	9.0	9.2

a. Crear un vector con los nombres de los alumnos.

b. Crear un factor el grupo.

c. Crear un vector con las notas de Física y otro con las notas de Química.

d. Crear un vector con la nota media de las dos asignaturas.

e. Crear un vector booleano con los alumnos que han aprobado el curso. Para aprobar el curso, la nota media de las dos asignaturas debe ser mayor o igual a 5.

f. Crear un vector con los nombres de los alumnos que han aprobado el curso.

g. Crear un data frame con los nombres de los alumnos, sus notas y su media reutilizando los vectores anteriores.

h. Guardar el data frame en un fichero csv.

3 Preprocesamiento de datos

Esta práctica contiene ejercicios que muestran como preprocesar un conjunto de datos en R. El preprocesamiento de datos es una tarea fundamental en el análisis de datos que consiste en la limpieza, transformación y preparación de los datos para su análisis. El preprocesamiento de datos incluye tareas como

- Limpieza de datos.
- Imputación de valores perdidos.
- Recodificación de variables.
- Creación de nuevas variables.
- Transformación de variables.
- Selección de variables.
- Fusión de datos.
- Reestructuración del conjunto de datos.

3.1. Ejercicios Resueltos

Para la realización de esta práctica se requieren los siguientes paquetes.

```
library(tidyverse)
# Incluye los siguientes paquetes:
# - readr: para la lectura de ficheros csv.
# - dplyr: para el preprocesamiento y manipulación de datos.
# - lubridate: para el procesamiento de fechas.
library(knitr) # Para el formateo de tablas.
```

Ejercicio 3.1. La siguiente tabla contiene los ingresos y gastos de una empresa durante el primer trimestre del año.

Mes	Ingresos	Gastos	Impuestos
Enero	45000	33400	6450
Febrero	41500	35400	6300
Marzo	51200	35600	7100
Abril	49700	36300	6850

a. Crear un data frame con los datos de la tabla.

Solución

```
df <- data.frame(
    Mes = c("Enero", "Febrero", "Marzo", "Abril"),
    Ingresos = c(45000, 41500, 51200, 49700),
    Gastos = c(33400, 35400, 35600, 36300),
    Impuestos = c(6450, 6300, 7100, 6850)
    )
df
```

```
      Mes Ingresos Gastos Impuestos
1   Enero    45000  33400      6450
2 Febrero    41500  35400      6300
3   Marzo    51200  35600      7100
4   Abril    49700  36300      6850
```

b. Crear una nueva columna con los beneficios de cada mes (ingresos - gastos - impuestos).

Solución

3.2. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df$Beneficios <- df$Ingresos - df$Gastos - df$Impuestos
df
```

```
      Mes Ingresos Gastos Impuestos Beneficios
1   Enero    45000  33400      6450       5150
2 Febrero    41500  35400      6300       -200
3   Marzo    51200  35600      7100       8500
4   Abril    49700  36300      6850       6550
```

3.3. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`. La función `mutate` permite añadir nuevas columnas a un data frame mediante una fórmula puede hacer referencia a las columnas existentes.

```
library(tidyverse)
df <- df |>
    mutate(Beneficios = Ingresos - Gastos - Impuestos)
df
```

```
      Mes Ingresos Gastos Impuestos Beneficios
1   Enero    45000  33400      6450       5150
2 Febrero    41500  35400      6300       -200
3   Marzo    51200  35600      7100       8500
4   Abril    49700  36300      6850       6550
```

c. Crear una nueva columna con el factor `Balance` con dos posibles categorías: `positivo` si ha habido beneficios y `negativo` si ha habido pérdidas.

Solución

3.4. Base

Con la función `cut` del paquete `base` de R. La función `cut(vector, breaks, labels)` divide el vector `vector` en intervalos delimitados por los elementos del vector `breaks` y crea un factor asignando a cada intervalo una etiqueta del vector `labels`.

```
df$Balance <- cut(df$Beneficios, breaks = c(-Inf, 0, Inf), labels =
 ↪  c("negativo", "positivo"))
df
```

```
      Mes Ingresos Gastos Impuestos Beneficios  Balance
1   Enero    45000  33400      6450       5150 positivo
2 Febrero    41500  35400      6300       -200 negativo
3   Marzo    51200  35600      7100       8500 positivo
4   Abril    49700  36300      6850       6550 positivo
```

3.5. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |>
    mutate(Balance = cut(Beneficios, breaks = c(-Inf, 0, Inf), labels
     ↪  = c("negativo", "positivo")))
df
```

```
      Mes Ingresos Gastos Impuestos Beneficios  Balance
1   Enero    45000  33400      6450       5150 positivo
2 Febrero    41500  35400      6300       -200 negativo
3   Marzo    51200  35600      7100       8500 positivo
4   Abril    49700  36300      6850       6550 positivo
```

d. Filtrar el conjunto de datos para quedarse con los nombres de los meses y los beneficios de los meses con balance positivo.

Solución

3.6. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[df$Balance == "positivo", c("Mes", "Beneficios")]
```

```
    Mes Beneficios
1 Enero       5150
3 Marzo       8500
4 Abril       6550
```

3.7. tidyverse

Con las funciones `filter` y `select` del paquete `dplyr` de `tidyverse`. La función `filter` permite seleccionar las filas de un data frame que cumplen una condición. La función `select` permite seleccionar las columnas de un data frame.

```
df |>
    filter(Balance == "positivo") |>
    select(Mes, Beneficios)
```

```
    Mes Beneficios
1 Enero       5150
2 Marzo       8500
3 Abril       6550
```

Ejercicio 3.2. El fichero `colesterol.csv` contiene información de una muestra de pacientes donde se han medido la edad, el sexo, el peso, la altura y el nivel de colesterol, además de su nombre.

a. Crear un data frame con los datos de todos los pacientes del estudio a partir del fichero `colesterol.csv`.

Solución

3.8. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df <- read.csv(
 ↪  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/colesterol.csv"
 ↪  )
head(df)
```

```
                      nombre edad sexo peso altura colesterol
1 José Luis Martínez Izquierdo   18    H   85   1.79        182
2               Rosa Díaz Díaz   32    M   65   1.73        232
3        Javier García Sánchez   24    H   NA   1.81        191
4          Carmen López Pinzón   35    M   65   1.70        200
5         Marisa López Collado   46    M   51   1.58        148
6            Antonio Ruiz Cruz   68    H   66   1.74        249
```

3.9. tidyverse

Con la función `read_csv` del paquete del paquete `readr` de `tidyverse`.

```
df <- read_csv(
 ↪  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/colesterol.csv"
 ↪  )
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 6
  nombre                        edad sexo   peso altura colesterol
  <chr>                        <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl>
```

```
1 José Luis Martínez Izquierdo    18 H        85   1.79        182
2 Rosa Díaz Díaz                  32 M        65   1.73        232
3 Javier García Sánchez           24 H        NA   1.81        191
4 Carmen López Pinzón             35 M        65   1.7         200
5 Marisa López Collado            46 M        51   1.58        148
6 Antonio Ruiz Cruz               68 H        66   1.74        249
```

b. Crear una nueva columna con el índice de masa corporal, usando la siguiente fórmula

$$\text{IMC} = \frac{\text{Peso (kg)}}{\text{Altura (cm)}^2}$$

Solución

3.10. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df$imc <- round(df$peso/df$altura^2)
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 7
  nombre                       edad sexo   peso altura colesterol   imc
  <chr>                       <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl>
1 José Luis Martínez Izquierdo    18 H        85   1.79        182    27
2 Rosa Díaz Díaz                  32 M        65   1.73        232    22
3 Javier García Sánchez           24 H        NA   1.81        191    NA
4 Carmen López Pinzón             35 M        65   1.7         200    22
5 Marisa López Collado            46 M        51   1.58        148    20
6 Antonio Ruiz Cruz               68 H        66   1.74        249    22
```

3.11. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> mutate(imc = round(peso/altura^2))
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 7
  nombre                       edad sexo   peso altura colesterol   imc
  <chr>                       <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl>
1 José Luis Martínez Izquierdo    18 H        85   1.79        182    27
2 Rosa Díaz Díaz                  32 M        65   1.73        232    22
3 Javier García Sánchez           24 H        NA   1.81        191    NA
4 Carmen López Pinzón             35 M        65   1.7         200    22
5 Marisa López Collado            46 M        51   1.58        148    20
6 Antonio Ruiz Cruz               68 H        66   1.74        249    22
```

c. Crear una nueva columna con la variable `obesidad` recodificando la columna `imc` en las siguientes categorías.

Rango IMC	Categoría
Menor de 18.5	Bajo peso
De 18.5 a 24.5	Saludable
De 24.5 a 30	Sobrepeso
Mayor de 30	Obeso

Solución

3.12. Base

Con la función `cut` del paquete `base` de R.

```
df$Obesidad <- cut(df$imc, breaks = c(0, 18.5, 24.5, 30, Inf), labels
 ↪  = c("Bajo peso", "Saludable", "Sobrepeso", "Obeso"))
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 8
  nombre                       edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                       <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
1 José Luis Martínez Izquier~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
2 Rosa Díaz Díaz                 32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
3 Javier García Sánchez          24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
4 Carmen López Pinzón            35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
5 Marisa López Collado           46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
6 Antonio Ruiz Cruz              68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
```

3.13. tidyverse

Con las funciones del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |>
    mutate(Obesidad = cut(imc, breaks = c(0, 18.5, 24.5, 30, Inf),
     ↪  labels = c("Bajo peso", "Saludable", "Sobrepeso", "Obeso")))
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 8
  nombre                       edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                       <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
1 José Luis Martínez Izquier~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
2 Rosa Díaz Díaz                 32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
3 Javier García Sánchez          24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
4 Carmen López Pinzón            35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
5 Marisa López Collado           46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
6 Antonio Ruiz Cruz              68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
```

d. Seleccionar las columnas `nombre`, `sexo` y `edad`.

Solución

3.14. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[, c("nombre", "sexo", "edad")]
```

```
# A tibble: 14 x 3
   nombre                          sexo   edad
   <chr>                           <chr> <dbl>
 1 José Luis Martínez Izquierdo    H        18
 2 Rosa Díaz Díaz                  M        32
 3 Javier García Sánchez           H        24
 4 Carmen López Pinzón             M        35
 5 Marisa López Collado            M        46
 6 Antonio Ruiz Cruz               H        68
 7 Antonio Fernández Ocaña         H        51
 8 Pilar Martín González           M        22
 9 Pedro Gálvez Tenorio            H        35
10 Santiago Reillo Manzano         H        46
11 Macarena Álvarez Luna           M        53
12 José María de la Guía Sanz      H        58
13 Miguel Angel Cuadrado Gutiérrez H        27
14 Carolina Rubio Moreno           M        20
```

3.15. tidyverse

Con la función `select` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> select(nombre, sexo, edad)
```

```
# A tibble: 14 x 3
   nombre                          sexo   edad
   <chr>                           <chr> <dbl>
 1 José Luis Martínez Izquierdo    H        18
 2 Rosa Díaz Díaz                  M        32
 3 Javier García Sánchez           H        24
 4 Carmen López Pinzón             M        35
 5 Marisa López Collado            M        46
 6 Antonio Ruiz Cruz               H        68
 7 Antonio Fernández Ocaña         H        51
 8 Pilar Martín González           M        22
 9 Pedro Gálvez Tenorio            H        35
10 Santiago Reillo Manzano         H        46
11 Macarena Álvarez Luna           M        53
12 José María de la Guía Sanz      H        58
13 Miguel Angel Cuadrado Gutiérrez H        27
14 Carolina Rubio Moreno           M        20
```

e. Anonimizar los datos eliminando la columna `nombre`.

Solución

3.16. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[, -1]
```

```
# A tibble: 14 x 7
    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1    18 H        85   1.79        182    27 Sobrepeso
 2    32 M        65   1.73        232    22 Saludable
 3    24 H        NA   1.81        191    NA <NA>
 4    35 M        65   1.7         200    22 Saludable
 5    46 M        51   1.58        148    20 Saludable
 6    68 H        66   1.74        249    22 Saludable
 7    51 H        62   1.72        276    21 Saludable
 8    22 M        60   1.66         NA    22 Saludable
 9    35 H        90   1.94        241    24 Saludable
10    46 H        75   1.85        280    22 Saludable
11    53 M        55   1.62        262    21 Saludable
12    58 H        78   1.87        198    22 Saludable
13    27 H       109   1.98        210    28 Sobrepeso
14    20 M        61   1.77        194    19 Saludable
```

3.17. tidyverse

Con la función `select` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> select(-nombre)
```

```
# A tibble: 14 x 7
    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1    18 H        85   1.79        182    27 Sobrepeso
 2    32 M        65   1.73        232    22 Saludable
 3    24 H        NA   1.81        191    NA <NA>
 4    35 M        65   1.7         200    22 Saludable
 5    46 M        51   1.58        148    20 Saludable
 6    68 H        66   1.74        249    22 Saludable
 7    51 H        62   1.72        276    21 Saludable
 8    22 M        60   1.66         NA    22 Saludable
 9    35 H        90   1.94        241    24 Saludable
10    46 H        75   1.85        280    22 Saludable
11    53 M        55   1.62        262    21 Saludable
12    58 H        78   1.87        198    22 Saludable
13    27 H       109   1.98        210    28 Sobrepeso
14    20 M        61   1.77        194    19 Saludable
```

f. Reordenar las columnas poniendo la columna `sexo` antes que la columna `edad`.

Solución

3.18. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[, c(1, 3, 2, 4, 5, 6)]
```

```
# A tibble: 14 x 6
   nombre                          sexo   edad  peso altura colesterol
   <chr>                           <chr> <dbl> <dbl>  <dbl>      <dbl>
 1 José Luis Martínez Izquierdo    H        18    85   1.79        182
 2 Rosa Díaz Díaz                  M        32    65   1.73        232
 3 Javier García Sánchez           H        24    NA   1.81        191
 4 Carmen López Pinzón             M        35    65   1.7         200
 5 Marisa López Collado            M        46    51   1.58        148
 6 Antonio Ruiz Cruz               H        68    66   1.74        249
 7 Antonio Fernández Ocaña         H        51    62   1.72        276
 8 Pilar Martín González           M        22    60   1.66         NA
 9 Pedro Gálvez Tenorio            H        35    90   1.94        241
10 Santiago Reillo Manzano         H        46    75   1.85        280
11 Macarena Álvarez Luna           M        53    55   1.62        262
12 José María de la Guía Sanz      H        58    78   1.87        198
13 Miguel Angel Cuadrado Gutiérrez H        27   109   1.98        210
14 Carolina Rubio Moreno           M        20    61   1.77        194
```

3.19. tidyverse

Con la función `select` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> select(nombre, sexo, edad, everything())
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                    sexo   edad  peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                     <chr> <dbl> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~ H        18    85   1.79        182    27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz             M        32    65   1.73        232    22 Saludab~
 3 Javier García Sánchez      H        24    NA   1.81        191    NA <NA>
 4 Carmen López Pinzón        M        35    65   1.7         200    22 Saludab~
 5 Marisa López Collado       M        46    51   1.58        148    20 Saludab~
 6 Antonio Ruiz Cruz          H        68    66   1.74        249    22 Saludab~
 7 Antonio Fernández Ocaña    H        51    62   1.72        276    21 Saludab~
 8 Pilar Martín González      M        22    60   1.66         NA    22 Saludab~
 9 Pedro Gálvez Tenorio       H        35    90   1.94        241    24 Saludab~
10 Santiago Reillo Manzano    H        46    75   1.85        280    22 Saludab~
11 Macarena Álvarez Luna      M        53    55   1.62        262    21 Saludab~
12 José María de la Guía Sanz H        58    78   1.87        198    22 Saludab~
13 Miguel Angel Cuadrado Gut~ H        27   109   1.98        210    28 Sobrepe~
14 Carolina Rubio Moreno      M        20    61   1.77        194    19 Saludab~
```

g. Filtrar el data frame para quedarse con las mujeres.

Solución

3.20. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[df$sexo == "M", ]
```

```
# A tibble: 6 x 8
  nombre                edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
1 Rosa Díaz Díaz          32 M        65   1.73        232    22 Saludable
2 Carmen López Pinzón     35 M        65   1.7         200    22 Saludable
3 Marisa López Collado    46 M        51   1.58        148    20 Saludable
4 Pilar Martín González   22 M        60   1.66         NA    22 Saludable
5 Macarena Álvarez Luna   53 M        55   1.62        262    21 Saludable
6 Carolina Rubio Moreno   20 M        61   1.77        194    19 Saludable
```

3.21. tidyverse

Con la función filter del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> filter(sexo == "M")
```

```
# A tibble: 6 x 8
  nombre                edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
1 Rosa Díaz Díaz          32 M        65   1.73        232    22 Saludable
2 Carmen López Pinzón     35 M        65   1.7         200    22 Saludable
3 Marisa López Collado    46 M        51   1.58        148    20 Saludable
4 Pilar Martín González   22 M        60   1.66         NA    22 Saludable
5 Macarena Álvarez Luna   53 M        55   1.62        262    21 Saludable
6 Carolina Rubio Moreno   20 M        61   1.77        194    19 Saludable
```

h. Filtrar el data frame para quedarse con los hombres mayores de 30 años.

Solución

3.22. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df[df$sexo == "H" & df$edad > 30, ]
```

```
# A tibble: 5 x 8
  nombre                    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                    <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
1 Antonio Ruiz Cruz           68 H        66   1.74        249    22 Saludable
2 Antonio Fernández Ocaña     51 H        62   1.72        276    21 Saludable
3 Pedro Gálvez Tenorio        35 H        90   1.94        241    24 Saludable
4 Santiago Reillo Manzano     46 H        75   1.85        280    22 Saludable
5 José María de la Guía Sanz  58 H        78   1.87        198    22 Saludable
```

3.23. tidyverse

Con la función `filter` paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> filter( sexo == "H" & edad > 30)
```

```
# A tibble: 5 x 8
  nombre                   edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
  <chr>                   <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
1 Antonio Ruiz Cruz          68 H        66   1.74         249    22 Saludable
2 Antonio Fernández Ocaña    51 H        62   1.72         276    21 Saludable
3 Pedro Gálvez Tenorio       35 H        90   1.94         241    24 Saludable
4 Santiago Reillo Manzano    46 H        75   1.85         280    22 Saludable
5 José María de la Guía Sanz 58 H        78   1.87         198    22 Saludable
```

i. Filtrar el data frame para quedarse con las filas sin valores perdidos.

Solución

3.24. Base

Con la función `na.omit` del paquete `base` de R. La función `na.omit` elimina las filas con valores perdidos.

```
na.omit(df)
```

```
# A tibble: 12 x 8
   nombre                   edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                   <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
 3 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
 4 Marisa López Collado          46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
 5 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 6 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 7 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 8 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
 9 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
10 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
11 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
12 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

3.25. tidyverse

Con la función `drop_na` del paquete `tidyr` de `tidyverse`.

```
df |> drop_na()
```

```
# A tibble: 12 x 8
   nombre                   edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                   <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
```

```
 3 Carmen López Pinzón            35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
 4 Marisa López Collado           46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
 5 Antonio Ruiz Cruz              68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 6 Antonio Fernández Ocaña        51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 7 Pedro Gálvez Tenorio           35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 8 Santiago Reillo Manzano        46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
 9 Macarena Álvarez Luna          53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
10 José María de la Guía Sanz     58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
11 Miguel Angel Cuadrado Gut~     27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
12 Carolina Rubio Moreno          20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

j. Filtrar el data frame para eliminar las filas con datos perdidos en la columna `colesterol`.

Solución

3.26. Base

Con las funciones del paquete `base` de R. La función `is.na` devuelve `TRUE` cuando se aplica a un valor perdido `NA`. Cuando se aplica a un vector devuelve un vector lógico con `TRUE` en las posiciones con valores perdidos y `FALSE` en las posiciones con valores no perdidos.

```
df[!is.na(df$colesterol), ]
```

```
# A tibble: 13 x 8
   nombre                     edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                     <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
 3 Javier García Sánchez         24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
 4 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
 5 Marisa López Collado          46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
 6 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 7 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 8 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 9 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
10 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
11 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
12 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
13 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

3.27. tidyverse

Con la función filter del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df |> filter(!is.na(colesterol))
```

```
# A tibble: 13 x 8
   nombre                     edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                     <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
```

```
 3 Javier García Sánchez          24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
 4 Carmen López Pinzón            35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
 5 Marisa López Collado           46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
 6 Antonio Ruiz Cruz              68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 7 Antonio Fernández Ocaña        51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 8 Pedro Gálvez Tenorio           35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 9 Santiago Reillo Manzano        46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
10 Macarena Álvarez Luna          53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
11 José María de la Guía Sanz     58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
12 Miguel Angel Cuadrado Gut~     27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
13 Carolina Rubio Moreno          20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

k. Imputar los valores perdidos en la columna `colesterol` con la media de los valores no perdidos.

Solución

3.28. Base

Con la función `mean` del paquete `base` de R. La función `mean` calcula la media de un vector. Para que no se tengan en cuenta los valores perdidos se puede usar el argumento `na.rm = TRUE`.

```
media_colesterol <- mean(df$colesterol, na.rm = TRUE)
df$colesterol[is.na(df$colesterol)] <- media_colesterol
df
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                      edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                      <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79        182     27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73        232     22 Saludab~
 3 Javier García Sánchez         24 H        NA   1.81        191     NA <NA>
 4 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7         200     22 Saludab~
 5 Marisa López Collado          46 M        51   1.58        148     20 Saludab~
 6 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74        249     22 Saludab~
 7 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72        276     21 Saludab~
 8 Pilar Martín González         22 M        60   1.66        220.    22 Saludab~
 9 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94        241     24 Saludab~
10 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85        280     22 Saludab~
11 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62        262     21 Saludab~
12 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87        198     22 Saludab~
13 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98        210     28 Sobrepe~
14 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77        194     19 Saludab~
```

3.29. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`. La función `ifelse` permite asignar un valor a un vector en función de una condición.

```r
df <- df |>
    mutate(colesterol = ifelse(is.na(colesterol), mean(colesterol,
     ↪  na.rm = TRUE), colesterol))
df
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                    <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79        182     27 Sobrepe~
 2 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73        232     22 Saludab~
 3 Javier García Sánchez         24 H        NA   1.81        191     NA <NA>
 4 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7         200     22 Saludab~
 5 Marisa López Collado          46 M        51   1.58        148     20 Saludab~
 6 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74        249     22 Saludab~
 7 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72        276     21 Saludab~
 8 Pilar Martín González         22 M        60   1.66        220.    22 Saludab~
 9 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94        241     24 Saludab~
10 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85        280     22 Saludab~
11 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62        262     21 Saludab~
12 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87        198     22 Saludab~
13 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98        210     28 Sobrepe~
14 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77        194     19 Saludab~
```

l. Ordenar el data frame según la columna `nombre`.

Solución

3.30. Base

Con la función `order` del paquete `base` de R. La función `order` devuelve un vector con los índices de las filas ordenadas de menor a mayor.

```r
df[order(df$nombre), ]
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                    <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>      <dbl> <dbl> <fct>
 1 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72        276     21 Saludab~
 2 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74        249     22 Saludab~
 3 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7         200     22 Saludab~
 4 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77        194     19 Saludab~
 5 Javier García Sánchez         24 H        NA   1.81        191     NA <NA>
 6 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79        182     27 Sobrepe~
 7 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87        198     22 Saludab~
 8 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62        262     21 Saludab~
 9 Marisa López Collado          46 M        51   1.58        148     20 Saludab~
10 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98        210     28 Sobrepe~
11 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94        241     24 Saludab~
12 Pilar Martín González         22 M        60   1.66        220.    22 Saludab~
13 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73        232     22 Saludab~
14 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85        280     22 Saludab~
```

3.31. tidyverse

Con la función arrange del paquete dplyr de tidyverse.

```
df |> arrange(nombre)
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                    <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
 1 Antonio Fernández Ocaña     51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 2 Antonio Ruiz Cruz           68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 3 Carmen López Pinzón         35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
 4 Carolina Rubio Moreno       20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
 5 Javier García Sánchez       24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
 6 José Luis Martínez Izquie~  18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 7 José María de la Guía Sanz  58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
 8 Macarena Álvarez Luna       53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
 9 Marisa López Collado        46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
10 Miguel Angel Cuadrado Gut~  27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
11 Pedro Gálvez Tenorio        35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
12 Pilar Martín González       22 M        60   1.66         220.   22 Saludab~
13 Rosa Díaz Díaz              32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
14 Santiago Reillo Manzano     46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
```

m. Ordenar el data frame ascendentemente por la columna sexo y descendentemente por la columna edad.

Solución

3.32. Base

Con las funciones del paquete base de R.

```
df[order(df$sexo, -df$edad), ]
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                    edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                    <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
 1 Antonio Ruiz Cruz           68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 2 José María de la Guía Sanz  58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
 3 Antonio Fernández Ocaña     51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 4 Santiago Reillo Manzano     46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
 5 Pedro Gálvez Tenorio        35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 6 Miguel Angel Cuadrado Gut~  27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
 7 Javier García Sánchez       24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
 8 José Luis Martínez Izquie~  18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 9 Macarena Álvarez Luna       53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
10 Marisa López Collado        46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
11 Carmen López Pinzón         35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
12 Rosa Díaz Díaz              32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
13 Pilar Martín González       22 M        60   1.66         220.   22 Saludab~
14 Carolina Rubio Moreno       20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

3.33. tidyverse

Con la función `arrange` del paquete `dplyr` de `tidyverse`. Para que la ordenación sea descendente con respecto a una variable se tiene que usar la función `desc` sobre la variable.

```
df |>
    arrange(sexo, desc(edad))
```

```
# A tibble: 14 x 8
   nombre                      edad sexo   peso altura colesterol   imc Obesidad
   <chr>                      <dbl> <chr> <dbl>  <dbl>       <dbl> <dbl> <fct>
 1 Antonio Ruiz Cruz             68 H        66   1.74         249    22 Saludab~
 2 José María de la Guía Sanz    58 H        78   1.87         198    22 Saludab~
 3 Antonio Fernández Ocaña       51 H        62   1.72         276    21 Saludab~
 4 Santiago Reillo Manzano       46 H        75   1.85         280    22 Saludab~
 5 Pedro Gálvez Tenorio          35 H        90   1.94         241    24 Saludab~
 6 Miguel Angel Cuadrado Gut~    27 H       109   1.98         210    28 Sobrepe~
 7 Javier García Sánchez         24 H        NA   1.81         191    NA <NA>
 8 José Luis Martínez Izquie~    18 H        85   1.79         182    27 Sobrepe~
 9 Macarena Álvarez Luna         53 M        55   1.62         262    21 Saludab~
10 Marisa López Collado          46 M        51   1.58         148    20 Saludab~
11 Carmen López Pinzón           35 M        65   1.7          200    22 Saludab~
12 Rosa Díaz Díaz                32 M        65   1.73         232    22 Saludab~
13 Pilar Martín González         22 M        60   1.66         220.   22 Saludab~
14 Carolina Rubio Moreno         20 M        61   1.77         194    19 Saludab~
```

Ejercicio 3.3. El fichero notas-curso2.csv contiene las notas de las asignaturas de un curso en varios grupos de alumnos.

a. Crear un data frame con los datos del curso a partir del fichero notas-curso2.csv.

Solución

```
df <- read_csv(
 ↪  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/notas-curso2.csv"
 ↪  )
df
```

```
# A tibble: 120 x 9
   sexo   turno  grupo trabaja notaA notaB notaC notaD notaE
   <chr>  <chr>  <chr> <chr>   <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
 1 Mujer  Tarde  C     N         5.2   6.3   3.4   2.3   2
 2 Hombre Mañana A     N         5.7   5.7   4.2   3.5   2.7
 3 Hombre Mañana B     N         8.3   8.8   8.8   8     5.5
 4 Hombre Mañana B     N         6.1   6.8   4     3.5   2.2
 5 Hombre Mañana A     N         6.2   9     5     4.4   3.7
 6 Hombre Mañana A     S         8.6   8.9   9.5   8.4   3.9
 7 Mujer  Mañana A     N         6.7   7.9   5.6   4.8   4.2
 8 Mujer  Tarde  C     S         4.1   5.2   1.7   0.3   1
 9 Hombre Tarde  C     N         5     5     3.3   2.7   6
10 Hombre Tarde  C     N         5.3   6.3   4.8   3.6   2.3
```

```
# i 110 more rows
```

b. Convertir el data frame a formato largo.

Solución

Para convertir un data frame de formato ancho a largo se puede usar la función `pivot_longer` del paquete `tidyr` de `tidyverse`.

```
df_largo <- df |> pivot_longer(notaA:notaE, names_to = "Asignatura",
 ↪  values_to = "Nota")
df_largo
```

```
# A tibble: 600 x 6
   sexo   turno  grupo trabaja Asignatura  Nota
   <chr>  <chr>  <chr> <chr>   <chr>      <dbl>
 1 Mujer  Tarde  C     N       notaA        5.2
 2 Mujer  Tarde  C     N       notaB        6.3
 3 Mujer  Tarde  C     N       notaC        3.4
 4 Mujer  Tarde  C     N       notaD        2.3
 5 Mujer  Tarde  C     N       notaE        2
 6 Hombre Mañana A     N       notaA        5.7
 7 Hombre Mañana A     N       notaB        5.7
 8 Hombre Mañana A     N       notaC        4.2
 9 Hombre Mañana A     N       notaD        3.5
10 Hombre Mañana A     N       notaE        2.7
# i 590 more rows
```

c. Crear una nueva columna con la variable `calificación` que contenga las calificaciones de cada asignatura.

Solución

```
df_largo <- df_largo |>
    mutate(Califiación = cut(Nota, breaks = c(0, 4.99, 6.99, 8.99,
     ↪  10), labels = c("SS", "AP", "NT", "SB")))
df_largo
```

```
# A tibble: 600 x 7
   sexo   turno  grupo trabaja Asignatura  Nota Califiación
   <chr>  <chr>  <chr> <chr>   <chr>      <dbl> <fct>
 1 Mujer  Tarde  C     N       notaA        5.2 AP
 2 Mujer  Tarde  C     N       notaB        6.3 AP
 3 Mujer  Tarde  C     N       notaC        3.4 SS
 4 Mujer  Tarde  C     N       notaD        2.3 SS
 5 Mujer  Tarde  C     N       notaE        2   SS
 6 Hombre Mañana A     N       notaA        5.7 AP
 7 Hombre Mañana A     N       notaB        5.7 AP
 8 Hombre Mañana A     N       notaC        4.2 SS
 9 Hombre Mañana A     N       notaD        3.5 SS
10 Hombre Mañana A     N       notaE        2.7 SS
# i 590 more rows
```

d. Filtrar el conjunto de datos para obtener las asignaturas y las notas de las mujeres del grupo A, ordenadas de mayor a menor.

Solución

```
df_largo |>
    filter(sexo == "Mujer", grupo == "A") |>
    select(Asignatura, Nota) |>
    arrange(desc(Nota))
```

```
# A tibble: 75 x 2
   Asignatura  Nota
   <chr>      <dbl>
 1 notaB        9.2
 2 notaE        9.2
 3 notaB        8.8
 4 notaB        8.6
 5 notaB        8.6
 6 notaA        8.3
 7 notaB        8.2
 8 notaB        8.1
 9 notaA        8
10 notaB        8
# i 65 more rows
```

Ejercicio 3.4. Se ha diseñado un ensayo clínico aleatorizado, doble-ciego y controlado con placebo, para estudiar el efecto de dos alternativas terapéuticas en el control de la hipertensión arterial. Se han reclutado 100 pacientes hipertensos y estos han sido distribuidos aleatoriamente en tres grupos de tratamiento. A uno de los grupos (control) se le administró un placebo, a otro grupo se le administró un inhibidor de la enzima conversora de la angiotensina (IECA) y al otro un tratamiento combinado de un diurético y un Antagonista del Calcio. Las variables respuesta final fueron las presiones arteriales sistólica y diastólica.

Los datos con las claves de aleatorización han sido introducidos en una base de datos que reside en la central de aleatorización, mientras que los datos clínicos han sido archivados en dos archivos distintos, uno para cada uno de los dos centros participantes en el estudio.

Las variables almacenadas en estos archivos clínicos son las siguientes:

- CLAVE: Clave de aleatorización
- NOMBRE: Iniciales del paciente
- F_NACIM: Fecha de Nacimiento
- F_INCLUS: Fecha de inclusión
- SEXO: Sexo (0: Hombre 1: Mujer)
- ALTURA: Altura en cm.
- PESO: Peso en Kg.
- PAD_INI: Presión diastólica basal (inicial)
- PAD_FIN: Presión diastólica final
- PAS_INI: Presión sistólica basal (inicial)
- PAS_FIN: Presión sistólica final

El archivo de claves de aleatorización contiene sólo dos variables.

- CLAVE: Clave de aleatorización
- FARMACO: Fármaco administrado (0: Placebo, 1: IECA, 2:Ca Antagonista + diurético)

a. Crear un data frame con los datos de los pacientes del hospital A del fichero de Excel datos-hospital-a.xls.

Solución

```
library(readxl)
dfA <- read_excel("datos/hipertension/datos-hospital-a.xls")
head(dfA)
```

```
# A tibble: 6 x 12
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>              <dbl>  <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00     1    165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00     1    154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00     0    156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00     0    181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00     1    184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00     0    179    80     22
# i 4 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>
```

b. Crear un data frame con los datos de los pacientes del hospital B del fichero csv datos-hospital-b.csv.

Solución

```
dfB <- read_csv(
  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/hipertension/datos-hospit
  )
head(dfB)
```

```
# A tibble: 6 x 12
  CLAVE NOMBRE F_NACIM    F_INCLUS    SEXO ALTURA  PESO ESTRES PAD_INI PAD_FIN
  <dbl> <chr>  <date>     <date>     <dbl>  <dbl> <dbl>  <dbl>   <dbl>   <dbl>
1    11 VSH    1965-12-15 1999-12-06     0    170    59   32         90      82
2    12 SZS    1971-03-07 1999-02-13     1    154    61   20.2       92     102
3    13 JSS    1964-01-03 1998-10-31     1    162    49   30         86      94
4    14 BMH    1941-08-16 1999-09-16     0    162    77   26         93      77
5    15 DGM    1969-01-24 1999-08-19     1    173    95   18         81      77
6    16 POJ    1966-10-22 2000-10-29     1    177    63   19         72      96
# i 2 more variables: PAS_INI <dbl>, PAS_FIN <dbl>
```

c. Fusionar los datos de los dos hospitales en un nuevo data frame.

Solución

3.34. Base

Con la función `rbind` del paquete `base` de R.

```r
df <- rbind(dfA, dfB)
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 12
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>              <dbl>  <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00     1    165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00     1    154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00     0    156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00     0    181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00     1    184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00     0    179    80     22
# i 4 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>
```

3.35. tidyverse

Con la función `bind_rows` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```r
df <- dfA |> bind_rows(dfB)
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 12
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>              <dbl>  <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00     1    165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00     1    154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00     0    156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00     0    181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00     1    184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00     0    179    80     22
# i 4 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>
```

d. Crear un data frame con los datos de las claves de aleatorización del fichero csv claves-aleatorizacion.csv.

Solución

```r
claves <- read_csv(
 ↪  "https://aprendeconalf.es/estadistica-practicas-r/datos/hipertension/claves-aleat
 ↪  )
head(claves)
```

```
# A tibble: 6 x 2
  CLAVE FARMACO
  <dbl> <chr>
1     1 Ca Antagonista + Diurético
2     2 Ca Antagonista + Diurético
3     3 Placebo
4     4 Ca Antagonista + Diurético
```

```
5     5 Ca Antagonista + Diurético
6     6 Placebo
```

e. Fusionar el data frame con los datos clínicos y el data frame con claves de aleatorización en un nuevo data frame.

Solución

Para fusionar las columnas de dos data frames usando una misma columna como clave en ambos data frames se puede la función `left_join` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> left_join(claves, by = "CLAVE")
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 13
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>              <dbl>  <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00     1    165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00     1    154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00     0    156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00     0    181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00     1    184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00     0    179    80     22
# i 5 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>, FARMACO <chr>
```

f. Convertir la columna del sexo en un factor con dos niveles: `Hombre` y `Mujer`.

Solución

3.36. Base

Con la función del paquete `base` de R.

```
df$SEXO <- factor(df$SEXO, levels = c(0, 1), labels = c("Hombre",
 ↪  "Mujer"))
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 13
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO   ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>              <fct>   <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00 Mujer     165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00 Mujer     154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00 Homb~     156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00 Homb~     181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00 Mujer     184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00 Homb~     179    80     22
# i 5 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>, FARMACO <chr>
```

3.37. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> mutate(SEXO = factor(SEXO, levels = c(0, 1), labels =
 ↪  c("Hombre", "Mujer")))
head(df)
```

```
# A tibble: 6 x 13
  CLAVE NOMBRE F_NACIM             F_INCLUS             SEXO  ALTURA  PESO ESTRES
  <dbl> <chr>  <dttm>              <dttm>               <fct>  <dbl> <dbl>  <dbl>
1     1 SGL    1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00 Mujer    165    78     42
2     2 JCZ    1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00 Mujer    154    74     30
3     3 APZ    1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00 Homb~    156    81     21
4     4 NDG    1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00 Homb~    181    82     33
5     5 CLO    1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00 Mujer    184    78     36
6     6 LFZ    1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00 Homb~    179    80     22
# i 5 more variables: PAD_INI <dbl>, PAD_FIN <dbl>, PAS_INI <dbl>,
#   PAS_FIN <dbl>, FARMACO <chr>
```

g. Crear una nueva columna con la edad de los pacientes en el momento de inclusión en el estudio.

Solución

3.38. Base

Con la función del paquete `base` de R.

```
df$EDAD <- as.numeric(difftime(df$F_INCLUS, df$F_NACIM, units =
 ↪  "days")/365)
head(df[, c("F_NACIM", "F_INCLUS", "EDAD")])
```

```
# A tibble: 6 x 3
  F_NACIM             F_INCLUS             EDAD
  <dttm>              <dttm>              <dbl>
1 1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00  56.9
2 1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00  40.9
3 1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00  32.6
4 1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00  42.5
5 1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00  40.3
6 1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00  46.8
```

3.39. tidyverse

Con las funciones `interval` y `time_length` del paquete `lubridate` de `tidyverse`. La función `interval` permite crear un intervalo de tiempo entre dos fechas y la función `time_length` permite calcular la longitud de un intervalo en una determinada unidad de tiempo.

```r
df <- df |> mutate(AGE = time_length(interval(F_NACIM, F_INCLUS),
 ↪  "years"))
head(df |>  select(F_NACIM, F_INCLUS, AGE))
```

```
# A tibble: 6 x 3
  F_NACIM             F_INCLUS              AGE
  <dttm>              <dttm>              <dbl>
1 1941-09-08 00:00:00 1998-07-13 00:00:00  56.8
2 1957-07-10 00:00:00 1998-05-09 00:00:00  40.8
3 1967-08-18 00:00:00 2000-04-01 00:00:00  32.6
4 1956-05-08 00:00:00 1998-11-13 00:00:00  42.5
5 1958-11-02 00:00:00 1999-02-24 00:00:00  40.3
6 1953-06-13 00:00:00 2000-03-16 00:00:00  46.8
```

h. Crear una nueva columna con el índice de masa corporal (IMC) de los pacientes.

Solución

3.40. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```r
df$IMC <- df$PESO/(df$ALTURA/100)^2
head(df[, c("PESO", "ALTURA", "IMC")])
```

```
# A tibble: 6 x 3
   PESO ALTURA   IMC
  <dbl>  <dbl> <dbl>
1    78    165  28.7
2    74    154  31.2
3    81    156  33.3
4    82    181  25.0
5    78    184  23.0
6    80    179  25.0
```

3.41. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```r
df <- df |> mutate(IMC = PESO/(ALTURA/100)^2)
head(df |> select(PESO, ALTURA, IMC))
```

```
# A tibble: 6 x 3
   PESO ALTURA   IMC
  <dbl>  <dbl> <dbl>
1    78    165  28.7
2    74    154  31.2
3    81    156  33.3
4    82    181  25.0
5    78    184  23.0
6    80    179  25.0
```

i. Crear una nueva columna para la evolución de la presión arterial diastólica y otra con la

evolución de la presión arterial sistólica.

Solución

3.42. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```
df$EVOL_PAD <- df$PAD_FIN - df$PAD_INI
df$EVOL_PAS <- df$PAS_FIN - df$PAS_INI
head(df[, c("PAD_INI", "PAD_FIN", "EVOL_PAD", "PAS_INI", "PAS_FIN",
 ↪  "EVOL_PAS")])
```

```
# A tibble: 6 x 6
  PAD_INI PAD_FIN EVOL_PAD PAS_INI PAS_FIN EVOL_PAS
    <dbl>   <dbl>    <dbl>   <dbl>   <dbl>    <dbl>
1      78     104       26     176     175       -1
2      95     114       19     162     160       -2
3      93     102        9     141     150        9
4      86      91        5     162     161       -1
5      89      94        5     165     162       -3
6      74      99       25     141     148        7
```

3.43. tidyverse

Con la función `mutate` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
df <- df |> mutate(EVOL_PAD = PAD_FIN - PAD_INI, EVOL_PAS = PAS_FIN -
 ↪  PAS_INI)
head(df |> select(PAD_INI, PAD_FIN, EVOL_PAD, PAS_INI, PAS_FIN,
 ↪  EVOL_PAS))
```

```
# A tibble: 6 x 6
  PAD_INI PAD_FIN EVOL_PAD PAS_INI PAS_FIN EVOL_PAS
    <dbl>   <dbl>    <dbl>   <dbl>   <dbl>    <dbl>
1      78     104       26     176     175       -1
2      95     114       19     162     160       -2
3      93     102        9     141     150        9
4      86      91        5     162     161       -1
5      89      94        5     165     162       -3
6      74      99       25     141     148        7
```

j. Guardar el data frame en un fichero csv.

Solución

3.44. Base

Con la función `write.csv` del paquete `base` de R.

```
write.csv(df, "datos/hipertension/datos-ensayo-clinico.csv")
```

3.45. tidyverse

Con la función `write_csv` del paquete `readr` de `tidyverse`.

```
df  |> write_csv("datos/hipertension/datos-ensayo-clinico.csv")
```

3.46. Ejercicios Propuestos

Ejercicio 3.5. Los ficheros vinos-blancos.xls y vinos-tintos.csv contienen información sobre las características de vinos blancos y tintos portugueses de la denominación "Vinho Verde". Las variables almacenadas en estos archivos son las siguientes:

Variable	Descripción	Tipo (unidades)
tipo	Tipo de vino	Factor (blanco, tinto)
meses.barrica	Mesesde envejecimiento en barrica	Numérica(meses)
acided.fija	Cantidadde ácidotartárico	Numérica(g/dm3)
acided.volatil	Cantidad de ácido acético	Numérica(g/dm3)
acido.citrico	Cantidad de ácidocítrico	Numérica(g/dm3)
azucar.residual	Cantidad de azúcarremanente después de la fermentación	Numérica(g/dm3)
cloruro.sodico	Cantidad de clorurosódico	Numérica(g/dm3)
dioxido.azufre.libre	Cantidad de dióxido de azufreen formalibre	Numérica(mg/dm3)
dioxido.azufre.total	Cantidadde dióxido de azufretotal en forma libre o ligada	Numérica(mg/dm3)
densidad	Densidad	Numérica(g/cm3)
ph	pH	Numérica(0-14)
sulfatos	Cantidadde sulfato de potasio	Numérica(g/dm3)
alcohol	Porcentajede contenidode alcohol	Numérica(0-100)
calidad	Calificación otorgada porun panel de expertos	Numérica(0-10)

a. Crear un data frame con los datos de los vinos blancos partir del fichero de Excel vinos-blancos.xlsx.

b. Crear un data frame con los datos de los vinos tintos partir del fichero csv vinos-tintos.csv.

c. Fusionar los datos de los vinos blancos y tintos en un nuevo data frame.

d. Convertir el tipo de vino en un factor.

e. Imputar los valores perdidos del alcohol con la media de los valores no perdidos para cada tipo de vino.

f. Crear un factor `Envejecimiento` recodificando la variable `meses.barrica` en las siguientes categorías.

Rango en meses	Categoría
Menos de 3	Joven
Entre 3 y 12	Crianza

Rango en meses	Categoría
Entre 12 y 18	Reserva
Más de 18	Gran reserva

g. Crear un factor `Dulzor` recodificando la variable `azucar.residual` en las siguientes categorías.

Rango azúcar	Categoría
Menos de 4	Seco
Más de 4 y menos de 12	Semiseco
Más de 12 y menos de 45	Semidulce
Más de 45	Dulce

h. Filtrar el conjunto de datos para quedarse con los vinos Reserva o Gran Reserva con una calidad superior a 7 y ordenar el data frame por calidad de forma descendente.

i. ¿Cuántos vinos blancos con un contenido en alcohol superior al 12 % y una calidad superior a 8 hay en el conjunto de datos?

4 Distribuciones de frecuencias y representaciones gráficas

En esta práctica contiene ejercicios que muestran como hacer un resumen descriptivos de un conjunto de datos mediante la construcción de tablas de frecuencias y la representación gráfica de las mismas. En particular, se muestra cómo construir los siguientes tipos de gráficos:

- Diagramas de barras.
- Diagramas de sectores.
- Diagramas de cajas.
- Histogramas.
- Polígonos de frecuencias.

4.1. Ejercicios Resueltos

Para la realización de esta práctica se requieren los siguientes paquetes:

```
library(tidyverse)
# Incluye los siguientes paquetes:
# - readr: para la lectura de ficheros csv.
# - dplyr: para el preprocesamiento y manipulación de datos.
# - ggplot2: para la representación gráfica.
library(knitr) # para el formateo de tablas.
```

Ejercicio 4.1. En una encuesta a 25 matrimonios sobre el número de hijos que tenían se obtuvieron los siguientes datos:

$$1, 2, 4, 2, 2, 2, 3, 2, 1, 1, 0, 2, 2, 0, 2, 2, 1, 2, 2, 3, 1, 2, 2, 1, 2$$

a. Crear un conjunto de datos con la variable `hijos`.

Solución

4.2. Base

```
df <- data.frame(hijos = c(1, 2, 4, 2, 2, 2, 3, 2, 1, 1, 0, 2, 2, 0,
 ↪  2, 2, 1, 2, 2, 3, 1, 2, 2, 1, 2))
```

4.3. tidyverse

```
library(tidyverse)
df <- tibble(hijos = c(1, 2, 4, 2, 2, 2, 3, 2, 1, 1, 0, 2, 2, 0, 2, 2,
 ↪  1, 2, 2, 3, 1, 2, 2, 1, 2))
```

b. Construir la tabla de frecuencias.

Solución

4.4. Base

Para obtener las frecuencias absolutas se puede usar la función `table`, y para las frecuencias relativas la función `prop.table` ambas del paquete `base` de R. Posteriormente, para obtener las frecuencias acumuladas se puede usar la función `cumsum` aplicada a las frecuencias absolutas y relativas.

```
library(knitr)
# Frecuencias absolutas.
ni <- table(df$hijos)
# Frecuencias relativas
fi <- prop.table(ni)
# Frecuencias acumuladas.
Ni <- cumsum(ni)
# Frecuencias relativas acumuladas.
Fi <- cumsum(fi)
# Creamos un data frame con las frecuencias.
tabla_frec <- cbind(ni, fi, Ni, Fi)
kable(tabla_frec)
```

	ni	fi	Ni	Fi
0	2	0.08	2	0.08
1	6	0.24	8	0.32
2	14	0.56	22	0.88
3	2	0.08	24	0.96
4	1	0.04	25	1.00

4.5. tidyverse

Para obtener la tabla de frecuencias podemos usar la función `count` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.
Posteriormente podemos añadir nuevas columnas a la tabla de frecuencias mediante la función `mutate` y fórmulas para calcular las frecuencias relativas (`n/sum(n)`), frecuencias absolutas acumuladas (`cumsum(n)`) y frecuencias relativas acumuladas (`cumsum(n)/sum(n)`).

```
library(knitr)
# Calculamos la tabla de frecuencias absolutas.
df |> count(hijos) |>
    # Añadimos nuevas columnas con las frecuencias relativas,
     ↪  acumuladas y relativas acumuladas.
    mutate(fi = n/sum(n), Ni = cumsum(n), Fi = cumsum(n)/sum(n)) |>
    kable()
```

hijos	n	fi	Ni	Fi
0	2	0.08	2	0.08
1	6	0.24	8	0.32
2	14	0.56	22	0.88
3	2	0.08	24	0.96
4	1	0.04	25	1.00

c. Dibujar el diagrama de barras de las frecuencias absolutas, relativas, absolutas acumuladas y relativas acumuladas.

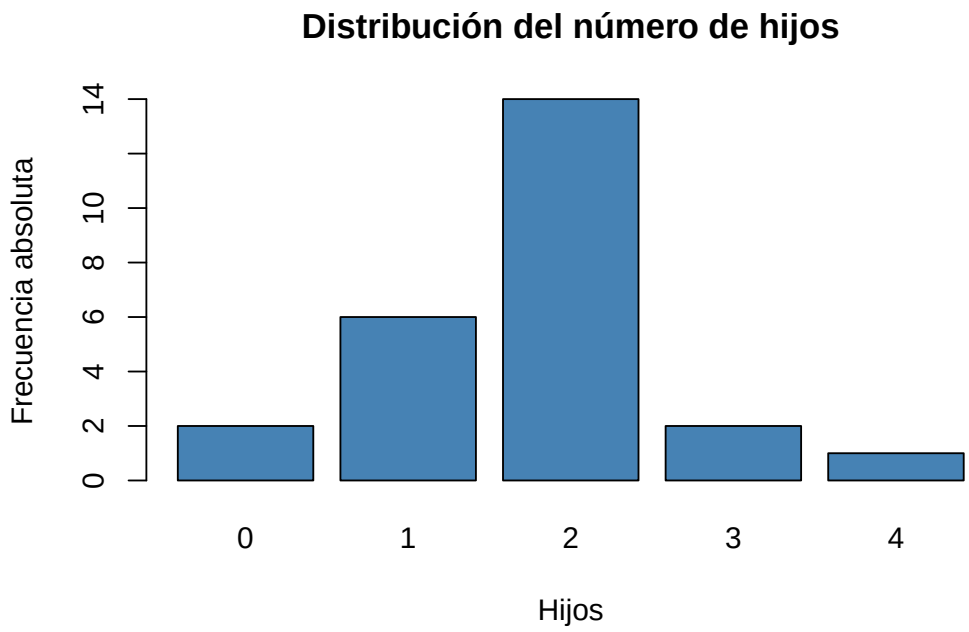
Solución

4.6. Base

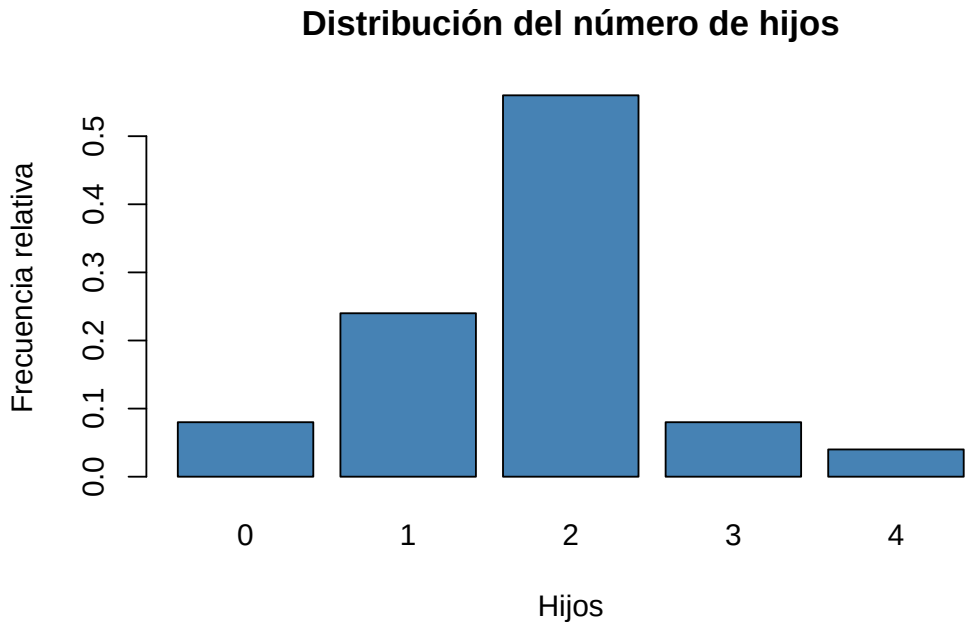
Para dibujar un diagrama de barras podemos usar la función `barplot` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `height`: vector con las alturas de las barras.
- `col`: color de las barras.
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

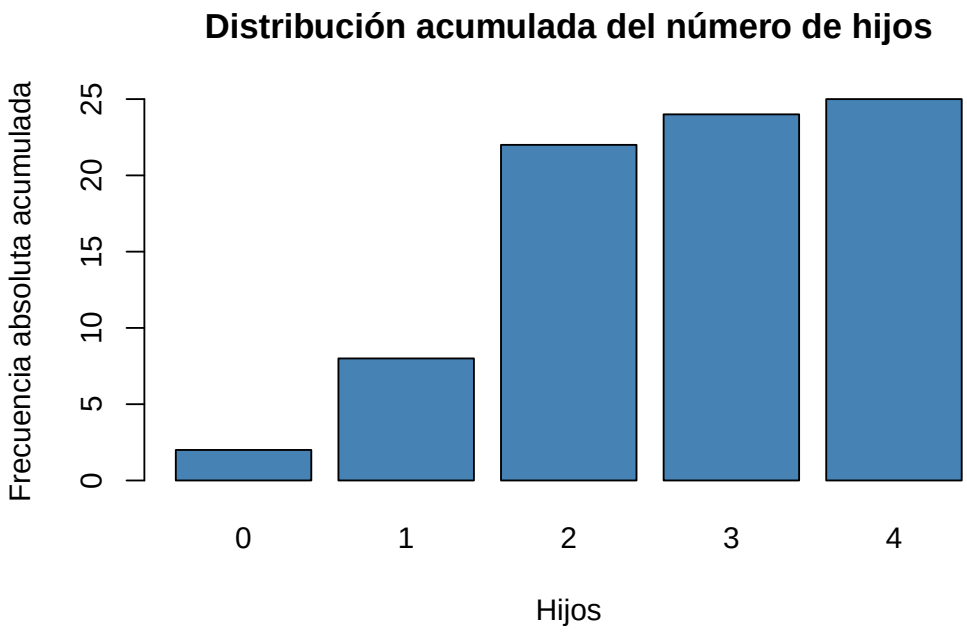
```
# Diagrama de barras de frecuencias absolutas.
barplot(ni, col = "steelblue", main = "Distribución del número de
 ↪  hijos", xlab = "Hijos", ylab = "Frecuencia absoluta")
```



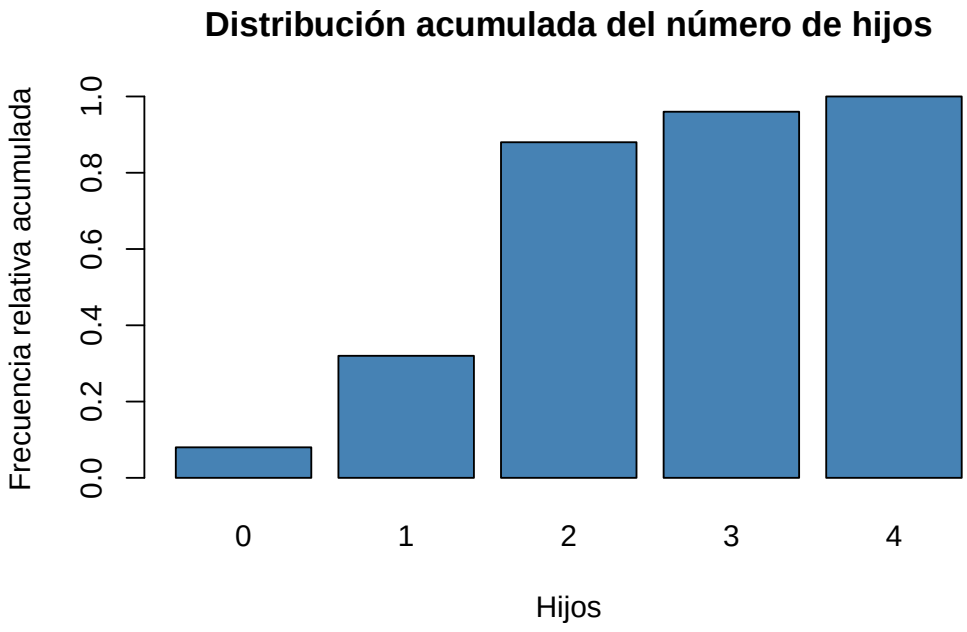

```r
# Diagrama de barras de frecuencias relativas.
barplot(fi, col = "steelblue", main = "Distribución del número de
 ↪  hijos", xlab = "Hijos", ylab = "Frecuencia relativa")
```




```r
# Diagrama de barras de frecuencias absolutas acumuladas.
barplot(Ni, col = "steelblue", main = "Distribución acumulada del
 ↪  número de hijos", xlab = "Hijos", ylab = "Frecuencia absoluta
 ↪  acumulada")
```




```
# Diagrama de barras de frecuencias relativas acumuladas.
barplot(Fi, col = "steelblue", main = "Distribución acumulada del
 ↪  número de hijos", xlab = "Hijos", ylab = "Frecuencia relativa
 ↪  acumulada")
```



4.7. tidyverse

Para dibujar un diagrama de barras podemos usar la función `geom_bar` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`. Esta función calcula automaticamente las frecuencias absolu-

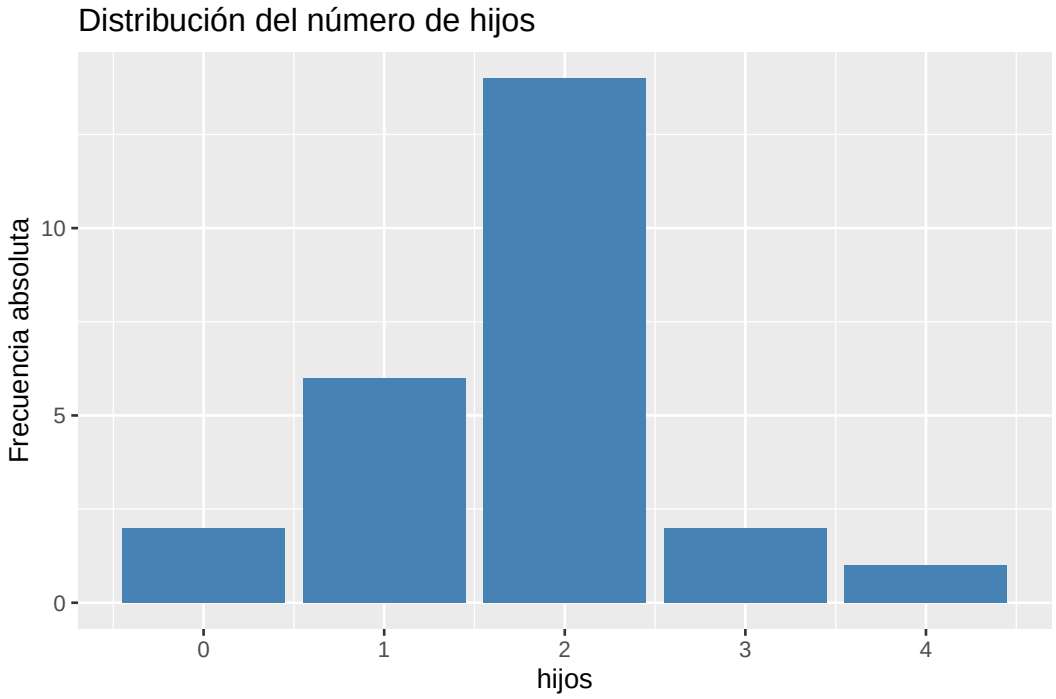
tas de la columna indicada en la dimensión `x` para barras horizontles o `y` para barras verticales.
Parámetros:

- color: color del borde de las barras.
- fill: color de relleno de las barras.
- width: anchura de las barras (valor entre 0 y 1).

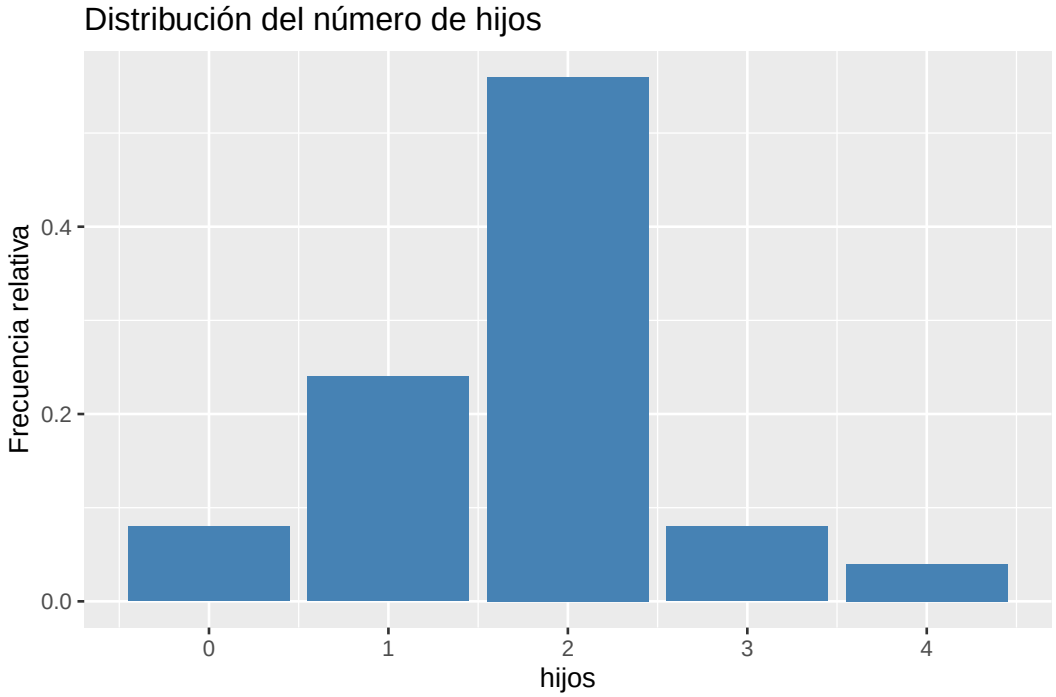
Para dibujar el diagrama de barras de frecuencias relativas o acumuladas, se le pude pasar como parámetro la función `after_stat` a la dimensión `y`:

- `after_stat(count/sum(count))`: para las frecuencias relativas.
- `after_stat(cumsum(count))`: para las frecuencias absolutas acumuladas.
- `after_stat(cumsum(count)/sum(count))`: para las frecuencias relativas acumuladas.

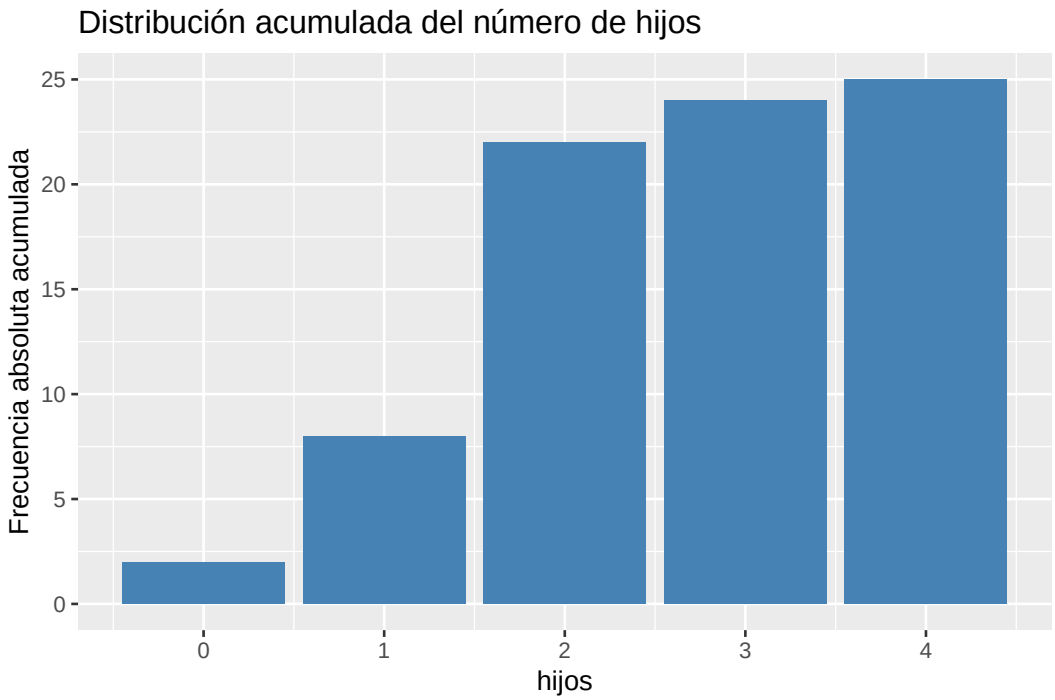
```
# Diagrama de barras de frecuencias absolutas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = hijos)) +
    # Añadimos la geometría de barras.
    geom_bar(fill = "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de hijos", y = "Frecuencia
     ↪  absoluta")
```



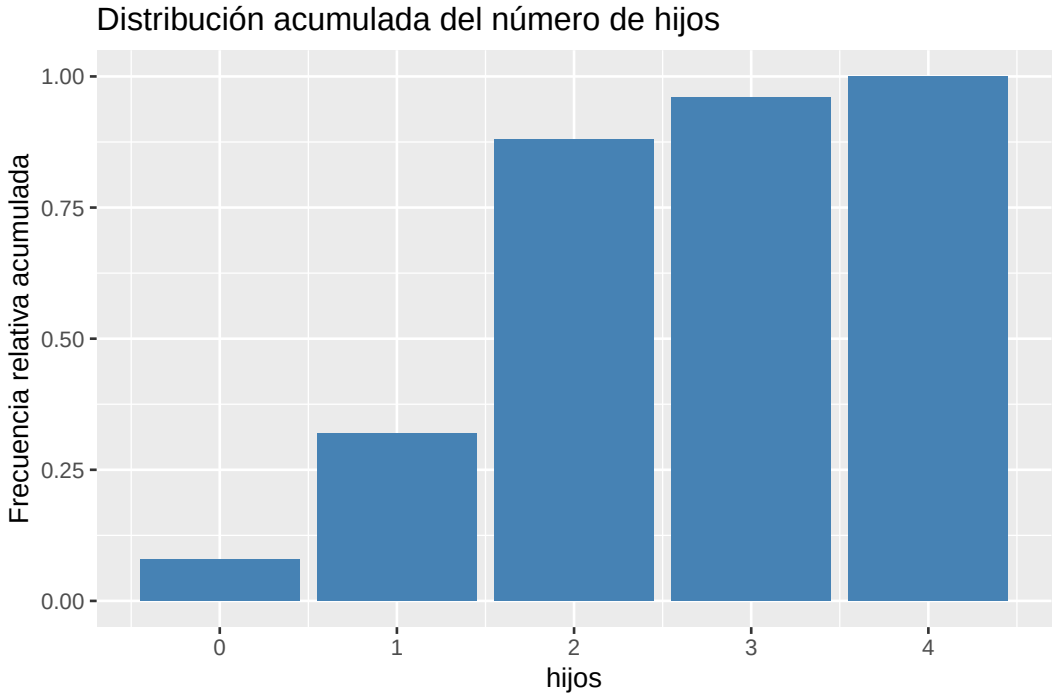
```r
# Diagrama de barras de frecuencias relativas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = hijos)) +
    # Añadimos la geometría de barras y asignamos a la dimensión y las
     ↪  frecuencias relativas.
    geom_bar(aes(y = after_stat(count/sum(count))), fill =
     ↪  "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de hijos", y = "Frecuencia
     ↪  relativa")
```




```r
# Diagrama de barras de frecuencias acumuladas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = hijos)) +
    # Añadimos la geometría de barras y asignamos a la dimensión y las
     ↪  frecuencias absolutas acumuladas.
    geom_bar(aes(y = after_stat(cumsum(count))), fill = "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución acumulada del número de hijos", y =
     ↪  "Frecuencia absoluta acumulada")
```




```
# Diagrama de barras de frecuencias acumuladas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = hijos)) +
    # Añadimos la geometría de barras y asignamos a la dimensión y las
     ↪  frecuencias relativas acumuladas.
    geom_bar(aes(y = after_stat(cumsum(count)/sum(count))), fill =
     ↪  "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución acumulada del número de hijos", y =
     ↪  "Frecuencia relativa acumulada")
```



d. Dibujar el polígono de frecuencias relativas.

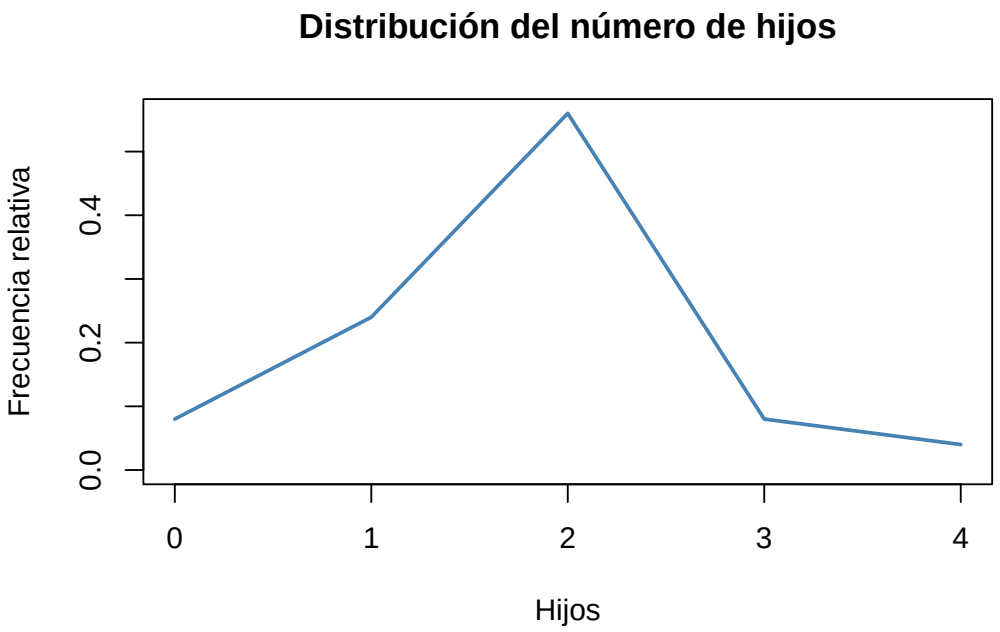
Solución

4.8. Base

Para dibujar el polígono de frecuencias podemos usar la función `plot` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `x`: tabla con las frecuencias.
- `type`: tipo de gráfico. Para un polígono de frecuencias se usa `"l"` (línea).
- `col`: color de la línea.
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

```
# Frecuencias relativas.
plot(fi, type = "l", col = "steelblue", main = "Distribución del
 ↪  número de hijos", xlab = "Hijos", ylab = "Frecuencia relativa")
```

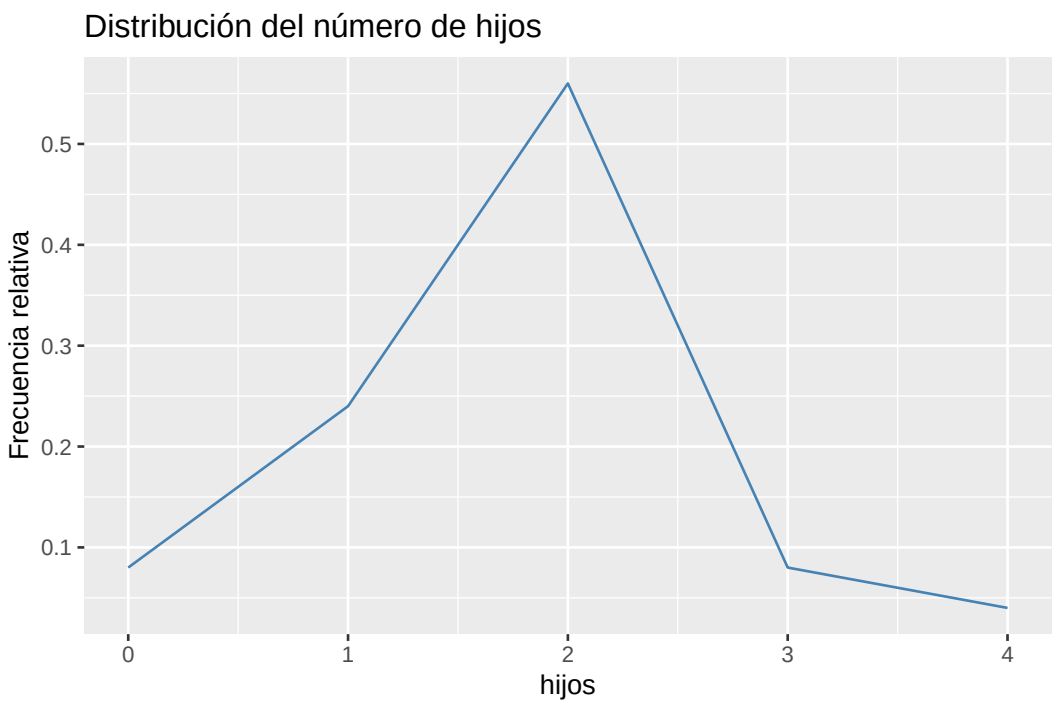


4.9. tidyverse

Par dibujar el polígono de frecuencias podemos usar la función `geom_line` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`, que conecta con segmentos los puntos con coordenadas pasadas en las dimensiones `x` e `y`.
Parámetros:

- `col`: color de la línea.
- `size`: grosor de la línea.
- `linetype`: tipo de línea (por ejemplo, "solid", "dashed", "dotted").

```
# Calculamos las frecuencias absolutas.
df |> count(hijos) |>
    # Añadimos una nueva columna con las frecuencias relativas.
    mutate(fi = n/sum(n)) |>
    # Añadimos los hijos a la dimensión x y las frecuencias relativas
     ↪  a la dimensión y.
    ggplot(aes(x = hijos, y = fi)) +
    # Añadimos la geometría de líneas.
    geom_line(col = "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de hijos", y = "Frecuencia
     ↪  relativa")
```



Ejercicio 4.2. En un hospital se realizó un estudio sobre el número de personas que ingresaron en urgencias cada día del mes de noviembre. Los datos observados fueron:

15, 23, 12, 10, 28, 50, 12, 17, 20, 21, 18, 13, 11, 12, 26
30, 6, 16, 19, 22, 14, 17, 21, 28, 9, 16, 13, 11, 16, 20

a. Crear un conjunto de datos con la variable `urgencias`.

Solución

4.10. Base

```
df <- data.frame(urgencias = c(15, 23, 12, 10, 28, 50, 12, 17, 20, 21,
↪  18, 13, 11, 12, 26, 30, 6, 16, 19, 22, 14, 17, 21, 28, 9, 16, 13,
↪  11, 16, 20))
```

4.11. tidyverse

```
library(tidyverse)
df <- tibble(urgencias = c(15, 23, 12, 10, 28, 50, 12, 17, 20, 21, 18,
↪  13, 11, 12, 26, 30, 6, 16, 19, 22, 14, 17, 21, 28, 9, 16, 13, 11,
↪  16, 20))
```

b. Dibujar el diagrama de cajas. ¿Existe algún dato atípico? En el caso de que exista, eliminarlo y proceder con los siguientes apartados.

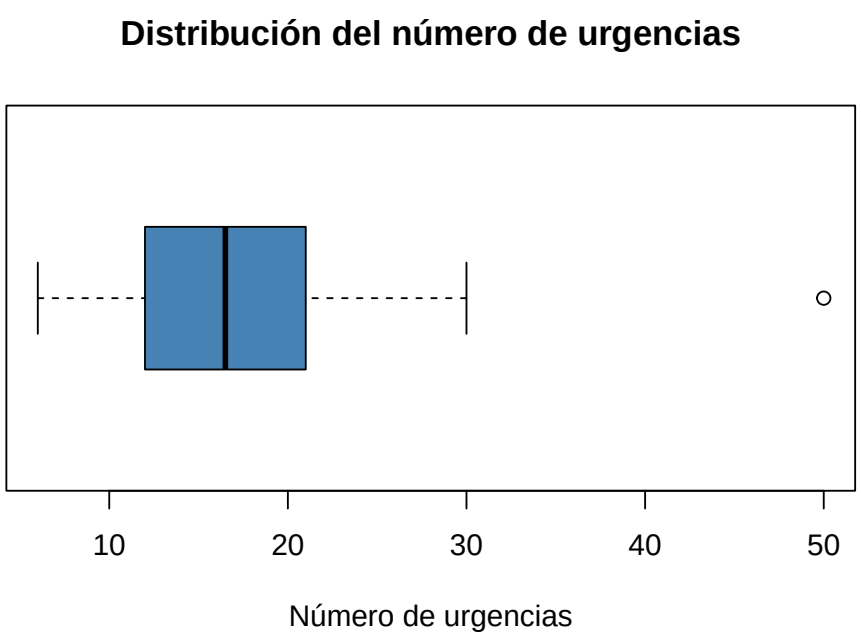
Solución

4.12. Base

Para dibujar un diagrama de caja y bigotes podemos usar la función `boxplot` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `x`: vector con las alturas de las barras.
- `col`: color de la caja.
- `horizontal`: orientación horizontal de la caja (True o False).
- `width`: anchura de la caja (valor entre 0 y 1).
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

```
boxplot(df$urgencias, col = "steelblue",  horizontal = T, main =
 ↪  "Distribución del número de urgencias", xlab = "Número de
 ↪  urgencias")
```

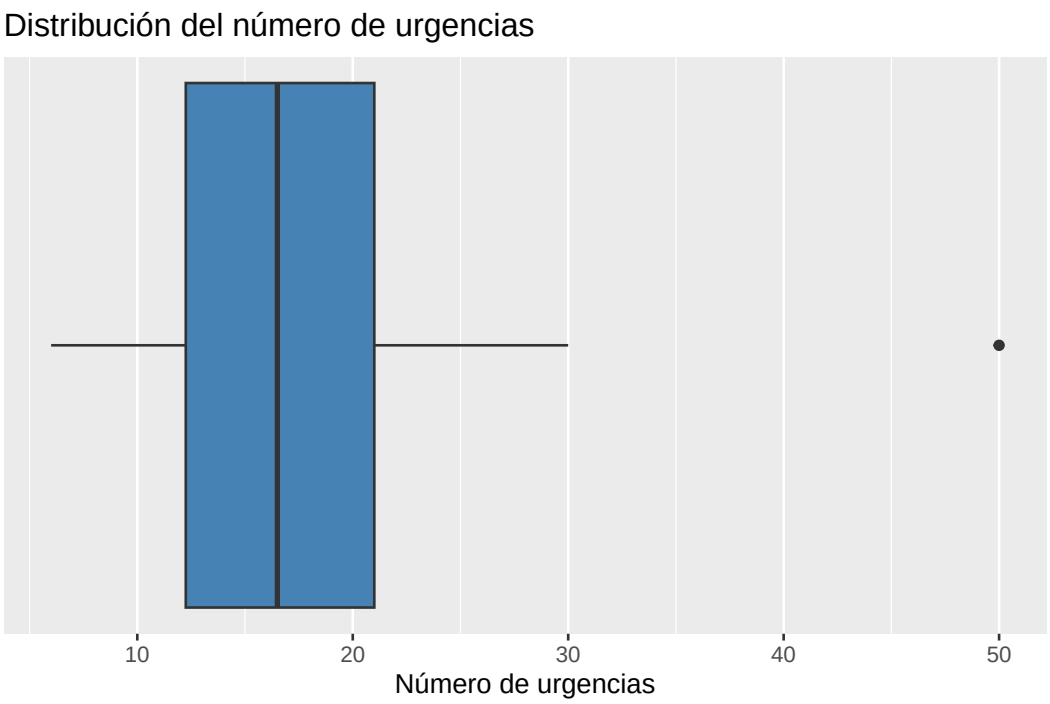


4.13. tidyverse

Para dibujar un diagrama de caja y bigotes podemos usar la función `geom_boxplot` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.
Parámetros:

- color: color del borde de la caja.
- fill: color de relleno de la caja.
- width: anchura de la caja.

```r
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = urgencias)) +
    # Añadimos la geometría de cajas.
    geom_boxplot(fill = "steelblue") +
    # Eliminamos las marcas del eje y.
    scale_y_continuous(breaks = NULL) +
    # Añadimos el título y las etiquetas.
    labs(title = "Distribución del número de urgencias", x = "Número
     ↪  de urgencias")
```



Hay un día con 50 urgencias, que es un valor atípico en comparación con el resto de días.

4.14. Base

Con las funciones del paquete `base` de R.

```r
# Eliminamos el dato atípico.
df <- df[df$urgencias != 50, , drop = F]
```

4.15. tidyverse

Con la función `filter` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```r
# Eliminamos el dato atípico.
df <- filter(df, urgencias != 50)
```

c. Construir la tabla de frecuencias agrupando en 5 clases.

Solución

4.16. Base

Para agrupar los datos en intervalos se puede utilizar la función `cut` del paquete base de R.
Parámetros:

- `breaks`: número de intervalos o un vector con los puntos de corte de los intervalos.

Para contar las frecuencias absolutas y relativas podemos usar las funciones `table`, y `prop.table` respectivamente.
Posteriormente, para obtener las frecuencias acumuladas se puede usar la función `cumsum` aplicada a las frecuencias absolutas y relativas.

```
library(knitr)
# Calculamos las frecuencias absolutas agrupando en 5 clases desde 5
 ↪  hasta 30.
ni <- table(cut(df$urgencias, breaks = seq(5, 30, 5)))
# Frecuencias relativas
fi <- prop.table(ni)
# Frecuencias acumuladas.
Ni <- cumsum(ni)
# Frecuencias relativas acumuladas.
Fi <- cumsum(fi)
# Creación de un data frame con las frecuencias.
tabla_frec <- cbind(ni, fi, Ni, Fi)
kable(tabla_frec)
```

	ni	fi	Ni	Fi
(5,10]	3	0.1034483	3	0.1034483
(10,15]	9	0.3103448	12	0.4137931
(15,20]	9	0.3103448	21	0.7241379
(20,25]	4	0.1379310	25	0.8620690
(25,30]	4	0.1379310	29	1.0000000

4.17. tidyverse

Para agrupar los datos en intervalos se puede utilizar la función `cut` del paquete base de R y añadir una nueva columna al data frame con la clase a la que pertenece cada individuo con la función `mutate`.
Después, podemos obtener la tabla de frecuencias podemos usar la función `count` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.
Posteriormente podemos añadir nuevas columnas a la tabla de frecuencias mediante la función `mutate` y fórmulas para calcular las frecuencias relativas (`n/sum(n)`), frecuencias absolutas acumuladas (`cumsum(n)`) y frecuencias relativas acumuladas (`cumsum(n)/sum(n)`).

```
library(knitr)
# Añadimos una nueva columna al data frame con la clase a la que
 ↪  pertenece cada individuo.
df |> mutate(urgencias_int = cut(urgencias, breaks = seq(5, 30, 5)))
 ↪  |>
    # Calculamos la tabla de frecuencias absolutas.
    count(urgencias_int) |>
    # Añadimos nuevas columnas con la frecuencia relativa, acumulada y
     ↪  relativa acumulada.
    mutate(fi = n/sum(n), Ni = cumsum(n), Fi = cumsum(n)/sum(n)) |>
    kable()
```

urgencias_int	n	fi	Ni	Fi
(5,10]	3	0.1034483	3	0.1034483
(10,15]	9	0.3103448	12	0.4137931
(15,20]	9	0.3103448	21	0.7241379
(20,25]	4	0.1379310	25	0.8620690
(25,30]	4	0.1379310	29	1.0000000

d. Dibujar el histograma de frecuencias absolutas, relativas, absolutas acumuladas y relativas acumuladas correspondiente a la tabla anterior.

Solución

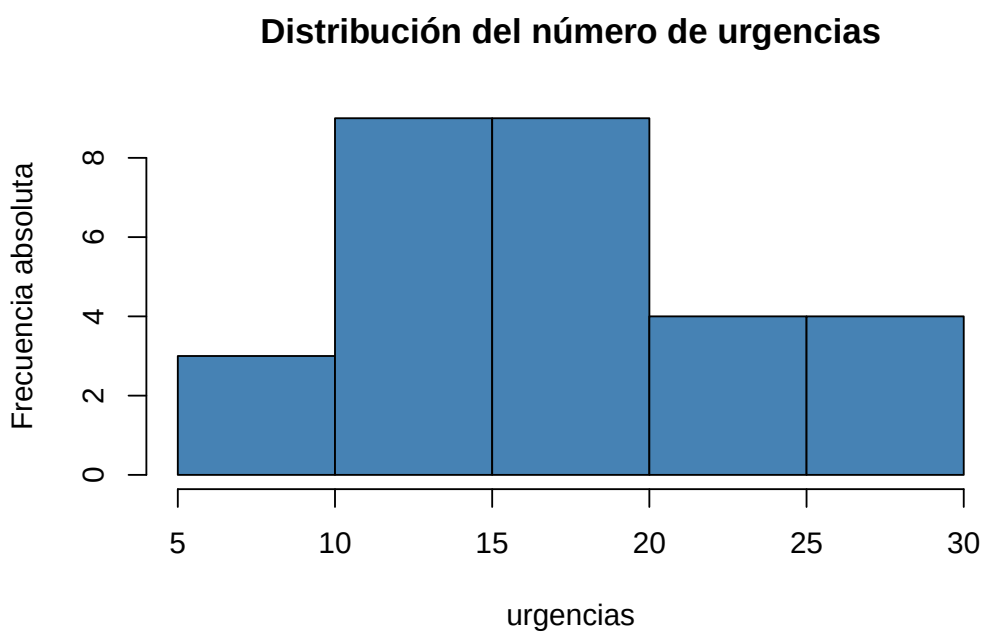
4.18. Base

Para dibujar un histograma de frecuencias absolutas podemos usar la función `hist` del paquete `graphics`.
Parámetros:

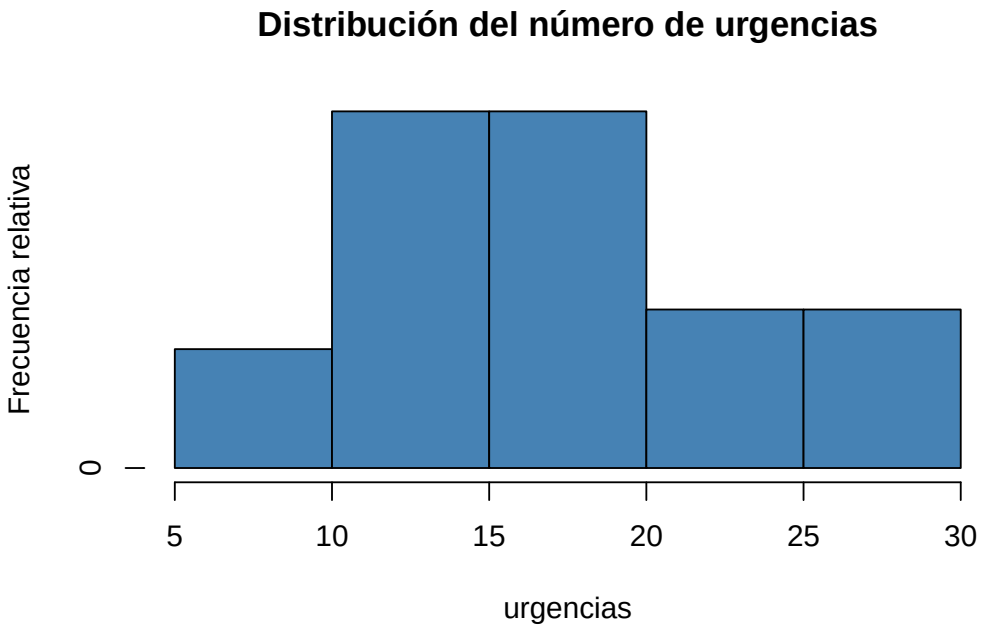
- `breaks`: Un vector con los puntos de corte de los intervalos de las barras.
- `col`: color de las barras.
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

Después se puede cambiar el campo `counts` del histograma para indicar la altura de las barras. Para volver a dibujar el histograma, una vez modificadas las alturas de las barras, se tiene que utilizar la función `plot` del paquete `graphics`.

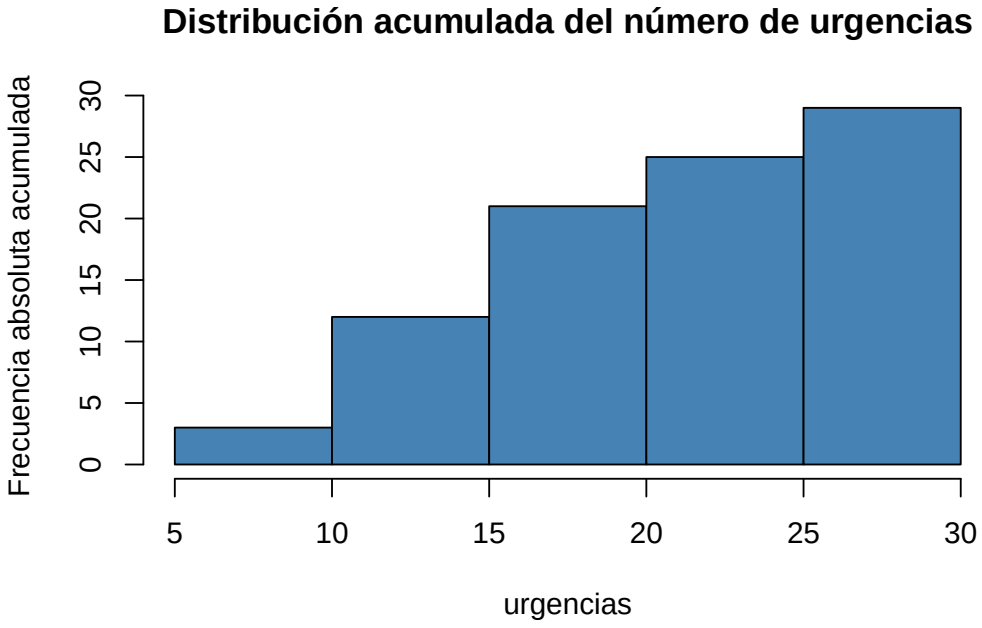
```r
# Histograma de frecuencias absolutas.
histo <- hist(df$urgencias, breaks = seq(5, 30, 5), col = "steelblue",
 ↪  main = "Distribución del número de urgencias", xlab = "urgencias",
 ↪  ylab = "Frecuencia absoluta")
```



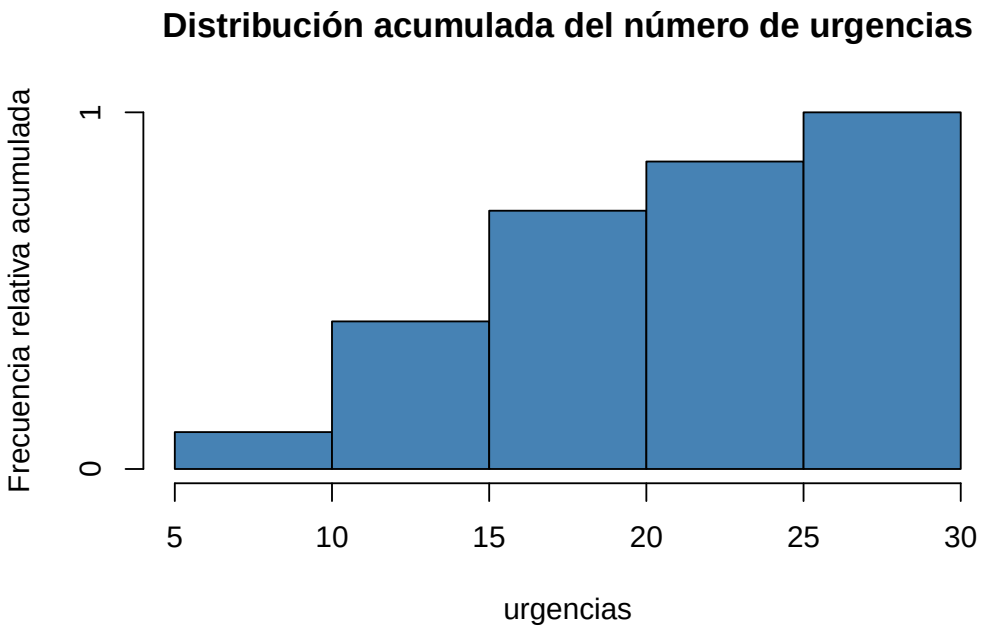

```r
ni <- histo$counts

# Histograma de frecuencias relativas.
# Modificamos el campo counts del histograma para que contenga las
 ↪  frecuencias relativas.
histo$counts <- ni/sum(ni)
plot(histo, col = "steelblue", main = "Distribución del número de
 ↪  urgencias", xlab = "urgencias", ylab = "Frecuencia relativa")
```




```
# Histograma de frecuencias absolutas acumuladas.
# Modificamos el campo counts del histograma para que contenga las
 ↪  frecuencias absolutas acumuladas.
histo$counts <- cumsum(ni)
plot(histo, col = "steelblue", main = "Distribución acumulada del
 ↪  número de urgencias", xlab = "urgencias", ylab = "Frecuencia
 ↪  absoluta acumulada")
```



```r
# Histograma de frecuencias relativas acumuladas.
# Modificamos el campo counts del histograma para que contenga las
 ↪  frecuencias relativas.
histo$counts <- cumsum(ni)/sum(ni)
plot(histo, col = "steelblue", main = "Distribución acumulada del
 ↪  número de urgencias", xlab = "urgencias", ylab = "Frecuencia
 ↪  relativa acumulada", )
```



4.19. tidyverse

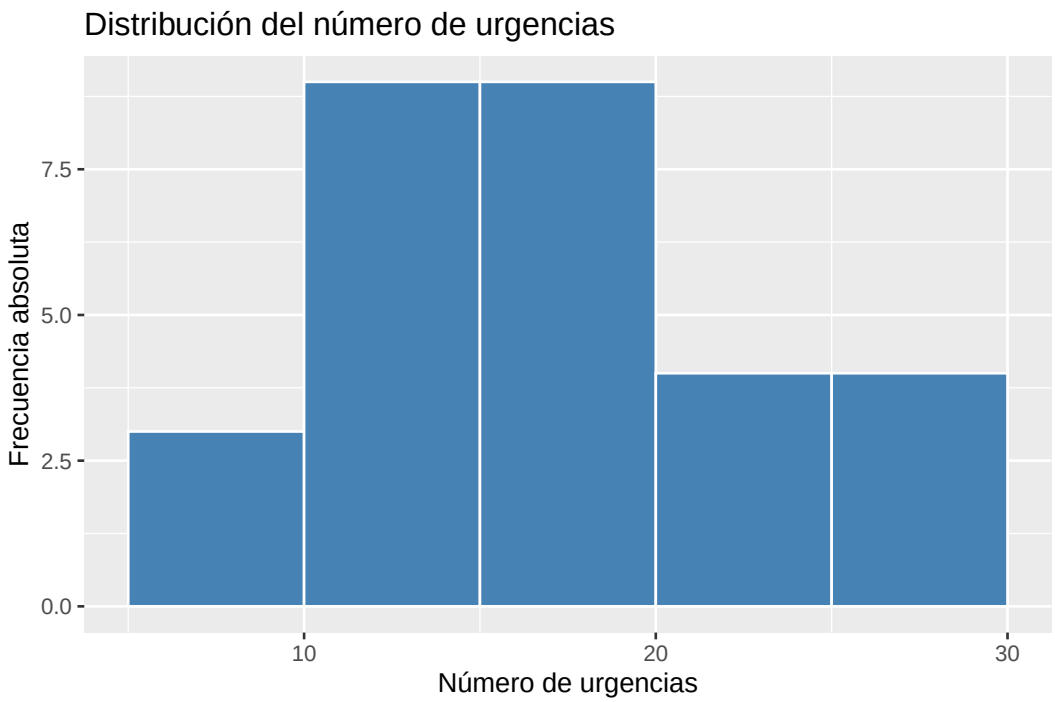
Para dibujar un histograma podemos usar la funcióngeom_histogram del paquete ggplot2 de tidyverse.
Parámetros:

- breaks: Un vector con los puntos de corte de los intervalos de las barras.
- color: Color del borde de las barras.
- fill: Color de relleno de las barras.

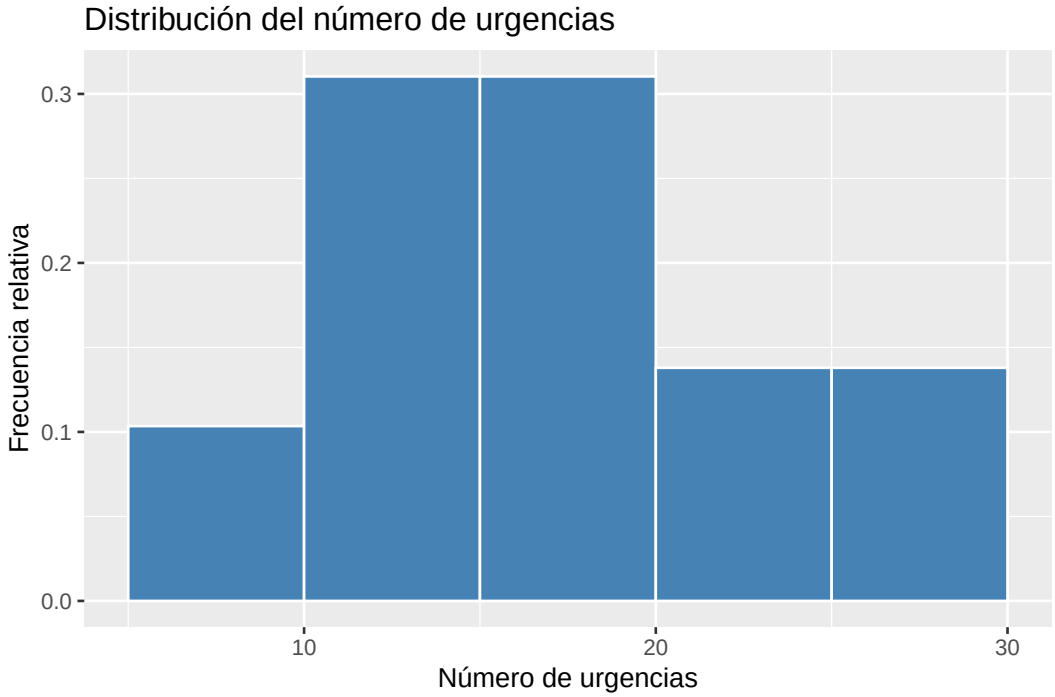
Para dibujar el histograma de frecuencias relativas o acumuladas, se le pude pasar como parámetro la función after_stat a la dimesión y.

- after_stat(count/sum(count)): para las frecuencias relativas.
- after_stat(cumsum(count)): para las frecuencias absolutas acumuladas.
- after_stat(cumsum(count)/sum(count)): para las frecuencias relativas acumuladas.

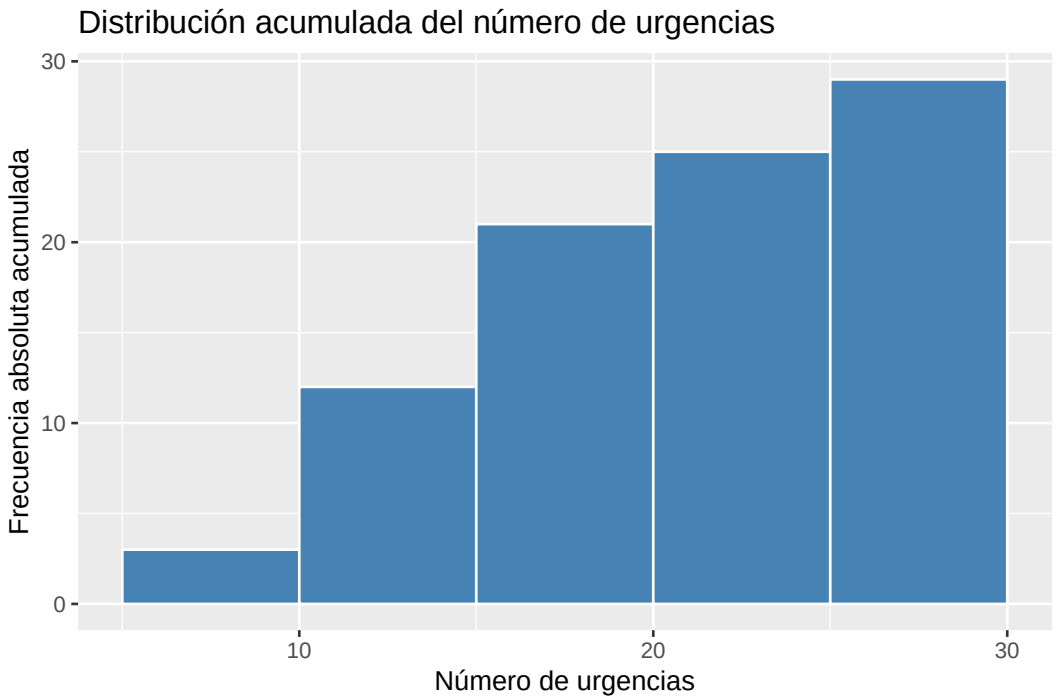
```r
# Histograma de frecuencias absolutas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = urgencias)) +
    # Añadimos la geometría de histograma creando clases de amplitud 5
     ↪  desde 5 hasta 30.
    geom_histogram(breaks = seq(5, 30, 5), fill = "steelblue", col =
     ↪  "white") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de urgencias", x = "Número
     ↪  de urgencias", y = "Frecuencia absoluta")
```



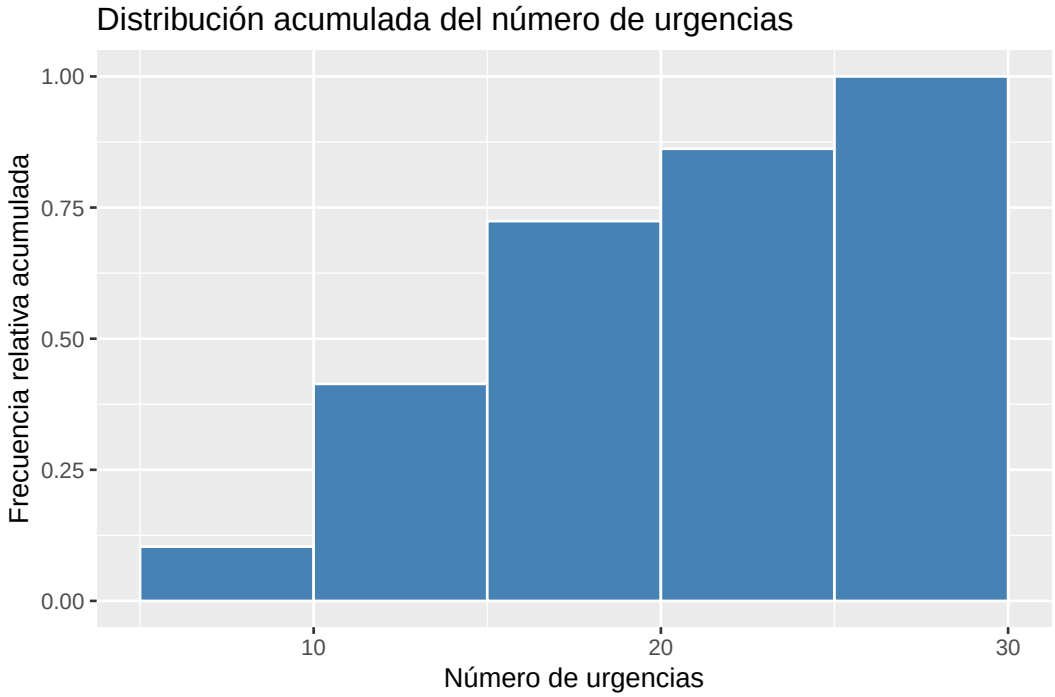

```r
# Histograma de frecuencias relativas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = urgencias)) +
    # Añadimos la geometría de histograma y asignamos a la dimensión y
     ↪  las frecuencias relativas.
    geom_histogram(aes(y = after_stat(count/sum(count))), breaks =
     ↪  seq(5, 30, 5), fill = "steelblue", col = "white") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de urgencias", x = "Número
     ↪  de urgencias", y = "Frecuencia relativa")
```




```
# Histograma de frecuencias acumuladas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = urgencias)) +
    # Añadimos la geometría de histograma y asignamos a la dimensión y
     ↪  las frecuencias absolutas acumuladas.
    geom_histogram(aes(y = after_stat(cumsum(count))), breaks = seq(5,
     ↪  30, 5), fill = "steelblue", col = "white") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución acumulada del número de urgencias", x =
     ↪  "Número de urgencias", y = "Frecuencia absoluta acumulada")
```




```
# Histograma de frecuencias relativas acumuladas
# Añadimos la variable a la dimensión x.
df |> ggplot(aes(x = urgencias)) +
    # Añadimos la geometría de histograma y asignamos a la dimensión y
     ↪  las frecuencias relativas acumuladas.
    geom_histogram(aes(y = after_stat(cumsum(count)/sum(count))),
     ↪  breaks = seq(5, 30, 5), fill = "steelblue", col = "white") +

    labs(title = "Distribución acumulada del número de urgencias", x =
     ↪  "Número de urgencias", y = "Frecuencia relativa acumulada")
```



e. Dibujar el polígono de frecuencias relativas acumuladas (ojiva).

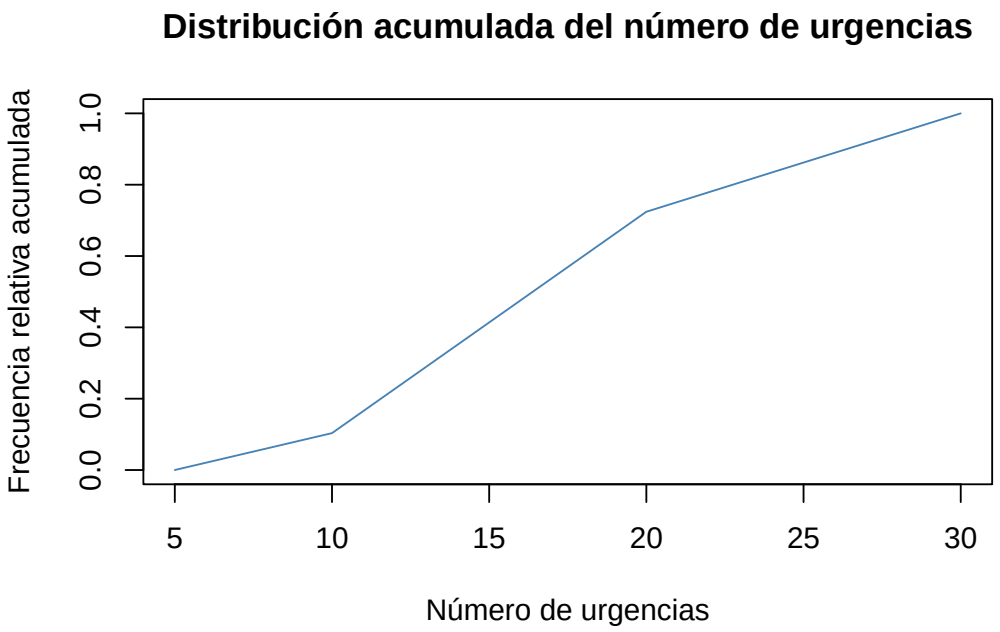
Solución

4.20. Base

Para dibujar el polígono de frecuencias relativas acumuladas podemos usar la función `plot` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `x`: vector con las coordenadas x de los vértices del polígono.
- `y`: vector con las coordenadas y de los vértices del polígono.
- `type`: tipo de gráfico. Para un polígono de frecuencias se usa `"l"` (línea).
- `col`: color de la línea.
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

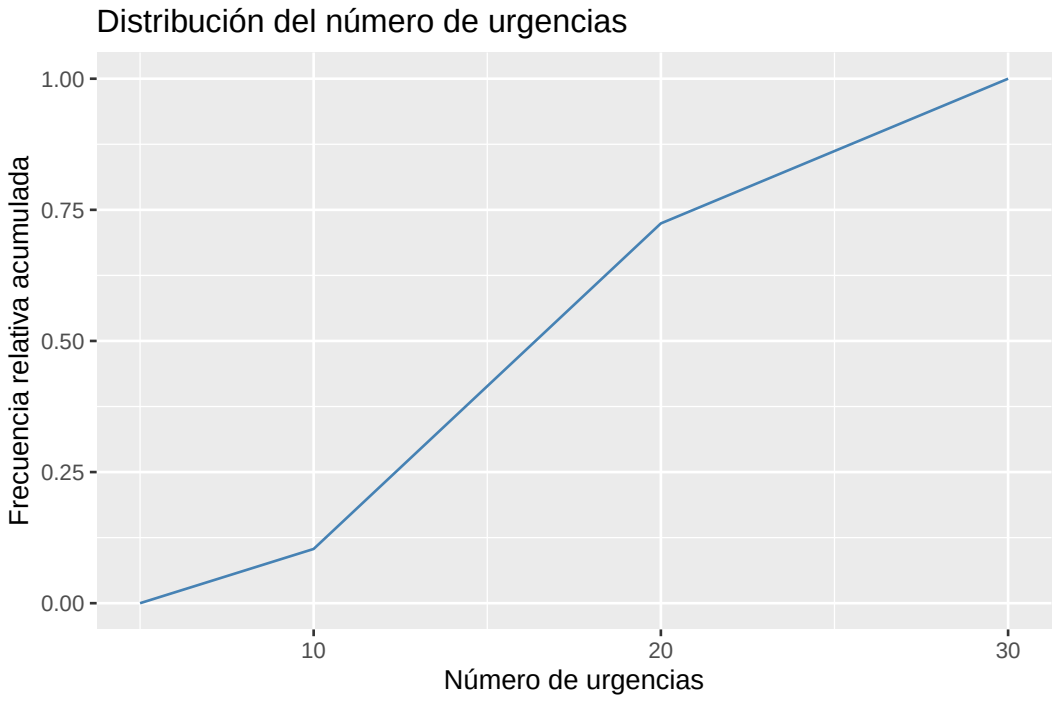
```
# Ojiva
# Definimos los puntos de corte de los intervalos.
cortes = seq(5, 30, 5)
# Calculamos las frecuencias absolutas agrupando en 5 clases.
ni <- table(cut(df$urgencias, breaks = cortes))
# Calculamos las frecuencias relativas acumuladas.
Fi <- c(0, cumsum(ni)/sum(ni))
# Dibujamos el polígono de frecuencias relativas acumuladas.
plot(cortes, Fi, type = "l", col = "steelblue", main = "Distribución
 ↪  acumulada del número de urgencias", xlab = "Número de urgencias",
 ↪  ylab = "Frecuencia relativa acumulada")
```



4.21. tidyverse

Para dibujar el polígono de frecuencias relativas acumuladas podemos usar la función `geom_line` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.

```r
# Ojiva
# Definimos los puntos de corte de los intervalos.
cortes <- seq(5, 30, 5)
# Añadimos una nueva columna al data frame con la clase a la que
 ↪  pertenece cada individuo, tomando 5 intervalos desde 5 hasta 30.
tabla_frec <- df |> mutate(urgencias_int = cut(df$urgencias, breaks =
 ↪  cortes)) |>
    # Calculamos las frecuencias absolutas de cada clase.
    count(urgencias_int) |>
    # Añadimos una nueva columna con las frecuencias relativas
     ↪  acumuladas.
    mutate(cortes = cortes[-1], Fi = cumsum(n)/sum(n)) |>
    # Seleccionamos las columnas que nos interesan.
    select(cortes, Fi)
# Añadimos una fila con el primer punto de corte y frecuencia relativa
 ↪  acumulada 0.
tabla_frec <- rbind(data.frame(cortes = cortes[1], Fi = 0),
 ↪  tabla_frec)
# Dibujamos el polígono de frecuencias relativas acumuladas.
# Añadimos los cortes a la dimensión x y las frecuencias relativas
 ↪  acumuladas a
ggplot(tabla_frec, aes(x = cortes , y = Fi)) +
    # Añadimos la geometría de líneas.
    geom_line(col = "steelblue") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución del número de urgencias", x = "Número
     ↪  de urgencias", y = "Frecuencia relativa acumulada")
```



Ejercicio 4.3. Los grupos sanguíneos de una muestra de 30 personas son:

A, B, B, A, AB, 0, 0, A, B, B, A, A, A, A, AB, A, A, A, B, 0, B, B, B, A, A, A, 0, A, AB, 0

a. Crear un conjunto de datos con la variable `grupo_sanguíneo`.

Solución

4.22. Base

```
df <- data.frame(grupo_sanguineo = c("A", "B", "B", "A", "AB", "O",
 ↪  "O", "A", "B", "B", "A", "A", "A", "A", "AB", "A", "A", "A", "B",
 ↪  "O", "B", "B", "B", "A", "A", "A", "O", "A", "AB", "O"))
```

4.23. tidyverse

```
library(tidyverse)
df <- tibble(grupo_sanguineo = c("A", "B", "B", "A", "AB", "O", "O",
 ↪  "A", "B", "B", "A", "A", "A", "A", "AB", "A", "A", "A", "B", "O",
 ↪  "B", "B", "B", "A", "A", "A", "O", "A", "AB", "O"))
```

b. Construir la tabla de frecuencias.

Solución

4.24. Base

Para obtener las frecuencias absolutas se puede usar la función `table`, y para las frecuencias relativas la función `prop.table` ambas del paquete base de R.

```
library(knitr)
# Frecuencias absolutas.
ni <- table(df$grupo_sanguineo)
# Frecuencias relativas
fi <- prop.table(ni)
tabla_frec <- cbind(ni, fi)
kable(tabla_frec)
```

	ni	fi
0	5	0.1666667
A	14	0.4666667
AB	3	0.1000000
B	8	0.2666667

4.25. tidyverse

Para obtener la tabla de frecuencias absolutas podemos usar la función `count` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.
Posteriormente podemos añadir nuevas columnas a la tabla de frecuencias mediante la función `mutate` y la fórmula para calcular las frecuencias relativas (`n/sum(n)`).

```
library(knitr)
# Calculamos la tabla de frecuencias absolutas.
df |> count(grupo_sanguineo) |>
    # Añadimos una nueva columna con las frecuencias relativas.
    mutate(fi = n/sum(n)) |>
    kable()
```

grupo_sanguineo	n	fi
0	5	0.1666667
A	14	0.4666667
AB	3	0.1000000
B	8	0.2666667

c. Dibujar el diagrama de sectores.

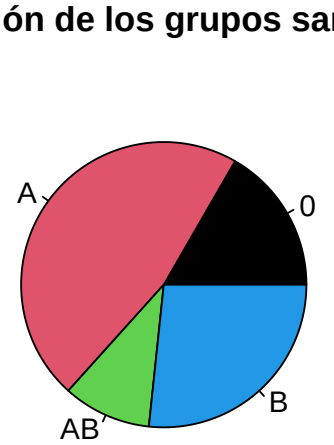
Solución

4.26. Base

Para dibujar el diagrama de sectores podemos usar la función `pie` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `x`: vector con las frecuencias.
- `col`: vector con los colores de los sectores.
- `main`: título del gráfico.

```
pie(ni, col = 1:length(ni), main = "Distribución de los grupos
 ↪  sanguíneos")
```



4.27. tidyverse

Para dibujar el diagrama de sectores podemos usar la función `geom_bar` y después la función `coor_polar` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.
Parámetros:

- `theta` = Dimensión que contiene las frecuencias.

```
# Añadimos la variable a la dimensión fill, y dejamos la dimensión x
 ↪  vacía.
df |> ggplot(aes(x = "", fill = grupo_sanguineo)) +
    # Añadimos la geometría de barras.
    geom_bar(color = "white") +
    # Cambiamos a coordenadas polares.
    coord_polar(theta = "y") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución de los grupos sanguíneos", fill =
     ↪  "Grupo sanguíneo") +
    # Eliminamos los ejes y el fondo del gráfico.
    theme_void()
```

Ejercicio 4.4. En un estudio de población se tomó una muestra de 27 personas, y se les preguntó por su edad y estado civil, obteniendo los siguientes resultados:

Estado civil	Edad
Soltero	31, 45, 35, 65, 21, 38, 62, 22, 31
Casado	62, 39, 62, 59, 21, 62
Viudo	80, 68, 65, 40, 78, 69, 75
Divorciado	31, 65, 59, 49, 65

a. Crear un conjunto de datos con la variables `estado_civil` y `edad`.

Solución

4.28. Base

```
df <- data.frame(
    edad = c(31, 45, 35, 65, 21, 38, 62, 22, 31, 62, 39, 62, 59, 21,
     ↪  62, 80, 68, 65, 40, 78, 69, 75, 31, 65, 59, 49, 65),
    estado_civil = rep(c("Soltero", "Casado", "Viudo", "Divorciado"),
     ↪  c(9, 6, 7, 5)))
```

4.29. tidyverse

```
df <- tibble(
    edad = c(31, 45, 35, 65, 21, 38, 62, 22, 31, 62, 39, 62, 59, 21,
     ↪  62, 80, 68, 65, 40, 78, 69, 75, 31, 65, 59, 49, 65),
    estado_civil = rep(c("Soltero", "Casado", "Viudo", "Divorciado"),
     ↪  c(9, 6, 7, 5)))
```

b. Calcular las frecuencias absolutas del `estado_civil`.

Solución

4.30. Base

Para obtener las frecuencias absolutas se puede usar la función `table` del paquete base de R.

```
library(knitr)
table(df$estado_civil) |> kable()
```

Var1	Freq
Casado	6
Divorciado	5
Soltero	9
Viudo	7

4.31. tidyverse

Para obtener la tabla de frecuencias absolutas podemos usar la función `count` del paquete `dplyr` de `tidyverse`.

```
library(knitr)
# Calculamos las frecuencias absolutas del estado civil.
df |> count(estado_civil)
```

estado_civil	n
Casado	6
Divorciado	5
Soltero	9
Viudo	7

c. Construir la tabla de frecuencias de la variable `edad` para cada categoría de la variable `estado_civil`.

Solución

Para dividir el data frame en grupos podemos usar la función `group-by` del paquete `dplyr` de `tidyverse` indicando la variable de agrupación.
Después podemos usar la función `count` del paquete `dplyr` de `tidyverse` para obtener la tabla de frecuencias absolutas.

```r
# Añadimos una nueva columna al data frame con la clase a la que
 ↪  pertenece cada individuo, tomando intervalos de amplitud 10 desde
 ↪  20 hasta 80.
df |> mutate(edad_int = cut(edad, breaks = seq(20, 80, 10))) |>
    # Agrupamos por estado civil.
    group_by(estado_civil) |>
    # Calculamos las frecuencias absolutas.
    count(edad_int) |>
    # Añadimos nuevas columnas con las frecuencias relativas,
     ↪  acumuladas y relativas acumuladas.
    mutate(fi = n/sum(n), Ni = cumsum(n), Fi = cumsum(n)/sum(n)) |>
    kable()
```

estado_civil	edad_int	n	fi	Ni	Fi
Casado	(20,30]	1	0.1666667	1	0.1666667
Casado	(30,40]	1	0.1666667	2	0.3333333
Casado	(50,60]	1	0.1666667	3	0.5000000
Casado	(60,70]	3	0.5000000	6	1.0000000
Divorciado	(30,40]	1	0.2000000	1	0.2000000
Divorciado	(40,50]	1	0.2000000	2	0.4000000
Divorciado	(50,60]	1	0.2000000	3	0.6000000
Divorciado	(60,70]	2	0.4000000	5	1.0000000
Soltero	(20,30]	2	0.2222222	2	0.2222222
Soltero	(30,40]	4	0.4444444	6	0.6666667
Soltero	(40,50]	1	0.1111111	7	0.7777778
Soltero	(60,70]	2	0.2222222	9	1.0000000
Viudo	(30,40]	1	0.1428571	1	0.1428571
Viudo	(60,70]	3	0.4285714	4	0.5714286
Viudo	(70,80]	3	0.4285714	7	1.0000000

d. Dibujar los diagramas de cajas de la edad según el estado civil. ¿Existen datos atípicos? ¿En qué grupo hay mayor dispersión?

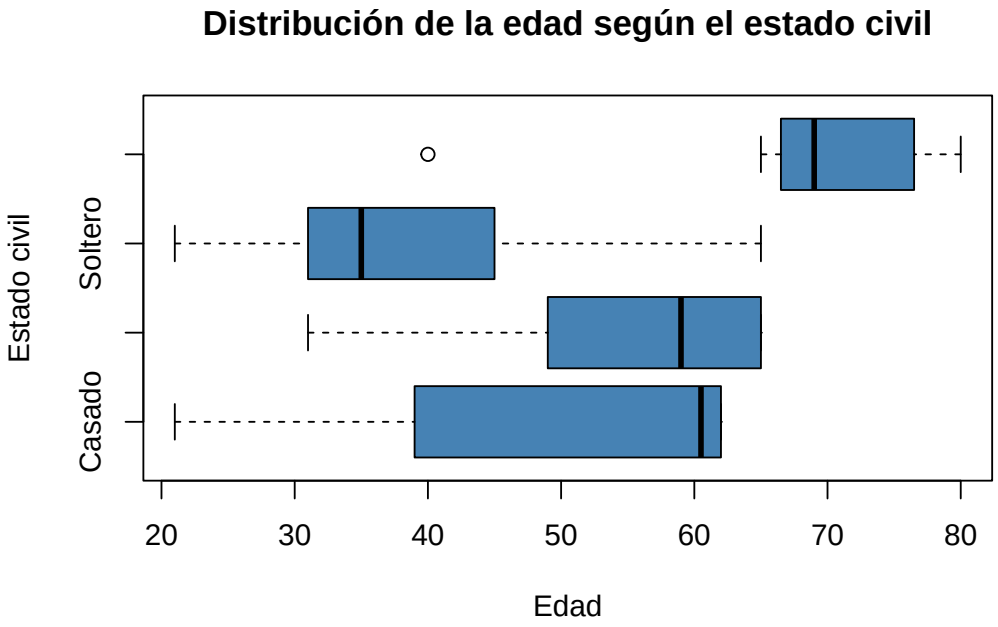
Solución

4.32. Base

Para dibujar un diagrama de caja y bigotes podemos usar la función `boxplot` del paquete `graphics`.
Parámetros:

- `formula`: fórmula que relaciona la variable dependiente con la variable independiente (en este caso `edad ~ estado_civil`).
- `data`: data frame con los datos.
- `col`: color de la caja.
- `horizontal`: orientación horizontal de la caja (True o False).
- `width`: anchura de la caja (valor entre 0 y 1).
- `main`: título del gráfico.
- `xlab`: etiqueta del eje x.
- `ylab`: etiqueta del eje y.

```r
boxplot(edad ~ estado_civil, data = df, horizontal = T, col =
 ↪  "steelblue", main = "Distribución de la edad según el estado
 ↪  civil", xlab = "Edad", ylab = "Estado civil")
```

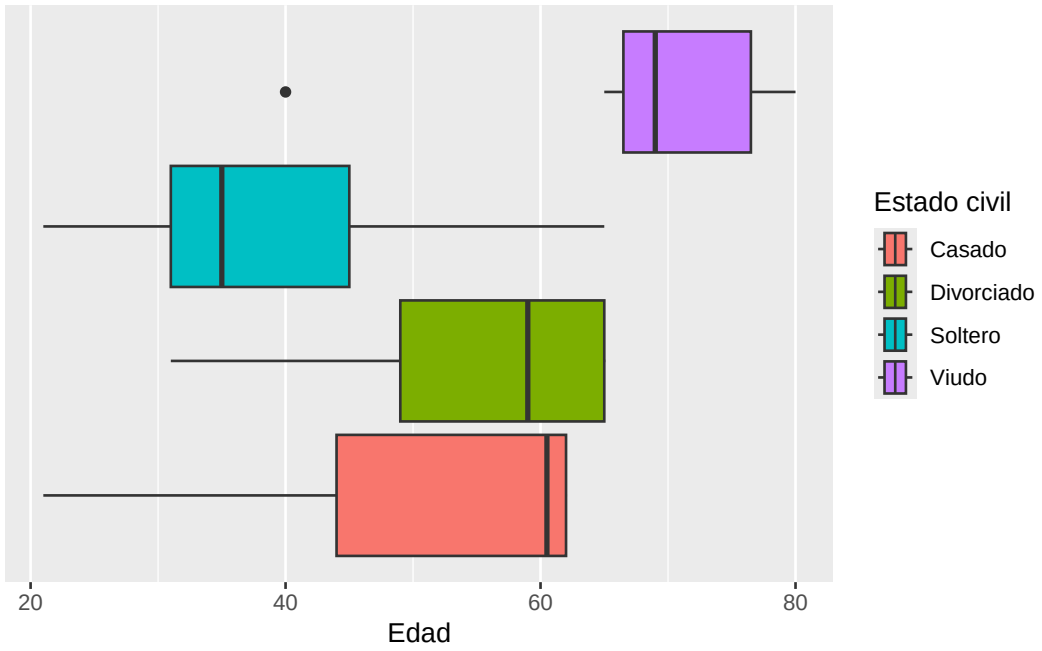


4.33. tidyverse

Para dibujar un diagrama de caja y bigotes podemos usar la función `geom_boxplot` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.
Parámetros:

- color: color del borde de la caja.
- fill: factor con las categorías que dividen en grupos las cajas (en este caso `estado_civil`). Dibuja una caja por cada categoría.
- width: anchura de la caja (valor entre 0 y 1).

```r
# Añadimos la variable a la dimensión x y el estado civil a la
 ↪  dimensión fill.
df |> ggplot(aes(x = edad, fill = estado_civil)) +
    # Añadimos la geometría de cajas.
    geom_boxplot() +
    # Eliminamos las marcas del eje y.
    scale_y_continuous(breaks = NULL) +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes y leyenda.
    labs(title = "Distribución de la edad según el estado civil", x =
     ↪  "Edad", fill = "Estado civil")
```



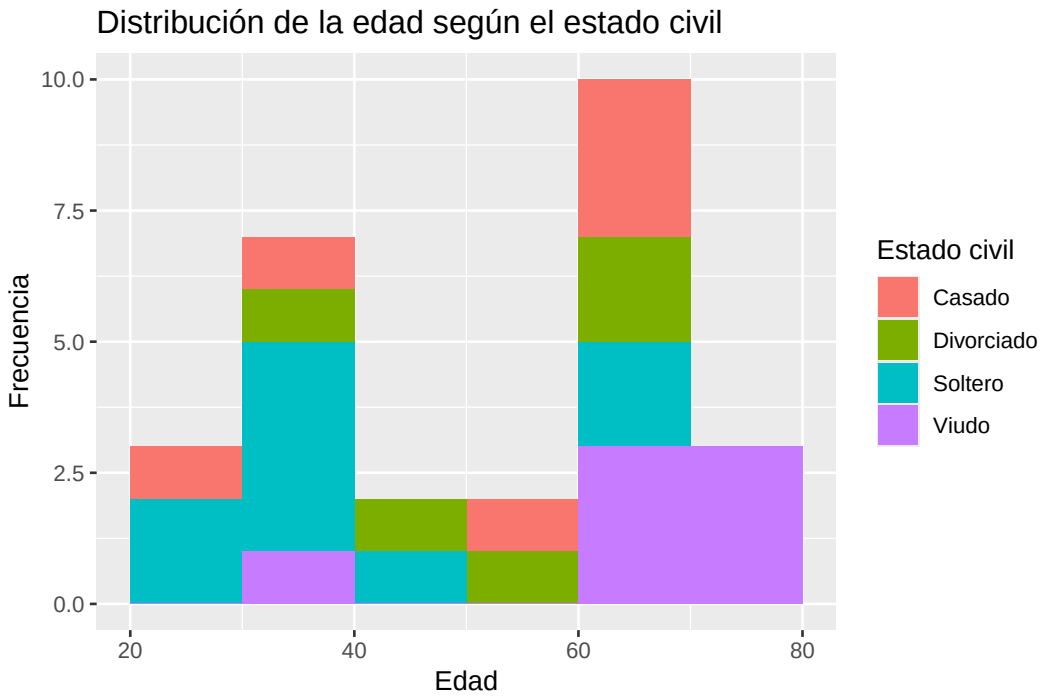
e. Dibujar los histogramas de la edad según el estado civil.

Solución

Para dibujar un histograma podemos usar la funcióngeom_histogram del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.
Parámetros:

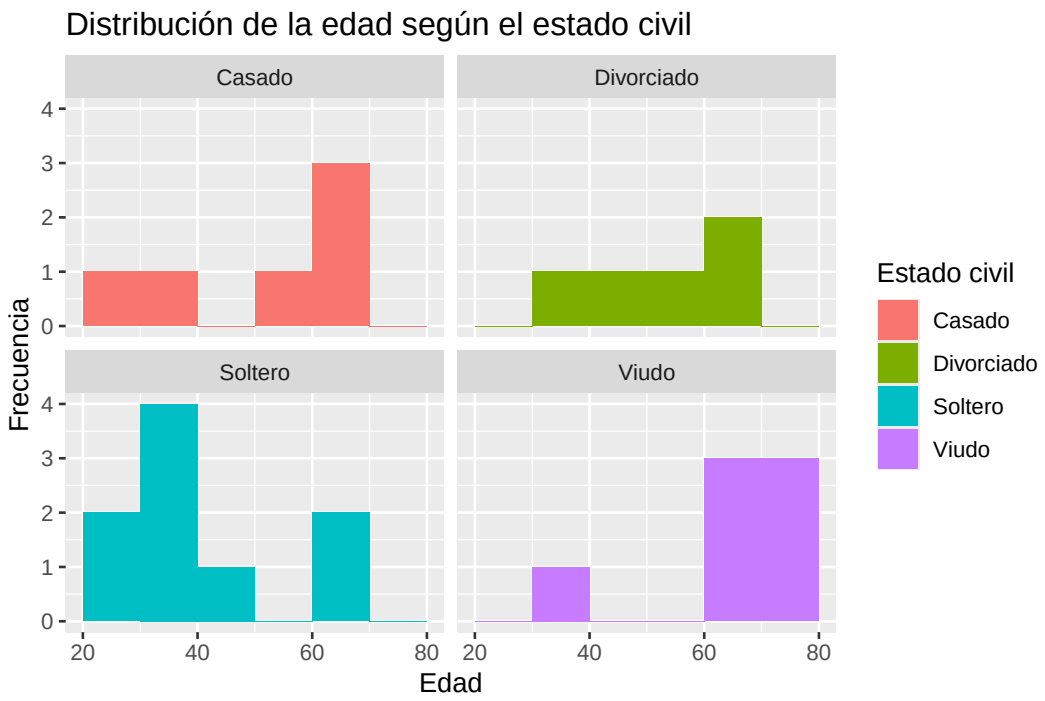
- `breaks`: Un vector con los puntos de corte de los intervalos de las barras.
- `color`: Color del borde de las barras.
- `fill`: factor con las categorías que dividen en grupos las cajas (en este caso `estado_civil`). Dibuja una caja por cada categoría.
- `position`: Posición de las barras ("identity" para superponer las barras, "stack" para apilar las barras y "dodge" para que las barras no se superpongan).
- `alpha`: Transparencia de las barras (valor entre 0 y 1).

```
# Añadimos la variable a la dimensión x y el estado civil a la
 ↪  dimensión fill.
df |> ggplot(aes(x = edad, fill = estado_civil)) +
    # Añadimos la geometría de histograma creando clases de amplitud
     ↪  10 desde 20 hasta 80.
    geom_histogram(breaks = seq(20, 80, 10), position = "stack") +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución de la edad según el estado civil", x =
     ↪  "Edad", y = "Frecuencia", fill = "Estado civil")
```



Para dibujar cada histograma por separado se puede usar la función `facet_wrap` o `facet_grid` del paquete `ggplot2` de `tidyverse`.

```
# Añadimos la variable a la dimensión x y el estado civil a la
 ↪  dimensión fill.
df |> ggplot(aes(x = edad, fill = estado_civil)) +
   # Añadimos la geometría de histograma creando clases de amplitud 10
    ↪  desde 20 hasta 80.
    geom_histogram(breaks = seq(20, 80, 10)) +
    # Añadimos facetas el estado civil.
    facet_wrap(~ estado_civil) +
    # Añadimos el título y las etiquetas de los ejes.
    labs(title = "Distribución de la edad según el estado civil", x =
     ↪  "Edad", y = "Frecuencia", fill = "Estado civil")
```



4.34. Ejercicios propuestos

Ejercicio 4.5. El conjunto de datos neonatos contiene información sobre una muestra de 320 recién nacidos en un hospital durante un año que cumplieron el tiempo normal de gestación.

a. Construir la tabla de frecuencias de la puntuación Apgar al minuto de nacer. Si se considera que una puntuación Apgar de 3 o menos indica que el neonato está deprimido, ¿qué porcentaje de niños está deprimido en la muestra?

b. Comparar las distribuciones de frecuencias de las puntuaciones Apgar al minuto de nacer según si la madre es mayor o menor de 20 años. ¿En qué grupo hay más neonatos deprimidos?

c. Construir la tabla de frecuencias para el peso de los neonatos, agrupando en clases de amplitud 0.5 desde el 2 hasta el 4.5. ¿En qué intervalo de peso hay más neonatos?

d. Comparar la distribución de frecuencias relativas del peso de los neonatos según si la madre fuma o no. Si se considera como peso bajo un peso menor de 2.5 kg, ¿En qué grupo hay un mayor porcentaje de niños con peso bajo?

e. Construir el diagrama de barras de la puntuación Apgar al minuto. ¿Qué puntuación Apgar es la más frecuente?

f. Construir el diagrama de frecuencias relativas acumuladas de la puntuación Apgar al minuto. ¿Por debajo de que puntuación estarán la mitad de los niños?

g. Comparar mediante diagramas de barras de frecuencias relativas las distribuciones de las puntuaciones Apgar al minuto según si la madre ha fumado o no durante el embarazo. ¿Qué se puede concluir?

h. Construir el histograma de pesos, agrupando en clases de amplitud 0.5 desde el 2 hasta el 4.5. ¿En qué intervalo de peso hay más niños?

i. Comparar la distribución de frecuencias relativas del peso de los neonatos según si la madre fuma o no. ¿En qué grupo se aprecia menor peso de los niños de la muestra?

j. Comparar la distribución de frecuencias relativas del peso de los neonatos según si la madre fumaba o no antes del embarazo. ¿Qué se puede concluir?

k. Construir el diagrama de caja y bigotes del peso. ¿Entre qué valores se considera que el peso de un neonato es normal? ¿Existen datos atípicos?

l. Comparar el diagrama de cajas y bigotes del peso, según si la madre fumó o no durante el embarazo y si era mayor o no de 20 años. ¿En qué grupo el peso tiene más dispersión central? ¿En qué grupo pesan menos los niños de la muestra?

m. Comparar el diagrama de cajas de la puntuación Apgar al minuto y a los cinco minutos. ¿En qué variable hay más dispersión central?