Algorithmen und Datenstrukturen

Vorlesung #06 – Dynamische Programmierung



Lehrstuhl für Neurotechnologie, TU Berlin



benjamin.blankertz@tu-berlin.de

22 · Mai · 2019



Themen der heutigen Vorlesung

- Rückschau: Divide-and-Conquer
- ► Generelles Prinzip der Dynamischen Programmierung (dynamic programming)
- Entwicklung von Ansätzen mit dynamischer Programmierung in drei Beispielen:
 - Gewichtete Intervallauswahl (Weighted Interval Scheduling)
 - ▶ 0/1-Rucksack Problem (0/1-Knapsack Problem)
 - Editierdistanz
- Zwischendurch: P und NP

Divide-and-Conquer

- Das Divide-and-Conquer Paradigm zur Lösung von Optimierungsproblemen geht wie folgt vor:
- Zerlege das Problem in disjunkte Teilprobleme.
- Wenn ein Teilproblem klein genug ist, löse es direkt;
- Andernfalls benutze Rekursion, um eine Lösung zu erhalten.
- Kombiniere Lösungen von Teilproblemen schrittweise zu Lösungen der jeweils übergeordneten Probleme.

Divide-and-Conquer

- Das Divide-and-Conquer Paradigm zur Lösung von Optimierungsproblemen geht wie folgt vor:
- Zerlege das Problem in disjunkte Teilprobleme.
- Wenn ein Teilproblem klein genug ist, löse es direkt;
- Andernfalls benutze Rekursion, um eine Lösung zu erhalten.
- Kombiniere Lösungen von Teilproblemen schrittweise zu Lösungen der jeweils übergeordneten Probleme.
- Beispiele:
- ▶ Binäre Suche, *Mergesort*, Strassen-Algorithmus für Matrixmultiplikation

Generelles Prinzip der Dynamischen Programmierung

- Heute beschäftigen wir uns mit dem Lösungsparadigma Dynamisches Programmieren.
- ▶ Die Bezeichnung ›dynamisches Programmieren‹ ist recht unspezifisch und ist auf *Planung über die Zeit* zurückzuführen.
- Richard Bellman, der Namensgeber, hat den Ausdruck wohl aus strategischen Gründen gewählt.
- ▶ Das Paradigma der Dynamischen Programmierung (dynamical programming) geht folgendermaßen vor:

Generelles Prinzip der Dynamischen Programmierung

- Heute beschäftigen wir uns mit dem Lösungsparadigma Dynamisches Programmieren.
- ▶ Die Bezeichnung ›dynamisches Programmieren‹ ist recht unspezifisch und ist auf *Planung über die Zeit* zurückzuführen.
- Richard Bellman, der Namensgeber, hat den Ausdruck wohl aus strategischen Gründen gewählt.
- Das Paradigma der Dynamischen Programmierung (dynamical programming) geht folgendermaßen vor:
 - ► Für die Bestimmung der Lösung wird eine rekursive Formel aufgestellt, die das Problem auf die Lösung von Teilproblemen zurückführt.
 - ▶ Im Gegensatz zu *Divide-and-Conquer* müssen die Teilprobleme nicht disjunkt sein.
 - Die Teillösungen werden in einer Tabelle gespeichert und benutzt, um immer größere Problem zu lösen.
 - ▶ Üblicherweise wird die Lösung bei dynamischer Programmierung bottom-up bestimmt. In einigen Fällen kann ein top-down Ansatz günstiger sein.

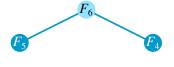
- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:



$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$

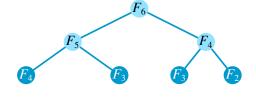
- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:

$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$



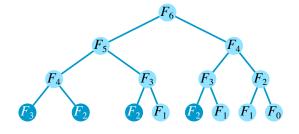
- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:

$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$



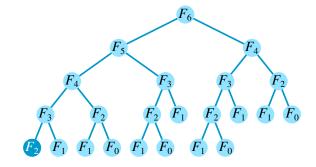
- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:

$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$



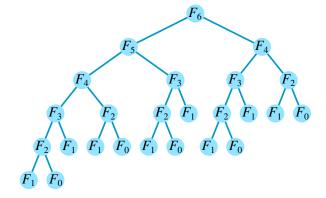
- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:

$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$



- \triangleright Zur Einführung der Techniken des dynamischen Programmierens betrachten wir die effiziente Bestimmung n-ten Fibonacci Zahl F_n .
- Die Fibonacci Zahlen sind rekursiv definiert:

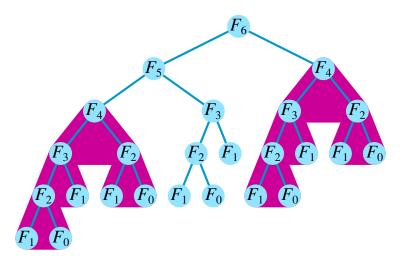
$$F_n = \begin{cases} 0 & \text{für } n = 0 \\ 1 & \text{für } n = 1 \\ F_{n-1} + F_{n-2} & \text{für } n \ge 2 \end{cases}$$



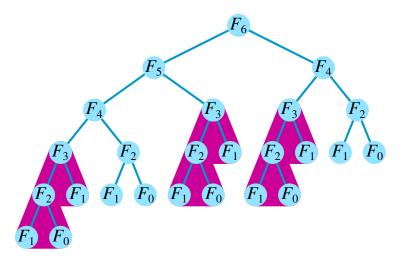
Rekursive Berechnung der Fibonacci-Zahlen

```
public static long fibonacci(int n)
{
  if (n < 2)
    return n;
  else
    return fibonacci(n-1) + fibonacci(n-2);
}</pre>
```

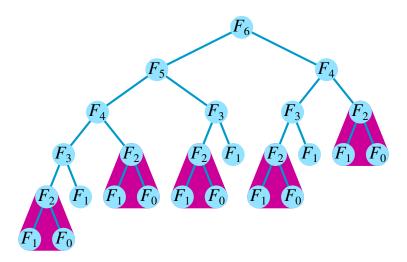
▶ Die Berechnung von F_n über diese Rekursionsformel ist nicht effizient, da Teillösungen $(F_k \text{ für } k < n)$ vielfach berechnet werden.



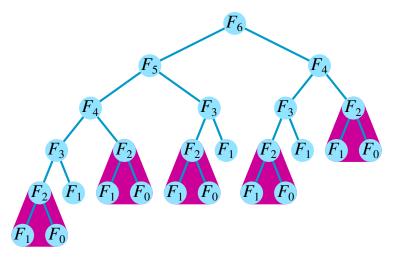
▶ Die Berechnung von F_n über diese Rekursionsformel ist nicht effizient, da Teillösungen $(F_k \text{ für } k < n)$ vielfach berechnet werden.



▶ Die Berechnung von F_n über diese Rekursionsformel ist nicht effizient, da Teillösungen $(F_k \text{ für } k < n)$ vielfach berechnet werden.



- ▶ Die Berechnung von F_n über diese Rekursionsformel ist nicht effizient, da Teillösungen $(F_k \text{ für } k < n)$ vielfach berechnet werden.
- ▶ F(45) = 1134903170 calculated with 3672623805 recursive calls.



Laufzeit bei der rekursiven Berechnung der Fibonacci Zahlen

- ▶ Der Berechnungsbaum ist maximal binär verzweigt, also ist die Laufzeit in $O(2^n)$. Eine genauere Abschätzung erhält man mit folgenden Überlegungen:
- ► Es gilt $\lim_{n\to\infty} \frac{F_{n+1}}{F_n} = \phi = \frac{\sqrt{5}+1}{2} \approx 1.6180$.
- ▶ Die Abschätzung $\frac{F_{n+1}}{F_n} \approx 1.6$ gilt schon ab n=6 recht gut.
- ▶ Daher ergibt sich als Wachstumsverhalten $F_n \approx 1.6^n$

Laufzeit bei der rekursiven Berechnung der Fibonacci Zahlen

- ▶ Der Berechnungsbaum ist maximal binär verzweigt, also ist die Laufzeit in $O(2^n)$. Eine genauere Abschätzung erhält man mit folgenden Überlegungen:
- ► Es gilt $\lim_{n\to\infty} \frac{F_{n+1}}{F_n} = \phi = \frac{\sqrt{5}+1}{2} \approx 1.6180$.
- ▶ Die Abschätzung $\frac{F_{n+1}}{F_n} \approx 1.6$ gilt schon ab n=6 recht gut.
- Daher ergibt sich als Wachstumsverhalten $F_n \approx 1.6^n$
- ▶ Da bei dem Rekursionsbaum an den Blättern die Werte 0 und 1 stehen, muss die Größenordnung der Anzahl der rekursive Aufrufe bei 1.6ⁿ liegen.
- ▶ Die rekursive Berechnung der Fibonacci Zahlen hat also eine exponentielle Laufzeit.

Laufzeit bei der rekursiven Berechnung der Fibonacci Zahlen

- ▶ Der Berechnungsbaum ist maximal binär verzweigt, also ist die Laufzeit in $O(2^n)$. Eine genauere Abschätzung erhält man mit folgenden Überlegungen:
- ► Es gilt $\lim_{n\to\infty} \frac{F_{n+1}}{F_n} = \phi = \frac{\sqrt{5}+1}{2} \approx 1.6180$.
- ▶ Die Abschätzung $\frac{F_{n+1}}{F_n} \approx 1.6$ gilt schon ab n=6 recht gut.
- ▶ Daher ergibt sich als Wachstumsverhalten $F_n \approx 1.6^n$
- ▶ Da bei dem Rekursionsbaum an den Blättern die Werte 0 und 1 stehen, muss die Größenordnung der Anzahl der rekursive Aufrufe bei 1.6^n liegen.
- ▶ Die rekursive Berechnung der Fibonacci Zahlen hat also eine exponentielle Laufzeit.
- Das Problem ist, dass dieselben Teillösungen vielfach berechnet werden.
- Gemäß dem Paradigma der dynamischen Programmierung können die Doppeltberechnungen durch Speicherung der Zwischenlösungen vermieden werden.

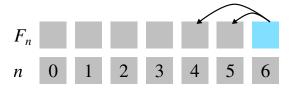
Berechnung mit Zwischenspeichern top-down

▶ Wir können ein Feld zur Speicherung der Teillösung verwenden, und Teillösungen nur nach Bedarf berechnen, so dass keine Doppeltberechnungen stattfinden.

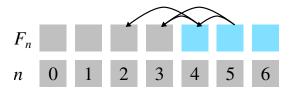
```
public class FibonacciTopDown {
 private static long[] F;
  public static long fibonacci(int n) {
    F = new long[n+1];
    F[0] = 0; F[1] = 1;
    for (int k = 2; k \le n; k++)
      F[k] = -1;
    return fibo(n);
  public static long fibo(int n) {
   if (F[n] < 0)
      F[n] = fibo(n-1) + fibo(n-2);
    return F[n];
```

- Das Feld F wird benutzt, um Teillösungen zwischenzuspeichern.
- Der Wert -1 zeigt an, dass der Wert noch nicht berechnet wurde.

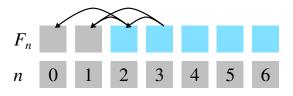
▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.



▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.



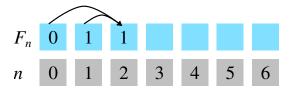
▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.



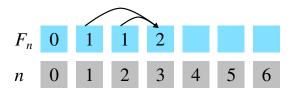
- ▶ Bei dem top-down Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.



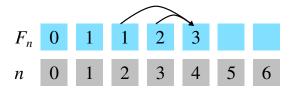
- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.



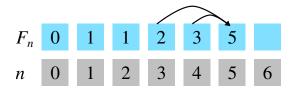
- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.



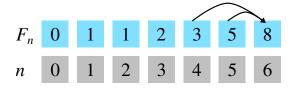
- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.



- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.



- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.



- ▶ Bei dem *top-down* Ansatz gehen die Berechnungsanfragen von oben nach unten.
- Die Anfangswerte sind definiert.
- ▶ Von dort werden die Werte *bottom-up* berechnet und gespeichert.
- ▶ Wenn sowieso alle Werte des Feldes berechnet werden müssen, kann die Berechnung auch gleich *bottom-up* durchgeführt werden.



Berechnungen auf Vorrat: bottom-up

- ▶ Zur Berechnung von F_n müssen alle vorherigen Werte, also alle F_k für k < n berechnet werden.
- ► Also kann dies direkt *bottom-up* erledigt werden, ohne auf den 'Bedarf' zu warten.

```
public static long fibonacci(int n)
{
    F = new long[n+1];
    F[0] = 0;
    F[1] = 1;
    for (int k = 2; k <= n; k++)
        F[k] = F[k-1] + F[k-2];
    return F[n];
}</pre>
```

Speichereffizienz?

Gegenüber der rekursiven Implementation haben wir Laufzeit- gegen Speichereffizienz eingetauscht.

Geht es auch effizient in beidem?

TUB AlgoDat 2019

⊲ 11 ⊳

Speichereffizienz?

- Gegenüber der rekursiven Implementation haben wir Laufzeit- gegen Speichereffizienz eingetauscht.
- Geht es auch effizient in beidem?
- Man braucht immer nur die letzten beiden Werte!

```
public static long fibonacci(int n)
{
    F = new long[2];
    F[0] = 0;
    F[1] = 1;
    for (int k = 2; k <= n; k++)
        F[k%2] = F[(k-1)%2] + F[(k-2)%2];
    return F[n%2];
}</pre>
```

Nebenbemerkung zu Fibonacci

▶ Damit haben eine Implementation, die effizient in Laufzeit und Speicherbedarf ist, also ein Optimum.

Oder geht es noch besser?

Nebenbemerkung zu Fibonacci

- Damit haben eine Implementation, die effizient in Laufzeit und Speicherbedarf ist, also ein Optimum.
- Oder geht es noch besser?
- Geschlossene Form (für n > 0):

$$F_n = \frac{\phi^n - (-\phi^{-n})}{\sqrt{5}}$$
 mit $\phi = \frac{\sqrt{5} + 1}{2}$

```
public static long fibonacci(int n) // Geschlossene Form!
{
   double phi = (Math.sqrt(5)+1) / 2.0;
   return Math.round( (Math.pow(phi,n) - (-Math.pow(phi,-n)) ) / Math.sqrt(5) );
}
```

Von Fibonacci zum Dynamischen Programmieren

- ▶ Das Fibonacci Beispiel hat ein paar wichtige Aspekte des dynamischen Programmierens beleuchtet:
- In einer rekursiven Formel wird eine Lösung auf die Lösungen von Teilproblemen zurückgeführt.
- Wenn dieselben Teilprobleme vielfach gebraucht werden, kann die Effizienz durch eine Speicherung der Lösungswerte erhöht werden.

TUB AlgoDat 2019

□ 13 ▷

Von Fibonacci zum Dynamischen Programmieren

- ▶ Das Fibonacci Beispiel hat ein paar wichtige Aspekte des dynamischen Programmierens beleuchtet:
- In einer rekursiven Formel wird eine Lösung auf die Lösungen von Teilproblemen zurückgeführt.
- ▶ Wenn dieselben Teilprobleme vielfach gebraucht werden, kann die Effizienz durch eine Speicherung der Lösungswerte erhöht werden.
- ► Die Berechnung kann *top-down* bei Bedarf oder
- bottom-up auf Vorrat durchgeführt werden.

TUB AlgoDat 2019

□ 13 ▷

Von Fibonacci zum Dynamischen Programmieren

- ▶ Das Fibonacci Beispiel hat ein paar wichtige Aspekte des dynamischen Programmierens beleuchtet:
- In einer rekursiven Formel wird eine Lösung auf die Lösungen von Teilproblemen zurückgeführt.
- ▶ Wenn dieselben Teilprobleme vielfach gebraucht werden, kann die Effizienz durch eine Speicherung der Lösungswerte erhöht werden.
- ▶ Die Berechnung kann *top-down* bei Bedarf oder
- bottom-up auf Vorrat durchgeführt werden.
- ▶ Der *top-down* Ansatz kann günstig sein, wenn nur manche Teillösungen gebraucht werden und im voraus nicht klar ist, welche das sein werden.
- ▶ Der bottom-up Ansatz kann die Speichereffizienz steigern, wenn die Teillösungen nur 'schichtweise' gebraucht werden, also Teillösungen überschrieben werden können.

TUB AlgoDat 2019

□ 13 ▷

▶ Das Grundprinzip der dynamischen Programmierung lautet: Redundante Berechnung durch Speicherung von Teillösungen vermeiden!

TUB AlgoDat 2019

⊲ 14 ⊳

- ▶ Das Grundprinzip der dynamischen Programmierung lautet: Redundante Berechnung durch Speicherung von Teillösungen vermeiden!
- ▶ Um ein Optimierungsproblem per dynamischer Programmierung zu lösen, sucht man zunächst eine rekursive Formel.
- ▶ Dafür nimmt man eine optimale Lösung als gegeben an und versucht den Wert der Lösung in Abhängigkeit von Teillösungen darzustellen (Substrukturanalyse). Dabei wird oft eine Fallunterscheidung gemacht.

TUB AlgoDat 2019

□ 14 ▷

- ▶ Das Grundprinzip der dynamischen Programmierung lautet: Redundante Berechnung durch Speicherung von Teillösungen vermeiden!
- ► Um ein Optimierungsproblem per dynamischer Programmierung zu lösen, sucht man zunächst eine rekursive Formel.
- ▶ Dafür nimmt man eine optimale Lösung als gegeben an und versucht den Wert der Lösung in Abhängigkeit von Teillösungen darzustellen (Substrukturanalyse). Dabei wird oft eine Fallunterscheidung gemacht.
- ▶ Bei komplexeren Problemen werden viele Teillösungen benötigt. Sind darunter sehr viele gleiche Teilprobleme, kommt der Vorteil der dynamischen Programmierung zum Tragen.
- ▶ Falls sehr viele unterschiedliche Teilprobleme vorkommen, benötigt der Ansatz des dynamischen Programmierens oft zu viel Speicher und der Laufzeitgewinn ist nicht so groß.

TUB AlgoDat 2019

□ 14 ▷

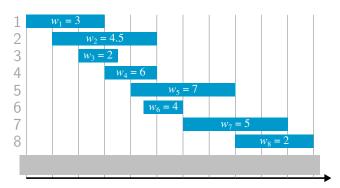
- Mit der Rekursionsformel wird nur der optimale Wert definiert, nicht die zugehörige Lösung selbst.
- Manchmal kann die Lösung bei der Bestimmung des optimalen Wertes mit gespeichert werden. Oft ist allerdings ein zweiter Durchlauf zur Bestimmung der Lösung notwendig.

TUB AlgoDat 2019

□ 15 ▷

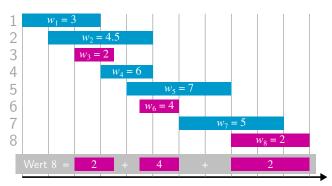
Beispiel 1: Gewichtete Intervallauswahl

- ► Als Erweiterung unseres ersten Beispiels der letzten Vorlesung betrachten wir nun die Auswahl gewichteter Intervalle.
- Es gibt Anfragen 1, ..., n zur Nutzung einer Ressource (z.B. Raum, Prozessor, Messgerät) in dem Zeitintervall $I_k = [s_k, f_k)$ und mit dem Gewicht w_i .
- ▶ Ziel: Wähle kompatible Intervalle $S \subseteq \{1, ..., n\}$, so dass das Gewicht der gewählten Intervalle $\sum_{k \in S} w_k$ (= Wert der Lösung) maximal ist.



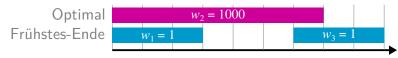
Beispiel 1: Gewichtete Intervallauswahl

- ► Als Erweiterung unseres ersten Beispiels der letzten Vorlesung betrachten wir nun die Auswahl gewichteter Intervalle.
- Es gibt Anfragen 1, ..., n zur Nutzung einer Ressource (z.B. Raum, Prozessor, Messgerät) in dem Zeitintervall $I_k = [s_k, f_k)$ und mit dem Gewicht w_i .
- ▶ Ziel: Wähle kompatible Intervalle $S \subseteq \{1, ..., n\}$, so dass das Gewicht der gewählten Intervalle $\sum_{k \in S} w_k$ (= Wert der Lösung) maximal ist.



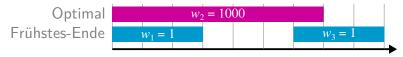
Neues Problem braucht neuen Ansatz

- ▶ Bei der ungewichteten Intervallauswahl (entsprechend gleichen Gewichten w_k für alle k) ist der Greedy-Algorithmus Frühstes-Ende optimal.
- ▶ Bei der gewichteten Intervallauswahl kann er grandios scheitern:

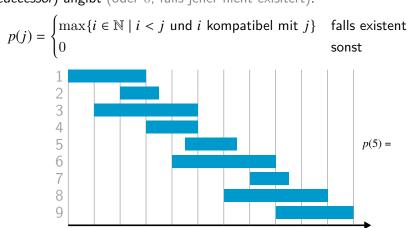


Neues Problem braucht neuen Ansatz

- ▶ Bei der ungewichteten Intervallauswahl (entsprechend gleichen Gewichten w_k für alle k) ist der Greedy-Algorithmus Frühstes-Ende optimal.
- ▶ Bei der gewichteten Intervallauswahl kann er grandios scheitern:



- ▶ Wir wählen einen neuen Ansatz, der die dynamische Programmierung einführt.
- Dafür überlegt man, wie man die optimale Lösungen aus Lösungen von Teilproblemen ableiten kann.
- Im Folgenden setzen wir voraus, dass die Intervalle aufsteigend nach Endzeiten sortiert sind.



$$p(j) = \begin{cases} \max\{i \in \mathbb{N} \mid i < j \text{ und } i \text{ kompatibel mit } j\} & \text{falls existent sonst} \\ 0 & \text{sonst} \end{cases}$$

$$p(j) = \begin{cases} \max\{i \in \mathbb{N} \mid i < j \text{ und } i \text{ kompatibel mit } j\} & \text{falls existent sonst} \\ 0 & \text{sonst} \end{cases}$$

$$p(j) = \begin{cases} \max\{i \in \mathbb{N} \mid i < j \text{ und } i \text{ kompatibel mit } j\} & \text{falls existent sonst} \\ 0 & \text{sonst} \end{cases}$$

Wir definieren zunächst eine Funktion, die zu jedem Intervall den 'besten' Vorgänger (predecessor) angibt (oder 0, falls jener nicht exisitert).

$$p(j) = \begin{cases} \max\{i \in \mathbb{N} \mid i < j \text{ und } i \text{ kompatibel mit } j\} & \text{falls existent sonst} \\ 0 & \text{sonst} \end{cases}$$

Intervall j ist also mit Intervall p(j) kompatibel und auch mit allen Intervallen vor p(j) durch die Sortierung nach Endzeitpunkten.

Ansatz für Dynamisches Programmieren: Rekursionsgleichung

- ▶ Genereller Ansatz: Wir definieren eine Funktion OPT, die den Wert einer optimalen Lösung zu der gegebenen Eingabe zurückgibt.
- ▶ Bei diesem Problem definieren wir OPT(k) als den optimalen Wert (maximales Gewicht) für Anfragen 1, ..., k.

TUB AlgoDat 2019

□ 19 □

Ansatz für Dynamisches Programmieren: Rekursionsgleichung

- ► **Genereller Ansatz:** Wir definieren eine Funktion OPT, die den Wert einer optimalen Lösung zu der gegebenen Eingabe zurückgibt.
- ▶ Bei diesem Problem definieren wir OPT(k) als den optimalen Wert (maximales Gewicht) für Anfragen 1, ..., k.
- ► **Substrukturanalyse:** Durch Überlegungen zur Optimalität von Teillösungen stellen wir eine Rekursionsgleichung für OPT auf.
- Diese bildet dann den Ansatzpunkt für die Lösung per dynamischer Programmierung.

TUB AlgoDat 2019

□ 19 □

Ansatz für Dynamisches Programmieren: Rekursionsgleichung

- ► **Genereller Ansatz:** Wir definieren eine Funktion OPT, die den Wert einer optimalen Lösung zu der gegebenen Eingabe zurückgibt.
- ▶ Bei diesem Problem definieren wir OPT(k) als den optimalen Wert (maximales Gewicht) für Anfragen 1, ..., k.
- ► **Substrukturanalyse:** Durch Überlegungen zur Optimalität von Teillösungen stellen wir eine Rekursionsgleichung für OPT auf.
- Diese bildet dann den Ansatzpunkt für die Lösung per dynamischer Programmierung.
- ▶ Dabei werden oft Fallunterscheidungen gemacht.
- ▶ Hier unterscheiden wir in der Defintion von OPT(k) danach, ob Anfrage k ausgewählt wird, oder nicht.

TUB AlgoDat 2019

□ 19 □

Rekursionsgleichung für optimale, gewichtete Intervallauswahl

- **Definition:** Sei OPT(k) der optimale Wert für Anfragen $1, \ldots, k$.
- 1. Fall: Strategie OPT wählt Anfrage k aus.
- Das Gewicht w_k wird dem Wert der Lösung zugefügt.
- ▶ Anfragen p(k) + 1, ..., k 1 sind mit der Lösung nicht kompatibel.
- ▶ Die optimale Lösung muss die optimale Lösung für 1, ..., p(k) umfasssen.

Rekursionsgleichung für optimale, gewichtete Intervallauswahl

- **Definition:** Sei OPT(k) der optimale Wert für Anfragen $1, \ldots, k$.
- 1. Fall: Strategie OPT wählt Anfrage k aus.
- ▶ Das Gewicht *w*_k wird dem Wert der Lösung zugefügt.
- ▶ Anfragen p(k) + 1, ..., k 1 sind mit der Lösung nicht kompatibel.
- Die optimale Lösung muss die optimale Lösung für $1, \ldots, p(k)$ umfasssen.
- 2. Fall: Strategie OPT wählt Anfrage k nicht aus.
- ▶ Die optimale Lösung muss die optimale Lösung für 1, ..., k-1 umfasssen.

Rekursionsgleichung für optimale, gewichtete Intervallauswahl

- **Definition:** Sei OPT(k) der optimale Wert für Anfragen $1, \ldots, k$.
- 1. Fall: Strategie OPT wählt Anfrage k aus.
- Das Gewicht w_k wird dem Wert der Lösung zugefügt.
- ▶ Anfragen p(k) + 1, ..., k 1 sind mit der Lösung nicht kompatibel.
- Die optimale Lösung muss die optimale Lösung für $1, \ldots, p(k)$ umfasssen.
- 2. Fall: Strategie OPT wählt Anfrage k nicht aus.
- ▶ Die optimale Lösung muss die optimale Lösung für 1, ..., k-1 umfasssen.
- ▶ Der optimale Wert wird also durch folgende Rekursionsgleichung beschrieben:

$$Opt(k) = \begin{cases} 0 & \text{falls } k = 0 \\ \max(\underbrace{w_k + Opt(p(k))}_{\text{Fall } 1}, \underbrace{Opt(k-1)}_{\text{Fall } 2}) & \text{sonst} \end{cases}$$

▶ Die Rekursionsgleichung kann wie folgt umgesetzt werden:

```
Sortiere Anfragen nach Endzeit // f_1 \le \cdots \le f_n

Berechne p_1, \ldots, p_n

opt(n)

procedure opt(k)

if k = 0

return 0

else

return \max(w_k + opt(p_k), opt(k-1))

end
```

Kritische Betrachtung des Implementationsansatzes

- ▶ Die Laufzeit der vorgeschlagenen Implementierung ist sehr schlecht.
- ▶ Wie bei der rekursiven Berechnung der Fibonacci Zahlen werden die Lösungen für Teilprobleme vielfach neuberechnet.
- ▶ Die Rekursionsformel für OPT liefert die Basis für den Ansatz der dynamischen Programmierung. Ein weiteres erforderliches Element ist die Speicherung der Zwischenlösungen.
- ► Soll *top-down* oder *bottom-up* vorgegangen werden?

Kritische Betrachtung des Implementationsansatzes

- ▶ Die Laufzeit der vorgeschlagenen Implementierung ist sehr schlecht.
- ▶ Wie bei der rekursiven Berechnung der Fibonacci Zahlen werden die Lösungen für Teilprobleme vielfach neuberechnet.
- ▶ Die Rekursionsformel für OPT liefert die Basis für den Ansatz der dynamischen Programmierung. Ein weiteres erforderliches Element ist die Speicherung der Zwischenlösungen.
- Soll top-down oder bottom-up vorgegangen werden?
- ▶ Aus der Rekusionsformel für OPT sehen wir, dass alle Teillösungen benötigt werden, da OPT(k) von OPT(k-1) abhängt.

▶ Daher ist der *Bottom-up* Ansatz vorzuziehen.

Gewichtete Intervallauswahl mit Dynamischer Programmierung

▶ Die Werte der Teillösungen *m*[*k*] werden *bottom-up* von 0 bis zu dem gesuchten Wert *n* berechnet werden.

Listing 1: Algorithmus zur Bestimmung der Intervallauswahl mit maximalem Gewicht über dynamische Programmierung

```
Sortiere Anfragen nach Endzeit // f_1 \le \cdots \le f_n

Berechne p_1, \ldots, p_n

m[0] \leftarrow 0

for k = 1 to n

m[k] \leftarrow \max(w_k + m[p_k], m[k-1])

return m[n]
```

Laufzeit für gewichtete Intervallauswahl

Laufzeit für gewichtete Intervallauswahl mit dynamischer Programmierung

Der Algorithmus in Listing 1 bestimmt die Auswahl aus n Intervallen mit maximalem Gewicht in einer Laufzeit in $O(n \log n)$ und mit Speicherbedarf in O(n).

- Sortieren der Aufträge nach Endzeiten: $O(n \log n)$
- ▶ Berechnung von p_k durch Sortierung nach Anfangszeiten: $O(n \log n)$
- Initialisierung und Berechnung des Feldes m[] jeweils: O(n)

TUB AlgoDat 2019

□ 24 ▷

Laufzeit für gewichtete Intervallauswahl

Laufzeit für gewichtete Intervallauswahl mit dynamischer Programmierung

Der Algorithmus in Listing 1 bestimmt die Auswahl aus n Intervallen mit maximalem Gewicht in einer Laufzeit in $O(n \log n)$ und mit Speicherbedarf in O(n).

- Sortieren der Aufträge nach Endzeiten: $O(n \log n)$
- ▶ Berechnung von p_k durch Sortierung nach Anfangszeiten: $O(n \log n)$
- ▶ Initialisierung und Berechnung des Feldes m[] jeweils: O(n)
- ▶ Die Vorbereitung hat also insgesamt eine Laufzeit in $O(n \log n)$ und die eigentliche Intervallauswahl bei gegebenen Sortiertungen O(n).
- ▶ Insgesamt ist die Laufzeit also, wie behauptet, in $O(n \log n)$.
- ▶ Der Speicherbedarf für Feld m[] lässt sich nicht (wie im Fibonacci Beispiel S. 11) reduzieren, da die Rekursionsformel mit p(k) auf unterschiedliche Vorlösungen zurückgreift. □

Die optimale Lösung feststellen

▶ Der bisherige Ansatz bestimmt den Wert der optimalen Lösung. Wie bekommen wir die Lösung selbst (ausgewählte Intervalle)?

TUB AlgoDat 2019

⊲ 25 ⊳

Die optimale Lösung feststellen

- ▶ Der bisherige Ansatz bestimmt den Wert der optimalen Lösung. Wie bekommen wir die Lösung selbst (ausgewählte Intervalle)?
- ▶ Dies kann z. B. in einem zweiten Durchlauf gemacht werden.

```
procedure findSolution (k)

if k = 0

return \emptyset

else if w_k + m[p_k] > m[k-1]

return \{k\} \cup findSolution(p_k)

else

return findSolution (k-1)

end
```

TUB AlgoDat 2019

□ 25 ▷

Die optimale Lösung feststellen

- Der bisherige Ansatz bestimmt den Wert der optimalen Lösung. Wie bekommen wir die Lösung selbst (ausgewählte Intervalle)?
- ▶ Dies kann z. B. in einem zweiten Durchlauf gemacht werden.

```
procedure findSolution (k)

if k = 0

return \emptyset

else if w_k + m[p_k] > m[k-1]

return \{k\} \cup findSolution(p_k)

else

return findSolution (k-1)

end
```

- ▶ Die Lösung muss nicht eindeutig sein.
- ▶ In dem Fall $w_k + m[p_k] = m[k-1]$ (Ambivalenz bei der Maximumsbildung in OPT), kann Intervall k ausgewählt werden, muss es aber nicht.

Beispiel 2: Ein Wiedersehen mit dem 0/1-Rucksack Problem

0/1-Rucksackproblem

Es sind K Objekte mit Gewicht w_k und Wert v_k (für $1 \le k \le K$) sowie ein Rucksack (knapsack) mit einer maximalen Kapazität W gegeben. Wähle Objekte, so dass ihr Gesmtwert maximal ist und ihr Gesamtgewicht die Kapazität nicht überschreitet.

Formal ist das Ziel $S \subseteq \{1, ..., n\}$ gemäß folgender Optimierung zu wählen:

$$S$$
 maximiert $\sum_{k \in S} v_k$ unter der Bedingung $\sum_{k \in S} w_k \le W$

Beispiel 2: Ein Wiedersehen mit dem 0/1-Rucksack Problem

0/1-Rucksackproblem

Es sind K Objekte mit Gewicht w_k und Wert v_k (für $1 \le k \le K$) sowie ein Rucksack (knapsack) mit einer maximalen Kapazität W gegeben. Wähle Objekte, so dass ihr Gesmtwert maximal ist und ihr Gesamtgewicht die Kapazität nicht überschreitet.

► Formal ist das Ziel $S \subseteq \{1, ..., n\}$ gemäß folgender Optimierung zu wählen:

$$S$$
 maximiert $\sum_{k \in S} v_k$ unter der Bedingung $\sum_{k \in S} w_k \le W$

▶ Im Gegensatz zu dem teilbaren Rucksackproblem konnte das 0/1-Rucksack Problem nicht effizient (per Greedy Ansatz) gelöst werden.

Interlude: NP-Vollständigkeit

- ▶ Die Komplexitätsklasse P umfasst diejenigen Probleme, für die es einen Algorithmus mit Laufzeit in O(p(n)) für ein Polynom p(n) in der Eingabegröße n gibt.
- ▶ Grob gesagt, können Probleme in P halbwegs effizient gelöst werden.
- ▶ Zumindest sind Probleme, die nicht in P enthalten sind, für größere Eingaben *n* meist praktisch nicht lösbar.
- ▶ Beispiel: Ein Algorithmus mit einer Laufzeit von 2^n benötigt bei einer Eingabegröße von n = 100 selbst auf einem sehr schnellen Computer mehr als 10^{14} Jahre.

Interlude: NP-Vollständigkeit

- ▶ Die Komplexitätsklasse P umfasst diejenigen Probleme, für die es einen Algorithmus mit Laufzeit in O(p(n)) für ein Polynom p(n) in der Eingabegröße n gibt.
- ▶ Grob gesagt, können Probleme in P halbwegs effizient gelöst werden.
- ▶ Zumindest sind Probleme, die nicht in P enthalten sind, für größere Eingaben *n* meist praktisch nicht lösbar.
- ▶ Beispiel: Ein Algorithmus mit einer Laufzeit von 2^n benötigt bei einer Eingabegröße von n = 100 selbst auf einem sehr schnellen Computer mehr als 10^{14} Jahre.
- ▶ Die Komplexitätsklasse NP umfasst die Probleme, bei denen in polynomieller Laufzeit festgestellt werden kann, ob ein Lösungskandidat tatsächlich eine Lösung darstellt. Die Bestimmung von Lösungen unterliegt keiner Laufzeitbeschränkung.
- ▶ Ein Problem X heißt NP-schwer (NP-hard), wenn ein beliebiges Problem aus NP in polynomieller Zeit auf eine Lösung von X zurückgeführt werden kann.
- ► Ein Problem heißt NP-vollständig, wenn es zu NP gehört und NP-schwer ist.

Interlude: NP-Vollständigkeit

- Offensichtlich gilt P⊆NP.
- ► Es wird von den allermeisten vermutet, dass P≠NP gilt. Aber dies konnte bisher nicht bewiesen werden (Millenium Problem, 1.000.000 \$ Preisgeld).
- ▶ NP-vollständige Probleme stellen Prüfsteine für die P=NP Hypothese dar.

- Offensichtlich gilt P⊆NP.
- ► Es wird von den allermeisten vermutet, dass P≠NP gilt. Aber dies konnte bisher nicht bewiesen werden (Millenium Problem, 1.000.000 \$ Preisgeld).
- ▶ NP-vollständige Probleme stellen Prüfsteine für die P=NP Hypothese dar.
- ▶ Wenn für ein einizges NP-vollständiges Problem ein polynomieller Algorithmus gefunden wird, ist P=NP gezeigt und viele relevante Problemstellungen, die z. Z. praktisch nicht lösbar sind, könnten dadurch lösbar werden.
- ▶ Daher sind NP-vollständige Probleme interessante Herausforderungen.
- ► Insbesondere werden für solche Probleme oft ›Ersatzansätze (gesucht:
 - Ansätze, die in bestimmten praktischen Fällen eine effiziente Lösungen finden, auch wenn der worst-case exponentiell bleibt.
 - Ansätze, die in effizienter Laufzeit suboptimale, approximative Lösungen bestimmen.

- Beispiele für NP-vollständige Probleme:
- ▶ Problem des Handlungsreisenden: Finde in einem vollständigen, gewichteten Graphen einen Zyklus mit minimalem Gewicht, der jeden Knoten genau einmal enthält (*Traveling Salesman Problem*; TSP).

- Beispiele für NP-vollständige Probleme:
- ▶ Problem des Handlungsreisenden: Finde in einem vollständigen, gewichteten Graphen einen Zyklus mit minimalem Gewicht, der jeden Knoten genau einmal enthält (*Traveling Salesman Problem*; TSP).
- ► Hamiltonpfad: Finde einen Pfad, der jeden Knoten eines gegebenen Graphen genau einmal besucht. (Ebenso 'Hamiltonzyklus')

- Beispiele für NP-vollständige Probleme:
- ▶ Problem des Handlungsreisenden: Finde in einem vollständigen, gewichteten Graphen einen Zyklus mit minimalem Gewicht, der jeden Knoten genau einmal enthält (*Traveling Salesman Problem*; TSP).
- ► Hamiltonpfad: Finde einen Pfad, der jeden Knoten eines gegebenen Graphen genau einmal besucht. (Ebenso 'Hamiltonzyklus')
- ▶ 0/1-Rucksack Problem! (auch bei Beschränkung auf ganzzahlige Gewichte)
- Es gibt also nicht viel Hoffnung für einen Ansatz mit dynamischer Programmierung. Wir probieren es trotzdem! (Und beschränken uns dabei auf ganzzahlige Gewichte.)

Erster Ansatz für das 0/1-Rucksack Problem

- **Definition:** Sei Opt(k) der Wert einer optimalen Lösung für Objekte 1, ..., k. (Beachte: Die Reihenfolge der Objekte in der gegebenen Lösung ist beliebig.)
- 1. Fall Objekt k ist in der Lösung nicht ausgewählt.
- ▶ Dann besteht die Lösung in der optimalen Lösung für Teilproblem 1, ..., k-1.

TUB AlgoDat 2019

⊲ 30 ⊳

Erster Ansatz für das 0/1-Rucksack Problem

- **Definition:** Sei Opt(k) der Wert einer optimalen Lösung für Objekte 1, ..., k. (Beachte: Die Reihenfolge der Objekte in der gegebenen Lösung ist beliebig.)
- 1. Fall Objekt *k* ist in der Lösung nicht ausgewählt.
- ▶ Dann besteht die Lösung in der optimalen Lösung für Teilproblem 1, ..., k-1.
- **2. Fall** Objekt *k* ist ausgewählt.
- ▶ Ohne weitere Information lässt sich die Lösung nicht auf Teillösungen zurückführen.
- ▶ Wir wissen nicht, ob Objekt *k* überhaupt ausgewählt werden konnte, und wir wissen nicht wieviel freie Kapazität vorhanden ist, um weitere Objekte auszuwählen.

Erster Ansatz für das 0/1-Rucksack Problem

- **Definition:** Sei Opt(k) der Wert einer optimalen Lösung für Objekte 1, ..., k. (Beachte: Die Reihenfolge der Objekte in der gegebenen Lösung ist beliebig.)
- 1. Fall Objekt *k* ist in der Lösung nicht ausgewählt.
- ▶ Dann besteht die Lösung in der optimalen Lösung für Teilproblem 1, ..., k-1.
- **2. Fall** Objekt *k* ist ausgewählt.
- ▶ Ohne weitere Information lässt sich die Lösung nicht auf Teillösungen zurückführen.
- ▶ Wir wissen nicht, ob Objekt *k* überhaupt ausgewählt werden konnte, und wir wissen nicht wieviel freie Kapazität vorhanden ist, um weitere Objekte auszuwählen.
- ▶ Wir müssen also die Restkapazität als weitere Variable in OPT mitberücksichtigen.

TUB AlgoDat 2019

□ 30 ▷

Richtiger Ansatz für das 0/1-Rucksack Problem

- **Definition:** Sei Opt(k, W) der Wert einer optimalen Lösung O für Objekte 1, ..., k mit Maximalgewicht W. (Reihenfolge der Objekte in O ist beliebig.)
- ► Falls $w_k > W$ kann Objekt k nicht ausgewählt werden. Andernfalls:
- 1. Fall: Objekt k ist in der Lösung O nicht ausgewählt.
- ▶ Dann besteht die Lösung O in der optimalen Lösung für Teilproblem 1, ..., k-1 mit Maximalgewicht W.

TUB AlgoDat 2019

□ 31 ▷

Richtiger Ansatz für das 0/1-Rucksack Problem

- **Definition:** Sei OPT(k, W) der Wert einer optimalen Lösung O für Objekte $1, \ldots, k$ mit Maximalgewicht W. (Reihenfolge der Objekte in O ist beliebig.)
- ▶ Falls $w_k > W$ kann Objekt k nicht ausgewählt werden. Andernfalls:
- 1. Fall: Objekt k ist in der Lösung O nicht ausgewählt.
- Dann besteht die Lösung O in der optimalen Lösung für Teilproblem $1, \ldots, k-1$ mit Maximalgewicht W.
- **2. Fall:** Objekt k ist in der Lösung O ausgewählt.
- Dann besteht die Lösung O in der optimalen Lösung für Teilproblem $1, \ldots, k-1$ mit Maximalgewicht $W - w_k$.

$$\mathrm{OPT}(k,W) = \begin{cases} 0 & \mathrm{falls} \ k = 0 \\ \mathrm{OPT}(k-1,W) & \mathrm{falls} \ w_k > W \\ \max(\underbrace{v_k + \mathrm{OPT}(k-1,W-w_k)}_{k \ \mathrm{ausgew\"{a}hlt}}, \underbrace{\mathrm{OPT}(k-1,W)}_{k \ \mathrm{nicht} \ \mathrm{ausgew\"{a}hlt}}) & \mathrm{sonst} \end{cases}$$

TUB AlgoDat 2019 ⊲ 31 ⊳

Weitere Entscheidungen zur Implementation

- ▶ OPT greift in der ersten Dimension nur auf Vorgänger zu, d.h. $OPT(k, \cdot)$ hängt nur von $OPT(k-1, \cdot)$ ab.
- ▶ Daher könnte bei dem *bottom-up* Ansatz der Speicherbedarf zur Bestimmung des optimalen Wertes auf zwei Spalten der Matrix *M* beschränkt werden, analog zu dem Fibonacci Beispiel S. 11.

TUB AlgoDat 2019

□ 32 ▷

Weitere Entscheidungen zur Implementation

- ▶ OPT greift in der ersten Dimension nur auf Vorgänger zu, d.h. $OPT(k, \cdot)$ hängt nur von $OPT(k-1, \cdot)$ ab.
- ▶ Daher könnte bei dem bottom-up Ansatz der Speicherbedarf zur Bestimmung des optimalen Wertes auf zwei Spalten der Matrix M beschränkt werden, analog zu dem Fibonacci Beispiel S. 11.
- ▶ Allerdings ist dann unklar, wie die eigentliche Lösung (welche Objekte ausgewählt werden) ausgelesen werden kann.
- ▶ Dies geschieht ja normalerweise in einem zweiten Durchlauf, wobei das Feld / die Matrix der gespeicherten Teillösungen durchlaufen wird, siehe Seite 25.

Weitere Entscheidungen zur Implementation

- ▶ OPT greift in der ersten Dimension nur auf Vorgänger zu, d.h. $OPT(k, \cdot)$ hängt nur von $OPT(k-1, \cdot)$ ab.
- ▶ Daher könnte bei dem *bottom-up* Ansatz der Speicherbedarf zur Bestimmung des optimalen Wertes auf zwei Spalten der Matrix *M* beschränkt werden, analog zu dem Fibonacci Beispiel S. 11.
- ▶ Allerdings ist dann unklar, wie die eigentliche Lösung (welche Objekte ausgewählt werden) ausgelesen werden kann.
- ▶ Dies geschieht ja normalerweise in einem zweiten Durchlauf, wobei das Feld / die Matrix der gespeicherten Teillösungen durchlaufen wird, siehe Seite 25.
- ▶ Bei dieser Rekursionsformel für OPT werden nicht unbedingt alle Teillösungen benötigt.
- ▶ Daher benutzen wir hier den *top-down* Ansatz. Der *bottom-up* Ansatz ist leichter zu implementieren, aber u. U. etwas weniger effizient.

Knapsack Top-Down Implementation

```
public class Knapsack {
2
    public int W, K;
3
    public int[] weight;
    public double[] value;
5
    private double[][] M;
     private Queue<Integer> inventory = new LinkedList<>();
8
     public Knapsack(int[] weight, double[] value, int W) {
9
       this.W = W;
10
       this.K = weight.length - 1;
11
       this.weight = weight;
12
       this.value = value;
13
       M = new double[K+1][W+1];
14
       for (int w = 0; w \le W; w++) {
15
         M[0][w] = 0.0;
16
         for (int k = 1; k <= K; k++)
17
           M[k][w] = -1.0:
18
19
20
```

TUB AlgoDat 2019

⊲ 33 ▷

Knapsack Top-Down Implementation

```
public double opt(int k, int w)
21
       if (M[k][w] < 0)
23
         if (weight[k] > w)
24
           M[k][w] = opt(k-1, w);
25
         else
26
           M[k][w] = Math.max(value[k] + opt(k-1, w-weight[k]),
27
                                 opt(k-1, w));
28
       return M[k][w];
29
30
31
     public void findSolution(int k, int w)
32
33
       if (k == 0) return;
34
       else if (weight[k] > w)
35
         findSolution(k-1, w);
36
       else if (value[k] + M[k-1][w-weight[k]] > M[k-1][w]) {
37
         findSolution(k-1, w-weight[k]);
38
         inventory.add(k);
39
       } else
40
         findSolution(k-1, w);
41
     }
```

Knapsack Beispiel Client

```
public static void main(String[] args)
  double[] value = {0, 2, 3, 1, 5, 7, 3, 6};
  int[] weight = {0, 3, 4, 2, 4, 7, 3, 5};
 int maxWeight = 14;
  Knapsack knapsack = new Knapsack(weight, value, maxWeight);
  double optValue = knapsack.opt(knapsack.K, knapsack.W);
 knapsack.findSolution(knapsack.K, knapsack.W);
  System.out.println("Optimal load: ");
  for (int k : knapsack.inventory)
    System.out.println(knapsack.weight[k] + " - " + knapsack.value[k]);
```

TUB AlgoDat 2019

□ 35 ▷

Laufzeit der Knapsack Implementierung

Die 0/1-Knapsack Implementierung für ganzzahlige Gewichte basierend auf dynamischer Programmierung hat eine Laufzeit in O(KW), wobei K die Anzahl der Objekte und W die Kapazität des Rucksacks ist. Der Speicherbedarf ist ebenfalls in O(KW).

Beweis.

- Die Methode opt() geht durch die Abfrage in Zeile 23 für jedes Paar (k, w) nur einmal in die Rekursion.
- Somit ist die Laufzeit von opt() und von der Initialisierung in O(KW).

Laufzeit der Knapsack Implementierung

Die 0/1-Knapsack Implementierung für ganzzahlige Gewichte basierend auf dynamischer Programmierung hat eine Laufzeit in O(KW), wobei K die Anzahl der Objekte und W die Kapazität des Rucksacks ist. Der Speicherbedarf ist ebenfalls in O(KW).

Beweis.

- ▶ Die Methode opt() geht durch die Abfrage in Zeile 23 für jedes Paar (k, w) nur einmal in die Rekursion.
- ▶ Somit ist die Laufzeit von opt() und von der Initialisierung in O(KW). □
- ▶ 0/1-Knapsack ist NP-vollständig und die Laufzeit ist in O(KW)??

Laufzeit der Knapsack Implementierung

Die 0/1-Knapsack Implementierung für ganzzahlige Gewichte basierend auf dynamischer Programmierung hat eine Laufzeit in O(KW), wobei K die Anzahl der Objekte und W die Kapazität des Rucksacks ist. Der Speicherbedarf ist ebenfalls in O(KW).

Beweis.

- ▶ Die Methode *opt()* geht durch die Abfrage in Zeile 23 für jedes Paar (k, w) nur einmal in die Rekursion.
- ▶ Somit ist die Laufzeit von opt() und von der Initialisierung in O(KW). □
- ▶ 0/1-Knapsack ist NP-vollständig und die Laufzeit ist in O(KW)??
- ► Auflösung: Diese Abschätzung 'zählt nicht', da sie nicht nur von der Anzahl der Eingabeobjekte, sondern auch von einem Eingabewert abhängt.

Pseudo-polynomieller Algorithmus

Ein Algorithmus zur Lösung eines Problems, das als Eingaben ganze Zahlen hat, heißt **pseudopolynomiell**, wenn seine Laufzeit durch ein Polynom in der Eingabegröße und dem größten Absolutwert der Eingabezahlen beschränkt ist.

- Die Knapsack Implementierung ist also pseudopolynomiell.
- Nach der formalen Definition darf eine Laufzeit-Komplexität nur von der Bitanzahl abhängen, die benötigt wird, um die Eingabedaten zu kodieren.

Pseudo-polynomieller Algorithmus

Ein Algorithmus zur Lösung eines Problems, das als Eingaben ganze Zahlen hat, heißt **pseudopolynomiell**, wenn seine Laufzeit durch ein Polynom in der Eingabegröße und dem größten Absolutwert der Eingabezahlen beschränkt ist.

- ▶ Die Knapsack Implementierung ist also pseudopolynomiell.
- Nach der formalen Definition darf eine Laufzeit-Komplexität nur von der Bitanzahl abhängen, die benötigt wird, um die Eingabedaten zu kodieren.
- Wenn die Kapazitätsgrenze W mit n Bits kodiert wird, kann die Grenze bis zu $W=2^n-1$ betragen. Die Laufzeit in Abhängigkeit von der Eingabelänge in Bits ist daher $O(K2^n)$, also exponentiell!
- ▶ Genau genommen müssten noch die Bits berücksichtigt werden, die benötigt werden, um die K Objekte zu kodieren. Dies macht allerdings nur einen konstanten Faktor aus, wenn nur W variiert wird.

Beispiel 3: Editierdistanz

- ▶ Die **Editierdistanz** (*edit distance*, auch Levenshtein-Distanz) ist ein Maß für die Ähnlichkeit zwischen zwei Zeichenketten.
- ► Sie dient als Grundlage für den *diff* Befehl und approximative *String-Matching* Algorithmen.
- Das Verfahren findet auch Anwendung in der Bioinformatik zur Analyse von DNAund RNA-Sequenzen. Dort wird das Distanzmaß noch etwas angepasst, um die biologischen Gegebenheiten besser zu modellieren.

Beispiel 3: Editierdistanz

- ▶ Die Editierdistanz zwischen zwei Strings *a* und *b* ist die minimale Anzahl von elementaren Buchstabenoperationen, die notwendig sind, um *a* in *b* umzuwandeln.
- ▶ Die elementaren Buchstabenoperationen sind:
 - D: Einen Buchstaben löschen (delete)
 - ▶ **I:** Einen Buchstaben einfügen (*insert*)
 - ▶ **S:** Einen Buchstaben ersetzen (*substitute*)

Beispiel 3: Editierdistanz

- ▶ Die Editierdistanz zwischen zwei Strings *a* und *b* ist die minimale Anzahl von elementaren Buchstabenoperationen, die notwendig sind, um *a* in *b* umzuwandeln.
- ▶ Die elementaren Buchstabenoperationen sind:
 - D: Einen Buchstaben löschen (delete)
 - ▶ **I:** Einen Buchstaben einfügen (*insert*)
 - ► S: Einen Buchstaben ersetzen (*substitute*)
- ▶ Das Editieren kann buchstabenweise von vorne entlang des Strings *a* durchgeführt werden. Dann wird noch folgende Aktion verwendet:
 - -: Einen Buchstaben unverändert übernehmen
- Das Übernehmen eines Buchstaben zählt nicht als Operation im Sinne der Editierdistanz.

Editieroperationen in Action

▶ Wie kann man ALGODAT in DAGOBERT verwandeln?

ALGODAT

DAGOBERT

Editieroperationen in Action

Wie kann man ALGODAT in DAGOBERT verwandeln?



- ▶ Diese Umwandlung ergibt eine Distanz von 5 (zweimal Einfügen, einmal Löschen, zweimal Ersetzen).
- ▶ Die Editierdistanz ist die kleinste Anzahl von Buchstabenoperationen. Geht es noch kürzer als in dem Beispiel?

- Gemäß dem Ansatz der dynamischen Programmierung definieren wir eine Funktion OPT.
- Wir führen zunächst einige Schreibweisen ein.
- Für einen String a bezeichnet a[1:i] den String, der aus den ersten i Zeichen von a besteht.
- a[1:0] ist der leere String.
- ▶ Desweiteren bezeichnet a[i] (für i > 0) den i-ten Buchstaben von a und

$$a[i] \neq b[j] = \begin{cases} 0 & \text{falls die Zeichen } a[i] \text{ und } b[j] \text{ gleich sind} \\ 1 & \text{sonst} \end{cases}$$

- Gemäß dem Ansatz der dynamischen Programmierung definieren wir eine Funktion OPT.
- Wir führen zunächst einige Schreibweisen ein.
- Für einen String a bezeichnet a[1:i] den String, der aus den ersten i Zeichen von a besteht.
- a[1:0] ist der leere String.
- ▶ Desweiteren bezeichnet a[i] (für i > 0) den i-ten Buchstaben von a und

$$a[i] \neq b[j] = \begin{cases} 0 & \text{falls die Zeichen } a[i] \text{ und } b[j] \text{ gleich sind} \\ 1 & \text{sonst} \end{cases}$$

Wir betrachten zunächst die Randfälle.

- ▶ Opt(i, j) sei die Editierdistanz zwischen den Substrings a[1:i] und b[1:j].
- Für j=0 soll String a[1:i] in einen leeren String umgewandelt werden. Dazu müssen alle Zeichen von a[1:i] gelöscht werden (also i-mal die Operation **D** ausgeführen): Opt(i,0) = i.

- ▶ Opt(i, j) sei die Editierdistanz zwischen den Substrings a[1:i] und b[1:j].
- Für j=0 soll String a[1:i] in einen leeren String umgewandelt werden. Dazu müssen alle Zeichen von a[1:i] gelöscht werden (also i-mal die Operation \mathbf{D} ausgeführen): $\mathrm{OPT}(i,0)=i$.
- Für i=0 soll ein leerer String in den String b[1:j] umgewandelt werden. Dazu müssen alle Zeichen des Strings b[1:j] eingefügt werden (also j-mal die Operation lausgeführen): Opt(0,j)=j.

- ▶ Opt(i, j) sei die Editierdistanz zwischen den Substrings a[1:i] und b[1:j].
- Für j=0 soll String a[1:i] in einen leeren String umgewandelt werden. Dazu müssen alle Zeichen von a[1:i] gelöscht werden (also i-mal die Operation \mathbf{D} ausgeführen): $\mathrm{OPT}(i,0)=i$.
- Für i=0 soll ein leerer String in den String b[1:j] umgewandelt werden. Dazu müssen alle Zeichen des Strings b[1:j] eingefügt werden (also j-mal die Operation lausgeführen): $\mathrm{OPT}(0,j)=j$.
- Für i, j > 0 betrachten wir alle möglichen Operationen, addieren die Editierkosten (=1 für D, I und S) zu der jeweiligen Teillösung und wählen das Minimum:

$$\begin{aligned} \text{OPT}(i,j) &= \min(\, \text{OPT}(i,j-1) + 1, & \text{einfügen von } b[j] \\ \text{OPT}(i-1,j) &+ 1, & \text{löschen von } a[i] \\ \text{OPT}(i-1,j-1) &+ (a[i] \neq b[j]) & \text{ersetzen oder übernehmen} \end{aligned}$$

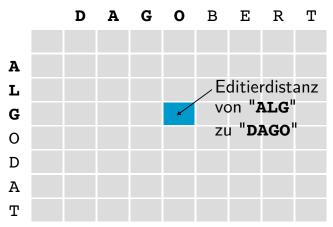
ightharpoonup Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.

| | D | A | G | 0 | В | E | R | Т |
|---|---|---|---|---|---|---|---|---|
| | | | | | | | | |
| Α | | | | | | | | |
| L | | | | | | | | |
| G | | | | | | | | |
| 0 | | | | | | | | |
| D | | | | | | | | |
| Α | | | | | | | | |
| Т | | | | | | | | |

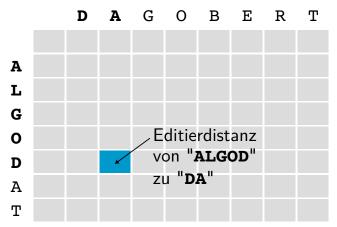
TUB AlgoDat 2019

□ 43 ▷

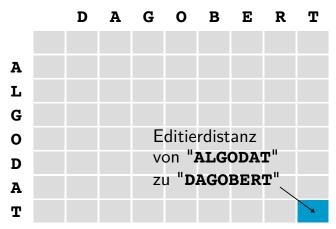
 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



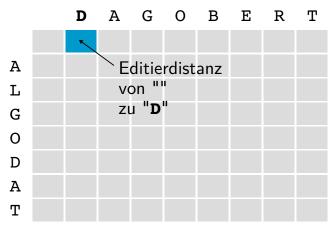
 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



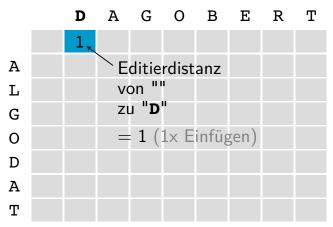
 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



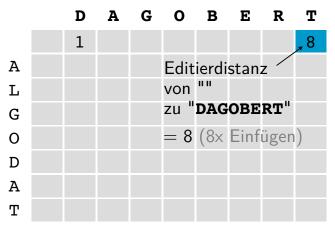
 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



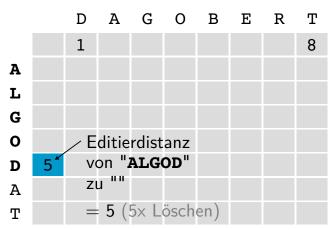
▶ Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a = ALGODAT und b = DAGOBERT.



TUB AlgoDat 2019

□ 43 ▷

 \blacktriangleright Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a=ALGODAT und b=DAGOBERT.



TUB AlgoDat 2019

□ 43 ▷

- ▶ Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a = ALGODAT und b = DAGOBERT.
- Die Randfälle sind einfach.

| | | D | A | G | 0 | В | E | R | T |
|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|
| | 0 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
| A | 1 | | | | | | | | |
| L | 2 | | | | | | | | |
| G | 3 | | | | | | | | |
| 0 | 4 | | | | | | | | |
| D | 5 | | | | | | | | |
| A | 6 | | | | | | | | |
| T | 7 | | | | | | | | |

- Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a = ALGODAT und b = DAGOBERT.
- Die Randfälle sind einfach.
- ▶ Die Editierdistanz der Strings wird in Eintrag (7,8) der Matrix stehen.
- ▶ Um den Wert zu bestimmen, brauchen wir Teillösungen.

| | | D | A | G | 0 | В | E | R | T |
|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----------|
| | 0 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
| A | 1 | | | | | | | | |
| L | 2 | | | | | | | | |
| G | 3 | | | | | | | | |
| 0 | 4 | | | | | | | | |
| D | 5 | | | | | | | | |
| A | 6 | | | | | | | _ | † |
| T | 7 | | | | | | | • | |

- Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a = ALGODAT und b = DAGOBERT.
- Die Randfälle sind einfach.
- ▶ Die Editierdistanz der Strings wird in Eintrag (7,8) der Matrix stehen.
- ▶ Um den Wert zu bestimmen, brauchen wir Teillösungen. Und zwar alle Teillösungen.

| | | D | A | G | 0 | В | E | R | T |
|---|---|---|---|---|---|---|----------|------------|----------|
| | 0 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
| A | 1 | | | | | | | | |
| L | 2 | | | | | | | | |
| G | 3 | | | | | | | | |
| 0 | 4 | | | | | | | | |
| D | 5 | | | | | | K | ↑ ▼ | † |
| A | 6 | | | | | | + | • | |
| T | 7 | | | | | | ← | | |

- ▶ Wir betrachten die Matrix der Teillösungen für a = ALGODAT und b = DAGOBERT.
- Die Randfälle sind einfach.
- ▶ Die Editierdistanz der Strings wird in Eintrag (7,8) der Matrix stehen.
- ▶ Um den Wert zu bestimmen, brauchen wir Teillösungen. Und zwar alle Teillösungen.

| | | D | A | G | 0 | В | E | R | T |
|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|
| | 0 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
| A | 1 | | | | | | | | |
| L | 2 | | | | | | | | |
| G | 3 | | | | | | | | |
| 0 | 4 | | | | | | | | |
| D | 5 | | | | | | | | |
| A | 6 | | | | | | | | |
| T | 7 | | | | | | | | |

Überlegungen zur Implementation

- Die Betrachtung hat gezeigt, dass zur Bestimmung der Editierdistanz der gegebenen Strings alle Teillösungen, die in der Matrix repräsentiert sind, benötigt werden.
- ▶ Daher bringt die "Berechnung bei Bedarf" des top-down Ansatzes keinen Vorteil.
- Es ist also günstiger, direkt alle Werte der Matrix bottom-up zu bestimmen.

Überlegungen zur Implementation

- ▶ Die Betrachtung hat gezeigt, dass zur Bestimmung der Editierdistanz der gegebenen Strings alle Teillösungen, die in der Matrix repräsentiert sind, benötigt werden.
- ▶ Daher bringt die "Berechnung bei Bedarf" des *top-down* Ansatzes keinen Vorteil.
- Es ist also günstiger, direkt alle Werte der Matrix bottom-up zu bestimmen.
- ▶ Wie bei unseren vorigen Beispiel, wird zunächst nur der Wert der Lösung bestimmt, also die Editierdistanz.
- Um die Editiersequenz auszugeben, müsste wieder ein zweiter Durchlauf erfolgen, der anhand der gespeicherten D[][] Werte die optimale Sequenz rekonstruiert.
 (Dies funktioniert allerdings nicht für die Speicher-effiziente Variante.)

Implementation der Editierdistanz

```
public class EditDistance
  private String a, b;
  private int an, bn;
  private int D[][];
  public EditDistance(String a, String b)
    this.a = a;
    this.b = b;
    an = a.length();
    bn = b.length();
    D = new int[an + 1][bn + 1];
    for (int i = 0; i <= an; i++) {
      D[i][0] = i;
    for (int j = 0; j \le bn; j++)
      D[0][j] = j;
  }
```

Implementation der Editierdistanz

```
public int distance()
 for (int i = 1; i <= an; i++) {
    for (int j = 1; j \le bn; j++) {
      int d1 = D[i][j - 1] + 1;
      int d2 = D[i - 1][j] + 1;
      int d3 = D[i - 1][j - 1] + (a.charAt(i-1) == b.charAt(j-1) ? 0 : 1);
      D[i][j] = Math.min(Math.min(d1, d2), d3);
  return D[an][bn];
```

▶ In Java gibt a.charAt(i-1) das *i*-te Zeichen des Strings a zurück. Dadurch ergibt sich eine Diskrepanz zu der OPT-Formel.

| | | D | A | G | 0 | В | E | R | T |
|---------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|
| | 0 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
| A | 1 | 1 | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 |
| L | 2 | 2 | 2 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 |
| G | 3 | 3 | 3 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 |
| 0 | 4 | 4 | 4 | 3 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 |
| D | 5 | 4 | 5 | 4 | 3 | 3 | 4 | 5 | 6 |
| A | 6 | 5 | 4 | 5 | 4 | 4 | 4 | 5 | 6 |
| ${f T}$ | 7 | 6 | 5 | 5 | 5 | 5 | 5 | 5 | 5 |

TUB AlgoDat 2019

⊲ 47 ⊳

Literatur

Generell:

- Schöning U. Algorithmik (Spektrum Lehrbuch). Spektrum Akademischer Verlag;
 2001. ISBN: 978-3827410924
- ▶ Kleinberg J, Tardos E. *Algorithm Design*. Pearson Education Limited; Auflage: Pearson New International Edition (30. Juli 2013). ISBN: 978-1292023946

Anderes Vorlesungsmaterial:

- Wayne K. Vorlesung Theory of Algorithms (COS 423), Princeton University 2013. https://www.cs.princeton.edu/courses/archive/spring13/cos423/lectures.php
- Röglin H. Skript zur Vorlesung Randomisierte und Approximative Algorithmen, Universität Bonn, http://www.roeglin.org/teaching/WS2011/ RandomisierteAlgorithmen/RandomisierteAlgorithmen.pdf
- Skiena S. Vorlesung Algorithms Lecture #16 (CSE 373/548), State University of New York, Stony Brook, 2012. https://www3.cs.stonybrook.edu/~algorith/video-lectures

Danksagung I

Bei der Darstellung vom weighted interval scheduling und dem Rucksack Problem habe ich einige Ideen von den großartigen Folien von Kevin Wayne zu seiner Vorlesung *Theory of Algorithms* (COS 423, Princeton University 2013) aufgenommen. (Seine Vorlesung orientiert sich seinerseits an dem Buch von Kleinberg & Tardos.)

Index

Divide-and-Conquer, 2 *Dynamical Programming*, 3 Dynamische Programmierung, 3

Editierdistanz, 38

Fibonacci Zahl, 4 Komplexitätsklasse NP, 27 Komplexitätsklasse P, 27 NP-schwer, 27 NP-Vollständigkeit, 27 *Traveling Salesman Problem*, 29

TUB AlgoDat 2019

□ 50 ▷