|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Plataforma/ compañía | Longitud de reads (pb) | # reads x run | Tiempo | Costo x 10^6 bases | Error (%) | Química |
| Sanger/life technologies | 800 | 1 | 2 hrs | $2400 | 0.1 | Dideoxy terminator |
| Illumina | 50 - 250 | <3 mil millones | 1 - 10 días | ~$0.10 | 2 | Síntesis detectada por fluorescencia paso a paso |
| Roche 454 | 700 | 1 millón | 1 día | $10 | 0.1 | Pirosecuenciación por síntesis detectada por acción de la luciferasa |
| PACBio | 2900 | <75,000 | <2 hrs | $2 | 1 | Sïntesis de una sola molécula de gran tamaño detectada por fluorescencia |
| Ion Torrent | 200 | <5 millón | <2 hrs | $1 | 2 | Detección de cambios de pH tras la adición de diferentes nucleótidos |

Deschamps, S., Llaca, V.,& May, G.. (2012). Genotyping-by-Sequencing in Plants. Biology. 1. 460-83. 10.3390/biology1030460.

FH Munster University of Applied Sciences. (s.f.). Analysis of next-generation sequencing data. 8/12/2020, de FH Munster Sitio web: <https://www.fh-muenster.de/eti/downloads/labore/db/bioinf/BFG_Chapter09_NGS_v04.pdf>