Para calcular la dispersion funcional necesitamos dos matrices:

1. Parcela x especie
2. Especie x rasgo funcional

Como en este caso el valor del rasgo funcional varía para cada especie hay que generar un nuevo id que sea “especie-parcela”. Entonces tendremos dos matrices que serán:

1. Parcela x “especie-parcela”
2. “especie-parcela” x rasgo funcional

Para los rasgos de matorral eliminar el grosor



He cambiado los siguientes codigos en la matriz de rasgos:

272894-Erar y 272894-Erci

450101-Haspp a 450101-Cila

Me da los siguientes errores:

FEVe: Could not be calculated for communities with <3 functionally singular species.

FDiv: Cannot be computed when 'calc.FRic' is FALSE.

Pues yo creo que si que podría eliminar el grosor. Ahora he escrito un artículo en el que he actualizado la forma de calcular los indices funcionales. Estas semanas las tengo muy complicadas, si quieres para el congreso usa los índices de la librería FD y luego los podemos recalcular utilizando las formulas de Maire 2015 (es más actual). Si quieres los hablamos.

Manolo ha revisado los datos y te los va a enviar.  
Si puedes calcular todos los indices de todos los rasgos de forma conjunta seria estupendo. Me refiero a que no lo hagas para cada uno de los rasgos (LMA, etc) sino en conjunto. Y si puedes calcular todos los indices pues genial.

**ARBOREO**

He estado hablando con Manolo y te cuento:

1. Datos raros en arbolado. Manolo lo va revisar y te lo mandara cuando lo tenga. Parece que lo que has hecho es la media de los rasgos por parcela. Asi tienes 30 puntos en vez de 150 como hay originalmente. Ten en cuenta que los cinco valores por parcela corresponden a individuos distintos, pero me imagino que lo que querias ver son las relaciones.

2. Hojas jovenes y viejas. Yo creo que como hay buena relacion entre los rasgos de un tipo de hoja u otro, podrias hacer los analisis de diversidad funcional con una de ellas, por ejemplo las jovenes. Mas adelante para el articulo ya vemos que hacemos.