MCM

llz

2019年7月2日

1 模型学习

1.1 logistic曲线

曲线特点:初始阶段指数增长,逐渐变得饱和,增长变慢,达到成熟时增长停止。

1.2 规划问题

1.2.1 线性规划

标准形式:

min:Z=CX

 $s.t.AX \leq b$

1.3 非线性规划

- ① 目前无通用的求解方法
- ② 二次规划:目标函数为二次函数,约束条件为线性

1.4 整数规划

1.4.1 线性整数规划

1. 分支定界、割平面法: 适合纯或混合整数规划

2. 隐枚举法: 0-1整数规划

3. 匈牙利算法: 指派问题

4. 蒙特卡罗法: 各种类型规划

1.4.2 非线性整数规划

随机取样计算法

1.5 灰色预测

将杂乱无章的原始数据经过预处理,变成有规律的时间序列数据,再 建立动态模型,从而预测未来发展趋势。

1.5.1 GM(1, 1)模型:

1. 原始数据列:

$$x^{(0)} = (x^{(1)}(1), x^{(1)}(2), \dots, x^{(1)}(n))$$

2. 生成新数据列 (弱化随机序列的波动性和随机性)

$$x^{(1)}(t) = \sum_{k=1}^{t} x^{(0)}(k)$$

3. 建立一阶线性微分方程:

$$\frac{dx^{(1)}}{dt} + ax^{(1)} = u$$

a:发展系数; u:灰色作用量

4. 对累加生成数据做均值生成B与常数项向量 Y_n :

$$B = \begin{bmatrix} 0.5(x^{(1)}(1) + x^{(1)}(2) \\ 0.5(x^{(1)}(2) + x^{(1)}(3) \\ 0.5(x^{(1)}(n-1) + x^{(1)}(n) \end{bmatrix}, Y_n = (x^{(0)}(2), x^{(0)}(3), \dots, x^{(0)}(n))^T$$

5. 最小二乘法求解â:

$$\hat{a} = \begin{pmatrix} a \\ u \end{pmatrix} = (B^T B)^{-1} B^T Y_n$$

6. 代入â求解得:

$$\hat{x}^{(1)}(t+1) = (x^{(0)}(1) - \frac{u}{a})e^{-at} + \frac{u}{a}$$

7. 对 $\hat{x}^{(1)}(t+1)$ 及 $\hat{x}(1)(t)$ 进行离散,并还原原序列:

$$\hat{x}^{(0)}(t+1) = \hat{x}^{(1)}(t+1) - \hat{x}(1)(t)$$

- 8. 灰色模型相关检验, 判断模型是否合理
- 9. 利用模型进行预测:

$$\hat{x}^{(0)} = \underbrace{\left[\hat{x}^{(0)}(1), x^{(0)}(2), \dots, x^{(0)}(n)\right]}_{a}, \underbrace{\hat{x}^{(0)}(n+1), x^{(0)}(n+2), \dots, x^{(0)}(n+m)}_{b}\right]$$

a:原始数据的模拟; b:未来数据的预测.

2 遗传算法

2.1 实现步骤

1. 编码

$$\underbrace{000000000}_{k} = 0 \longrightarrow L$$

$$0000000001 = 1 \longrightarrow L + \delta$$

$$1111111111 = 2^{k} - 1 \longrightarrow U$$

可知:

$$\delta = \frac{U - L}{2^k - 1}$$

2. 解码

$$x = L + (\sum_{i=1}^{k} b_i 2^{i-1}) \frac{U - L}{2^k - 1}$$

- 3. 交配: 是使用单点或多点进行交叉的算子。首先用随机数产生一个或 多个交配点位置, 然后两个个体在交配点位置互换部分基因码, 形成 两个个体。
- 4. 突变: 是使用基本位进行基因突变。
- 5. 倒位: 是指某区段正常排列顺序发生180°的颠倒,包括臂间倒位和臂内倒位。
- 6. 个体适应度评估: 通常, 求目标函数的最大值的问题可以直接把目标 函数作为检测个体适应度大小的函数。
- 7. 复制: 是根据个体适应度大小决定其下代遗传的可能性,设种群中个体总数为N,个体i的适应度为 f_i ,则个体i被选取的几率为:

$$P_i = \frac{f_i}{\sum_{k=1}^{N} f_k}$$

- 3 latex学习
- 3.1 文字与符号