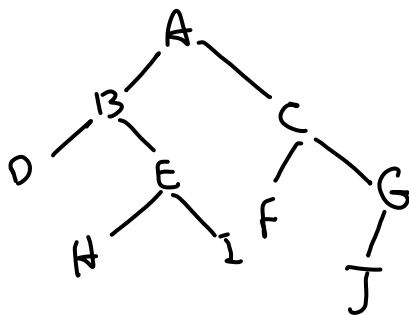


۳۳- می‌خواهیم با وارد کردن مقادیر ۱ و ۲ و ۳ به هر ترتیب دلخواه در یک درخت تهی دودویی جستجو (Null Binary Search Tree) یک درخت دودویی جستجو با ۳ گره بسازیم. چند درخت دودویی جستجوی متفاوت ممکن است ساخته شود؟ (مهندسی کامپیوتر - دولتی ۷۶)

(۱) ۴ درخت (۲) ۳ درخت (۳) ۶ درخت (۴) ۵ درخت

$$\frac{1}{n+1} \binom{2n}{n} = \frac{1}{4} \binom{6}{3}$$

۳۸- اگر T یک درخت جستجوی باینری به صورت زیر باشد که در هر گره آن یک عدد صحیح ذخیره شده است چهارمین کوچکترین عنصر آن در کدام گره قرار دارد؟ (علوم کامپیوتر - دولتی ۸۶)



D B H E T A F C J G

۴۷- می‌خواهیم یک درخت دودویی جستجو با عنصر $a_1 < a_2 < \dots < a_6$ بسازیم تا متوسط عمق عناصر در آن کمینه شود. اگر p_i احتمال a_i باشد، متوسط عمق برابر $\sum_{i=1}^6 p_i \text{depth}(q_i)$ تعریف می‌شود. اگر $p_1 = \frac{2}{7}$ و $p_i = \frac{1}{7}$ برای $2 \leq i \leq 6$ باشد، متوسط عمق درخت بهینه چند است؟ (عمق ریشه صفر فرض می‌شود) (علوم کامپیوتر - دولتی ۸۲)

(۱) $\frac{8}{7}$ (۲) $\frac{9}{7}$ (۳) $\frac{10}{7}$ (۴) $\frac{11}{7}$

$$\frac{1}{7} + (1+2+3+4+5) \frac{1}{7} = \frac{22}{7}$$

$$\frac{1}{7} + \frac{1}{7} (1+2+3+4+5) = \frac{22}{7}$$

طالب فرید

$$\sum R(d_i + 1)$$

$$\frac{1}{7} + \frac{1}{7} (1+2+3+4+5) = \frac{22}{7}$$

طولانی ترین زیردنباله مشترک:

در برخی کاربردهای بیولوژیکی لازم است DNA چند ارگانیسم با هم مقایسه شود. یک DNA از زنجیره ای از مولکول های پایه ای تشکیل شده است. برخی از آنها عبارتند از آدنین (A)، گوانین (G)، سیتوسین (S) و تیمین (T). بنابراین یک رشته را می توان کلمه ای روی $\{A, G, S, T\}$ در نظر گرفت. مثلاً

$S_1 = \text{ACCGGTCGAGTGCGCGGAAGCCGGCCGAA}$

$S_2 = \text{GTCGTTCGGAATGCCGTTGCTCTGTAA}$

یکی از اهداف مقایسه دو رشته تعیین میزان همانندی آنهاست. لذا دنبال رشته سومی هستیم که مولکول پایه آن در هر دو رشته ظاهر شده باشد ولی لزومی ندارد متوالی باشند. در مثال فوق رشته مشترک بصورت زیر است:

$\text{GTCGTCGGAAGCCGGCCGAA}$

پیشوند i ام X : i حرف پشت سر هم از ابتدای رشته X را پیشوند i ام X گویند و با X_i نشان میدهند.

حرف i ام: h امین حرف رشته X را با x_i نشان میدهند.

$$X = \langle x_1, \dots, x_m \rangle$$

$$X_i = \langle x_1, \dots, x_i \rangle$$

$$Z = \langle z_1, \dots, z_k \rangle$$

زیر دنباله: گوئیم Z زیردنباله‌ای از X است اگر:

$$\exists i_1, i_2, \dots, i_k \mid i_1 < i_2 < \dots < i_k : \forall j : 1 \leq j \leq k \ z_j = x_{i_j}$$

$$X = \langle A, B, B, A, D, A, B, F \rangle$$

$$Z = \langle B, A, A, F \rangle$$

$$\begin{cases} i_1 = 2 \Rightarrow z_1 = x_2 \\ i_2 = 4 \Rightarrow z_2 = x_4 \\ i_3 = 6 \Rightarrow z_3 = x_6 \\ i_4 = 8 \Rightarrow z_4 = x_8 \end{cases}$$

نکته: هر رشته m حرفی دارای 2^m زیردنباله است.

دراین مسئله در ورودی دو رشته به طول‌های n, m وجود دارد. که هدف مسئله بدست آوردن طولانی‌ترین زیردنباله مشترک می‌باشد.

ورودی:

دو دنباله X و Y که اولی به طول m و دومی به طول n میباشد.

خروجی: طول طولانی‌ترین زیر دنباله مشترک X و Y

رویکرد برنامه ریزی پویا:

۱- طول طولانی ترین زیر دنباله مشترک X_i و Y_j $c[i,j]$

۲- $c[i,0]=c[0,j]=0$; $\forall i,j$ (بدیهی) وقتی یکی از رشته ها تهی باشد هیچ اشتراکی وجود نخواهد داشت)

۳- $c[m,n]$ = جواب

۴- رابطه بازگشتی:

$$c[i,j] = \begin{cases} c[i-1,j-1]+1 & ; x_i = y_j \\ \max \{c[i-1,j], c[i,j-1]\} & ; else \end{cases}$$

```
Algorithm LCS_Length (X,Y)
for i = 1 to n do c[i,0] = 0
for j = 0 to m do c[0,j] = 0
for i = 1 to n do
  for j = 1 to n do
    if x[i] = y[j] then
      {
        c[i,j] = c[i-1,j-1] + 1
        b[i,j] = "\n"
      }
    else
      {
        c[i,j] = max(c[i-1,j], c[i,j-1])
        b[i,j] = ""
      }
  }
end for
end for
```

```

else
if  $c[i-1, j] \geq c[i, j-1]$  then
{
 $c[i, j] = c[i-1, j]$ 
 $b[i, j] = "\uparrow"$ 
}
else
{
 $c[i, j] = c[i, j-1]$ 
 $b[i, j] = "\leftarrow"$ 
}
}
Return c and b

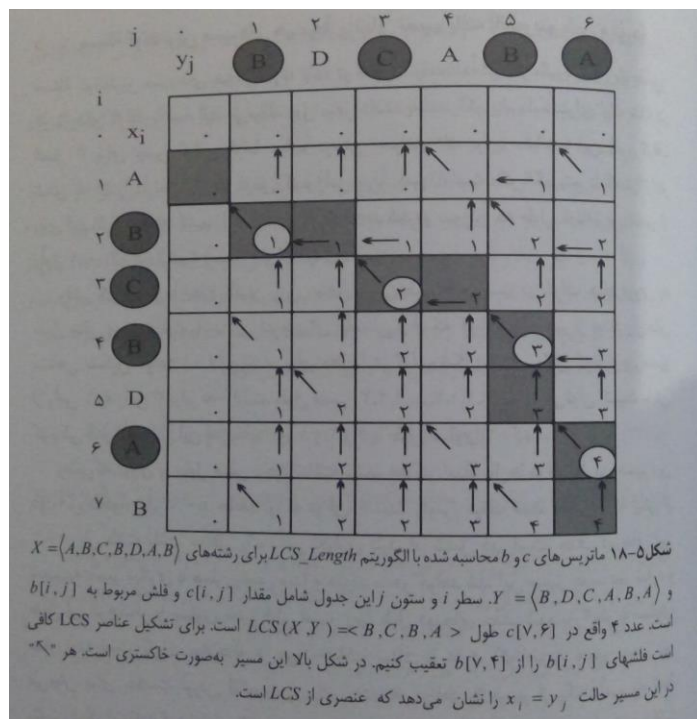
```

پیچیدگی زمانی این الگوریتم $\theta(nm)$ است.

مثال ۵-۲۶ مسئله LCS را برای دو رشته $X = \langle A, B, C, B, D, A, B \rangle$ و $Y = \langle B, D, C, A, B, A \rangle$ حل کنید.

حل. خلاصه محاسبات در شکل ۵-۱۸ آمده است. در سطر i و ستون j این جدول، مقدار $c[i, j]$ و نیز اشاره گر مربوط به $b[i, j]$ ذخیره شده اند. مقدار ۴ در $c[7, 6]$ ، طول LCS دو رشته X و Y است. $LCS(X, Y) = \langle B, C, B, A \rangle$ برای به دست آوردن $LCS(X, Y)$ کافی است از $b[7, 6]$ شروع کرده و مسیر فلشها را تعقیب کنیم. در شکل زیر این مسیر به صورت خاکستری نمایش داده شده است. هر فلش " \nwarrow " که با دایره کوچک مشخص شده است بیانگر حالت $x[i] = y[j]$ است و معرف عنصری از LCS است.

ماتریس خروجی الگوریتم LCS_Length را به سهولت می توان برای تشکیل $LCS(X, Y)$ ، فلشها را تعقیب کنیم. وقتی که در $b[i, j]$ به علامت " \nwarrow " برخورد می کنیم مفهومی این است که $x[i] = y[j]$ عنصری از LCS است. در این روش، عناصر LCS به ترتیب معکوس ملاقات می شوند. الگوریتم بازگشتی زیر، عناصر LCS را به ترتیب صحیح آن چاپ می کند. فراخوانی این الگوریتم باید به صورت $Print_LCS(b, X, n, m)$ باشد.



```

Algorithm Print_LCS ( b, X, i, j )
if i = ۰ or j = ۰ then return
if b[i, j] = "↖" then
{
    Print_LCS (b, X, i - ۱, j - ۱)
    Print (x[i])
}
else
if b[i, j] = "↑" then
    Print_LCS (b, X, i - ۱, j)
else
    Print_LCS (b, X, i, j - ۱)

```