Aktive Enzyme bei der Methanbildung in einer Biogasanlage

Awkologist

January 4, 2016

Abstract

In – oder besser auf – diesem Paper binden wir eine Abbildung aus dem Biogas-Projekt ein.

Einführung

Mit diesem Dokument möchte ich einige Möglichleiten von LATEX vorstellen. Wenn Sie den Quelltext mit Vim schreiben, indem Sie im Terminal vim paper.tex aufrufen, dann aktiviert Vim automatisch die Syntaxerkennung.

Material & Methoden

Unser Material sind wohl Linux und der Terminal – aber natürlich auch die Ergebnisse aus dem Biogasprojekt. Methodisch brauchen wir Das (siehe Abb. 1) ist die Abbildung flinke Finger.

2.1 Material

Allerhand Zeug¹ um zu den RNASeq-Daten zu kommen. Unser Hauptmaterial ist eigentlich die Abbildung mba00680.pna. Sie können aber auch eine andere Graphikdatei verwenden.

2.2 Methoden

Allerhand Arbeitsschritte die, jetzt werde ich mal iterativ, in [Wünschiers, 2016] beschrieben sind.

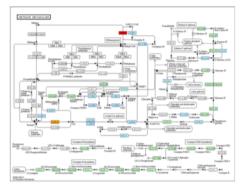


Figure 1: Stoffwechselkarte für den Methanmetabolismus von KEGG.

Ergebnisse & Diskussion

mbq00680.pnq aus dem Verzeichnis Methan. Die Aktivität der Enzyme wurde anhand der Abundanz ihrer Transkripte ermittelt. Jetzt machen wir noch etwas ganz tolles: wir fügen nachfolgend das Ergebnis eines Terminalbefehls in unser LATEX-Dokument ein. Die Datei mbg00680.png ist 49K groß.

Toll was?

References

[Wünschiers, 2016] Wünschiers R Wiley-Schnellkurs Bioinformatik.

¹einfach gesagt