

Algoritmos y Estructuras de Datos III

Departamento de Computación
Facultad de Ciencias Exactas y Naturales
Universidad de Buenos Aires

8 de Abril de 2016

Trabajo Práctico Número 1

Integrante	LU	Correo electrónico
Ciruelos Rodríguez, Gonzalo	063/14	gonzalo.ciruelos@gmail.com
Costa, Manuel José Joaquín	035/14	manucos94@gmail.com
Gatti, Mathias Nicolás	477/14	mathigatti@gmail.com
Maddonni, Axel	200/14	axel.maddonni@gmail.com

Índice

1. Kaio Ken	3
1.1. Explicación formal del problema	3
1.2. Explicación de la solución	3
1.3. Complejidad del algoritmo	3
1.3.1. Esbozo del algoritmo	3
1.3.2. Análisis temporal	3
1.4. Performance del algoritmo	4
1.4.1. Método de experimentación	7
2. Genkidama	8
2.1. Explicación formal del problema	8
2.2. Explicación de la solución	8
2.3. Complejidad del algoritmo	8
2.4. Performance del algoritmo	8
3. Kamehameha	11
3.1. Explicación formal del problema	11
3.2. Explicación de la solución	13
3.2.1. Árbol de posibilidades	13
3.2.2. Podas realizadas	13
3.2.3. Pseudocódigo	14
3.3. Complejidad del algoritmo	15
3.4. Performance del algoritmo	15
4. Apéndice	19

1. Kaio Ken

1.1. Explicación formal del problema

1.2. Explicación de la solución

1.3. Complejidad del algoritmo

El análisis de complejidad es simple, es un algoritmo de Divide & Conquer clásico, que divide siempre el trabajo en 2 y luego fusiona los resultados de los subproblemas en tiempo $O(n)$. Haciendo una analogía, por ejemplo, con el algoritmo de MergeSort, se puede predecir fácilmente que la complejidad será de $O(n \log n)$.

1.3.1. Esbozo del algoritmo

El algoritmo fue analizado en profundidad anteriormente. A grandes rasgos, puede describirse de la siguiente manera:

Algorithm 1 Esbozo del algoritmo de KaioKen

```

procedure GENERARPELEAS(int  $n$ , int  $pactual$ , int  $inicio$ )
  if  $n = 1$  then
     $matrizpeleas[pactual][inicio] \leftarrow 1$ 
  if  $n = 2$  then
     $matrizpeleas[pactual][inicio] \leftarrow 1$ 
     $matrizpeleas[pactual][inicio + 1] \leftarrow 2$ 
  else
    for  $j \in [0, \dots, n)$  do
      if  $j < \frac{n}{2}$  then
         $matrizpeleas[pactual][inicio + j] \leftarrow 1$ 
      else
         $matrizpeleas[pactual][inicio + j] \leftarrow 2$ 
     $generarpeleas(\frac{n}{2}, pactual + 1, inicio)$ 
     $generarpeleas(\frac{n+1}{2}, pactual + 1, n/2 + inicio)$ 

```

Como puede verse claramente, tenemos dos casos base que toman tiempo constante en ser resueltos.

Por otro lado, el tercer caso realiza un trabajo de costo lineal, escribiendo n entradas de la matriz, y luego hace 2 llamadas recursivas, dividiendo el trabajo en 2 mitades iguales (en caso de que n sea impar, la segunda mitad va a tener un elemento más).

1.3.2. Análisis temporal

Si quisieramos expresar la cantidad de operaciones que realiza el algoritmo para un input de tamaño n , podríamos escribirlo fácilmente de la siguiente manera:

$$T(1) = 1$$

$$T(2) = 2$$
$$T(n) = n + 2T\left(\frac{n}{2}\right)$$

Ahora podemos usar el teorema maestro. El teorema maestro se refería a relaciones de recurrencia de la pinta:

$$T(n) = f(n) + aT\left(\frac{n}{b}\right)$$

Y afirmaba, entre otras cosas, que si $f(n) \in O(n^c \log^k n)$ donde $c = \log_b a$, entonces $T(n) \in \Theta(n^c \log^{k+1} n)$. En este caso, se ve claramente que $f(n) = n \in O(n^1 \log^0 n)$, y además $1 = \log_2 2$, por lo que el teorema maestro se puede aplicar, y nos dice que

$$T(n) \in \Theta(n \log n)$$

La complejidad de este algoritmo es siempre $\Theta(n \log n)$, sin distinción entre casos, es decir, este algoritmo no tiene mejor o peor caso. La forma más clara de verlo es que el único input del problema es n , y no hay otro parámetro que pueda modificar su complejidad.

1.4. Performance del algoritmo

Como dijimos antes, la complejidad del algoritmo es siempre $\Theta(n \log n)$, sin distinción entre casos, por lo que el análisis de performance es simple.

Primero veamos que, en la práctica, la complejidad del algoritmo es efectivamente $\Theta(n \log n)$.

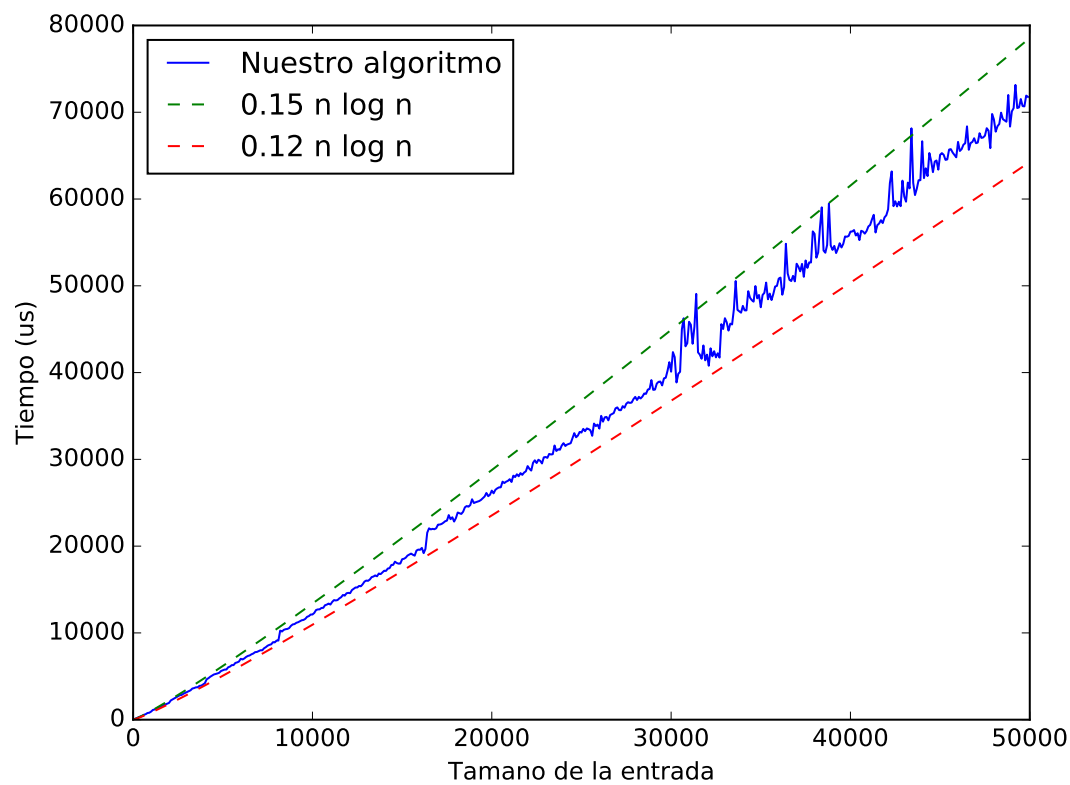


Figura 1: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

Se ve claramente en la figura 1 que el tiempo que toma el algoritmo esta acotado por arriba y por debajo por $kn \log n$ para algun k , es decir, el algoritmo es $\Theta(n \log n)$.

Para hacer un análisis más fino e interesante, es necesario hacer un *close-up* y ver las complejidades de mas cerca.

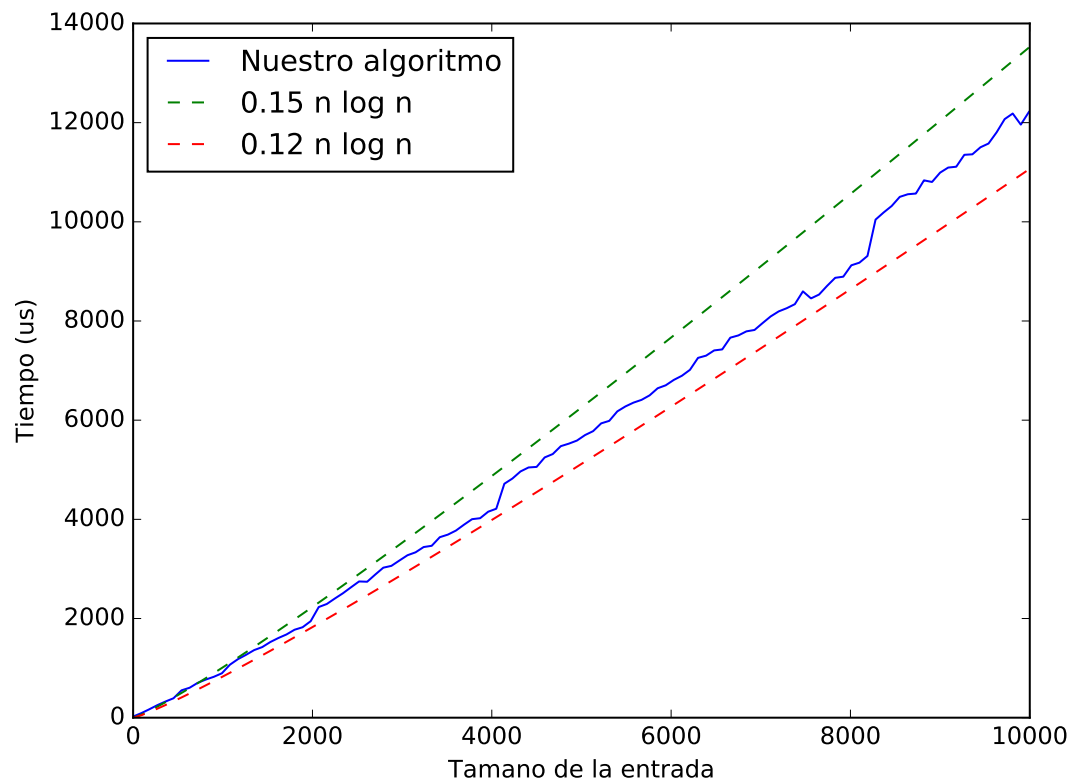


Figura 2: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

Como puede verse en la figura 2, el algoritmo claramente es $\Theta(n \log n)$, pero también puede observarse que hay *saltos* de tiempo en algunos lugares. Se puede inferir fácilmente que estos saltos suceden en las entradas donde $n = 2^k + 1$ para algún k , es decir, cuando n es una potencia de 2 más 1. Esto se debe a que, como fue explicado antes, la cantidad de peleas necesarias es $\lceil \log_2(n) \rceil$, entonces para todos los números entre dos potencias de 2, la cantidad de peleas requerida es la misma, pero luego de una potencia de 2 esta cantidad de peleas aumenta en 1. A esto se debe los saltos luego de las potencias de 2.

Para visualizar más claramente este hecho, realizamos el siguiente gráfico, en el que están marcadas las potencias de 2.

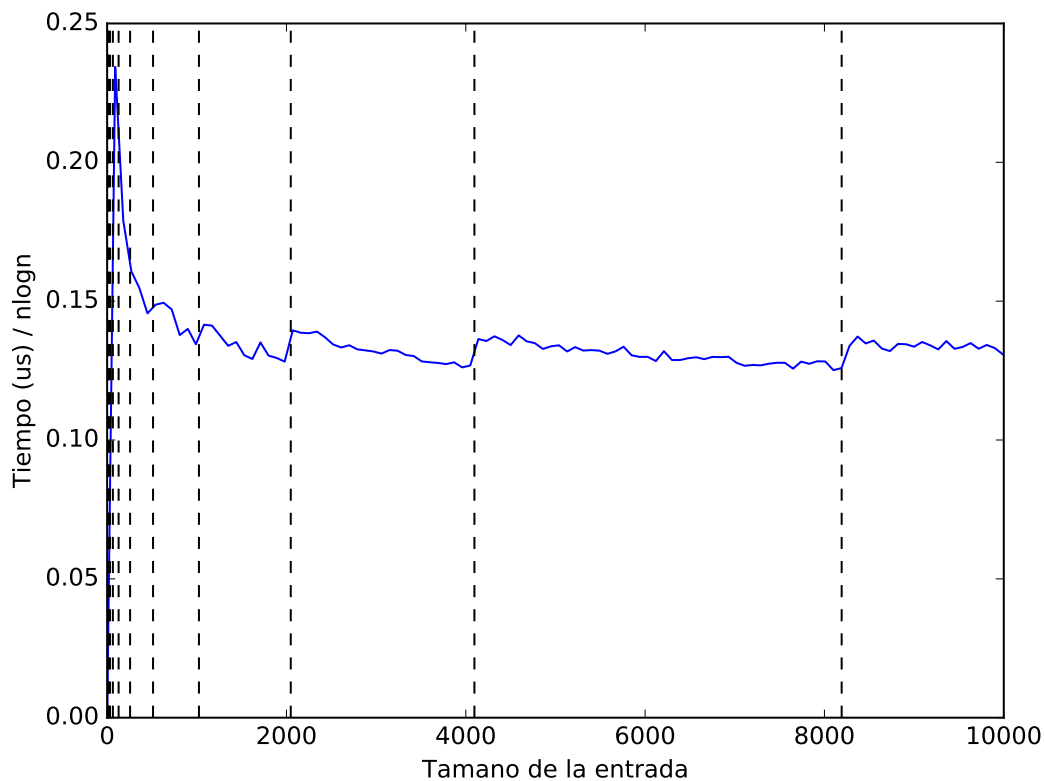


Figura 3: Tiempo que toma el algoritmo en μs dividido $n \log n$ para una entrada de tamaño n .

Con la figura 3 se confirma lo que dijimos anteriormente. Luego de cada potencia de 2, el tiempo aumenta, y luego baja lentamente, dado que la relación tiempo - $n \log n$ se mantiene constante, pero n aumenta, con lo cual la división se achica.

1.4.1. Método de experimentación

Para este problema es muy fácil generar casos de prueba, dado que el único input para el programa es n , por lo que simplemente corrimos el programa con diferentes n de entrada. Ejecutamos el programa 50 veces para cada n y el resultado que graficamos fue el mínimo de todas las ejecuciones (para cada n). Elegimos el mínimo porque es el que nos permite eliminar outliers que tienen que ver con context switches o con factores de la ejecución sobre los que no tenemos control.

2. Genkidama

2.1. Explicación formal del problema

2.2. Explicación de la solución

2.3. Complejidad del algoritmo

2.4. Performance del algoritmo

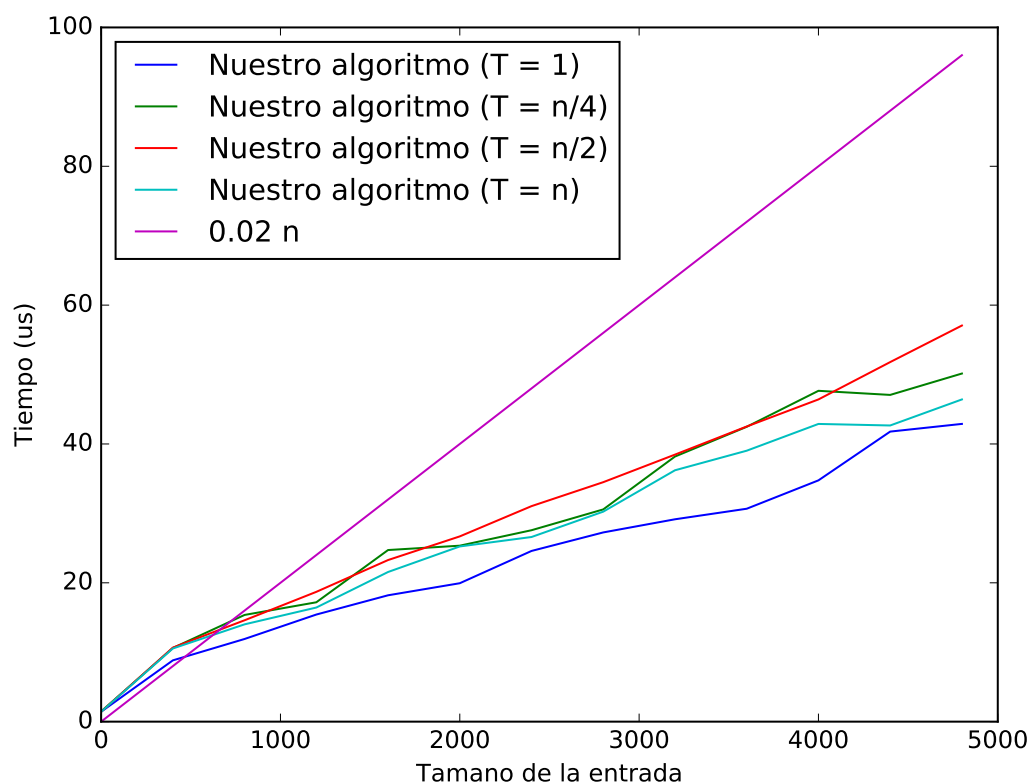


Figura 4: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

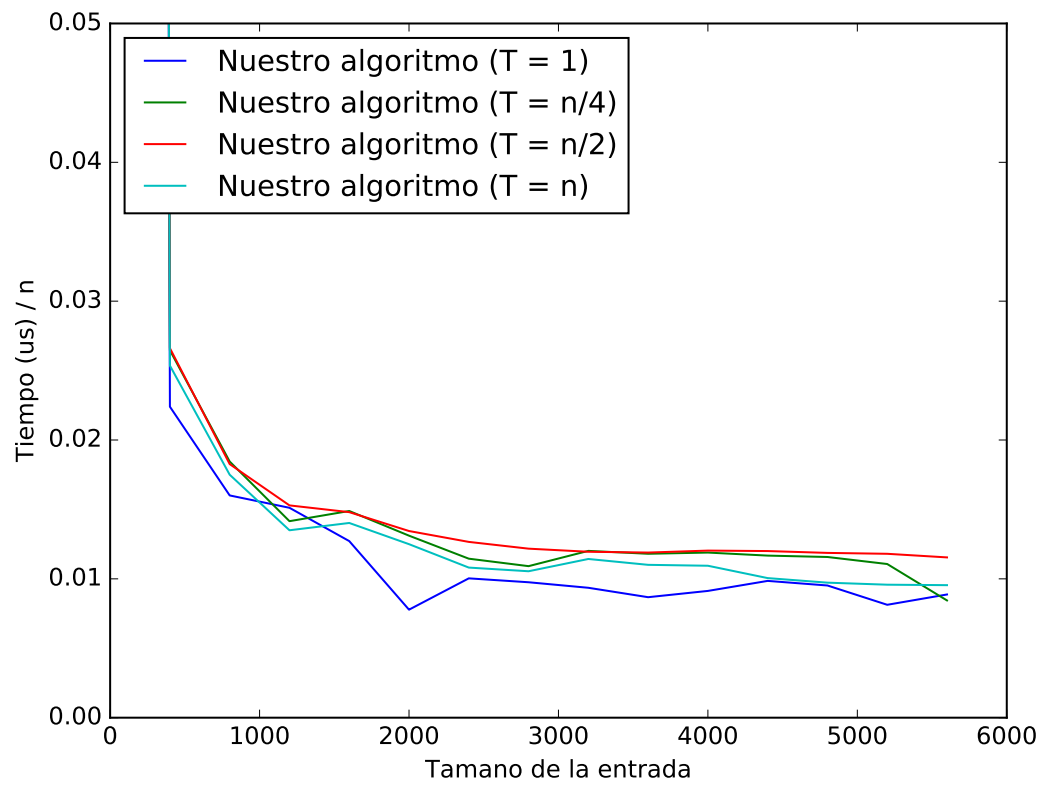


Figura 5: Tiempo que toma el algoritmo en μs dividido n para una entrada de tamaño n .

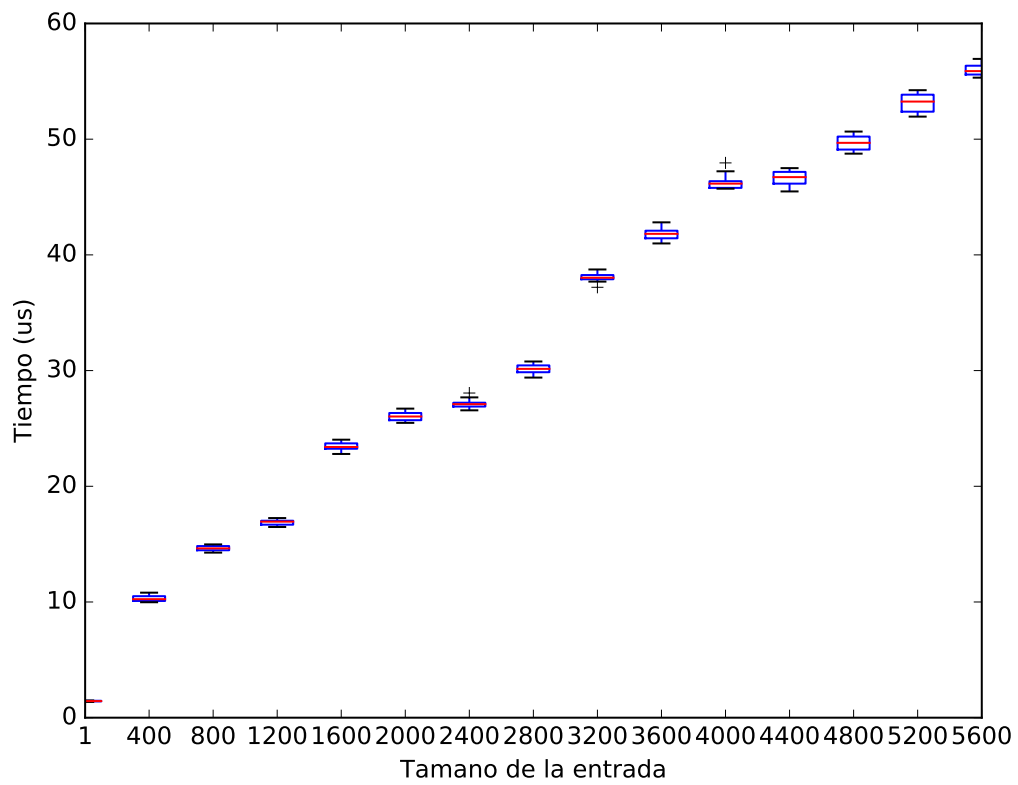


Figura 6: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

3. Kamehameha

3.1. Explicación formal del problema

Sea el conjunto de puntos del primer cuadrante $C = \{(x_1, y_1), \dots, (x_n, y_n)\}$. Se desea hallar alguna partición, P , del mismo que tenga cardinalidad mínima y cumpla la siguiente condición: $(\forall X \in P)(\exists r : \text{semirrecta})(\forall \text{punto} \in X) \text{ punto} \in r$. Esto es, que cada conjunto de la partición solo puede tener puntos que pertenecen a una misma semirrecta (sea cual sea esta). Notar que la segunda condición no restringe la posibilidad de que r atravesase puntos de otro conjunto de la partición.

Por ejemplo, consideremos $C = \{(3, 2), (3, 5), (3, 7), (5, 6), (7, 4)\}$. Tomemos la partición $P' = \{\{(3, 2), (3, 5)\}, \{(3, 7)\}, \{(5, 6), (7, 4)\}\}$. Para ver si P' es solución de nuestro problema grafiquemos los puntos y trazemos una posible configuración de semirrectas correspondiente a la partición, como en la figura (8)¹. Viendo esto es claro que podría atravesarse todos los puntos con solo dos semirrectas en lugar de 3. Inspirados en la figura (7) deducimos que una solución es $P = \{\{(3, 2), (3, 5), (3, 7)\}, \{(5, 6), (7, 4)\}\}$. En este caso puntual además resulta que es la única solución posible (teniendo en cuenta que no nos importa el orden de los puntos por ser conjuntos). Aunque esto en general no vale, como se ve por ejemplo en las figuras (9) y (10), donde las elecciones de semirrectas inducen particiones claramente distintas.

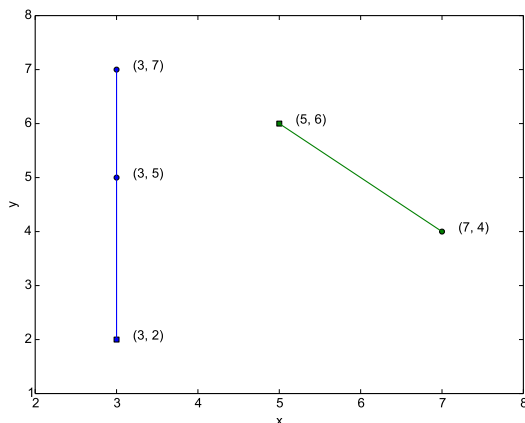


Figura 7: Posible elección de semirrectas para la partición P .

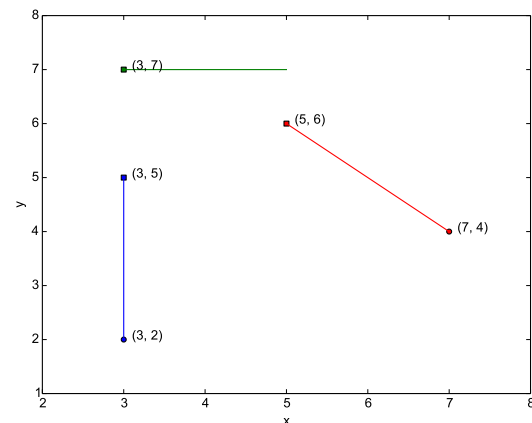


Figura 8: Posible elección de semirrectas para la partición P' .

¹En esta sección los gráficos usarán la siguiente convención: los puntos considerados están marcados con círculos y cuadrados, representando estos últimos el origen de las semirrectas.

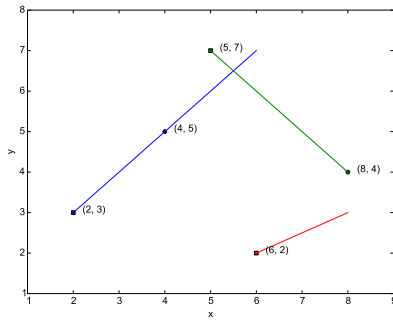


Figura 9: Solución óptima para un conjunto dado de 5 puntos, donde no hay 3 puntos alineados.

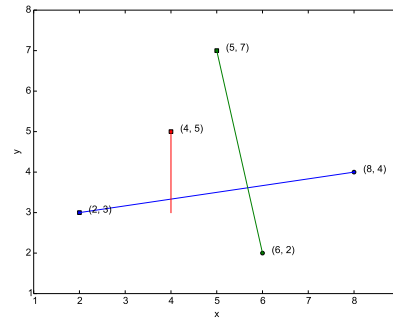


Figura 10: Solución óptima para un conjunto dado de 5 puntos, donde no hay 3 puntos alineados.

Debido a que entre dos puntos siempre se puede establecer un semirrecta que los una, ningún conjunto de la partición solución, P , puede tener menos de dos elementos, salvo quizás uno (como ocurre en la figura 9)). Si tuviera al menos dos conjuntos en P con un solo elemento, XyX' , entonces podría considerar P' , igual a P salvo que tiene a $X'' = X \cup X'$ (que es válido porque seguro hay una semirrecta que una los dos puntos) y por lo tanto no posee a XyX' . Claramente el cardinal de P' es estrictamente menor al de P , lo que es un absurdo pues P era solución. Luego, P puede tener a lo sumo un conjunto con un elemento.

Por lo dicho en el párrafo anterior, se puede establecer una cota superior al cardinal de la solución cuando tengo n puntos: $\lceil \frac{n}{2} \rceil$. ¿Cuándo se alcanza dicha cota? Cuando no existe ninguna semirrecta que pueda atravesar más de dos puntos. Una disposición fácil de generar este tipo de casos es considerar n puntos esparcidos sobre una circunferencia (una recta solo puede ser tangente o secante respecto a una circunferencia). En la figura (11) puede verse un ejemplo de esta situación para 16 puntos.

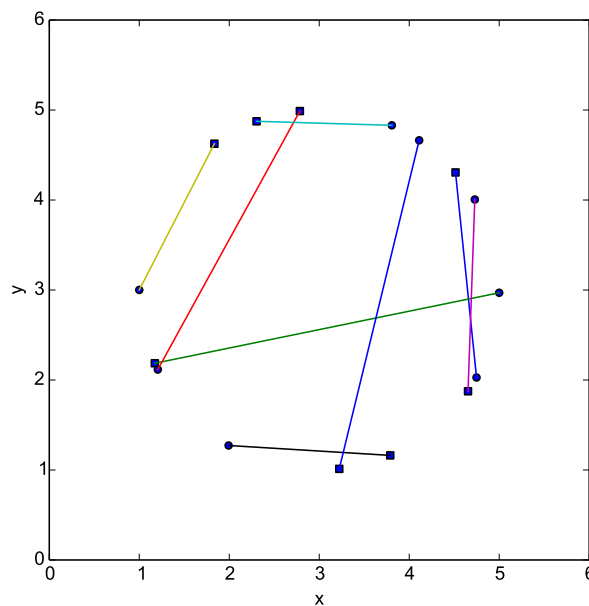


Figura 11: Solución óptima para un conjunto de 16 puntos dispuestos sobre una circunferencia de radio 2 centrada en (3, 3).

3.2. Explicación de la solución

En esta sección daremos una breve explicación de porque el método de **backtracking** resulta correcto para resolver el problema presentado, luego contaremos las podas y estrategias utilizadas, y finalmente presentaremos una explicación de las partes fundamentales de la implementación.

3.2.1. Árbol de posibilidades

Los algoritmos de **backtracking** son un refinamiento de los algoritmos de fuerza bruta por lo que pensemos primero la solución usando este método. Este último tipo de algoritmos consisten en enumerar todos los posibles candidatos a solución del problema y ver si satisfacen las condiciones pedidas o no. En nuestro caso particular, todas los posibles candidatos van a ser las particiones que cumplan la segunda condición del enunciado, y de estas nos quedamos con alguna que tenga cardinal mínimo.

El proceso de construir las particiones se puede pensar como un árbol en el que en cada nivel se agrega un nuevo conjunto de los posibles a la partición que estoy armando. Así, en el nivel 0 (la raíz) tengo un conjunto vacío. En el nivel 1 tengo todos los subconjuntos de C que verifican que existe alguna semirrecta que los une. Al escoger alguno de estos conjuntos lo agregamos en la potencial partición. Debido a esto, en el nivel 2 tenemos un subconjunto de las posibilidades del nivel 1 estrictamente más pequeño pues debemos eliminar todas aquellas opciones que involucraban alguno de los puntos presentes en el conjunto previamente agregado (los conjuntos de la partición deben ser disjuntos). Se repite un procedimiento análogo hasta completar la partición, momento en el que estaremos parados en una hoja del árbol.

Haciendo DFS (Depth-first search) recorreremos todo el árbol de posibilidades, de forma que finalmente encontramos todas las particiones que cumplen la condición dos. Finalmente nos quedamos con alguna de cardinal mínimo (si hubiera más de una).

La correctitud de tal algoritmo es clara pues encuentra todo el universo de posibles soluciones, por lo que si efectivamente existe alguna eventualmente la obtiene. En particular, para todo conjunto finito es posible establecer particiones, así que siempre hay solución.

La idea de **backtracking** es preservar esta garantía de correctitud pero agilizando la búsqueda mediante la utilización de podas en el árbol de posibilidades. Dicho de otra forma, un algoritmo de este tipo descarta **candidatos a soluciones parciales** que a partir de algún criterio podemos predecir que no nos van a conducir a la solución. En nuestro problema, un candidato a solución parcial es una partición en construcción. En la siguiente sección mostramos con que criterios los descartamos.

3.2.2. Podas realizadas

1. Si actualmente estamos parados en un nodo de nivel s (es decir que el cardinal de nuestro candidato a solución parcial es s) y anteriormente ya habíamos encontrado una solución en el nivel s , entonces no tiene sentido continuar por ese camino pues sabemos que todas los candidatos a soluciones a los que se arrive van a ser peores que un candidato previamente encontrado. De esta forma estamos ahorrándonos una búsqueda innecesaria y potencialmente muy costosa.

2. Por lo observado en la sección 3.1, no tiene sentido considerar agregar conjuntos que tienen un solo elemento, salvo potencialmente en el último paso. Esto elimina muchas ramas del árbol.

3.2.3. Pseudocódigo

Algorithm 2 Pseudocódigo del procedimiento de **backtracking** en Kamehameha

```

procedure BACKTRACKING(Tablero  $t$ , int  $step$ )
  if  $step \geq mejor$  then
    return
  if  $t.Solucionado()$  then
     $mejor \leftarrow step$ 
     $mejor\_sol \leftarrow t.Solucion()$ 
  else
    for  $i \in [0, \dots, n)$ ,  $t.EstaVivo?(i)$  do
      if  $t.SoloQuedaUno?()$  then
         $t.Matar(i)$ 
         $backtracking(t, step + 1)$ 
        return
      for  $j \in [0, \dots, n)$ ,  $j \neq i \wedge t.EstaVivo?(j)$  do
        Tablero  $sucesor \leftarrow Copiar(t)$ 
        Vector(int)  $derrotados \leftarrow [i, j]$ 
        for  $k \in [0, \dots, n)$ ,  $k \neq i \wedge k \neq j \wedge t.EstaVivo?(k)$  do
          if  $x_i \neq x_j \wedge y_i \neq y_j$  then
            if  $\frac{x_k - x_i}{x_j - x_i} = \frac{y_k - y_i}{y_j - y_i} \wedge MismoCuadrante?(i, j, k)$  then
               $derrotados.AgregarAtras(k)$ 
            else
              if  $(AlinHor?(i, j, k) \vee AlinVer?(i, j, k)) \wedge MismoCuadrante?(i, j, k)$  then
                 $derrotados.AgregarAtras(k)$ 
           $sucesor.Matar(derrotados)$ 
           $backtracking(sucesor, step + 1)$ 

```

3.3. Complejidad del algoritmo

3.4. Performance del algoritmo

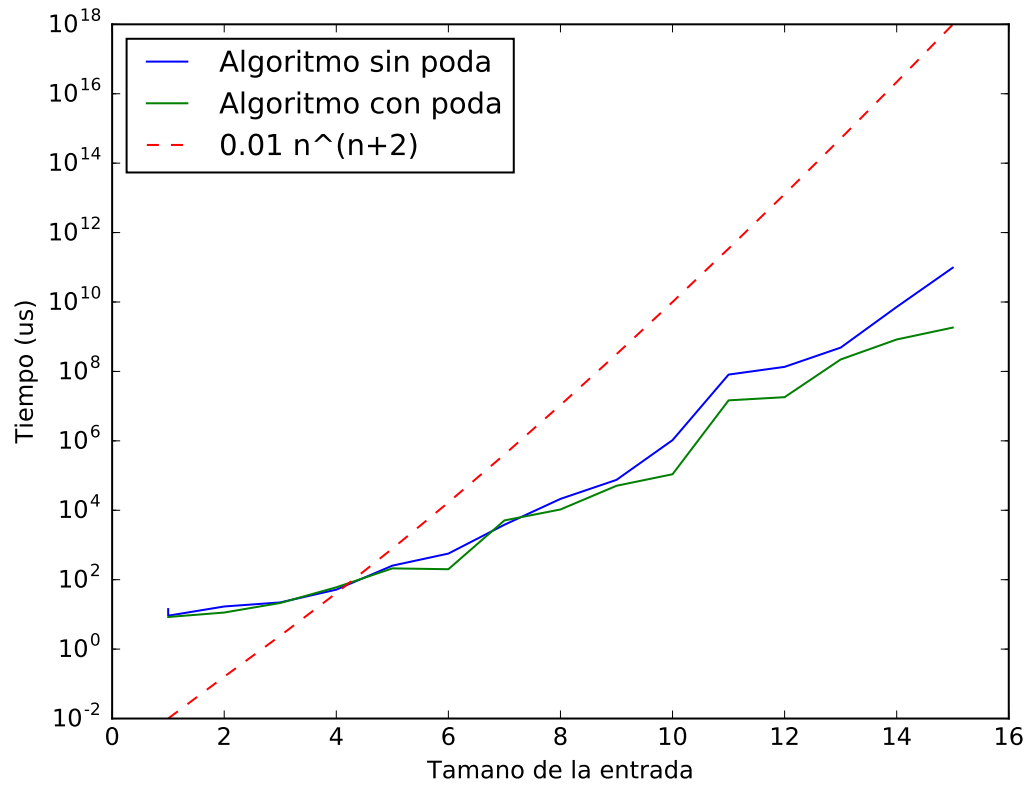


Figura 12: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

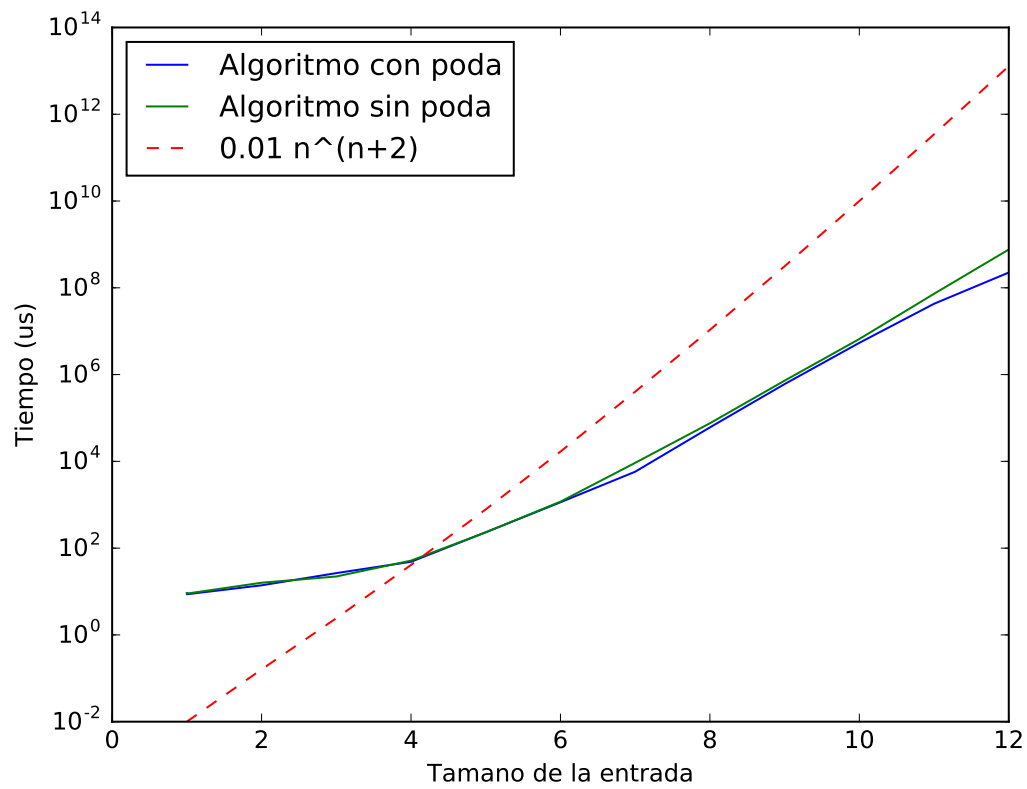


Figura 13: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

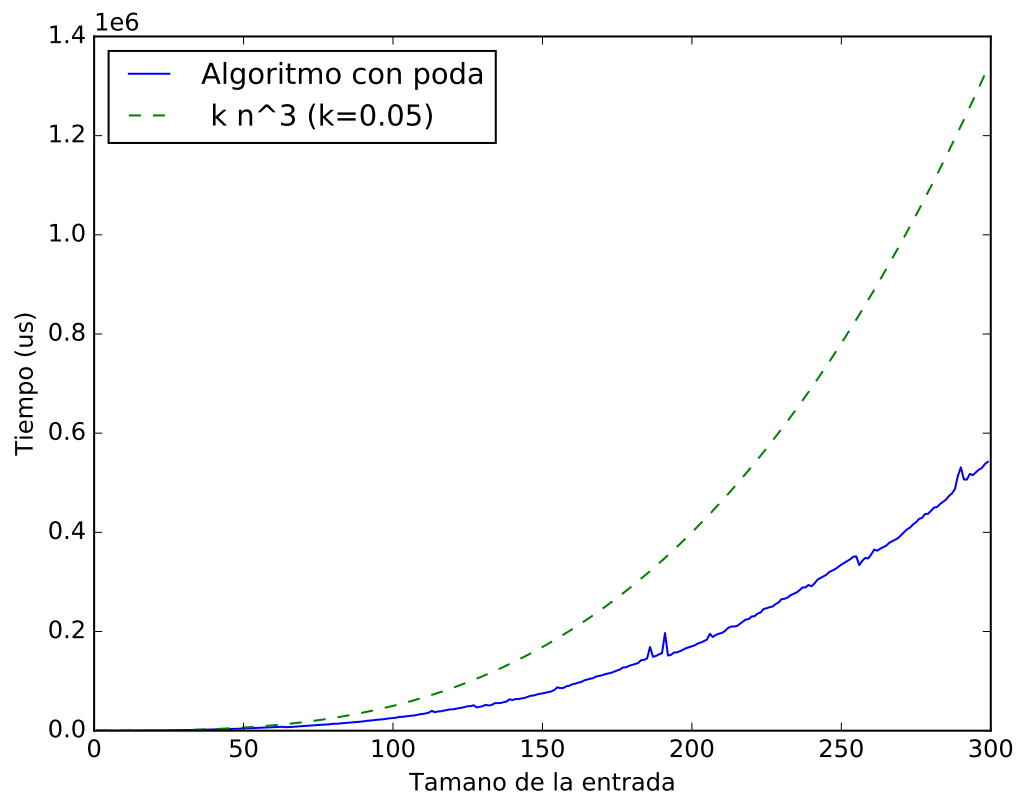


Figura 14: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

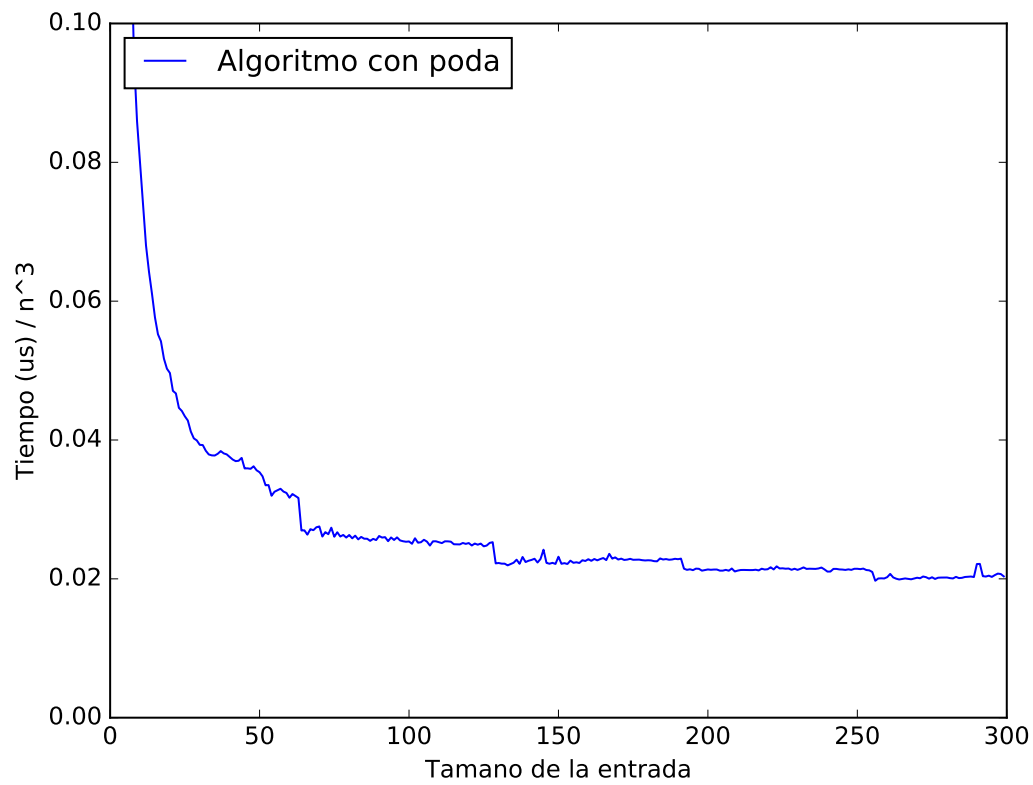


Figura 15: Tiempo que toma el algoritmo en μs para una entrada de tamaño n .

4. Apéndice