

Введение в машинное обучение. Лекция 3



Содержание лекции

- 1. Задача кластеризации
- 2. ЕМ-алгоритм
- 3. Алгоритм K-Means
- 4. Иерархическая кластеризация
- 5. Алгоритм DBSCAN
- 6. Оценка качества

Задача кластеризации (1/3)



Дано:

 $x_i, ..., x_l$ — объекты обучающей выборки X ρ — функция расстояния между объектами

Задача:

Поиск меток y_i, \dots, y_l , таких, чтобы объекты с одинаковыми метками были близки по ρ , а с разными метками существенно различались

Задача кластеризации (2/3)



Цели:

- 1) Упрощение обработки данных за счёт разбиения исходного набора данных на схожие подгруппы
- 2) Уменьшение объёма хранимых данных
- 3) Поиск объектов, не относящихся ни к одному из исследуемых классов
- 4) Построение иерархии множества объектов

Задача кластеризации (3/3)



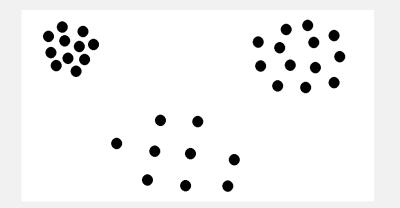
Проблемы:

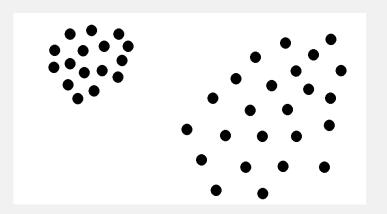
- 1)Выбор критерия качества кластеризации
- 2)Выбор метода кластеризации
- 3)Выбор числа кластеров, на которые требуется разбить исходное множество объектов
- 4) Выбор функции расстояния ρ (метрики)

Конфигурации кластеров (1/4)



Кластеры с центром



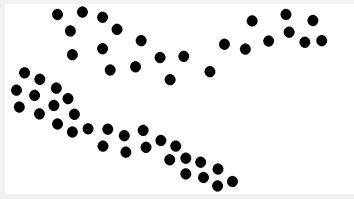


Расстояние между объектами внутри кластера меньше межкластерного

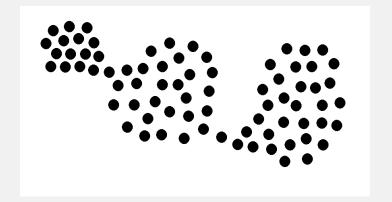
Конфигурации кластеров (2/4)



Ленточные кластеры



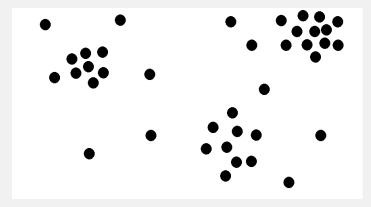
Кластеры с перемычками



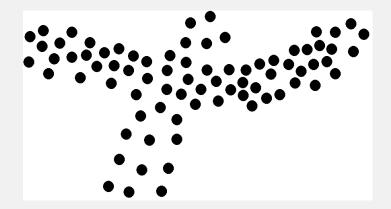
Конфигурации кластеров (3/4)



Присутствие фона



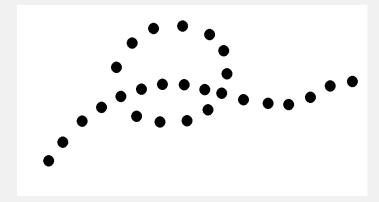
Кластеры с перекрытием



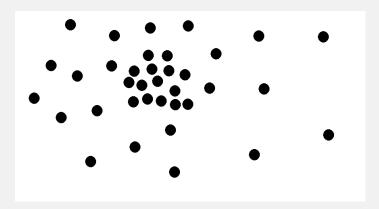
Конфигурации кластеров (4/4)



Внутренние особенности



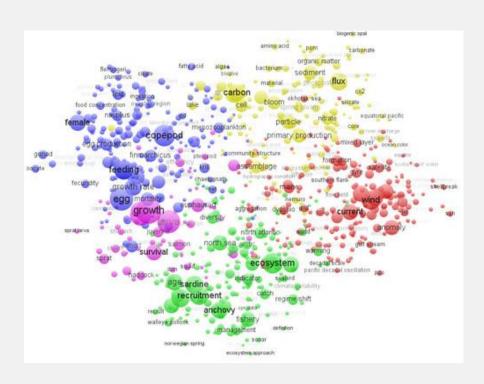
Отсутствие кластеров



Типы кластеризации

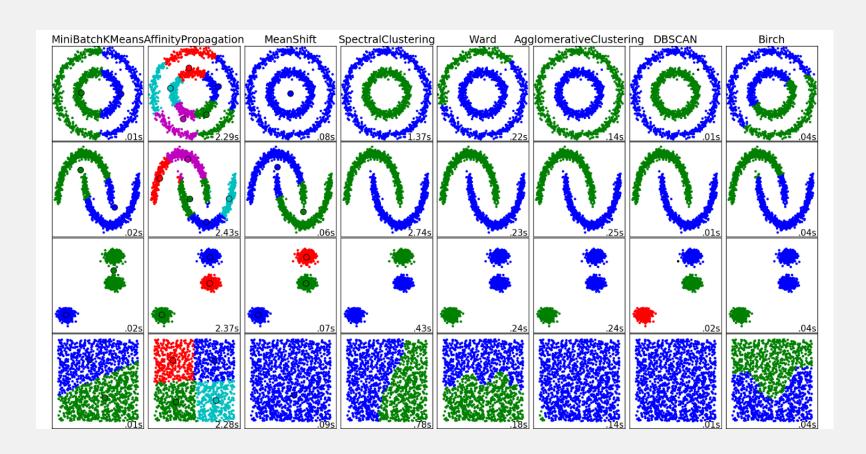


Жёсткая и мягкая кластеризация



В «мягкой» кластеризации объект можно отнести к нескольким кластерам с разным весом





http://scikit-learn.org/stable/modules/clustering.html#clustering





ЕМ-алгоритм

Имеется выборка X^l , состоящая из смеси распределений

$$p(x) = \sum_{y=1}^{M} w_y p_y(x), \sum_{y=1}^{M} w_y = 1$$

 $p_{y}(x)$ – плотность

 w_{v} - априорная вероятность кластера y



ЕМ-алгоритм

$$X = R^n$$
,

Кластеры п-мерные гауссовские:

$$p_y = (2\pi)^{-\frac{n}{2}} (\sigma_{y1} \dots \sigma_{yn})^{-1} \exp\left(-\frac{1}{2}\rho_y^2(x, \mu_y)\right)$$

 $\mu_y = (\mu_{y1} ... \mu_{yn})$ - центр кластера y,

 $\Sigma_y = diag(\sigma_{y1}^2, ..., \sigma_{yn}^2)$ – диагональная матрица ковариаций,

$$\rho_y^2(x, x') = \sum_{j=1}^n \sigma_{yj}^{-1} |f_j(x) - f_j(x')|^2$$



Шаг 1: Выбираем начальные приближения для w_y , μ_y , Σ_y

Шаг 2: do

Шаг 2.1: Е-шаг (expectation)

$$g_{iy} = P(y|x_i) = \frac{w_y p_y(x_i)}{\sum_{j=1}^{M} w_z p_z(x_i)}, y \in Y, i = 1, ..., l$$

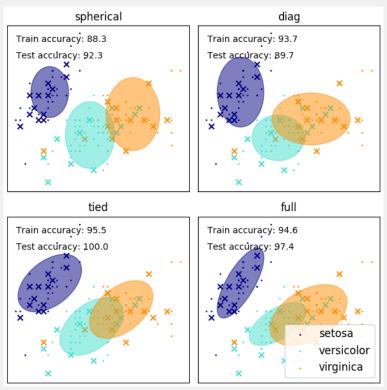
Шаг 2.2: M-шаг (maximization)

$$\begin{split} w_y &= \frac{1}{l} \sum_{i=1}^l g_{iy}, y \in Y \\ \mu_{yj} &= \frac{1}{lw_y} \sum_{i=1}^l g_{iy} f_j(x_i), y \in Y, j = 1, ..., n \\ \sigma_{yj}^2 &= \frac{1}{lw_y} \sum_{i=1}^l g_{iy} (f_j(x_i) - \mu_{yj})^2, y \in Y, j = 1, ..., n \\ y_i &= \arg\max_{y \in Y} g_{iy}, i = 1, ..., l \end{split}$$

while He будут изменяться y_i



ЕМ-алгоритм



http://scikit-learn.org/stable/modules/mixture.html



Алгоритм K-Means

Шаг 1: Выбираем начальные приближения для μ_y (положения центров)

Шаг 2: do

Шаг 2.1: Аналог Е-шага

Относим каждый объект x_i к ближайшему центру:

$$y_i = \arg\min \rho(x_i, \mu_y), y \in Y, i = 1, ..., l$$

Шаг 2.2: Аналог М-шага

Вычисляем новые положения центров

$$\mu_{y} = \frac{\sum_{i=1}^{l} [y_{i} = y] f_{j}(x_{i})}{\sum_{i=1}^{l} [y_{i} = y]}, y \in Y, j = 1, ..., n$$

while He будут изменяться y_i



Алгоритм K-Means

Оптимизируем среднее внутриклассовое расстояние:

$$F = \frac{\sum_{i < j} [y_i = y_j] \rho(x_i, x_j)}{\sum_{i < j} [y_i = y_j]} \to min$$



Алгоритм K-Means

Отличия от ЕМ-алгоритма:

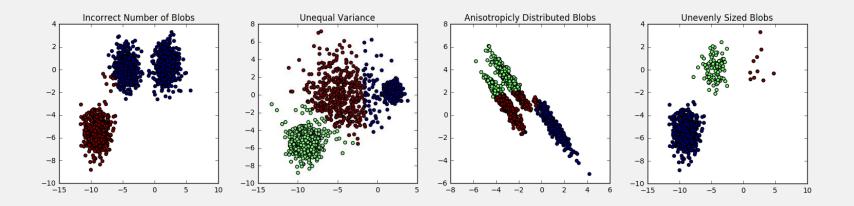
- 1) В алгоритме EM мягкая кластеризация, в k-means жёсткая
- 2) В алгоритме ЕМ форма кластеров эллиптическая, в k-means зависит от выбора метрики ρ

Недостатки алгоритма:

- 1) Чувствителен к выбору исходному расположению центров кластеров
- 2) Необходимо выбирать количество кластеров



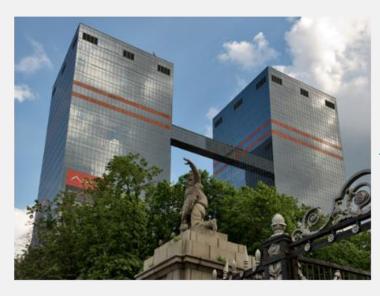
Алгоритм K-Means



http://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.KMeans.html



Алгоритм K-Means



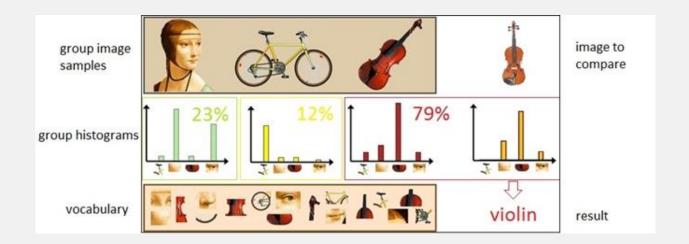
64 цвета (кластера)





Алгоритм K-Means

Bag of visual words





Модификации K-Means

Mini-Batch K-Means

Если данных достаточно много, то вычисление расстояний от всех объектов до центов кластеров может занять достаточно много времени

Решение: На каждом шаге выбирать из набора данных случайную подвыборку



Модификации K-Means

K-Means++

- 1)Выбор начального приближения центров кластеров значительно влияет на скорость сходимости алгоритма
- 2)Выбираем начальные положения центров на максимальном расстоянии друг от друга
- 3)Решение:
 - 1)Выбираем начальные центры из равномерного распределения на выборке
 - 2) Каждый следующий центр выбираем случайно из оставшихся точек так, чтобы вероятность выбора точки была пропорциональна квадрату расстояний от неё до ближайшего центра



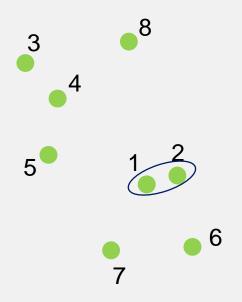
Иерархическая кластеризация

Различают 2 вида алгоритмов иерархической кластеризации

- **1) Дивизимные** или нисходящие алгоритмы разбивают выборку на всё более и более мелкие кластеры.
- **2) Агломеративные** или восходящие алгоритмы, в которых объекты объединяются во всё более и более крупные кластеры.



Агломеративная кластеризация

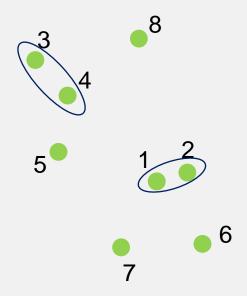




Дендрограмма



Агломеративная кластеризация

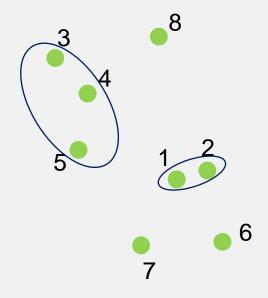




Дендрограмма



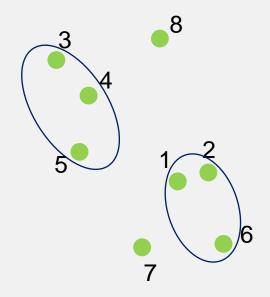
Агломеративная кластеризация

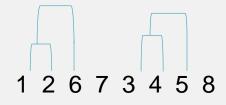




Дендрограмма

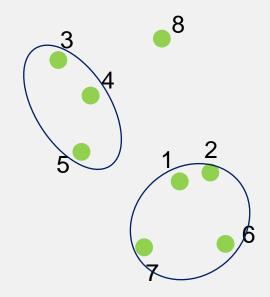


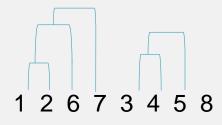




Дендрограмма

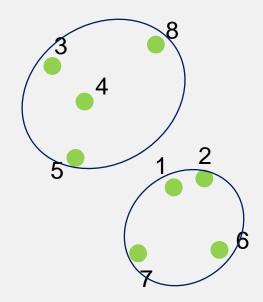


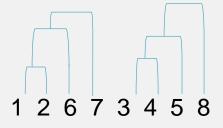




Дендрограмма

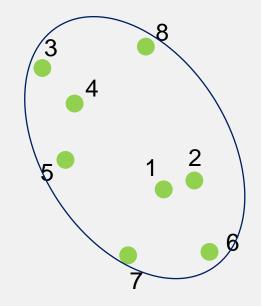


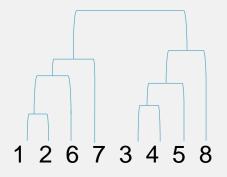




Дендрограмма







Дендрограмма



Формула Ланса-Уильямса

$$R(U \cup V, S) = \alpha_U \cdot R(U, S) +$$

$$+ \alpha_V \cdot R(V, S) +$$

$$+ \beta \cdot R(U, V) +$$

$$+ \gamma \cdot |R(U, S) - R(V, S)|,$$

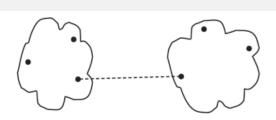
где α_U , α_V , β , γ — числовые параметры.



Расстояние ближайшего соседа

$$R^{6}(W,S) = \min_{w \in W, s \in S} \rho(w,s);$$

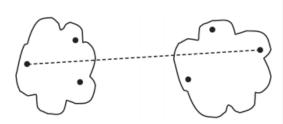
$$\alpha_{U} = \alpha_{V} = \frac{1}{2}, \quad \beta = 0, \quad \gamma = -\frac{1}{2}.$$



Расстояние дальнего соседа

$$R^{\mathrm{A}}(W,S) = \max_{w \in W, s \in S} \rho(w,s);$$

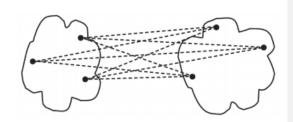
 $\alpha_U = \alpha_V = \frac{1}{2}, \ \beta = 0, \ \gamma = \frac{1}{2}.$



Групповое среднее расстояние

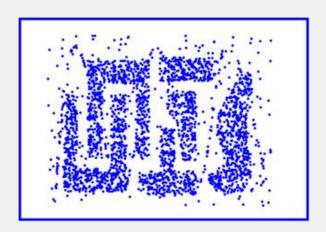
$$R^{r}(W,S) = \frac{1}{|W||S|} \sum_{w \in W} \sum_{s \in S} \rho(w,s);$$

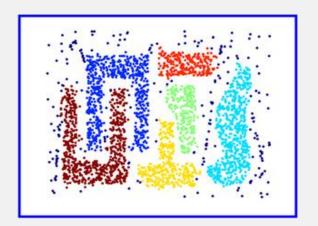
$$\alpha_{U} = \frac{|U|}{|W|}, \quad \alpha_{V} = \frac{|V|}{|W|}, \quad \beta = \gamma = 0.$$





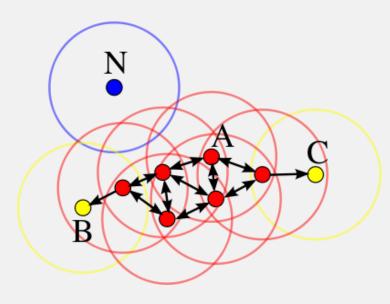
Алгоритм DBSCAN







Алгоритм DBSCAN



Шаг 1: Помечаем все точки как основные, пограничные или шумовые

Шаг 2: Отбрасываем точки шума

Шаг 3: Соединяем все основные точки, находящиеся на расстоянии Eps друг от друга

Шаг 4: Соединяем каждую группу объединённых точек в отдельный кластер



Оценка качества кластеризации

Внутриктерное расстояние:

$$F_{S} = \frac{\sum_{i,j} [y_i = y_j] \rho(x_i, x_j)}{\sum_{i,j} [y_i = y_j]} \to min$$

Межкластерное расстояние:

$$F_1 = \frac{\sum_{i,j} [y_i \neq y_j] \rho(x_i, x_j)}{\sum_{i,j} [y_i \neq y_j]} \to max$$

Объединение расстояний F_0 и F_1



Silhouette score

$$F_0 = \frac{F_0 - F_1}{\max(F_0, F_1)}$$

Межкластерное расстояние: F_0

Внутриктерное расстояние: F_1

И другие:

http://scikit-learn.org/stable/modules/clustering.html#clustering-evaluation



Если известна исходная разметка:

Homogeneity score (однородность)

Кластеры содержат только те элементы, которые являются объектами одного и того же класса.

Completeness score (полнота)

Все объекты данных, являющиеся членами данного класса, являются элементами одного и того же кластера.

V-measure score:

$$v = \frac{2 * (homogeneity * completeness)}{homogeneity + completeness}$$

homogeneity_score(a, b) == completeness_score(b, a)



Спасёнов Алексей

a.spasenov@corp.mail.ru