Séance du 26 janvier 2023

On continue notre exploration des DataFrame

Les exemples sont à tester dans le **shell** IDLE ou dans la **console** spyder3. Je ne mets plus les prompts afin de faciliter la copie dans votre environnement

Modifier certaines valeurs d'une colonne

On repart avec un version propre de nos deux tables

On va commencer par mettre une colonne "couleur" dans big_df puis on va remplacer tous les NaN par la valeur 'noire'

```
big_df['couleur'] = pd.Series({0:'green', 25:'yellow', 100:'red'})
big_df.couleur.fillna('noire', inplace=True)
```

On réalise que l'on aurait voulu la valeur 'black'. Pour faire l'opération proprement, on va:

- 1. utiliser la commande .loc
- 2. spécifier les lignes que l'on souhaite sélectionner
- 3. spécifier la colonne où l'on souhaite faire la modification
- 4. préciser la valeur que l'on souhaite mettre

```
big_df.loc[big_df.couleur=='noire', 'couleur'] = 'black'
```

Mais on dispose aussi, d'une commande replace à qui on peut fournir un dictionnaire contenant, pour chaque valeur à changer, la valeur de substitution. On aurait donc pu écrire

```
big_df.couleur.replace({'noire':"black"}) # attention nouvelle série
```

Supposons que l'on souhaite construire la série des sommes cumulées de la colonne "stop" uniquement lorsque la couleur est "black"

```
big_df[big_df.couleur=='black'].stop.cumsum()
```

Corrélation et covariance et autres

On dispose d'une table ventes, et on va supposer que toutes les informations portent sur une seule source, qui aurait évalué (disons chaque semaine) son investissement dans la pub et le bénéfice engrangé. Imaginons qu'elle souhaite suivre l'évolution en termes de "pourcentage d'évolution"

```
analyse = ventes.pct_changes()
analyse.columns
```

Une fois cette nouvelle table construite, on peut souhaiter connaître s'il y a corrélation entre 'TV' et 'Sales'

```
analyse.TV.corr(analyse.Sales)
```

Pour la covariance, cela marche de la même manière en utilisant .cov

On peut souhaiter avoir les corrélations d'une valeur particulière, par rapport à toutes les autres

```
analyse.corrwith(analyse.Sales)
```

Enfin on peut aussi vouloir toutes les valeurs 2 à 2

```
analyse.cor()
analyse.cov()
```

tri et classement

- On peut classer par index .sort_index et dans ce cas, on peut préciser le paramètre axis 0 désigne les lignes, 1 désigne les colonnes (par défaut axis=0) et si on veut un ordre spécifique ascending False ou True (par défaut ascending=True)
- On peut classer par valeur .sort_values, on doit définir la critère de tri (la colonne, à l'aide de by=) analyze.sort_index() analyse.sort_values(by"TV")
- On peut classer les valeurs en utilisant .rank, on peut décider si l'ordonnancement se fait de manière croissante ou décroissante (via le paramètre ascending), mais on peut aussi préciser par quelle méthode on souhaite que le classement résolve les égalités, par défaut c'est la méthode average (la moyenne des rangs) qui est utilisée

mais on peut (via le paramètre method) spécifier average, min, max, first (la dernière méthode stipule que c'est par ordre d'apparition dans les données)

Exercice

Quel est dans ventes le numéro de l'enregistrement classé au 7ème rang si on trie par ordre décroissant en fonction de la colonne "TV" ?

Classez big_df en fonction de la colonne "mobility", quelle est la valeur de la variable "stop" pour le premier enregistrement ?

Utilisez sort_index sur les colonnes de la table big_df, quel est l'ordre des colonnes ?

détection et filtre des valeurs aberrantes

```
import numpy as np
np.random.seed(42) # graine pour tirage aléatoire controlé
valeurs = np.random.randn(100, 4) # matrice 100x4 de valeurs aléatoire
df = pd.DataFrame(valeurs, columns=[x*3 for x in 'ABCD'])
ages = random.choices(list(range(16,125)), k=100)
df['age'] = ages
df.columns
```

Supposons que vous ne souhaitiez avoir de valeurs dans les colonnes (autre que âge) que dans [-2.5, 2.5], le but est donc de caper les valeurs

```
small = df.drop('age', axis=1)
small[np.abs(small)>2.5] = np.sign(small)*2.5
```

⊘ Exercice

Dans le fichier ventes, ajoutez une colonne "pub" qui a pour valeur la moyenne des 3 médias. Construisez alors une colonne "cout" qui vaudra "gros" si pub est dans le dernier quartile, "micro" si pub est dans le premier quartile et "moyen" sinon

discrétisation et regroupement

```
.cut et .qcut
```

.cut

On peut découper les valeurs en catégories la notation (40,65] signifie 40 exclu, 65 inclus de même [40,65) signifie 40 inclus, 65 exclu. Le découpage par défaut étant (x,y], pour

indiquer que vous voulez l'autre, il faut mettre right=False, on a aussi la possibilité de nommer les catégories avec labels=...

```
bins = [16, 18, 25, 35, 60, 100]
tags = "ados jeunes juniors adultes séniors".split()
cat1 = pd.cut(ages, bins)
cat2 = pd.cut(ages, bins, right=False, labels=tags)
```

On peut, au lieu de spécifier les bornes, donner le nombre de découpages, dans ce cas, chaque intervalle aura une répartition voisine

```
cat3 = pd.cut(ages, 5, precision=1) # nombre de chiffres décimaux
cat3.value_counts()
```

.qcut

On peut faire un découpage en fonction des quantiles et on peut aussi préciser les quantiles que l'on souhaite

```
cat4 = pd.qcut(ages, 4)
cat4.value_counts()
cat5 = pd.qcut(ages, [0, .1, .4, .6, .8, 1.], labels=tags)
```

one hot encoding aka dummy encoding

```
pd.get_dummies(cat1)
pd.get_dummies(cat5, prefix="cat")
```

Opérations d'ajout et de jointures concat, merge

L'opération concat est à privilégier quand vous faites un ajout (que ce soit en ligne axis=0) ou en colonne (axis=1).

L'opération merge est plutôt réservée à la fusion (regroupement d'information similaire), c'est l'équivalent de la commande join des bases de données

```
s1 = pd.Series([0,1], index=['a', 'b'])
s2 = pd.Series([2,3,4], index=list('cde'))
s3 = pd.Series([5,6], index=list('xy'))
pd.concat([s1,s2,s3]) # concat lignes
pd.concat([s1,s2,s3], axis=1) # concat colonnes
s4 = pd.concat([s1*5, s3])
pd.concat([s1, s4], axis=1)
```

```
pd.concat([s1, s4], axis=1, join='inner') # intersection lignes
pd.concat([s1, s4], axis=1, join='outer') # comportement par défaut
```

Cela fonctionne aussi avec les tables

```
t1 = pd.DataFrame({'a': [1,2], 'b':[3,4]})
t2 = pd.DataFrame({'a': [11,12,13], 'c':[23,24,25]})
pd.concat([t1,t2]) # concaténation ligne, union colonne
pd.concat([t1,t2], axis=1) # concatenation colonne, union ligne
pd.concat([t1,t2], join='inner') # concat lignes, intersection colonnes
pd.concat([t1,t2], axis=1, join='inner') # concat colonnes, intersection
lignes
```

La syntaxe de la commande concat

Note

L'option verify_integrity=True est coûteuse, elle vérifie qu'il n'y a pas de doublons le long de l'axe

Pour créer un nouvel index pour la table (série) résultante utilisez ignore_index=True

La commande merge effectue une gestion des collisions

```
pd.merge(t1, t2, left_index=True, right_index=True)
pd.merge(t1, t2, how='outer', left_index=True, right_index=True)
```

Après fusion, il est en général nécessaire, de s'assurer que les colonnes sont compatibles afin de pouvoir supprimer les informations redondantes.et de régler les éventuels conflits d'informations. On suppose que des colonnes ayant le même nom dans chaque table, représente le même paramètre.

La syntaxe de la commande merge

```
merge(left: 'DataFrame | Series', right: 'DataFrame | Series', how: 'str' =
'inner', on: 'IndexLabel | None' = None, left_on: 'IndexLabel | None' =
None, right_on: 'IndexLabel | None' = None, left_index: 'bool' = False,
right_index: 'bool' = False, sort: 'bool' = False, suffixes: 'Suffixes' =
```

```
('_x', '_y'), copy: 'bool' = True, indicator: 'bool' = False, validate: 'str
| None' = None) -> 'DataFrame'
    Merge DataFrame or named Series objects with a database-style join.

A named Series object is treated as a DataFrame with a single named column.

The join is done on columns or indexes. If joining columns on columns, the DataFrame indexes *will be ignored*. Otherwise if joining indexes on indexes or indexes on a column or columns, the index will be passed on.

When performing a cross merge, no column specifications to merge on are allowed.
```

option	action	défaut
how	type de fusion 'inner', 'outer', 'left', 'right', 'cross'	'inner'
on	précise la ou les colonnes sur lesquels on fait la jointure, doivent être présents dans les deux DF	None
indicator	booléen, à vrai, ajoute une colonne indiquant comment a été fait le merge	False
validate	peut prendre les valeurs '1:1', '1:m', 'm:1', 'm:m' vérifie la nature de la jointure	None

Application

```
coeff = pd.Series([1,1,2,2,.5], index=['ecoge', 'scico', 'math', 'info',
  'option'])
maths = pd.DataFrame({'userID':[8,4,2,7,1,5], 'eval':[12,10,5,8,13,17]})
info = pd.DataFrame({'userID':[1,2,4,3,5,7], 'eval':[10,5,8,13,15,11]})
ecoge = pd.DataFrame({'userID':[1,4,3,8], 'eval': [14, 17, 12, 10]})
scico = pd.DataFrame({'userID': [6,5,2,7], 'eval': [17, 13, 9, 11]})
option = pd.DataFrame({'userID': range(1,9), 'eval': [14]*8 })
report = pd.DataFrame({'userID': [6,8,6], 'note': [10, 13, 12], 'matiere': ['maths', 'info', 'info']})
```

Exercice

Vous devez sortir le classement d'une promotion, déterminer quels sont ceux qui valident ou pas leur année. Pour valider son année, il faut avoir la moyenne sur l'ensemble des matières. On suppose qu'une personne inscrite en "ecoge" n'est pas inscrite en "scico" et réciproquement, par ailleurs toutes les autres matières sont obligatoires, une note manquante est un **0**. Les reports, sont les notes attribuées à une session antérieure.

