Input Sample	B cells naive	memory	Plasma cells	T cells CD8	T cells CD4	T cells CD4 memory resting		follicular	regulatory	T cells gamma delta		NK cells activated	Monocytes	М0	Macrophages M1	Macrophages	Dendritic cells resting		Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	sNeutrophils	P-value	Correlation	
GSM1426071	0.067	0.027	0.238	0.19	0	0.105	0.004	0	0.08	0	0.062	0	0.017	0.076	0.011	0	0	0.018	0.09	0.014	0	0 050	0.000	0.438	0.901
GSM1426072 GSM1426073	0.014	0.037	0.113	0.102 0.262	0	0.159	0.014	0	0.119	0	0.081	0.015	0.047	0.126 0.174	0.162	0.017	0	0.022	0.021	0.047	0	0.058	0.001	0.371	0.933 1.067
GSM1426074	0	0.051	0.122	0.027	0	0.224	0.014	0.014	0	0	0.071	0	0.033	0.143	0.153	0.059	0	0.001	0	0.047	0	0.043	0.001	0.375	0.930
GSM1426075	0	0.116	0.132	0.191	0	0.071	0	0	0.031	0	0.068	0	0.074	0.143	0.104	0	0	0.071	0	0	0	0	0.018	0.193	1.018
GSM1426076 GSM1426077	0.045	0.048	0.106	0.026	0	0.113	0.03	0.016 0.026	0.026	0	0.112	0	0	0.112	0.029	0.019 0.027	0	0.069	0	0.063	0	0.212	0.000	0.445	0.895 0.926
GSM1426078	0.079	0.075	0.101	0.145	0	0.132	0.011	0.020	0.07	0	0.048	0.009	0.066	0.133	0.105	0.038	0	0.043	0.024	0.033	0	0.012	0.017	0.198	1.008
GSM1426079	0.001	0.078	0.197	0.346	0	0	0	0.003	0.107	0	0	0.091	0.019	0.069	0	0	0	0	0.089	0	0	0	0.474	0.037	1.112
GSM1426080 GSM1426081	0.062	0.158	0.12	0.257	0	0.009	0	0	0.044	0	0.042	0.092	0.032	0.17	0.013 0.017	0.052 0.075	0	0	0.104	0	0	0 006	0.162	0.096	1.054 1.119
GSM1426082	0.002	0.025	0.164	0.306	0	0	0	0	0.119	0	0.032	0.103	0.12	0.031	0.017	0.073	0	0.02	0.042	0	0	0.000	0.890	-0.014	1.123
GSM1426083	0	0.038	0.157	0.285	0	0.011	0	0	0.169	0	0	0.119	0.069	0.048	0	0.051	0	0	0.053	0	0	0	0.388	0.049	1.093
GSM1426084 GSM1426085	0.043	0.068	0.123	0.277	0	0.042	0	0	0.141	0	0.016	0.172	0.007	0.088	0 006	0.217	0	0.016	0.148	0	0	0	0.719	0.006	1.123
GSM1426086	0	0.053	0.139	0.394	0	0.042	0	0	0.072	0	0.022	0.033	0.056	0.007	0.000	0.217	0	0.014	0.077	0	0	0	0.604	0.020	1.031
GSM1426087	0.053	0.119	0.104	0.192	0	0.043	0	0	0.087	0	0.027	0	0.013	0	0	0.202	0	0.031	0.118	0	0.008	0	0.021	0.188	1.009
GSM1426088	0.009	0.201	0.133	0.242	0	0 071	0	0	0.121	0	0.011	0.01	0.037	0.041	0	0.094	0	0.016	0.086	0	0	0	0.006	0.254	0.989
GSM1426089 GSM1426090	0.026	0.103	0.157	0.219	0	0.071	0.035	0.012	0.105	0	0.083	0.052	0.019	0.001	0.151	0.172	0	0.005	0.13	0	0	0	0.001	0.081	1.060 0.944
GSM1426091	0	0.067	0.165	0.256	0	0	0	0.028	0.115	0	0.056	0.032	0.049	0.144	0.001	0.034	0	0.035	0.019	0	0	0	0.245	0.074	1.071
GSM1426092	0	0.059	0.2	0.231	0	0	0	0	0.093	0	0	0.075	0.054	0.237	0	0.014	0	0.015	0.021	0	0	0	0.192	0.088	1.072
GSM1426093 GSM1426094	0.015	0.075 0.054	0.236	0.198	0	0.067	0.018	0.012	0.051	0	0.077	0	0.019	0.116	0.028	0.07	0	0.02	0	0.017	0	0.129	0.001	0.342	0.952 0.870
GSM1426095	0.006	0.109	0.146	0.223	0	0.072	0.004	0	0	0	0.118	0	0	0.121	0.043	0.024	0	0.034	0	0.048	0	0.053	0.000	0.508	0.861
GSM1426096	0.002	0.03	0.125	0.099	0	0.1	0	0.002	0.011	0	0.07	0	0	0.146	0.051	0	0	0.042	0	0.066	0	0.254	0.000	0.402	0.919
GSM1426097 GSM1426098	0.201	0.073	0.077	0.066	0	0.157	0	0.03	0.009	0	0.093	0	0.004	0.1	0.031	0.002	0	0.042	0	0.045	0	0.081	0.000	0.446	0.894
GSM1426099	0	0.093	0.146	0.127	0	0.129	0.027	0	0	0	0.031	0	0.018	0.119	0.05	0.009	0	0.047	0	0.089	0	0.057	0.001	0.368	0.932
GSM1426100	0.001	0.161	0.104	0.14	0	0.113	0.038	0	0.012	0	0.11	0	0	0.167	0.057	0.003	0	0.023	0	0.057	0	0.012	0.000	0.533	0.849
GSM1426101 GSM1426102	0.083	0.057	0.141	0.138	0	0.144	0.001	0.009	0.02	0	0.056	0	0.056	0.115	0.046	0.023	0	0.101	0	0.066	0	0.069	0.000	0.428	0.903 1.001
GSM1426103	0.166	0.127	0.031	0.104	0	0.04	0	0.083	0	0	0.105	0	0	0.151	0.007	0.002	0	0.037	0	0.112	0	0.032	0.000	0.391	0.923
GSM1426104	0.111	0.032	0.075	0.052	0	0.148	0.007	0.009		0	0.101	0	0.022	0.083	0.059	0	0	0.047	0	0.114	0	0.141	0.001	0.370	0.931
GSM1426105 GSM1426106	0.193	0.068	0.015	0.004	0	0.159	0.009	0.045	0	0	0.067	0	0.003	0.084	0.109	0.007	0	0.021	0.012	0.05	0	0.166 0.013	0.000	0.511	0.860
GSM1426106 GSM1426107	0.18	0.093	0.203	0.103	0	0.124	0.008	0.034	0.011	0	0.064	0	0.024	0.185	0.057	0	0	0.032	0	0.056	0	0.026	0.000	0.500	0.866
GSM1426108	0	0.068	0.118	0.075	0	0.201	0	0.014	0	0	0.07	0	0.021	0.071	0.029	0	0	0.079	0	0.157	0	0.096	0.018	0.193	1.011
GSM1426109 GSM1426110	0.054	0.115	0.145 0.152	0.11	0	0.134	0.026	0.013	0.005	0	0.116	0	0.02	0.112 0.133	0.066	0.011	0	0.029	0.008	0.035	0	0.062	0.001	0.344	0.946 1.030
GSM1426111	0.079	0.116	0.152	0.112	0	0.103	0.006	0.05	0.019	0	0.077	0	0.018	0.133	0.015	0.016	0	0.058	0.058	0.012	0	0.002	0.003	0.309	0.962
GSM1426112	0.018	0.064	0.124	0.307	0	0.052	0	0.012	0.05	0	0.018	0	0.015	0.107	0.025	0.026	0	0.029	0.139	0	0	0.017	0.002	0.316	0.956
GSM1426113 GSM1426114	0.034	0.122	0.082	0.178 0.045	0	0.116	0.003	0	0.026	0	0.126 0.073	0	0.018	0.113 0.169	0.039	0.034	0	0.049	0.054	0.068	0	0.011	0.001	0.355	0.940
GSM1426115	0.009	0.075	0.043	0.114	0	0.184	0.03	0	0	0	0.125	0	0.010	0.107	0.133	0.038	0	0.041	0.034	0.01	0	0.053	0.001	0.355	0.940
GSM1426116	0.109	0	0.033	0.1	0	0.173	0.028	0.003	0	0	0.079	0	0.042	0.139	0.085	0.043		0.03	0.059	0	0	0.075	0.000	0.395	0.918
GSM1426117 GSM1426118	0.074	0.074	0.135	0.175	0	0.178	0.017	0.036	0.055	0	0.026	0	0	0.083	0.032	0.021	0	0.064	0.054	0.039	0.043	0	0.005	0.285	0.974
GSM1426118 GSM1426119	0.243	0.223	0.019	0.075	0	0.032	0.017	0.036	0.017	0	0.055	0	0.012	0.124	0.029	0.046	0	0.027	0.034	0.015	0	0	0.000	0.614	0.793
GSM1426120	0.222	0.038	0.056	0.149	0	0.064	0.02	0.015	0.029	0	0.106	0	0.001	0.074	0.032	0.068	0	0.05	0.03	0.047	0	0	0.001	0.352	0.941
GSM1426121 GSM1426122	0.008	0.053	0.129	0.151	0	0.133	0.029	0.035	0.053	0	0.079 0.123	0	0.024	0.071 0.193	0.099	0.142	0	0.022	0.006	0.035	0	0.019	0.004	0.295	0.965 0.923
GSM1426122 GSM1426123	0.004	0.104	0.221	0.079	0	0.054	0	0	0.053	0	0.123	0	0.012	0.193	0.028	0.022	0	0.02	0.05	0.035	0	0.046	0.000	0.399	1.006
GSM1426124	0.079	0.101	0.049	0.249	0	0.025	0.004	0.051	0.032	0	0.073	0	0	0.088	0.103	0.057	0	0.033	0	0.038	0	0.018	0.000	0.398	0.919
GSM1426125	0.115	0.055	0.207	0.134	0	0.096	0	0	0.045	0	0.055	0.009	0.055	0.196	0.01	0.006	0	0.036 0.078	0	0.002	0	0.033	0.000	0.397 0.525	0.923 0.851
GSM1426126 GSM1426127	0.147	0.026	0.134	0.017	0	0.084	0.009	0.012		0	0.058	0	0.055	0.074	0.017	0,009	0	0.078	0.033	0.087	0	0.219	0.000	0.525	0.851
GSM1426128	0.058	0.119	0.105	0.115	0	0.072	0	0.054	0.073	0	0.075	0	0	0.135	0.057	0	0	0.045	0	0.066	0	0.027	0.000	0.413	0.911
GSM1426129	0	0.064	0.136	0.115	0	0.144	0.001	0	0	0	0.072	0	0.067	0.099	0.053	0.008	0	0.117	0.048	0.062	0	0.014	0.001	0.348	0.940
GSM1426130 GSM1426131	0.127	0.084	0.263	0.207	0	0.158	0.033	0.035	0.044	0	0.039	0.039	0.096	0.154	0.073	0.025	0	0.027	0.013	0.018	0	0	0.019	0.192	1.032 0.850
GSM1426132	0.055	0.123	0.103	0.125	0	0.138	0	0	0	0	0.071	0	0.033	0.192	0.037	0.024	0	0.021	0	0.057	0	0.022	0.000	0.536	0.848
GSM1426133	0.009	0.029	0.236	0.197	0	0.137	0	0.01	0.016	0	0.053	0	0.041	0.101	0.046	0	0	0.013	0.06	0.024	0	0.027	0.001	0.356	0.941
GSM1426134 GSM1426135	0.053	0.106	0.087	0.114	0	0.076	0.001	0.02	0.018	0	0.081	0	0.031	0.055	0.06	0.027	0	0.1	0.	0.059	0	0.112	0.001	0.374	0.929
GSM1426136	0.079	0	0.237	0.373	0	0	0.007	0	0.028	0	0.072	0	0	0.134	0.012	0	0	0.037	0	0.018	0	0.007	0.001	0.220	1.021
GSM1426137	0	0.021	0.232	0.147	0	0.195	0	0	0.011	0	0.057	0	0.031	0.136	0.002	0.045	0	0.025	0.072	0.014	0	0.009	0.038	0.158	1.033
GSM1426138 GSM1426139	0.05	0.05	0.178	0.135	0	0.191	0	0.008	0.007	0	0.076	0	0.026	0.134	0.019	0.003	0	0.028	0.011	0.058	0	0.051	0.000	0.421	0.907
GSM1426140	0.072	0.076	0.14	0.125	0	0.13	0	0.04	0.008	0	0.08	0	0.009	0.093	0.006	0	0	0.021	0	0.084	0	0.022	0.000	0.532	0.846
GSM1426141	0	0.024	0.234	0.206	0	0.15	0.018	0	0.019	0	0.058	0	0.038	0.083	0.033	0.028	0	0.045	0.063	0	0	0	0.005	0.285	0.976
GSM1426142 GSM1426143	0.019	0.085	0.122	0.013	0	0.151	0.006	0.012	0.155	0	0.095	0.042	0.103	0.154	0.01	0.012	0	0.05	0	0.11	0	0.162	0.000	0.519	0.857 1.085
GSM1426143 GSM1426144	0.092	0.072	0.143	0.322	0	0.008	0	0.009	0.155	0	0.067	0.042	0.103	0.08	0.018	0	0	0.008	0	0.057	0	0	0.244	0.074	0.970
GSM1426145	0.032	0.109	0.132	0.258	0	0.019	0.008	0	0.037	0	0.084	0	0.042	0.134	0.078	0.015	0	0.045	0.003	0.003	0	0	0.000	0.446	0.894
GSM1426146 GSM1426147	0.027	0.147	0.202	0.115	0	0.118	0.02	0.02	0.020	0	0.098	0	0.024	0.035	0.069	0.011	0	0.063	0 007	0.03	0	0.031	0.000	0.482	0.875
GSM1426147 GSM1426148	0	0.063	0.24	0.15	0	0.098	0.002	0.003	0.029	0	0.061	0.066	0.015	0.129	0.042	0.011	0	0.016 0.018	0.097	0	0	0.048	0.000	0.427	0.904 1.073
GSM1426149	0	0.038	0.299	0.166	0	0.141	0	0	0.058	0	0.042	0.001	0.06	0.136	0.007	0.02	0	0.018	0.004	0.011	0	0	0.004	0.289	0.986
GSM1426150	0.28	0.061	0.057	0.113	0	0.112	0.005	0.037	0.025	0	0.08	0	0.014	0.104	0.006	0.022	0	0.058	0	0.026	0	0	0.000	0.518	0.855
GSM1426151 GSM1426152	0.157	0.094	0.137	0.243	0	0.037	0.006	0.031	0.082	0	0.069	0	0.014	0.04	0.028	0.009	0	0.038	0	0.045	0	0	0.001	0.328	0.963
GSM1426153	0	0.057	0.131	0.104	0	0.123	0.043	0	0.016	0	0.073	0	0.017	0.184	0.165	0.028	0	0	0.036	0	0	0.025	0.000	0.410	0.913
GSM1426154	0.162	0.119	0.113	0.078	0	0.136	0.017	0	0	0	0.107	0	0.011	0.093	0.081	0.025	0	0.019	0	0.017	0	0.023	0.000	0.464	0.886
GSM1426155 GSM1426156	0.024	0.072	0.146	0.247	0	0.139	0.002	0.	0.073	0	0.006	0.074	0.049	0.146	0.018	0.012	0	0.033	0.123	0.134	0	0.222	0.157	0.099	1.051
GSM1426157	0.02	0.055	0.163	0.186	0	0	0	0.032	0.032	0	0.043	0.05	0.086	0.182	0.021	0.001	0	0	0.128	0	0	0	0.161	0.097	1.051
GSM1426158	0	0.039	0.068	0.024	0	0.146	0.019	0.007	0	0	0.067	0	0.056	0.104	0.038	0	0	0.142	0	0.081	0	0.209	0.000	0.484	0.875
GSM1426159 GSM1426160	0.023	0.138	0.271 0.092	0.179 0.059	0	0.111	0.005	0	0	0	0.086 0.111	0	0.015	0.032 0.157	0.057 0.021	0.007	0	0.037 0.054	0	0.032 0.146	0	0.014 0.069	0.000	0.558	0.829
GSM1426160 GSM1426161	0.066	0.039	0.092	0.059	0	0.158	0.005	0	0.072	0	0.111	0	0.003	0.157	0.021	0	0	0.054	0	0.146	0	0.009	0.000	0.437	1.000
GSM1426162	0.014	0.046	0.189	0.041	0	0.22	0	0	0	0	0.081	0	0.04	0.137	0.043	0.019	0	0.014	0.055	0.047	0	0.054	0.000	0.472	0.882
GSM1426163 GSM1426164	0.021	0.06 0.124	0.221	0.178	0	0.182	0	0.007	0 073	0	0.072	0	0.017	0.159	0.018	0.012 0.035	0	0.035	0	0.021	0.013	0.019	0.001	0.346	0.949 1.045
GSM1426164 GSM1426165	0.031	0.124	0.141	0.362	0	0.138	0	0.008	0.073	0	0.042	0.051	0.077	0.008	0	0.035	0	0.003	0.069	0.077	0.013	0	0.030	0.171	1.045
GSM1426166	0.055	0.056	0.099	0.269	0	0	0	0.086	0.075	0	0.054	0.026	0.084	0.079	0.046	0	0	0.057	0.014	0	0	0	0.726	0.005	1.097
GSM1426167	0	0.276	0.048	0.237	0	0	0	0.05	0.064	0	0.064	0	0.058	0.052	0.023	0.056	0	0.042	0.028	0.003	0	0	0.080	0.128	1.047

Input	B cells	B cells	Plasma	Teelle		4 T cells CD	T cells follicular	T cells T ce regulatory gan		IK cells	NK cells		Massanhassa	Massanhassa			Dendritic cells	Mast cells	Mast sells					
a · .	naive 0.031	memory 0.166		T cells CD8 naive	s CD4 memory resting	memory activated	helper	(Tregs) delt	ta n		activated	Monocytes 0.059	M0 0.044	M1	Macrophages M2 0.033	resting	activated	resting	activated 0.03	Eosinophil:	Neutrophils	P-value 0.103	Correlation 0.119	1.065
GSM1426169	0.031	0.100	0.176	0.302 0	0.062	0	0	0.093	0	0.097	0	0.039	0.054	0	0.033	0	0.014	0	0.03	0.006	0	0.163	0.096	1.003
GSM1426170	0.131	0.054	0.106	0.302 0	0.045	0	0.005	0.054	0	0.109	0	0.051	0.021	0	0.037	0	0.044	0	0.04	0	0	0.171	0.093	1.074
GSM1426171 GSM1426172	0.014	0.065	0.156	0.291 0	0 0	0	0.044	0.128	0	0.094	0.012	0.074	0.082	0.044	0	0	0.003	0.03	0.008	0	0	0.441 0.419	0.041	1.095 1.082
GSM1426173	0	0.093	0.191	0.301 0	0	0	0	0.086	0	0.087	0.021	0.1	0.06	0	0	0	0.035	0.027	0	0	0	0.480	0.036	1.101
GSM1426174 GSM1426175	0.006	0.197	0.123	0.149 0	0.151	0	0.03	0.032	0	0.104	0.049	0.03	0.017	0	0.076	0	0.039	0.115	0.047	0	0	0.017	0.200 0.116	1.018
GSM1426176	0	0.075	0.093	0.235	0.053	0	0	0.059	0	0.021	0.017	0.02	0.016	0	0.188	0	0.008	0.216	0	0	0	0.031	0.169	1.016
GSM1426177 GSM1426178	0.096	0.027 0.106	0.109	0.295 0	0.034	0.035	0	0.084	0	0.096	0	0.034	0.035	0.085	0.13 0.028	0	0.015	0.025 0.026	0.021	0	0	0.073	0.131	1.045 0.999
GSM1426179	0.075	0.174	0.101	0.308	0.083	0.033	0.028	0.106	0	0.101	0.015	0.033	0.041	0.085	0.028	0	0.021	0.020	0.018	0	0	0.016	0.229	1.018
GSM1426180	0	0.152	0.113	0.285 0	0.02	0	0	0.073	0	0.061	0	0.038	0.054	0	0.125	0	0.037	0.041	0	0	0	0.028	0.174	1.022
GSM1426181 GSM1426182	0.031	0.031	0.128	0.308 0	0.025	0	0	0.132	0	0.028	0.036	0.075	0.044	0	0.111	0	0	0.1	0	0.006	0	0.202	0.085 0.119	1.056 1.042
GSM1426183	0	0.126	0.127	0.346 0	0	0	0.006	0.051	0	0.063	0	0.059	0.031	0	0.155	0	0.022	0.015	0	0	0	0.155	0.099	1.060
GSM1426184 GSM1426185	0.071	0.012	0.175 0.067	0.345 0	0.113	0	0.029	0.077	0	0.031	0.071	0.044	0.022	0	0.044	0	0.012	0.028	0	0	0	0.034	0.164	1.055 1.075
GSM1426186	0.061	0.052	0.276	0.347	0.059	0	0.004	0.013	0	0.065	0.013	0	0.049	0.012	0.04	0	0.012	0.001	0.005	0.003	0	0.003	0.307	0.991
GSM1945759 GSM1945760	0.019	0.051	0.098	0.198 0 0.055 0	0.042	0 005	0	0.071	0	0.062	0	0	0.207 0.197	0.133 0.115	0.033	0	0.028	0.006	0.001	0	0.05	0.161	0.097	1.062 0.926
GSM1945761	0.006	0.032	0.143	0.194 0	0.138	0.003	0	0.113	0	0.104	0.056	0.046	0.197	0.113	0.031	0	0.046	0.078	0.008	0	0.003	0.465	0.038	1.083
GSM1945762	0.032	0	0.182	0.348 0	0.153	0	0	0.108	0	0.029	0.031	0.005	0.048	0.015	0.002	0	0.028	0.018	0	0	0	0.171	0.093	1.091
GSM1945763 GSM1945764	0.112	0.004	0.173 0.135	0.273 0	0.156	0	0.032	0.128	0	0.021	0.078	0.085	0.059	0.022	0.006	0	0.022	0.021	0.01	0	0.004	0.755 0.278	0.002	1.125
GSM1945765	0	0.079	0.117	0.159 0	0.13	0.022	0	0.024	0	0.09	0	0.034	0.06	0.085	0.093	0	0.032	0.071	0	0	0.006	0.013	0.218	0.997
GSM1945766 GSM1945767	0.075	0.114	0.076	0.124 0 0.288 0	0.119	0	0.038	0.003	0	0.101	0	0.047	0.167 0.137	0.049	0	0	0.072	0	0.028	0	0.026 0.052	0.009	0.227	0.997 1.090
GSM1945768	0.038	0.038	0.155	0.157	0.088	0	0	0.093	0	0.09	0.009	0	0.052	0.058	0.064	0	0.084	0.015	0.01	0	0.05	0.082	0.126	1.043
GSM1945769 GSM1945770	0.02 0.125	0.043	0.117	0.305 0	0.086	0	0	0.097	0	0.094	0	0.038	0.077	0.033	0	0	0.03	0.009	0.018	0	0.032	0.536 0.055	0.029 0.143	1.097 1.044
GSM1945770 GSM1945771	0.004	0.048	0.095	0.209 0	0.102	0	0	0.053	0	0.104	0.022	0.053	0.018	0.035	0	0	0.035	0.058	0.078	0	0.098	0.055	0.143	1.044
GSM1945772 GSM1945773	0.023	0.072	0.164	0.301 0	0.05	0	0.008	0.108	0	0.038	0.027	0.032	0.108	0.014	0	0	0.048	0	0.009	0	0	0.174	0.092	1.073
GSM1945774 GSM1945774	0.101	0.061	0.064	0.108 0	0.032	0.001	0.055	0.071	0	0.101	0	0	0.078	0.095	0	0	0.099	0	0.012	0	0.122	0.012	0.222	1.003 1.020
GSM1945775	0	0.146	0.196	0.254 0	0	0	0	0.11	0	0.022	0.051	0.087	0.087	0.003	0	0	0.028	0.016	0	0	0	0.045	0.149	1.050
GSM1945776 GSM1945777	0.097	0.143	0.044	0.171 0	0 0	0	0.034	0.071	0	0.082	0.03	0.004	0.197	0.174	0.009	0	0.031	0.008	0	0	0	0.000 0.725	0.390	0.928 1.129
GSM1945778	0.015	0.018	0.081	0.193 0	0.272	0.004	0	0.101	0	0.126	0	0.04	0.013	0.026	0	0.003	0.048	0	0.047	0	0.012	0.169	0.094	1.074
GSM1945779 GSM1945780	0.004	0.022	0.113	0.465 0	0 0.138	0	0.015	0.099	0	0.03	0.019	0.046	0.11	0.026	0 005	0	0.015	0.062	0	0	0	0.513	0.031	1.105 1.098
GSM1945781	0.065	0.004	0.17	0.384	0.113	0	0	0.078	0	0.002	0.058	0.032	0.041	0.024	0.013	0	0	0.049	0	0	0.002	0.432	0.043	1.115
GSM1945782	0.053	0.148	0.054	0.155 0.0		0.015	0	0.022	0	0.081	0	0.018	0.193	0.084	0.012	0	0.045	0	0.002	0	0.039	0.000	0.642	0.788
GSM1945783 GSM1945784	0	0.001	0.104	0.032 0	0.055	0.003	0.002	0.062	0	0.09	0	0.063	0.043	0.038	0.066 0.026	0	0.037 0.115	0.03	0.057	0	0.191	0.600	0.021	1.104 0.862
GSM1945785	0.111	0.076	0.038	0.075 0.0	_	0.019	0	0.022	0	0.087	0	0.023	0.183	0.107	0.002	0	0.052	0.001	0	0	0.007	0.000	0.524	0.854
GSM1945786 GSM1945787	0.104	0.031	0.152	0.228 0 0.145 0	0.145	0	0	0.037	0	0.034	0.037	0.016	0.09	0.058	0.094	0	0.027	0.033	0	0	0.007	0.081	0.127	1.054
GSM1945788	0.025	0.023	0.138	0.223 0	0.127	0	0	0.014	0	0.011	0.063	0.073	0.143	0.076	0	0	0.034	0.049	0	0	0	0.107	0.116	1.047
GSM1945789 GSM1945790	0.016 0.048	0.059	0.201	0.307 0	0.137	0	0	0.022	0	0.004	0.037	0.036 0.016	0.024	0.047	0.027	0	0.042	0.134	0	0	0.01	0.006 0.170	0.241	1.000
GSM1945791	0.045	0.081	0.117	0.159 0	0.076	0.005	0	0.118	0	0.121	0.033	0	0.041	0.023	0.053	0	0.059	0.015	0.085	0	0.015	0.021	0.187	1.017
GSM1945792 GSM1945793	0.043	0.101	0.134	0.076 0 0.046 0	0.036	0	0.082	0.029	0	0.049	0	0	0.187	0.095	0.014	0	0.028	0.004	0.024 0.025	0	0.099	0.000	0.400	0.917 0.862
GSM1945794 GSM1945794	0.021	0.055	0.062	0.046	0.114	0.03	0	0.016	0	0.094	0	0.042	0.091	0.022	0.015	0	0.015	0.034	0.025	0	0.039	0.000	0.097	1.063
GSM1945795	0.026	0.045	0.13	0.187 0	0.053	0	0	0.083	0	0.107	0	0	0.188	0.027	0	0	0.027	0	0.108	0	0.019	0.055	0.143	1.038
GSM1945796 GSM1945797	0.099	0.112	0.173	0.175 0 0.165 0	0.235	0.022	0	0.043	0	0.005	0	0.004	0.037	0.004	0.048	0	0.048	0.016	0.022	0	0.051	0.016 0.110	0.205 0.114	1.027
GSM1945798	0.016	0.039	0.098	0.18	0.237	0	0	0	0	0.073	0	0.013	0.178	0.036	0	0	0.039	0.035	0	0	0.055	0.195	0.087	1.059
GSM1945799 GSM1945800	0.065	0	0.108	0.266 0 0.178 0	0.222	0	0	0.102	0	0.03	0.006	0.022	0.139	0.041	0	0	0.035	0.049	0.002	0	0.016	0.158	0.099	1.059
GSM1945801	0.12	0.075	0.167	0.227 0	0.092	0	0	0.036	0	0	0.023	0.023	0.004	0.008	0.167	0	0.01	0.048	0	0	0	0.055	0.144	1.046
GSM1945802 GSM1945803	0.021	0.048	0.083	0.135 0 0.102 0	0.163	0.005	0	0.017	0	0.082	0	0 004	0.108	0.116 0.175	0.03	0	0.133	0	0.033	0	0.055	0.005 0.001	0.264	0.986 0.953
GSM1945804	0	0.122	0.082	0.073	0.172	0.005	0	0	0	0.078	0	0	0.14	0.13	0	0	0.033	0	0.028	0	0.025	0.001	0.505	0.863
GSM1945805 GSM1945806	0.025	0.09	0.095	0.08 0	0.231	0	0.025	0.016	0	0.088	0	0	0.151	0.182 0.041	0.022	0	0.085	0.011	0.01	0	0.06	0.000	0.482 0.117	0.875 1.045
GSM1945806 GSM1945807	0.011	0.009	0.154	0.404 0	0.14	0	0.025	0.043	0	0.049	0	0.065	0.024	0.041	0.083	0	0.007	0	0.054	0	0.06	0.107 0.590	0.117	1.045
GSM1945808	0.098	0.22	0.048	0.152 0	0.028	0	0	0	0	0.063	0	0	0.13	0.137	0	0	0.065	0	0.045	0	0.017	0.004	0.294	0.980
GSM1945809 GSM1945810	0.047	0.109 0.015	0.12 0.175	0.179 0 0.254 0	0.144	0	0	0.016 0.089	0	0.088	0.107	0.053	0.05	0.103	0.038 0.032	0	0.03	0.092	0.039	0	0.037	0.017 0.710	0.199	1.018 1.102
GSM1945811	0	0.078	0.185	0.358 0	0	0	0	0.079	0	0.048	0.053	0.073	0.112	0.002	0	0	0.004	0.01	0	0	0	0.789	-0.003	1.127
GSM1945812 GSM1945813	0.09	0.021	0.132	0.266 0 0.236 0	0.112	0.039	0.028	0.081	0	0.079	0	0.042	0.152 0.128	0.038	0.016	0	0.03	0.031	0	0	0	0.363	0.055	1.076
GSM1945814	0.074	0.125	0.121	0.236 0	0	0	0	0.114	0	0.09	0	0.034	0.081	0.033	0	0	0.06	0	0.032	0	0	0.138	0.104	1.063
GSM1945815 GSM1945816	0.197	0.092	0.111	0.216 0	0.059	0	0	0.047	0	0.086	0.024	0	0.022 0.062	0.008	0.044	0	0.04	0.052	0.039	0	0.039	0.245	0.074 0.026	1.089 1.118
GSM1945817	0.085	0.019	0.107	0.404 0	0.022	0	0	0.064	0	0.005	0.024	0	0.041	0	0.013	0	0.008	0.032	0	0	0	0.817	-0.006	1.141
GSM1945818	0.034	0.086	0.128	0.332 0	0.117	0	0.057	0	0	0.077	0 046	0.043	0.074	0.003	0.003	0	0.022	0.026	0	0	0	0.223	0.080	1.084
GSM1945819 GSM1945820	0.055	0.021	0.172 0.175	0.323 0	0.123	0	0	0.092	0	0.021	0.046	0.013	0.092	0.056	0.022	0	0.044	0.043	0	0	0.002	0.307	0.063 0.017	1.091 1.123
GSM1945821	0	0.069	0.129	0.323 0	0.063	0	0.012	0.024	0	0.084	0	0.037	0.134	0.023	0.037	0	0.014	0.046	0	0	0.003	0.416	0.045	1.084
GSM1945822 GSM1945823	0.09	0.151	0.159	0.155 0 0.255 0	0.233	0	0	0.074	0	0.022	0.129	0.029	0.035 0.116	0.005 0.074	0.021 0.042	0	0.02	0.118	0	0	0	0.681	0.011 0.216	1.110
GSM1945824	0	0.132	0.119	0.334 0	0.063	0	0	0.062	0	0.071	0.027	0.044	0.057	0.012	0	0	0.027	0.053	0	0	0	0.592	0.022	1.107
GSM1945825 GSM1945826	0.035 0.108	0.202	0.185	0.408 0 0.124 0.0	0.04	0 004	0	0.129 0.017	0	0.029	0.027	0.049	0.048	0.016	0,043	0	0.031	0.034	0	0	0	0.730	0.005	1.129 0.957
GSM1945826 GSM1945827	0.408	0	0.024	0.301 0	0.082	0.004	0.016	0.017	0	0.049	0.024	0.013	0.098	0.001	0.043	0	0.031	0.006	0	0	0	0.001	0.354	1.090
GSM1945828	0	0.007	0.134	0.407 0	0	0.018	0	0.061	0	0.038	0.083	0.041	0.04	0	0.055	0	0.009	0.107	0	0	0	0.851	-0.012	1.124
GSM1945829 GSM1945830	0.109	0.097	0.063	0.304 0	0.018	0	0.054	0.109	0	0.005	0.071	0.069	0.083	0.001	0.007	0	0.031	0.034	0	0	0	0.890 0.710	-0.018 0.008	1.120 1.116
GSM1945831	0.03	0	0.104	0.388 0	0.087	0	0	0.085	0	0.01	0.074	0.031	0.062	0	0.044	0	0	0.084	0	0	0	0.846	-0.010	1.124
GSM1945832 GSM1945833	0.117	0.256	0.172	0.3 0	0 0.1	0	0.005	0.193	0	0.054	0.042	0.032	0.065	0.006	0.043	0	0	0.003	0.002 0.	0	0	0.528	0.030	1.116
GSM1945834	0.117	0.134	0.012	0.291 0	0	0	0.051	0.108	0	0.063	0.027	0.044	0.064	0	0.009	0	0.003	0.009	0	0	0	0.372	0.052	1.102
	0.189	0	0.052	0.367 0	0	0	0.043	0.118	0	0.035	0.025	0.041	0.051	0	0.038		0.009	0.033		0		0.782	-0.002	1.121
GSM1945835 GSM1945836	0.043	Ω	0.109	0.376) 0	0	Δ	0.108	0		0.114	0.1	0.071					0.076				0.905	-0.021	1.127