

CIBERSORTx Output Display

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	T cells CD4 T helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Correlation	RMSE	
GSM1426071	0.067	0.027	0.238	0.19	0.105	0.014	0	0.08	0	0.062	0	0.017	0.076	0.011	0	0.018	0.09	0.047	0.014	0	0.058	0.001	0.438	0.901	
GSM1426072	0.014	0.037	0.113	0.102	0.159	0.014	0	0	0	0.081	0	0.047	0.126	0.162	0.017	0.022	0.021	0	0	0	0.001	0.371	0.933		
GSM1426073	0	0.05	0.153	0.262	0	0	0	0.119	0	0.093	0.015	0.102	0.174	0.15	0	0.01	0.021	0	0	0	0.207	0.083	1.067		
GSM1426074	0	0.051	0.122	0.027	0	0.224	0.014	0.014	0	0.071	0	0.033	0.143	0.153	0.059	0.003	0	0.047	0	0.043	0.001	0.375	0.930		
GSM1426075	0	0.116	0.132	0.191	0	0.071	0	0	0.031	0.068	0	0.074	0.143	0.104	0	0.071	0	0	0	0	0.018	0.193	1.018		
GSM1426076	0.045	0.048	0.106	0.026	0	0.113	0.03	0.016	0	0.112	0	0	0.112	0.029	0.019	0.069	0	0.063	0	0.212	0.000	0.445	0.895		
GSM1426077	0.079	0.147	0.108	0.14	0	0.021	0.011	0.026	0.026	0.086	0	0	0.153	0.086	0.027	0.043	0	0.035	0	0.012	0.000	0.385	0.926		
GSM1426078	0	0.075	0.101	0.145	0	0.132	0	0.001	0.07	0.048	0.009	0.066	0.187	0.105	0.038	0	0.024	0	0	0	0.017	0.198	1.008		
GSM1426079	0.001	0.078	0.197	0.245	0	0	0	0.003	0.107	0	0.091	0.019	0.069	0	0	0	0.089	0	0	0	0.474	0.037	1.112		
GSM1426080	0	0.158	0.12	0.257	0	0.009	0	0	0.044	0.042	0	0.032	0.17	0.013	0.052	0	0.104	0	0	0	0.162	0.096	1.054		
GSM1426081	0.062	0	0.21	0.208	0	0	0	0.167	0	0	0.092	0	0.031	0.017	0.075	0	0.043	0	0	0.006	0.659	0.014	1.119		
GSM1426082	0	0.025	0.164	0.263	0	0	0	0.119	0	0.032	0.103	0.12	0.07	0	0	0.02	0.042	0	0	0	0.890	-0.018	1.123		
GSM1426083	0	0.038	0.157	0.283	0	0.011	0	0.169	0	0	0.119	0.069	0.048	0	0.051	0	0.053	0	0	0	0.388	0.049	1.093		
GSM1426084	0.043	0	0.123	0.277	0	0	0	0.141	0	0	0.172	0.007	0.088	0	0	0	0.148	0	0	0	0.719	0.006	1.123		
GSM1426085	0	0.068	0.14	0.241	0	0.042	0	0	0.072	0	0.016	0.033	0.067	0.007	0.005	0.217	0.016	0.077	0	0	0.203	0.085	1.051		
GSM1426086	0	0.053	0.139	0.294	0	0	0	0.076	0	0.022	0.039	0.056	0.016	0	0.136	0	0.014	0.054	0	0	0.604	0.020	1.097		
GSM1426087	0.053	0.119	0.104	0.192	0	0.043	0	0.087	0	0.027	0	0.013	0	0.202	0	0.031	0.118	0	0.008	0	0.021	0.188	1.009		
GSM1426088	0.009	0.201	0.133	0.242	0	0	0	0.121	0	0.011	0.01	0.037	0.041	0	0.094	0	0.016	0.086	0	0	0.006	0.254	0.989		
GSM1426089	0	0.074	0.157	0.219	0	0.071	0	0.105	0	0	0.052	0.019	0.043	0	0.172	0	0.13	0	0	0.222	0.081	1.060			
GSM1426090	0.026	0.103	0.157	0.17	0	0.067	0.035	0.012	0.025	0.083	0	0.018	0.088	0.151	0.044	0.005	0.016	0	0	0	0.001	0.355	0.944		
GSM1426091	0	0.067	0.165	0.256	0	0	0	0.028	0.115	0	0.056	0.032	0.049	0.144	0.001	0.034	0.035	0.019	0	0	0.245	0.074	1.071		
GSM1426092	0	0.059	0.2	0.231	0	0	0	0.093	0	0	0.075	0.054	0.237	0	0.014	0	0.015	0.021	0	0	0.192	0.088	1.072		
GSM1426093	0.015	0.075	0.236	0.198	0	0.067	0	0.012	0.051	0	0.077	0	0.019	0.116	0.028	0.07	0.02	0	0.017	0	0.001	0.342	0.952		
GSM1426094	0.028	0.054	0.134	0.085	0	0.178	0.018	0	0	0.089	0	0.041	0.067	0.119	0	0.037	0.022	0	0	0.129	0.000	0.492	0.870		
GSM1426095	0.006	0.109	0.146	0.223	0	0.072	0.004	0	0	0.118	0	0	0.121	0.043	0.024	0	0.034	0	0.048	0	0.053	0.000	0.508	0.861	
GSM1426096	0.001	0.03	0.125	0.099	0	0.1	0	0.002	0.011	0	0.07	0	0.146	0.051	0	0.042	0	0.066	0	0.254	0.000	0.402	0.919		
GSM1426097	0.201	0.073	0.077	0.066	0	0.157	0	0.03	0	0.093	0	0.004	0.1	0.031	0.002	0	0.042	0	0.045	0	0.081	0.000	0.446	0.894	
GSM1426098	0.019	0.042	0.08	0.071	0	0.137	0	0	0.009	0.091	0	0.019	0.107	0.072	0	0.09	0	0.076	0	0.187	0.001	0.347	0.943		
GSM1426099	0	0.093	0.146	0.127	0	0.129	0.027	0	0	0.088	0	0.018	0.119	0.05	0.009	0	0.047	0.089	0	0.057	0.001	0.368	0.932		
GSM1426100	0.001	0.161	0.104	0.14	0	0.113	0.038	0	0.012	0	0.11	0	0.167	0.057	0.003	0	0.023	0	0.057	0	0.012	0.000	0.533	0.849	
GSM1426101	0	0.057	0.141	0.138	0	0.144	0.001	0.009	0	0	0.056	0	0.056	0.115	0.046	0	0.101	0.066	0	0.069	0.000	0.428	0.903		
GSM1426102	0.083	0.127	0.107	0.149	0	0.048	0	0.053	0.02	0	0.14	0	0.002	0.081	0.012	0.023	0	0.086	0	0.069	0	0.008	0.232	1.001	
GSM1426103	0.166	0.131	0.031	0.104	0	0.04	0	0.083	0	0	0.105	0	0.151	0.007	0.002	0	0.037	0	0.112	0	0.032	0.000	0.391	0.923	
GSM1426104	0.111	0.032	0.075	0.052	0	0.148	0.007	0.008	0	0	0.101	0	0.022	0.083	0.059	0	0.047	0	0.114	0	0.141	0.001	0.370	0.931	
GSM1426105	0.193	0.068	0.015	0.004	0	0.159	0.009	0.045	0	0	0.067	0	0.003	0.084	0.109	0.007	0.021	0	0.05	0	0.166	0.000	0.511	0.860	
GSM1426106	0	0.084	0.205	0.169	0	0.124	0	0.061	0	0	0.063	0	0.024	0.161	0.037	0.014	0	0.032	0.012	0	0.013	0.006	0.256	0.991	
GSM1426107	0.18	0.093	0.08	0.063	0	0.103	0.008	0.034	0.011	0	0.064	0	0.013	0.185	0.061	0	0.023	0	0.056	0	0.026	0.000	0.500	0.866	
GSM1426108	0	0.068	0.118	0.075	0	0.201	0	0.014	0	0	0.07	0	0.021	0.071	0.029	0	0.079	0	0.157	0	0.096	0.018	0.193	1.011	
GSM1426109	0.054	0.115	0.145	0.11	0	0.134	0.026	0.013	0.005	0	0.116	0	0.02	0.112	0.066	0.011	0.029	0.008	0.035	0	0.001	0.344	0.946		
GSM1426110	0	0.04	0.152	0.112	0	0.169	0.013	0	0	0.077	0	0.016	0.133	0.088	0.053	0	0.01	0.075	0	0.062	0.058	0.139	1.030		
GSM1426111	0.079	0.116	0.152	0.12	0	0.101	0.006	0.05	0.019	0	0.067	0	0.018	0.11	0.015	0.016	0	0.058	0.058	0.012	0	0.002	0.003	0.309	0.962
GSM1426112	0.018	0.064	0.124	0.207	0	0.052	0	0.012	0.05	0	0.018	0	0.015	0.107	0.025	0.026	0	0.029	0.139	0	0.017	0.002	0.316	0.956	
GSM1426113	0.034	0.122	0.082	0.178	0	0.116	0.003	0	0.026	0	0.126	0	0	0.113	0.039	0.034	0	0.049	0	0.068	0	0.011	0.001	0.355	0.940
GSM1426114	0.109	0.073	0.049	0.045	0	0.202	0.03	0	0	0.073	0	0.018	0.169	0.067	0.009	0	0.041	0.054	0	0	0.06	0.000	0.454	0.891	
GSM1426115	0.009	0.075	0.087	0.114	0	0.184	0.03	0	0	0.125	0	0.02	0.107	0.133	0.038	0	0.015	0	0.01	0	0.053	0.001	0.355	0.940	
GSM1426116	0.109	0	0.033	0.1	0	0.173	0.028	0.003	0	0	0.079	0	0.042	0.139	0.085	0.043	0	0.03	0.059	0	0.075	0.000	0.395	0.918	
GSM1426117	0.074	0.074	0.135	0.175	0	0.178	0	0.055	0	0.026	0	0	0.083	0.032	0.021	0	0.064	0.039	0.043	0	0.005	0.285	0.974		
GSM1426118	0.245	0.225	0.019	0.075	0	0.032	0.017	0.036	0.017	0	0.055	0	0.124	0.029	0.046	0	0.027	0.054	0	0	0.000	0.614	0.793		
GSM1426119	0.079	0.057	0.104	0.144	0	0.092	0	0.016	0.057	0	0.072	0	0.012	0.093	0.039	0.071	0	0.029	0.119	0.015	0	0.000	0.394	0.919	
GSM1426120	0.222	0.038	0.056	0.149	0	0.064	0.02	0.015	0.029	0	0.106	0	0.001	0.074	0.032	0.068	0	0.05	0.03	0.047	0	0.001	0.352	0.941	
GSM1426121	0.008	0.053	0.129	0.151	0	0.133	0.029	0.035	0	0	0.079	0	0.024	0.071	0.099	0.142	0	0.022	0.006	0	0.019	0.004	0.295	0.965	
GSM1426122	0.068	0.104	0.221	0.079	0	0.054	0	0	0.053	0	0.123	0	0	0.193	0.028	0.022	0	0.02	0	0.035	0	0.000	0.399	0.923	
GSM1426123	0.004	0.074	0.144	0.171	0	0.09	0	0	0.044	0	0.086	0	0.012	0.18	0.03	0.024	0	0.02	0.05	0.024	0	0.046	0.016	0.205	1.006
GSM1426124	0.079	0.101	0.049	0.249	0	0.025	0.004	0.051	0	0.073	0	0	0.088	0.103	0.057	0	0.033	0.038	0	0.018	0.000	0.398	0.919		
GSM1426125	0.115	0.055	0.207	0.134	0	0.096	0	0	0.045	0	0.055	0.009	0	0.196	0.01	0.008	0	0.036	0						

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Correlation	RMSE	
GSM1426168	0.031	0.166	0.127	0.011	0	0	0	0.095	0	0.09	0	0.059	0.044	0	0.033	0	0.014	0	0.03	0	0	0.103	0.119	1.065	
GSM1426169	0.025	0.109	0.176	0.012	0.062	0	0	0.082	0	0.097	0	0.04	0.054	0	0	0	0	0.046	0.006	0	0	0.163	0.096	1.083	
GSM1426170	0.131	0.054	0.106	0.012	0.045	0	0.005	0.054	0	0.109	0	0.051	0.021	0	0.037	0	0.044	0	0.04	0	0	0.171	0.093	1.074	
GSM1426171	0.014	0.065	0.156	0.011	0	0	0	0.044	0.128	0	0.094	0.012	0.074	0.082	0	0	0.013	0.03	0.008	0	0	0.441	0.041	1.095	
GSM1426172	0	0.075	0.139	0.072	0	0	0.053	0.094	0	0.039	0.039	0.086	0.108	0.044	0	0	0.036	0.015	0	0	0	0.419	0.044	1.082	
GSM1426173	0	0.093	0.191	0	0	0	0	0.086	0	0.087	0.021	0.1	0.06	0	0	0	0.035	0.027	0	0	0	0.480	0.036	1.101	
GSM1426174	0.006	0.197	0.123	0.149	0	0.151	0	0.03	0.032	0	0.104	0	0.03	0.017	0	0.076	0	0.039	0	0.047	0	0.017	0.200	1.018	
GSM1426175	0.004	0.085	0.116	0.012	0.057	0	0	0.092	0	0	0.049	0.052	0.044	0	0.087	0	0	0.115	0	0	0	0.107	0.116	1.047	
GSM1426176	0	0.075	0.093	0.235	0	0.053	0	0.059	0	0.021	0.017	0.02	0.016	0	0.188	0	0.008	0.216	0	0	0	0.031	0.169	1.016	
GSM1426177	0.096	0.027	0.109	0.012	0.034	0	0	0.084	0	0.096	0	0.034	0.035	0	0.13	0	0.015	0.025	0.021	0	0	0.073	0.131	1.045	
GSM1426178	0	0.106	0.101	0.213	0	0.085	0.035	0	0.108	0	0.101	0	0.053	0.041	0.085	0.028	0	0.026	0.018	0	0	0.008	0.229	0.999	
GSM1426179	0.075	0.174	0.063	0.012	0	0	0.028	0.106	0	0.018	0.015	0.037	0.089	0	0.045	0	0.021	0.022	0.011	0	0	0.016	0.204	1.018	
GSM1426180	0	0.152	0.113	0.015	0	0.02	0	0.073	0	0.061	0	0.038	0.054	0	0.125	0	0.037	0.041	0	0	0	0.028	0.174	1.022	
GSM1426181	0	0.031	0.128	0.012	0	0	0	0.132	0	0.028	0.036	0.075	0.044	0	0.111	0	0	0.1	0	0.008	0	0.202	0.085	1.056	
GSM1426182	0.031	0.002	0.1	0.011	0.025	0	0	0.071	0	0.038	0.021	0.047	0.072	0	0.064	0	0	0.236	0	0	0	0.101	0.119	1.042	
GSM1426183	0	0.126	0.127	0.012	0	0	0.006	0.051	0	0.063	0	0.059	0.031	0	0.155	0	0.022	0.015	0	0	0	0.155	0.099	1.060	
GSM1426184	0.071	0.012	0.175	0.012	0.113	0	0.029	0.077	0	0	0.071	0	0.022	0	0.044	0.012	0.028	0	0	0	0	0.034	0.164	1.055	
GSM1426185	0	0.235	0.067	0.261	0	0.069	0	0.066	0	0.031	0.018	0.044	0.046	0	0.087	0	0.012	0.064	0	0	0	0.294	0.065	1.075	
GSM1426186	0.061	0.052	0.076	0.011	0	0.059	0	0.004	0.013	0	0.065	0.013	0	0.049	0.012	0.04	0	0.011	0.005	0.003	0	0.003	0.307	0.991	
GSM1945759	0.019	0.051	0.098	0.198	0	0.042	0	0.071	0	0.062	0	0	0.207	0.133	0.033	0	0.028	0.006	0.011	0	0.05	0.161	0.097	1.062	
GSM1945760	0.033	0.032	0.066	0.055	0	0.015	0.005	0	0.024	0	0.104	0	0.197	0.115	0.04	0	0.048	0.005	0.008	0	0.003	0.000	0.384	0.926	
GSM1945761	0.006	0.011	0.143	0.194	0	0.138	0	0.113	0	0.058	0.056	0.046	0.04	0.05	0.031	0	0.036	0.078	0	0	0	0.465	0.038	1.083	
GSM1945762	0.032	0	0.182	0.012	0.153	0	0	0.108	0	0.029	0.031	0.005	0.048	0.015	0.005	0	0.028	0.018	0	0	0	0.171	0.093	1.091	
GSM1945763	0	0.004	0.173	0.011	0	0	0	0.032	0.128	0	0.021	0.078	0.085	0.059	0	0	0.022	0.021	0	0	0	0.755	0.002	1.125	
GSM1945764	0.112	0	0.135	0.013	0.156	0	0	0.093	0	0.105	0	0.022	0.031	0.022	0.006	0	0.029	0	0.01	0	0.004	0.278	0.068	1.094	
GSM1945765	0	0.079	0.117	0.159	0	0.13	0.022	0	0.024	0	0.09	0	0.034	0.06	0.085	0.093	0	0.032	0.071	0	0	0.006	0.013	0.218	0.997
GSM1945766	0.075	0.114	0.076	0.124	0	0.119	0	0	0.013	0.101	0	0.047	0.167	0.049	0	0	0.072	0	0.028	0	0.026	0.009	0.227	0.997	
GSM1945767	0	0.022	0.095	0.012	0	0.079	0	0.038	0.113	0	0.088	0	0.042	0.137	0.017	0	0.019	0	0.02	0	0.052	0.480	0.036	1.090	
GSM1945768	0.038	0.038	0.155	0.157	0	0.088	0	0.093	0	0.09	0.009	0	0.052	0.058	0.064	0	0.084	0.015	0.01	0	0.05	0.082	0.126	1.043	
GSM1945769	0.02	0.043	0.117	0.012	0.086	0	0	0.097	0	0.094	0	0.038	0.077	0.033	0	0	0.03	0.009	0.018	0	0.032	0.536	0.029	1.097	
GSM1945770	0.125	0.048	0.095	0.209	0	0.102	0	0	0.053	0	0.104	0	0	0.018	0.035	0	0.035	0	0.078	0	0	0.055	0.143	1.044	
GSM1945771	0.004	0.067	0.158	0.226	0	0.01	0	0.053	0	0.047	0.022	0.053	0.089	0.085	0	0	0.108	0.058	0	0	0.02	0.046	0.148	1.036	
GSM1945772	0.023	0.072	0.164	0.012	0	0.05	0	0.008	0.108	0	0.038	0.027	0.032	0.108	0.014	0	0.048	0	0.009	0	0	0.174	0.092	1.073	
GSM1945773	0.101	0.061	0.064	0.108	0	0.032	0	0.055	0.071	0	0.101	0	0	0.078	0.095	0	0.099	0	0.012	0	0.122	0.012	0.222	1.003	
GSM1945774	0.065	0.03	0.028	0.072	0	0.094	0.011	0.077	0	0.134	0	0	0.223	0.035	0	0	0.067	0	0.094	0	0.082	0.026	0.177	1.020	
GSM1945775	0	0.146	0.196	0.014	0	0	0	0.11	0	0.022	0.051	0.087	0.067	0.018	0	0	0.028	0.016	0	0	0	0.045	0.149	1.050	
GSM1945776	0.097	0.143	0.044	0.171	0	0	0	0.071	0	0.082	0	0.004	0.197	0.174	0.009	0	0	0.008	0	0	0	0.000	0.390	0.928	
GSM1945777	0	0.014	0.128	0.011	0	0	0.034	0.123	0	0.046	0.03	0.067	0.033	0.024	0	0	0.031	0.018	0	0	0	0.725	0.005	1.129	
GSM1945778	0.015	0.018	0.081	0.193	0	0.272	0.004	0	0.101	0	0.126	0	0.04	0.013	0.026	0	0.003	0.048	0	0.047	0	0.012	0.169	0.094	1.074
GSM1945779	0.004	0.022	0.113	0.012	0	0	0.015	0.099	0	0.03	0.019	0.046	0.11	0	0	0	0.015	0.062	0	0	0	0.513	0.031	1.105	
GSM1945780	0.131	0.004	0.106	0.012	0.138	0	0	0.084	0	0.114	0.012	0.052	0.04	0.026	0.005	0	0	0.008	0	0	0	0.331	0.060	1.098	
GSM1945781	0.065	0	0.17	0.012	0.113	0	0	0.078	0	0.012	0.058	0	0.041	0.024	0.013	0	0	0.049	0	0	0.002	0.432	0.043	1.115	
GSM1945782	0.053	0.148	0.054	0.155	0.052	0.026	0.015	0	0.022	0	0.081	0	0.018	0.193	0.084	0.012	0	0.045	0.002	0	0.039	0.000	0.642	0.788	
GSM1945783	0	0.011	0.104	0.012	0	0.055	0	0.002	0.062	0	0.09	0	0.063	0.043	0.038	0.066	0	0.037	0.03	0	0	0.600	0.021	1.104	
GSM1945784	0	0.017	0.026	0.032	0	0.175	0.003	0	0	0.057	0	0.008	0.15	0.143	0.026	0	0.115	0	0.057	0	0.191	0.000	0.506	0.862	
GSM1945785	0.111	0.076	0.038	0.075	0.07	0.129	0.019	0	0.022	0	0.087	0	0.023	0.183	0.107	0.003	0	0.052	0.001	0	0	0.007	0.000	0.524	0.854
GSM1945786	0.044	0.031	0.152	0.228	0	0.145	0	0	0.037	0	0.034	0.037	0.016	0.09	0.058	0	0	0.027	0.033	0	0	0.007	0.081	0.127	1.054
GSM1945787	0	0.057	0.105	0.145	0	0.166	0	0	0.05	0	0.069	0	0.069	0.062	0.057	0.094	0	0.032	0.096	0	0	0.195	0.087	1.044	
GSM1945788	0.025	0.023	0.138	0.223	0	0.127	0	0	0.014	0	0.011	0.063	0.073	0.143	0.076	0	0	0.034	0.049	0	0	0.107	0.116	1.047	
GSM1945789	0.016	0	0.201	0.012	0	0.137	0	0	0.022	0	0.004	0.037	0.036	0.024	0.047	0.027	0	0.134	0	0	0.01	0.006	0.241	1.000	
GSM1945790	0.048	0.059	0.158	0.229	0	0.193	0	0.052	0	0.042	0.035	0.016	0.07	0.036	0	0	0.042	0.013	0	0	0.005	0.170	0.094	1.074	
GSM1945791	0.045	0.081	0.117	0.159	0	0.076	0.005	0	0.118	0	0.121	0	0	0.041	0.023	0.053	0	0.059	0	0.085	0	0.015	0.021	1.017	
GSM1945792	0.043	0.101	0.134	0.076	0	0.036	0	0.082	0.029	0	0.049	0	0	0.187	0.095	0.014	0	0.028	0.004	0.024	0	0.099	0.000	0.400	0.917
GSM1945793	0.021	0.055	0.062	0.046	0	0.114	0.03	0	0	0.094	0	0.005	0.261	0.196	0.015	0	0.015	0	0.025	0	0.059	0.000	0.506	0.862	
GSM1945794	0	0.011	0.155																						