

Przyrównanie sekwencji

Niewiarygodne dla dalekich homologów (<35% identyczności sekw.)

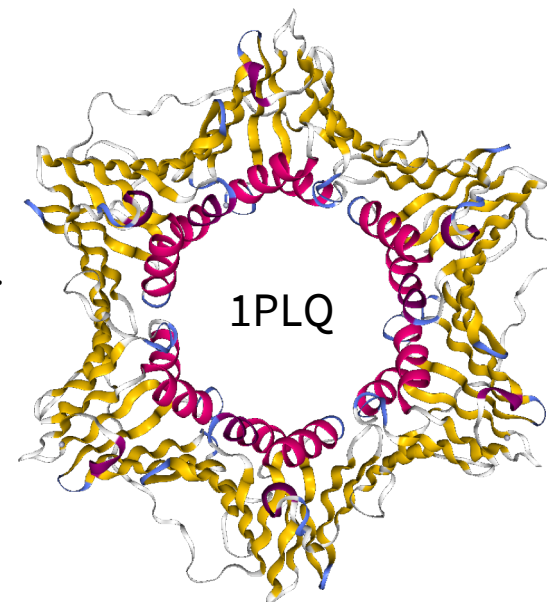
SLIDING CAMP PROTEIN

12% identyczności

1PLQ	MLEAKF--EEASLFKRIID-----GFKDCVQLVN---FQCKEDGIIAQ
2POL	--EVEFTLPQATM-KRLIEATQFSMAHQDVRYYLNGMLFETEGEELRTVA
1PLQ	VDDSRVLLVSLEIGVEAFQEYRCDHPVTLGMDLTSLSKILRCGNNTDTLT
2POL	TDGHR LAVCSMPIG----QSLPSHSVIVPRKGVIELMRMLDGGDNPLRVQ
1PLQ	LIADNTPDSI-ILLFEDTKKD-RIAEYSL-----KLMDIDADFLKIEE
2POL	IGSNNIRAHVGDFIFTSKLVDGRFPDYRRVLPKNPDKHLEAGCDLLK---
1PLQ	LQYDSTLSLPSSEFSKIVRDLSQLSDSINIMITKETIKFVADGDIGSGSV
2POL	-QAFARAAILSNEKFRGVR-----LYVSENQLKITAN-----
1PLQ	IIKPFVDM EHPETS IKLEMDQPVDLT-----FGAKYLLDIK G---
2POL	-----NPEQE---EAE EILDVTYSGAEMEIGFNVSYVLDV LNAL KC
1PLQ	----SSLSDRV-GIRL---SSEAPALFQFDL KSGFLQFFLAPKFND EE
2POL	ENVRMMLTDSVSSVQIEDAASQSAAYVVM PMRL-----

E. coli

1PLQ



S. cerevisiae

2POL

