الگوریتم ژنتیک هدایت شده توسط جستجوی درختی مونت کارلو برای بهینهسازی وزنهای شبکه عصبی

Hebbar Akshay دپارتمان مهندسی و علوم کامپیوتر York New University، Syracuse ahebbar@syr.edu

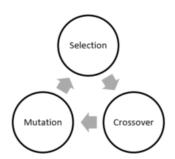
چکیده

در این مقاله، امکان استفاده از یک استراتژی جستجو در الگوریتمهای ژنتیک برای بررسی کل ساختار درخت ژنتیک را بررسی میکنیم. چندین روش به انجام جستجوهای درختی کمک میکنند؛ اما الگوریتمهای سادهتری مانند جستجوی عرضی، جستجوی عمقی، و تکنیکهای تکراری محاسبات زیادی را نیاز دارند و اغلب منجر به زمان اجرای طولانی می شوند. تکنیکهای رقابتی معمولاً مکانیزم ترجیحی در هنگام انجام جستجوی احتمالاتی هستند و نتایج بهینه را سریعتر به دست می آورند. مسئلهای که در این مقاله قصد داریم حل کنیم، بهینه سازی شبکههای عصبی با استفاده از الگوریتمهای ژنتیک است. الگوریتمهای ژنتیک (GA) درختی از حالتهای ممکن را تشکیل می دهند و مکانیزمی برای پاداش دهی از طریق تابع برازندگی فراهم می کنند. جستجوی درختی مونت کارلو (MCTS) به عنوان یک استراتژی موثر جستجوی درختی در حالتها و پاداش ها ثابت شده است؛ بنابراین، ما این رویکردها را ترکیب خواهیم کرد تا به صورت بهینه به جستجوی بهترین نتیجهای که با الگوریتمهای ژنتیک تولید می شود، بپردازیم.

كليدواژهها: الگوريتمهاي ژنتيك، درخت جستجوي مونت كارلو، بهينهسازي، يادگيري تقويتي، شبكه عصبي

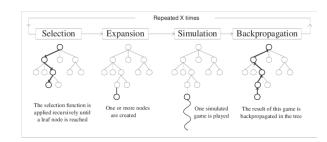
۱ مقدمه

الگوریتمهای ژنتیکی به یک زیرشاخه از الگوریتمهای تکاملی تعلق دارند که یک روش برای بهینهسازی بر اساس اصول انتخاب ژنتیکی فراهم میکنند. این الگوریتمها در یادگیری ماشین و توسعه پژوهش، علاوه بر سیستمهای بهینهسازی ابزار جستجو، کاربرد دارند. رویکرد استفاده شده در الگوریتمهای ژنتیکی مشابه مفاهیم بیولوژیکی تولید کروموزوم است که شامل عملگرهایی مانند انتخاب، تقاطع، جهش، و بازترکیب میباشد. GA یک رویکرد مبتنی بر جمعیت است که هدف آن ارائه راهحل به نسلهای متوالی است. فرایند تکامل با استفاده از GA شامل شروع با یک جمعیت تصادفی و تکامل آن با استفاده از عملگرهای تقاطع و جهش برای تولید فرزندان است. سپس بهترین راهحل فیلتر شده و فرایند ژنتیکی تکرار می شود تا هدف به دست آید. می توان مشاهده کرد که در فرایند الگوریتمهای ژنتیکی، یک درخت از راهحلهای ممکن تولید میشود و بهترین راهحل برای تکرارهای بعدی انتخاب می شود که فضای جستجو و منابع محاسباتی را محدود میکند. الگوریتمهای ژنتیکی برای دامنههای مختلفی از مسائل مانند درختان تصمیمگیری، تقسیمبندی، طبقهبندی و غیره استفاده می شوند. با این حال، در این مقاله، تمرکز ما بر کاربرد GA در بهینهسازی وزنهای شبکه عصبی خواهد بود.



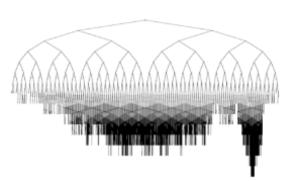
شكل ١: الگوريتم ژنتيكي ساده

روش جستجوی درخت مونت کارلو در سال $9 \circ 7$ به عنوان یک کاربرد برای جستجوی درخت بازی توسعه یافت. این جستجوی درخت بازی توسعه یافت. این جستجوی درخت بر اساس اصول پاداش تجمعی محاسبه شده از گرههای فرزند کار میکند و از مقادیر Q و N برای تعادل بین رویکردهای اکتشاف و گسترش استفاده میکند. رویکرد اکتشاف تعداد گرههای بازدید شده را در نظر میگیرد و از یک رویکرد کمی برای کشف گرههای فرزند که بازدید نشدهاند استفاده میکند. رویکرد گسترش یک استراتژی کیفی را برای کشف گرههای فرزند با مقدار Q که نشان دهنده مجموع تجمعی پاداشها است دنبال میکند.



شکل ۲: نمای کلی از جستجوی درخت مونت کارلو

یک سیاست کافی برای MCTS - بر اساس تحقیقات قبلی - یافت شده است که UCT (درختان اعتماد به نفس برای بالا) میباشد. UCT یک حد بالای اعتماد به نفس برای جستجوی درخت فراهم میکند. این سیاست به جستجو کمک میکند تا تعادل بین اکتشاف و بهرهبرداری را حفظ کرده و فضای جستجو را بهینه هدایت کند. با توجه به اینکه MCTS یک استراتژی جستجوی درختی مقابلهای است، ممکن است بتوانیم آن را به کل چشمانداز درخت GA اعمال کنیم تا راهحلهای بهینه را پیدا کنیم، به جای اینکه تنها بر اساس راهحلهای بهینه را پیدا کنیم، به جای اینکه تنها بر اساس تناسب اکتشاف کنیم. بنابراین، در این تحقیق رویکرد جدید تناسب اکتشاف کنیم. بنابراین، در این تحقیق رویکرد جدید قرار میدهیم.



شكل ٣: كاربرد جستجوى درخت مونت كارلو براى الگوريتم ژنتيك

یک محاسبه سریع برای یک درخت با ضریب انشعاب ۱۰ و عمق ۱۰ نشان میدهد که فضای جستجو برابر با ۱۲ است. الگوریتمهای ژنتیکی معمولاً زمانی که اندازه درخت بزرگ است بهتر عمل میکنند و با افزایش اندازه درخت تعداد گرههای تولید شده به صورت نمایی افزایش می یابد و بنابراین فضای جستجو نیز به همین ترتیب افزایش می یابد.

۲.۲ حفظ یکیارچگی وزنها

یک مسئله شناخته شده با الگوریتمهای ژنتیکی مشکل کنوانسیونهای رقابتی است که در آن گرههای فرزند تولید شده به دلیل تکامل قابلیت بقا ندارند و تناسب کمتری دارند. یک مثال در مورد شبکه عصبی یک عملگر تقاطع است که بر روی وزنهای شبکه عصبی اعمال میشود. این عملگر وزنها را جابه جا میکند و یک جهش تصادفی اعمال میکند که میتواند بین لایهها و ابعاد گسترش یابد. وزنهای تغییر یافته ممکن است برای بهینهسازی تابع زیان شبکه عصبی داده شده مناسب نباشند و ممکن است منجر به یک راهحل نامعتبر شوند.

۳.۲ توضیحات دادهها

دادههای دیابت برای پیشبینی بروز دیابت ملیتوس انتخاب شدهاند. این مجموعه دادهها اصالتاً از موسسه ملی دیابت و بیماریهای گوارشی و کلیوی میباشد. هدف از این مجموعه دادهها پیشبینی تشخیصی اینکه آیا یک بیمار دیابت دارد یا نه، بر اساس برخی اندازه گیریهای تشخیصی که در مجموعه دادهها درج شده است [۱]. مجموعه دادهها با استفاده از کاهش نمونه گیری و شافل تصادفی متعادل شدهاند. از یک مقیاس گذار مین مکس برای مقیاس گذاری دادهها استفاده شده است.

۲ توضیحات مسئله و دادهها

۱.۲ الگوریتم ژنتیک برای وزنهای شبکه عصبی

برای بهینهسازی وزنهای شبکه عصبی باید مورد توجه قرار گیرد، تایید اعتبار گرههای فرزند تولید شده در این فرایند است. عملگرهای تقاطع و جهش اعمال شده بر این وزنها ممکن است منجر به یک راهحل زیر بهینه در نسلهای پایین تر شوند، اما اینها ممکن است در نسلهای بعدی به راهحل که در بهتری تبدیل شوند. به طور معکوس، یک راهحل که در نسلهای اولیه بالاترین تناسب را داشته است، ممکن است در نسلهای بعدی به یک نتیجه زیر بهینه منجر شود به دلیل ماهیت عملگرهای ژنتیکی مورد استفاده. بنابراین، تنها راه ماهیت عملگرهای ژنتیکی مورد استفاده. بنابراین، تنها راه گسترش دهیم و تناسب هر گره فرزند را محاسبه کنیم تا یک براهحل ارزشمند پیدا شود. با این حال، این راهحل محاسبات راهحل ارزشمند پیدا شود. با این حال، این راهحل محاسبات کوچکتر به ندرت بهینه است. تعداد گرهها برای یک درخت داده شده که فضای جستجو را تشکیل میدهد با فرمول زیر محاسبه میشود.



شكل ۴: الگوريتم ژنتيكي ساده

این مسئله طبقهبندی، ما یک شبکه عصبی پیشخور با Υ لایه پنهان توسعه دادهایم. این شبکه عصبی دارای Υ گره ورودی و $(\Upsilon - \Lambda - \Upsilon - 1)$ گره پنهان به ترتیب در هر لایه است. شبکه عصبی از تابع فعالسازی سیگموید، تابع زیان آتروپی باینری و بهینهساز آدم با نرخ یادگیری Υ و استفاده میکند. شبکه برای Υ دوره با اندازه دسته Υ آموزش داده شده است. وزنهای این شبکه عصبی به عنوان نقطه بهینهسازی برای رویکرد Υ MCTS-GA ما استفاده می شوند. وزنهای هر نشکیل شود که الگوریتم بر روی آن اعمال می شود.

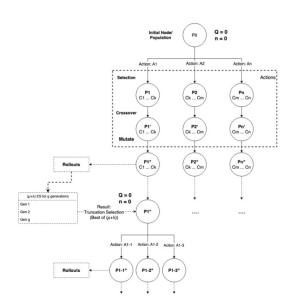
۳ رویکرد

در رویکرد ما، سعی میکنیم به هر دو مسئله ذکر شده با ترکیب رویکردهای MCTS و GA بپردازیم. میتوانیم از ساختار الگوریتم ژنتیکی بهرهبرداری کنیم زیرا این الگوریتم درختی را تولید میکند که مکانیسمی برای ارزیابی پاداش از نظر تناسب فرد دارد. MCTS از همان ساختار درخت زیرین همراه با تابع تناسب برای محاسبه مقدار Q استفاده میکند که نشان دهنده مجموع تجمعي پاداشها است. مقدار N كه نشاندهنده تعداد بازدید هر گره است نیز برای محاسبه حدود بالا نگهداری میشود. ساختار کلی شامل گسترش کامل گرههای فرزند با استفاده از GA و استفاده از MCTS با سیاست برای جستجوی گرههای بهینه با تابع تناسب به عنوان روشی برای اختصاص پاداشها است. فرایند تکامل با استفاده از هامل شروع با یک جمعیت تصادفی است که در مورد GAما وزنهای شبکه عصبی است. جمعیت اولیه Po با اندازه مشخص با افزودن یک توزیع یکنواخت تصادفی به هر بُعد از وزنهای شبکه عصبی و ایجاد فرزندان با وزنهای تصادفی تولید می شود. در مرحله بعد، مفهوم عمل ژنتیکی برای MCTS را همانطور که با کادر خطچین در شکل ۵ نشان داده شده است، معرفی میکنیم. عمل ژنتیکی شامل سه عمل ژنتیکی زیر است که بر روی جمعیت والدین اعمال می شود.

> عمل ژنتیکی o انتخاب

o تقاطع o جهش

انتخاب: استراتژیهای انتخاب مختلفی مانند چرخ رولت، تورنمنت، رتبهبندی، حالت ثابت و غیره برای فیلتر کردن افراد با تناسب بیشتر موجود است. مکانیزم انتخاب استفاده شده در این رویکرد انتخاب تورنمنت k و انتخاب تورنمنت و انتخاب بهترین تناسب در میان افراد تصادفی انتخاب شده را اعمال مکند.



شکل ۵: کاربرد جستجوی درخت مونت کارلو برای الگوریتم ژنتیک

تقاطع: یک عملگر تقاطع سپس بر روی جمعیت اولیه برای تولید فرزندان اعمال می شود. تقاطع یک نقطه ای اعمال می شود که در آن عملگر تقاطع را به هر لایه از شبکه عصبی محدود کرده ایم تا مشکل کنوانسیون های رقابتی را کاهش دهیم و یکپارچگی وزن های شبکه عصبی را حفظ کنیم. جهش: عملگر جهش برای معرفی جهش تصادفی در جمعیت استفاده می شود. برای رویکرد ما، از جهش تصادفی در هر لایه از شبکه عصبی با جابه جایی مقادیر وزن دو فرد به طور تصادفی انتخاب شده استفاده کرده ایم. گره های فرزند بعدی با سیاست UCT از MCTS از گره ریشه تا یافتن یک گره برگ انتخاب می شوند. فرزندان در میان گره های برگ به طور برگ انتخاب شده و مقادیر Q و N مربوط به آنها بازگشت تصادفی انتخاب شده و مقادیر Q و N مربوط به آنها بازگشت داده می شود. سیاست UCT با استفاده از UCB۱ به شرح زیر

$$UCT = Q + UCB1$$

$$UCB1 = \sqrt{\frac{c * ln(N)}{N + 1}}$$

، که در آن N گره فرزند iام و N تعداد گرههای فرزند است. معادله حدود بالای اعتماد به نفس

بر اساس رویکرد MCTS است. برای گره فرزند انتخاب شده، یک عمل رول آوت تکاملی اعمال می شود که در آن فرد با استفاده از استراتژی تکاملی (µ+l) تکامل مییابد، برخلاف شبیه سازی های عمل تصادفی معمولی که در آزمایشات پژوهشی قبلي انجام شدهاند [٣]. دليل اعمال رول آوت تكاملي اين است که ببینیم آیا فرد جهشیافته ژنتیکی بیشترین تناسب ممکن را برای فنوتیپ خود دارد یا خیر. ما این فرایند را به عنوان پیر شدن فرد در مقایسه با پدیده زیستی پیر شدن تعریف میکنیم. بنابراین، فرایند پیر شدن معرفی شده در رولآوت تعیین میکند که بهترین سن (نسل) ممکن که در آن فرد بهترین تناسب را برای جهش ژنتیکی مجدد دارد كدام است. فرايند رولآوت/پير شدن فرد را جايگزين خواهد کرد اگر تناسب بهتری در نسلهای بعدی استراتژی تکاملی يافت شود. اين فرايند تا رسيدن به عمق مشخص شده درخت تکرار میشود. این رویکرد انعطافپذیری محاسباتی را از نظر پارامترهای قابل تنظیم مانند ارتفاع درخت، انتخاب تورنمنت، تعداد نسلهای رول آوت و ضریب انشعاب فراهم می کند. این پارامترها میتوانند به صورت ترکیبی با یکدیگر بر اساس ظرفیت محاسباتی موجود استفاده شوند. بنابراین، کاربرد عمل ژنتیکی و رولآوت تکاملی در ترکیب با MCTS اساس رویکر د

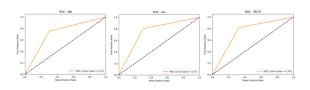
گام بعدی در فرایند اعمال مفهوم رولآوت (شبیهسازی) شده در زیر قابل مشاهده است. مورد بحث در این مقاله را فراهم میکند

نتايج ۴

رویکرد MCTS-GA یک مکانیزم نوین برای بهینهسازی است و هدف آن بی تفاوت بودن نسبت به دادهها است. نمایش الگوریتم ژنتیکی میتواند به روشهای مختلفی پیکربندی شود که این رویکرد را برای طیف گستردهای از مسائل بهینهسازی مناسب میسازد. در این آزمایش، MCTS-GA با استفاده از UCT برای ۲۰ نسل (عمق درخت) با شبیه سازی هایی که برای ۱۰ نسل و ضریب انشعاب ۵ تنظیم شده بودند، اجرا شد. GA برای ه ۲۰ نسل اجرا شد و شبکه عصبی برای ه ۲۰ ایپاک اجراً شد. نتایج به دست آمده از آزمون اولیه مثبت بود. رویکرد MCTS-GA توانست وزنهای شبکه عصبی را برای طبقهبندی بهتر دادههای دیابت بهینهسازی کند و نتایج دقت بهتری به دست آورد. مقایسه نتایج بهدست آمده با نتایج شبکه عصبی اصلی و الگوریتم ژنتیک کانونی در جدول زیر نشان

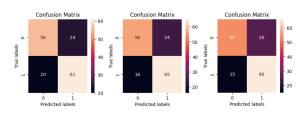
شكل 6: نتايج دقت

	Neural Net - SGD	Neural Net -ADAM	Genetic Algorithm	MCTS-GA
accuracy	0.49	0.72	0.73	0.745
recall	0.42	0.73	0.77	0.78



شكل ٧: منحني ROC-AUC براي شبكه عصبي، الگوريتم ژنتیک و MCTS-GA به ترتیب

ماتریس ابهام برای سه رویکرد مقایسه شده در زیر نشان داده شده است.



شكل ٨: ماتريس ابهام براى شبكه عصبى، الگوريتم ژنتيك و MCTS-GA به ترتیب.

آزمایش تأیید میکند که MCTS-GA در بهینهسازی وزنهای شبکه عصبی کار میکند. بهینهسازی وزنها و در نتیجه طبقهبندی بهتر توسط MCTS-GA نسبت به الگوریتم ژنتیک و رویکرد شبکه عصبی پیشخورشی دیده میشود. اگرچه بهبود زیاد نیست، اما MCTS-GA در مقایسه با دو تکنیک دیگر در زمان قابل مقایسه اجرا می شود. برای بهبود الگوریتم مورد بحث در اینجا و آزمایش نمایشهای مختلف مسائل، فضای بهبود وجود دارد. بهطور کلی، ما یک رویکرد نوین را بحث کردیم که میتواند بهعنوان یک تکنیک قوی و معتبر برای تکنیکهای بهینهسازی در آینده اثبات شود.

مراجع

- [1] Smith JW, Everhart JE, Dickson WC, Knowler WC. Johannes RS. Using the ADAP Learning Algorithm to Forecast the Onset of Diabetes Mellitus. Proc Annu Symp Comput Appl Med Care. 1914 Nov . 2-9: 481
- [7] Goldberg David E. Genetic algorithms. Pearson Education India . Y . 17
- [*] Silver, D., Schrittwieser, J., Simonyan,

دقت طبقهبندی نیز از منحنیهای roc-auc نشان داده game of Go نشان داده

- [V] K. Rocki and R. Suda, "Large-Scale Parallel Monte Carlo Tree Search on GPU," You IEEE International Symposium on Parallel and Distributed Processing Workshops and Phd Forum, Anchorage, AK, USA, Your pp. -Your Your doi: .TYO.YOU.IPDPS/1109.10
- [A] Lambora, K. Gupta and K. Chopra, "Genetic Algorithm A Literature Review," Yold International Conference on Machine Learning, Big Data, Cloud and Parallel Computing (COMITCon), Faridabad, India, Yold pp. , TAY-TAO doi: -COMIT/1104.10 Con.AAFYYDD.YOLD
- [9] Jonathan C.T. Kuoʻ "Genetic Algorithm in Artificial Neural Network and its Optimization Methods" "medium.com" ' Webʻ . Y • Y •
- [10] SagarSharma,"MCTS",
 "https://towardsdatascience.com/",
 Web, . Yo NA

- without human knowledge. Nature (۵۵ o Tag-Tag ((1011))
- [۴] K. W. Lee and H. N. Lam, "Optimising neural network weights using genetic algorithms: a case study," Proceedings of ICNN'9Δ International Conference on Neural Networks, Perth, WA, Australia, 199Δ pp. 18ΑΑ-18Α vol.8.
- [9] G. Lo Bosco, "A genetic algorithm for image segmentation," Proceedings 11th International Conference on Image Analysis and Processing, Palermo, Italy, (Yoo) pp. 199-199