

=====文件夹=====

Web\_Report 文件夹下的目录为项目分析所有目录

```
|-- BMK_1_rawData          原始数据评估结果目录
|  |-- BMK_1_Data_Assess   数据质量评估目录
|  |-- BMK_2_Mapped_Statistics  数据同参考基因组的比对统计目录
|  `-- BMK_3_Library_Assessment  数据建库评估

|-- BMK_2_LncRNA          lncRNA 分析相关目录
|  |-- BMK_1_Assembly_Result  数据组装结果 gtf 文件
|  |-- BMK_2_LncRNA_Prediction  lncRNA 预测结果目录
|  |-- BMK_3_LncRNA_Expression  lncRNA 表达量目录
|  |-- BMK_4_LncRNA_Target      lncRNA 靶基因预测目录
|  |-- BMK_5_LncRNA_vs_mRNA     lncRNA 同 mRNA 的比较分析目录
|  `-- BMK_6_DEG_Analysis       lncRNA 的差异分析目录

|-- BMK_3_mRNA            mRNA 分析相关目录
|  |-- BMK_1_NewGene          新基因预测分析目录
|  |-- BMK_2_geneExpression    基因表达量分析目录
|  |-- BMK_3_Gene_Structure_Optimize  基因优化结果目录
|  |-- BMK_4_Alt_splice        可变剪切分析目录
|  |-- BMK_5_SNP_Analysis       SNP,InDel 分析目录
|  |-- BMK_6_DEG_Analysis       基因差异分析目录
|  `-- BMK_7_DEU              DEU 分析目录(要求样品有生物学重复)

|-- BMK_5_Personality      个性化分析目录
|  |-- BMK_*_Precursor_Result   lncRNA 的 miRNA 前体潜在功能分析
|  |-- BMK_*_CircRNA_Analysis    CircRNA 预测分析目录
|  |-- BMK_*_Conservation        lncRNA 和 mRNA 的保守性分析(限定物种人,小鼠,斑马鱼)
|  |-- BMK_*_Tissue_specific     lncRNA 组织特异性表达(至少 5 个组织)
|  |-- BMK_*_miRNA_Target2LncRNA  lncRNA 同 miRNA 的靶关系分析目录
|  |-- BMK_*_mRNA_lncRNA_miRNA_Regulation  lncRNA,miRNA 同 mRNA 的三者调控关系分析目录
|  |-- BMK_*_Known_LncRNA        已知 lncRNA 分析目录
|  `-- BMK_*_PCA                 PCA 分析目录
```

#####

注:结果文件夹下没有的文件夹表示该项目中没有该分析内容.