

=====图片=====

1. *.COG(eggNOG).cluster.png COG (eggNOG)注释分类统计图
注：所有基因的 COG(eggNOG,KOG)分类统计结果图, 在不同的功能类中,基因所占多少反映对应样品在各个功能类的分布
X:COG(eggNOG) 各分类内容
Y:基因数目
2. *.NR.lib.png NR 注释中比对上不同物种分布 统计，展示了注释到某物种上的基因数目以及占总检测到的基因的比例
3. *.GO.png GO 二级节点注释统计图(png 格式)，所有基因 GO 分类统计结果图，此图展示的是在全部基因背景下 GO 各二级功能的基因比例和个数。
注：X:GO 分类
Y:左边为基因数目所占百分比,右边为基因数目
- *.GO.pdf GO 二级节点注释统计图(pdf 格式)

=====文件=====

4. *.COG(eggNOG).cluster.stat COG(eggNOG) 注释分类统计表, 所有基因的 COG(eggNOG) 分类统计结果表
注：第一列：ID:COG(eggNOG) 注释结果编号
第二列：Class_Name:COG(eggNOG) 注释分类名称
第三列：Numbers:某个分类上注释到的基因数目
5. *.NR.lib.stat NR 数据库中注释到的物种分布统计表
注：第一列：Species_Name 注释到的物种名称
第二列：Homologous_Number 注释到某物种上的基因数目
第三列：Ratio 注释到某物种的基因占总检测到的基因的比例
6. *.GO.stat GO 二级节点注释统计表，所有基因 GO 分类统计结果表
注：第一列：GO_classify1:GO 一级分类名称
第二列：GO_classify2:GO 二级分类名称
第三列：*.Unigene:某一分类的基因数目
第四列：Total_gene:注释到 GO 数据库的全部基因数目