

=====文件=====

1.As_Result.stat AS 结果统计文件

注: 第一列 AS:AS 代表的可变剪切类型;

其他各列:代表样品名称,各列的数值代表每个样品中含有某种可变剪切的个数;

其中第一列的 AS 类型包括:

- (1) TSS: Alternative 5' first exon (transcription start site) 第一个外显子可变剪切;
- (2) TTS: Alternative 3' last exon (transcription terminal site) 最后一个外显子可变剪切;
- (3) SKIP: Skipped exon(SKIP_ON,SKIP_OFF pair) 单外显子跳跃;
- (4) XSKIP: Approximate SKIP (XSKIP_ON,XSKIP_OFF pair) 单外显子跳跃(模糊边界);
- (5) MSKIP: Multi-exon SKIP (MSKIP_ON,MSKIP_OFF pair) 多外显子跳跃;
- (6) XMSKIP: Approximate MSKIP (XMSKIP_ON,XMSKIP_OFF pair) 多外显子跳跃(模糊边界);
- (7) IR: Intron retention (IR_ON, IR_OFF pair) 单内含子滞留;
- (8) XIR: Approximate IR (XIR_ON,XIR_OFF pair) 单内含子滞留(模糊边界);
- (9) MIR: Multi-IR (MIR_ON, MIR_OFF pair) 多内含子滞留;
- (10) XMIR: Approximate MIR (XMIR_ON, XMIR_OFF pair) 多内含子滞留(模糊边界);
- (11)AE: Alternative exon ends (5', 3', or both) 可变 5'或 3'端剪切;
- (12) XAE: Approximate AE 可变 5'或 3'端剪切(模糊边界)。

注: X – exact boundary match for SKIP, approximate (simple exon overlap) for XSKIP;
an exon skipping event as a pair between an exon containing ('on') splice form and an exon skipping ('off') splice

2.L*.AS.fpkm

注:

样品可变剪切的结果文件

第一列 event_id: AS 事件编号;

第二列 event_type: AS 事件类型;

第三列 gene_id: 发生可变剪切的基因 ID;

第四列 chrom: 发生可变剪切的基因所在染色体;

第五列 event_start: AS 事件起始位置;

第六列 event_end: AS 事件结束位置;

第七列 event_pattern: AS 事件特征;

其中第七列事件特征描述内容:

第七列中的坐标表示:"," 连接的是内含子的起始终止坐标,"-"连接的是外显子的起始终止坐标;

对于 TSS, TTS 事件 第七列表示可变边缘外显子的边界;

对于*SKIP_ON 事件第七列表示跳跃的外显子的坐标;

对于*SKIP_OFF 事件第七列表示封闭的内含子的坐标;

对于*IR_ON 事件第七列表示保留了内含子的较长外显子的边界坐标;

对于*IR_OFF 事件第七列表示 和(多)内含子保留事件多有有关的一系列的外显子的坐标;

对于*AE 事件第七列表示可变剪切外显子的坐标;

第八列 strand: 基因正负链信息.

3.As_event_stat*.png 各样品可变剪切事件统计柱状图

注:图中横坐标值表示属于一种可变剪接的转录本数,纵坐标表示 12 种可变剪切类型。