

=====文件=====

1. *.GO_stat.xls 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 GO 二级节点注释统计表
注:第一列表示 GO 一级节点分类(cellular component、 molecular function、 biological process);
第二列表示 GO 一级节点下的二级节点分类;
第三列表示注释到相应的 GO 二级节点的 Unigene 个数;
第四列表示注释到相应的 GO 二级节点的差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因个数。
2. *.GO.list.txt 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因编号与注释到的 GO 节点编号对应表
注:第一列是差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因的基因 ID;
其余各列是差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因注释到的 Gene Ontology terms(以水平制表符分割)。
3. *.GO_classification.png 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 GO 二级节点注释统计图(png 格式)
注:横坐标为 GO 分类,纵坐标左边为 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目所占百分比,右边为 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目。
此图展示的是在差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因背景和全部基因背景下 GO 各二级功能的 lncRNA 顺式（反式）靶基因富集情况,体现两个背景下各二级功能的地位,具有明显比例差异的二级功能说明差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因与全部基因的富集趋势不同,可以重点分析此功能是否与差异相关。
4. *.topGO_BP.pdf 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(pdf 格式,生物学过程)
注:对 Biological Process 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。
5. *.topGO_BP.png 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(png 格式,生物学过程)
注:对 Biological Process 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。
6. *.topGO_BP.xls 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集结果文件(生物学过程)
注:第一列:GO.ID:GO term 的 ID;
第二列:Term:GO term 的功能描述;
第三列:Annotated:注释到该 GO term 的 Unigene 数目;
第四列:Significant:注释到该 GO term 的差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目;
第五列:Expected:注释到该 GO term 的差异 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目的期望值;
第六列:KS:富集该 GO term 的显著性统计,KS 值越小,表明富集越显著;
7. *.topGO_CC.pdf 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(pdf 格式,细胞组分)
注:对 cellular component 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。

8. *.topGO_CC.png 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(png 格式,细胞组分)

注:对 cellular component 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。

9. *.topGO_CC.xls 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集结果文件(细胞组分)

注:第一列:GO.ID:GO term 的 ID;

第二列:Term:GO term 的功能描述;

第三列:Annotated:注释到该 GO term 的 Unigene 数目;

第四列:Significant:注释到该 GO term 的差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目;

第五列:Expected:注释到该 GO term 的差异 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目的期望值;

第六列:KS:富集该 GO term 的显著性统计,KS 值越小,表明富集越显著;

10. *.topGO_MF.pdf 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(pdf 格式,分子功能)

注:对 molecular function 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。

11. *.topGO_MF.png 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集有向无环图(png 格式,分子功能)

注:对 molecular function 下的每个 GO term 进行富集,最显著的 10 个节点在图中用方框表示,图中还包含其各层对应关系。每个方框(或椭圆)内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性,颜色越深,显著性越高。

12. *.topGO_MF.xls 差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因 topGO 富集结果文件(分子功能)

注:第一列:GO.ID:GO term 的 ID;

第二列:Term:GO term 的功能描述;

第三列:Annotated:注释到该 GO term 的 Unigene 数目;

第四列:Significant:注释到该 GO term 的差异表达 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目;

第五列:Expected:注释到该 GO term 的差异 lncRNA 顺式（反式）靶基因数目的期望值;

第六列:KS:富集该 GO term 的显著性统计,KS 值越小,表明富集越显著;