

=====文件=====

1.LncRNA.fa lncRNA 预测结果 fasta 文件

注：FASTA 格式每一个序列单元以“>”开头，直到出现下一个“>”之前为止。“>”开头的行为序列 ID 行，后面紧接着基因 ID；下面一行或多行为该基因的碱基序列。

2 . LncRNA.gff lncRNA 预测结果 gff 文件

注：第一列：#Seq_ID：染色体号；

第二列：Source：注释信息的来源，Cufflinks 软件；

第三列：Type：注释特征（Feature）类型；

第四，五列：Start/End：特征序列的起止位置；

第六列：Score：得分，数字，注释信息可能性的说明，“.”表示缺失值；

第七列：Strand：特征序列所在的正负链；

第八列：Phase：仅对注释类型为 CDS 有效，表示起始编码的位置，有效值为

0、1、2，“.”表示缺失值；

第九列：Attributes：以多个键值对组成的注释信息描述。

3 . LncRNA.gtf lncRNA 预测结果 gtf 文件

注：第一列：Chr：染色体序号；

第二列：Source：来源；

第三列：Type：转录本或者其外显子；

第四列：Start Site：起始坐标；

第五列：End Site：终止坐标；

第六列：Score：对应位置得分；

第七列：Strand：链的信息；

第八列：frame：frame 的信息；

第九列：Description：描述信息。

=====图片=====

4 . LncRNA_circos.png lncRNA 在染色体上分布环状图，描述不同种类 lncRNA 在染色体上的分布。

注：图片的最外层是基因组的染色体环，由外到内依次是正义链 lncRNA 环（绿色），基因间区 lncRNA 环（红色），反义 lncRNA 环（灰色），内含子 lncRNA 环（蓝色）。

5 . LncRNA_classification.png lncRNA 分类柱状图

注：横坐标为 4 种不同类型的 LncRNA,其中：

lincRNA：基因间区长链非编码 RNA；

Antisense-lncRNA：反义长链非编码 RNA；

Intronic-lncRNA：内含子长链非编码 RNA;

sense_lncRNA：正义长链非编码 RNA。

纵坐标为对应的 LncRNA 数量。

=====文件夹=====

BMK_1_Software_Result 候选 lncRNA 的四种软件预测结果