

+-----+
| 转录组项目信息分析结果说明文档 |
+-----+

BMK_5_Unigene_Structure/

| |-- BMK_2_Unigene_SSR #1Kb 以上 Unigene 的 SSR 预测及其引物设计分析结果目录
| | |-- SpeciesName.Unigene.1000.fa #1Kb 以上的 Unigene 序列文件
| | |-- SpeciesName.Unigene.1000.fa.ssr.density.png #SSR 密度分布图
| | |-- SpeciesName.Unigene.1000.fa.stat.xls #各类型 SSR 数目统计表
| | |-- SpeciesName.Unigene.1000.fa.SSR.result.xls #SSR 结果和引物设计结果
| | |-- readme.pdf #结果说明

#####

文件: Assembly1.Unigene.1000.fa.SSR.result.xls

描述: SSR 结果和引物设计结果

字段解释:

Gene_ID: Unigene 编号;

SSR_nr: 同一 Unigene 上的 SSR 序号;

SSR_type: SSR 类型, 包括完美单碱基重复 (p1)、完美双碱基重复 (p2)、完美三碱基重复 (p3)、完美四碱基重复 (p4)、完美五碱基重复 (p5)、完美六碱基重复 (p6) 和混合 SSR (c, 即包含至少两个完美 SSR, 且之间距离小于 100bp);

SSR: SSR 序列, 括号内为重复单元, 括号外数字表示重复次数;

SSR_Start: SSR 在 Unigene 上的开始位置;

SSR_End: SSR 在 Unigene 上的结束位置。

FPr1(5'-3'): 第一条正向引物序列;

Tm: 第一条正向引物序列的退火温度, 单位为 °C;

Size: 第一条正向引物序列的长度;

RPr1(5'-3'): 第一条反向引物序列;

Tm: 第一条反向引物序列的退火温度, 单位为 °C;

Size: 第一条反向引物序列的长度;

PSize: 产物的长度;

Start: 产物在基因上的开始位置;

End: 产物在基因上的结束位置。

FPr2(5'-3'): 第二条正向引物序列;

#####

```
#####
# 文件: Assembly1.Unigene.1000.fa.stat.xls
# 描述: 类型 SSR 数目统计表
# 字段解释:
# type: SSR 类型
# p1: 完美单碱基重复
# p2: 完美双碱基重复
# p3: 完美三碱基重复
# p4: 完美四碱基重复
# p5: 完美五碱基重复
# p6: 完美六碱基重复
# c: 混合 SSR
# number: 该类型 SSR 对应的个数
# Total: 总共 SSR 个数
#####
# 图片: Assembly1.Unigene.1000.fa.ssr.density.png
# 描述: 类型 SSR 数目统计表
# X: SSR 类型
# Y: 每 Mb 序列中对应类型的 SSR 数目
#####
# 文件: Assembly1.Unigene.1000.fa
# 描述: 1Kb 以上的 Unigene 序列文件
#####
```