

目录结构及文件说明:

```
—— BMK_6_DEG_Analysis/
|—— BMK_1_All_DEG                #所有组合差异表达分析的结果目录
|—— BMK_*_Group*                #分组样品差异表达分析的结果目录 |
|—— |—— BMK_1_Statistics_Visualization
|—— |—— BMK_2_DEG_Annotation
|—— |—— BMK_3_GO_Enrichment
|—— |—— BMK_4_Pathway_Enrichment
|—— |—— BMK_5_PPI
|—— |—— *.ppi.cytoscapeInput.sif
|—— readme.pdf
|
|#####
```

目录结构:

```
1: BMK_1_All_DEG                #所有组合差异表达分析的结果目录
2: BMK_*_Group*                #分组样品差异表达分析的结果目录
2.1:BMK_1_Statistics_Visualization
    基因差异表达分析文件和可视化结果目录
2.2:BMK_2_DEG_Annotation
    差异表达基因（COG，KOG，eggNOG）数据库注释目录
2.3:BMK_3_GO_Enrichment
    差异表达基因 GO 注释和富集分析结果目录
2.4:BMK_4_Pathway_Enrichment
    差异表达基因 KEGG 注释和通路富集分析结果目录
2.5:BMK_5_PPI
    差异表达基因蛋白互作结果目录，目录下的*.ppi.cytoscapeInput.sif 文件是蛋白互作文件，
    可直接输入 cytoscape 软件直接可视化操作。
```

#####