+------------------------------------------------------------------------------+

| 转录组项目信息分析结果说明文档 |

+------------------------------------------------------------------------------+

目录结构及文件说明：

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

|-- BMK\_4\_Unigene\_Anno #Unigene功能注释分析结果目录

| |-- BMK\_1\_annotation #各个数据库详细注释结果目录

| |-- \*.Unigene.fa.COG\_class.txt #COG数据库注释结果文件

| |-- \*.Unigene.fa.eggNOG\_class.txt #eggNOG数据库注释结果文件

| |-- \*.Unigene.fa.GO.anno.txt #GO数据库注释结果文件

| |-- \*.Unigene.fa.KOG\_class.txt #KOG数据库注释结果文件

| |-- \*.Unigene.fa.Pfam.anno.txt #Pfam数据库注释结果文件

| |-- \*.Unigene.fa.Swissprot.anno.txt #Swiss-Prot数据库注释结果文件

| `-- \*.Unigene.fa.NR.anno.txt #NR数据库注释结果文件

###############################################################

# 文件：\*.Unigene.fa.COG（KOG）\_class.txt

# 描述：功能注释、富集和统计整合文件,COG,KOG文件类似

# 字段解释：

# Gene name：基因名称

# Portein name in COG：COG中注释的相应蛋白质的名字

# E\_value：Ｅ值

# Identify：比对上的碱基数占总比对碱基长度的百分比

# Score：打分值

# Organism：物种名

# COG id：COG编号

# COG class defination：COG分类名称

# Function code：COG功能分类编号

# Functional categories：COG功能类别名称

# Function class　defination：COG功能类别定义

###############################################################

# 文件：\*.Unigene.fa.eggNOG\_class.txt

# 描述 功能注释文件

# 第一列 Query：基因名称

#第二列 Match：基因比对上的eggNOG数据库中的蛋白序列

#第三列 eggNOG：eggNOG数据库的ID编号

#第四列 score：基因和序列比对的打分

#第五列 Functional Category：eggNOG数据库对应的功能分类编号

#第六列 Description：比对上的序列功能描述

#第七列 Function class defination：eggNOG数据库分类类别的功能描述

###############################################################

###############################################################

# 文件：\*.Unigene.fa.GO.anno.txt

# 描述：各基因注释到GO数据库的信息统计

# 字段解释：

# Gene:基因名称

# Number:某基因注释到的GO类别数目

# GO\_Anno:注释到的GO类别

###############################################################

# 文件：\*.Unigene.fa.Pfam.anno.txt

# 描述：所有的基因在Pfam数据库中的注释结果

# 字段解释：

# Gene\_ID 基因名称

# Pfam\_IDs 比对上的Pfam数据库的编号

# Pfam\_Description 比对上的Pfam 数据库的描述

###############################################################

# 文件：\*.Unigene.fa.Swissprot（NR）.anno.txt

# 描述：基因在swissprot上的注释结果

# 字段解释：

# SwissprotGeneID（NrGeneID） 基因名称

# Database\_ID 注释到数据库的基因编号

# E\_value Ｅ值

# IdeNTity 比对上的碱基数占总比对碱基长度的百分比

# Score 打分值

# Annotation 功能注释

###############################################################