|-- BMK\_4\_Unigene\_Anno #Unigene功能注释分析结果目录

| |-- BMK\_2\_statistic #各个数据库统计图目录

| | |-- \*.Unigene.fa.COG.cluster.png #COG注释分类统计图

| | |-- \*.Unigene.fa.COG.cluster.stat #COG注释分类统计表

| | |-- \*.Unigene.fa.eggNOG.cluster.png #eggNOG注释分类统计图

| | |-- \*.Unigene.fa.eggNOG.cluster.stat #eggNOG注释分类统计表

| | |-- \*.Unigene.fa.NR.lib.png #NR数据库中注释到的物种分布统计饼图

| | |-- \*.Unigene.fa.NR.lib.stat #NR数据库中注释到的物种分布统计表

| | |-- \*.Unigene.fa.GO.png #GO二级节点注释统计图（png格式）

| | |-- \*.Unigene.fa.GO.pdf #GO二级节点注释统计图（pdf格式）

| | |-- \*.Unigene.fa.GO.stat #GO二级节点注释统计表

| | |-- \*.Unigene.fa.KOG.cluster.png #KOG注释分类统计图

| | `-- \*.Unigene.fa.KOG.cluster.stat #KOG注释分类统计表

##############################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.COG(eggNOG,KOG).cluster.png

# 描述：所有基因的COG(eggNOG,KOG)分类统计结果图

# 意义：在不同的功能类中，基因所占多少反映对应样品在各个功能类的分布

# X：COG各分类内容

# Y：基因数目

###############################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.COG(eggNOG,KOG).cluster.stat

# 描述：所有基因的COG分类统计结果表

# ID：COG注释结果编号

# Class\_Name：COG注释分类名称

# Numbers：某个分类上注释到的基因数目

###############################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.GO.png（pdf）

# 描述：所有基因GO分类统计结果图

# 意义：此图展示的是在全部基因背景下GO各二级功能的基因比例和个数。

# X：GO分类

# Y：左边为基因数目所占百分比，右边为基因数目

###############################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.GO.stat

# 描述：所有基因GO分类统计结果表

# GO\_classify1：GO一级分类名称

# GO\_classify2：GO二级分类名称

# \*.Unigene：某一分类的基因数目

# Total：注释到GO数据库的全部基因数目

################################################################

################################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.NR.lib.png

# 描述：NR注释中比对上不同物种分布统计

# 意义：展示了注释到某物种上的基因数目以及占总检测到的基因的比例

################################################################

# 图片：\*.Unigene.fa.NR.lib.stat

# 描述：NR注释中比对上不同物种分布统计表

# Species\_Name 注释到的物种名称

# Homologous\_Number 注释到某物种上的基因数目

# Ratio 注释到某物种的基因占总检测到的基因的比例

################################################################