+------------------------------------------------------------------------------+

| 转录组项目信息分析结果说明文档 |

+------------------------------------------------------------------------------+

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

BMK\_5\_Unigene\_Structure/

| |-- BMK\_1\_Unigene\_CDS #Unigene的CDS预测分析结果目录

| | |-- SpeciesName.Unigene.cds.distribution.png #编码区序列长度分布图

| | |-- SpeciesName.Unigene.cds.fa #编码区序列文件（FASTA格式）

| | |-- SpeciesName.Unigene.cds.stat.xls #编码区序列长度分布统计表

| | |-- SpeciesName.Unigene.pep.fa #氨基酸序列文件（FASTA格式）

| | `-- readme.pdf #结果说明

###############################################################

# 文件：Assemby1.Unigene.cds.stat.xls

# 描述：类型SSR数目统计表

# 字段解释：

# Length\_span：Unigene CDS长度范围

# Numbers：该长度范围内Unigene CDS总数

# Percent：该长度范围内Unigene CDS总数占总CDS的比例

################################################################

# 文件：Assemby1.Unigene.cds.fa

# 描述：编码区序列文件（FASTA格式）

###############################################################

# 文件：Assemby1.Unigene.pep.fa

# 描述：氨基酸序列文件（FASTA格式）

###############################################################

# 图片：Assemby1.Unigene.cds.distribution.png

# 描述：Unigene CDS长度分布

# X：CDS长度

# Y：Unigene总数

###############################################################