转录组表

Seq\_id Sring 序列id

SRA\_ID String 转录组在ncbi唯一标识

Source\_orgnism String 来源组织名称

Source\_species\_id String 来源物种id

Source\_gene\_symbol String 该转录组所在的基因名

Microexon\_account int 包含的微小外显子个数

Deeps int 测序深度

Length long 序列长度

Description String 描述信息

转录组feature表

Id String

SRA\_ID String

Name String 该feature的name,蛋白结构域有名字，外显子没有名字

Start int

End int

Sequence String 该feature 的序列

Type int 类型 exon , mcroexon, intron, cds, proteindomain

Strand 正负链

Description String 该feature 的描述

转录组来源基因

Id Stirng

Symbol String 基因名

Sequence String 基因序列

物种表

Id String

Species\_name String 物种名

Trans\_account int 该物种包含的转录组个数

Microexon\_account int 该物种包含的微小外显子的基因的个数

Gene\_account int 该物种总基因的个数

Description String 改物种的描述

Image String 物种图片