

Artigo	Dados	Assinatura de seleção	Pop	Candidatos
Asthana et al.(2004)	Exons	Polimorfismos trans-específicos	dbSNP	8 trSNPs*, dos quais 4 não-sinônimos
Bubb et al.(2006)	Exons	Densidade de SNPs elevada	-	<i>HLA-DQA1</i> , <i>-DRB1</i> , <i>ABO</i> , + 16 regiões*
Andres et al. (2009)	Exons	SFS, excesso de SNPs <sup>a</sup>	2	60 genes
Leffler et al.(2013)	Genoma	Polimorfismos trans-específicos (H-C-B)	1	<i>PROKR2</i> , <i>FREM3</i> , <i>MTRR</i> , <i>IGFBP7</i> , <i>HUS1</i> , <i>ST3GAL1</i> ; MHC
DeGiorgio et al. (2014)	Genoma	SFS, excesso de SNPs	2	200 genes
Teixeira et al. (2015)	Exons	Polimorfismos trans-específicos (H-C)	1	<i>LAD1</i> , <i>HLA-DQA1</i> , <i>HLA-C</i> , <i>HLA-DPB1</i>
Bitarello et al. (in review)	Genoma	SFS, excesso de SNPs	4	212 genes