

Bruno Borguesan
Curriculum Vitae

Setembro/2020

Bruno Borguesan

Curriculum Vitae

Dados pessoais

Nome Bruno Borguesan
Filiação Cerineu Borguesan e Cleuza Aparecida Borguesan
Nascimento 17/05/1990 - Francisco Beltrão/PR - Brasil

Endereço residencial Rua Curitiba, 2276
Nossa Sra. Aparecida – Francisco Beltrão
85601-630, PR - Brasil
Telefone: 46 99125-1985
Telefone Residencial: 46 3523-2895

Endereço eletrônico bborguesan@gmail.com;
bborguesan@inf.ufrgs.br;

Formação acadêmica/titulação

- 2016 – 2017** Doutorado em Computação. (interrompido)
Universidade Federal do Rio Grande do Sul, UFRGS, Porto Alegre, Brasil
Orientador: Márcio Dorn
Bolsista do(a): Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior
- 2014 - 2016** Mestrado em Computação.
Universidade Federal do Rio Grande do Sul, UFRGS, Porto Alegre, Brasil
Título: GARTS: um Algoritmo Genético baseado no método de Seleção por Torneio Restrito Adaptativo para o problema de Predição de Estruturas 3D de Proteínas, Ano de obtenção: 2016
Orientador: Márcio Dorn
Bolsista do(a): Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico
- 2008 - 2013** Graduação em Ciência da Computação.
Universidade Estadual do Oeste do Paraná, UNIOESTE, Cascavel, Brasil
Título: O método *Best-Subset* incorporado ao sistema SAHGA SDM
Orientador: Adair Santa Catarina

Cursos de Curta Duração

1. *Bootcamp Arquiteto Cloud Computing*, EAD, 148h, Instituto de Gestão e Tecnologia da Informação - *IGTI*, 2020
2. Estatística, EAD 40h, UniCesumar, 2020.
3. Microsoft Power BI para Data Science, EAD, 54h, *Data Science Academy* - DSA, 2020.
4. Python Fundamentos para Análise de Dados, EAD, 54h, *Data Science Academy* - DSA, 2020.
5. Big Data Fundamentos 2.0, EAD, 8h, *Data Science Academy* - DSA, 2020.
6. Introdução À Ciência De Dados, EAD, 60h, Fundação Getúlio Vargas - FGV, 2020.

Áreas de atuação

1. Ciência da Computação;
2. Inteligência Computacional;
3. Aprendizado de Máquina;

4. Ciência de Dados;
5. Arquiteto *Cloud Computing*;

Idiomas

Inglês	Compreende Bem, Fala Bem, Escreve Razoavelmente, Lê Bem.
Espanhol	Compreende Razoavelmente, Fala Pouco, Escreve Pouco, Lê Bem.

Atuação profissional

1. Borguesan Representações LTDA ME – Francisco Beltrão/PR

Vínculo

2018 - Atual Vínculo: Representante Comercial, Enquadramento funcional: Autônomo, Regime: Dedicação exclusiva.

2. Universidade Federal do Rio Grande do Sul - UFRGS

Vínculo institucional

2016 - 2017 Vínculo: Bolsista - DOUTORADO, Enquadramento funcional: Bolsista-CNPq, Regime: Dedicação exclusiva;

2014 - 2016 Vínculo: Bolsista - MESTRADO, Enquadramento funcional: Bolsista-CNPq, Regime: Dedicação exclusiva;

3. Orbit Sistemas – Cascavel/PR

Vínculo institucional

2013 - 2013 Vínculo: Programador, Enquadramento funcional: Estágio, Carga horária: 20, Regime: Parcial

Revisor de periódico

1. Revista de Informática Teórica e Aplicada: RITA

Vínculo

2016 - 2017 Regime: Parcial

Produção bibliográfica

Artigos completos publicados em periódicos

1. CORREA, L. L.; **BORGUESAN, B.**; KRAUSE, M. J.; DORN, M. *Three-Dimensional Protein Structure Prediction Based on Memetic Algorithms. COMPUTERS & OPERATIONS RESEARCH*. v. 91, p. 160-177, 2018.

2. BRAUN, R. L.; **BORGUESAN, B.**; VERLI, H.; KRAUSE, M. J.; DORN, MÁRCIO. *Everyone is a protagonist: Residue conformational preferences in high-resolution protein structures. JOURNAL OF COMPUTATIONAL BIOLOGY*, v. 25, p. 451-465, 2018.

3. **BORGUESAN, B.**; INOSTROZA-PONTA, MARIO; DORN, M.
NIAS-Server: Neighbors Influence of Amino acids and Secondary Structures in Proteins. JOURNAL OF COMPUTATIONAL BIOLOGY. v. 24, p. 255-265, 2017.
4. CORREA, L. L.; **BORGUESAN, B.**; FARFAN, C.; INSTROZA-PONTA, M.; DORN, M.
A Memetic Algorithm for 3-D Protein Structure Prediction Problem. IEEE/ACM TRANSACTIONS ON COMPUTATIONAL BIOLOGY AND BIOINFORMATICS (Print). v. PP, p. 1-14, 2016.
5. **BORGUESAN, B.**; BARBACHAN e SILVA, M.; GRISCI, B. I.; INSTROZA-PONTA, M.; DORN, M.
APL: An angle probability list to improve knowledge-based metaheuristics for the three-dimensional protein structure prediction. COMPUTATIONAL BIOLOGY AND CHEMISTRY (Print). v. 59, p. 142-157, 2015.

Trabalhos publicados em anais de eventos (completo)

1. **BORGUESAN, B.**, NARLOCH, P. H., INOSTROZA-PONTA, M., & DORN, M.
A genetic algorithm based on restricted tournament selection for the 3D-PSP problem. Em: 2018 IEEE Congress on Evolutionary Computation (CEC). IEEE, 2018. p. 1-8.
2. OLIVEIRA, M.; **BORGUESAN, B.**; DORN, M.
SADE-SPL: A Self-Adapting Differential Evolution algorithm with a loop Structure Pattern Library for the PSP problem Em: 2017 IEEE Congress on Evolutionary Computation (CEC). IEEE, 2017. p. 1095-1102
3. **BORGUESAN, B.**; BOHRER, J.; BARBACHAN E SILVA, M.; DE LIMA CORREA, L.; DORN, M.
Improving protein tertiary structure prediction with conformational propensities of amino acid residues Em: 2016 IEEE Congress on Evolutionary Computation (CEC). IEEE, 2016. p. 9-15

Trabalhos publicados em anais de eventos (resumo)

1. BOHRER, J. S.; **BORGUESAN, B.**; DORN, M.
A distributed knowledge-based genetic algorithm for protein structure prediction, Em: Anais da I Escola Gaúcha de Bioinformática, 2015.
2. BARBACHAN e SILVA, M.; **BORGUESAN, B.**; DORN, M.
A knowledge-based particle swarm optimization for the protein structure prediction problem, Em: Anais da I Escola Gaúcha de Bioinformática, 2015.

Trabalhos publicados em anais de eventos (resumo expandido)

1. **BORGUESAN, B.**; DORN, M.
A Multi-Dependent Side-chain Rotamer Library for Protein Structure Prediction In: International Conference of the Brazilian Association for Bioinformatics and Computational Biology, Proceedings of the 11th International Conference of th AB3C + Brazilian Symposium of Bioinformatics (X-Meeting), 2015.
2. **BORGUESAN, B.**; BARBACHAN e SILVA, M.; DORN, M.
Side-Chain conformational analysis of the multi-dependent rotamer preferences of proteins, Em: Anais da I Escola Gaúcha de Bioinformática, 2015.

Apresentação de trabalho e palestra

1. **BORGUESAN, B.**; TORBES, A. R.; VERLI, H.; DORN, M.
A tool to building and manipulating 3-D structures of carbohydrates, 2014. (Congresso, Apresentação de Trabalho)
2. **BORGUESAN, B.**; GRISCI, B. I.; DORN, M.; INSTROZA-PONTA, M.
Using conformational preferences of amino acid residues and meta-heuristics to predict 3-D protein structures, 2014. (Congresso, Apresentação de Trabalho)

3. BORGUESAN, B.; BERTOLINI, G.

Aplicação do Software Simulador de Orçamento Empresarial com Dados da Controladoria Estratégica, 2013. (Outra, Apresentação de Trabalho)

4. BORGUESAN, B.; SANTA CATARINA, A.

O método *Best-Subset* incorporado ao sistema SAHGA SDM, 2013. (Outra, Apresentação de Trabalho)

Produção técnica

Programa de computador sem registro

1. BORGUESAN, B.; INSTROZA-PONTA, M.; DORN, M.

NIAS-Server: Neighbors Influence of Amino acids and Secondary structures in proteins - Server (<http://sbcb.inf.ufrgs.br/nias>), 2015

2. BORGUESAN, B.; TORBES, A. R.; DORN, M.; VERLI, H.

CarbM: a web tool to build three-dimensional structures of carbohydrates. (<http://sbcb.inf.ufrgs.br/carbm.html>), 2014

Demais produções técnicas

1. BORGUESAN, B.; CORREA, L. L.; BARBACHAN E SILVA, M.

Programação Python para Bioinformática, 2017. (Outro, Curso de curta duração ministrado)

2. BORGUESAN, B.; BARBACHAN E SILVA, M.; DORN, M.

Programação Python para Bioinformática, 2015. (Outro, Curso de curta duração ministrado)

3. BORGUESAN, B.

2ª EGB - Escola Gaúcha de Bioinformática, 2017. (Revisor de Artigos)

4. BORGUESAN, B.

1º ETC - Encontro de Teoria da Computação, 2016. (Revisor de Artigos)

Eventos

Organização de evento

1. DORN, M.; BRAUN, R. L.; VERLI, H.; BORGUESAN, B.

2ª EGB - Escola Gaúcha de Bioinformática, 2017. (Congresso, Auxílio na organização de evento)

Outras Informações

<https://www.linkedin.com/in/bruno-borguesan/>

https://www.researchgate.net/profile/Bruno_Borguesan

<https://github.com/bborguesan>