

Laboratorio 7: Contenedores y HPC con Singularity

Tal y como hemos visto en clase, Singularity es un tipo de plataforma de contenedores, similar a Docker, que permite al usuario construir contenedores y ejecutarlos en clusters HPC. Singularity presenta algunas ventajas frente a Docker, como que no necesita correr con un usuario con privilegios root, favorece la integración en el lugar del aislamiento y es más eficiente en el procesamiento de datos.

Por esta última característica es por lo que a un bioinformático puede resultarle muy interesante, ya que suelen trabajar con gran cantidad de datos.

El único aspecto negativo del laboratorio es que las instrucciones del apartado avanzado me han resultado confusas. El apartado dice que crees un fichero para ser lanzado con sbatch y que lo ejecutes lanzando la imagen de Singularity. Sin embargo, si yo lo he entendido bien, los tres apartados siguientes de descomprimir la base de datos, prepararla con makeblastdb y realizar la alineación también deben estar incluidos en ese fichero antes de ser ejecutado. Por ello, me ha resultado algo lioso y ni siquiera estoy segura de que mi interpretación sea correcta.