

Évolution *in silico*

Scénarios combinés et incorporation de la phylogénie

Estimation des changements de N_e dans les scénarios

Analyses bioinformatiques

Annotation des gènes gagnés et perdus

Estimation des changements de N_e le long de la phylogénie



Reconstruction d'une histoire évolutive

Comparaison des changements observés avec l'histoire de la Terre