Science des données III : cours 7



Classification supervisée (partie 1)

Philippe Grosjean & Guyliann Engels

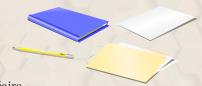
Université de Mons, Belgique Laboratoire d'Écologie numérique des Milieux aquatiques



http://biodatascience-course.sciviews.org sdd@sciviews.org



Objectifs du cours



- Découvrir la classification supervisée
- Savoir utiliser l'Analyse Discriminante Linéaire
- Calculer une matrice de confusions et des métriques dérivées pour quantifier les performances d'un outil de classification



Classification supervisée versus non supervisée

- La classification sert à regrouper les individus d'un jeu de données en différents groupes ou classes
- La classification *non* supervisée permet de choisir les classes librement (ex.: la classification hiérarchique et le dendrogramme)
- La classification supervisée permet d'utiliser un ordinateur pour apprendre à classer des objets selon nos propres objectifs ("machine learning" en anglais)
- Ces techniques sont très utilisées en fouille des données ("data mining"), en 'omics et en intelligence artificielle. Permet d'automatiser la classification d'un très grand nombre d'items. Ex.: pages Web.



Cadre général - 3 phases

Pour chaque item à classer, plusieurs variables sont mesurées (= attributs). Ces mesures peuvent être réalisées facilement sur tous les items à classer ultérieurement.

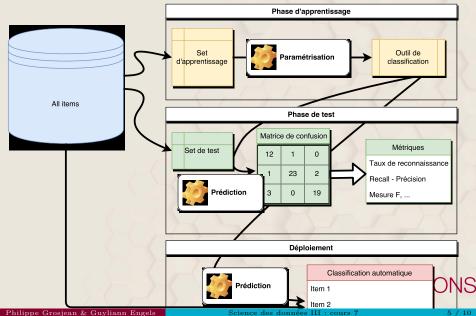
Un sous-ensemble représentatif d'items est classé manuellement. Ce sous-ensemble est ensuite divisé aléatoirement en set d'apprentissage et set de test.

Le travail se réalise en trois phases:

- Apprentissage : un algorithme est "entrainé" (paramétré) pour classer les items sur base du set d'apprentissage.
- Test : les performances de l'outil de classification sont vérifiées à l'aide du set de test.
- **Déploiement** : si les perfomances sont satisfaisantes, l'outil de classification est ensuite utilisé pour classer **automatiquement** tous les autres items; une classification manuelle n'est plus nécessaire.



Processus



Conditions d'application

- Tous les groupes sont connus et disjoints
- La classification manuelle est réalisée sans erreur
- Les mesures utilisées sont suffisamment discriminantes
- Toute la variabilité est représentée dans le set d'apprentissage
- Le système est statique: pas de changement des caractéristiques des items à classer



Evaluation des performances de classification

- L'évaluation doit **toujours** se faire sur un échantillon indépendant du set d'apprentissage = **set de test**. Sinon les résultats sont biaisés
- L'outil de base est une **tableau de contingence à double entrée** croisant la classification manuelle et la classification automatique, appelé aussi **matrice de confusion**

	Espèce 1	Espèce 2	Espèce 3	Espèce 4
Espèce 1	correct	erreur	erreur	erreur
Espèce 2	erreur	correct	erreur	erreur
Espèce 3	erreur	erreur	correct	erreur
Espèce 4	erreur	erreur	erreur	correct



Exemple de matrice de confusion

```
manuel
           <- c("A", "B", "C", "A", "A", "C", "B", "C", "B", "B")
automatique <- c("B", "B", "C", "C", "A", "C", "B", "C", "A", "B")
table(manuel, automatique)
```

```
automatique
  manuel A B C
    A 1 1 1
##
## B 1 3 0
## C 0 0 3
```

##



Métriques calculées sur la matrice de confusion

(voir document en annexe)

Métriques les plus importantes:

- Taux de reconnaissance global *versus* erreur globale
- Recall + précision au spécificité (par classe)
- Mesure F, balanced accuracy

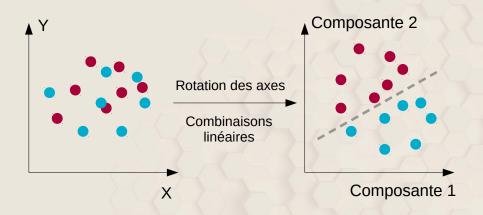
Calcul à la main et dans R

Sur base des formules, calculons ces différentes métriques sur base de la matrice de confusion d'exemple (voir plus haut)



Analyse Discriminante Linéaire (ADL)

Même principe que l'ACP : rotation du système d'axes des attributs, mais avec un objectif différent, de séparer les différentes classes au mieux.



Application sur iris

Calcul complet pour séparer les fleurs d'iris grâce à l'ADL dans R