

Fecha 2023	Clase	Tema	Contenidos	Horas
21 marzo	1	Linux basics	Sistema de archivos, conda, instalacion de programas, preparación de ambientes de trabajo	3
28 marzo	2	Formatos en bioinformática	FASTA, FASTQ, BED, GFF, VCF, SAM, BAM, TSV, CSV, otros	3
4 marzo	3	Llamado, anotación e interpretación clínica de variantes	Alineamiento de secuencias (BWA, Bowtie, HiSAT, STAR)	3
11 marzo	4		Llamado de variantes con (GATK, Samtool, Freebayes)	3
18 marzo	5		Comparar y consolidar variantes	3
25 marzo	6		Franklin, Annovar, VEP	3
Evaluacion 01				
2 mayo	7	Transcriptómica	Data mining GEO and SRA archive	3
9 mayo	8		Recuento de transcritos. Visualización PCA	3
Ann Bliss				
23 mayo	9		Expresión diferencial. Heatmaps	3
30 mayo	10		Enriquecimiento de vías	3
Evaluación 02				
6 junio	11	Machine Learning	Introducción a machine learning	3
13 junio	12		Árboles de decisión y clasificación	3
20 junio	13		tidymodels (paquete de R)	3
27 junio	14		Tutorial de clasificación	3
Evaluación 03				

Horas totales 42

