Extractions GéoNature

L'utilisation du package extractionsGeoNature nécessite l'installation de R et de RStudio :

R: https://cran.rstudio.com/

RStudio: https://posit.co/download/rstudio-desktop/

Il est ensuite possible de créer une copie du script R déjà présent dans le dossier "~BDD/EXPORT DONNEES/SCRIPT_EXPORT" et de le lancer.

Si le NAS n'est pas accessible, il est possible de télécharger une archive .zip du package à partir de ce lien : https://github.com/berenicegc/extractionsGeoNature, en cliquant sur "< > Code" puis sur "Download ZIP".

Après la décompression du fichier .zip, un script R doit être créé, sans oublier de charger le package :

library(extractionsGeoNature)

Import des fichiers nécessaires

La fonction **import** permet d'importer les fichiers nécessaires à l'extraction des données contenues dans les champs additionnels du fichier GéoNature. Deux fichiers sont nécessaires : la synthèse téléchargée sur la plateforme GéoNature et le fichier TaxRef.

Marche à suivre

- 1. Télécharger la synthèse en .csv sur GeoNature
- 2. Mettre le csv dans le même dossier que le script R utilisé ou spécifier le dossier dans lequel les fichiers sont présents dans l'argument 'path', le chemin devant être sous la forme "~/Downloads» (non recommandé car peut être source d'erreurs). Dans tous les cas, le fichier synthese_observations de GeoNature et TaxRef doivent être dans le même dossier.

Par défaut, si l'argument 'path' n'est pas précisé, les fichiers seront cherchés dans le même dossier que le script R.

Si plusieurs synthèses GeoNature sont présentes dans le même dossier, c'est le fichier le plus récent (téléchargé en dernier) qui sera importé, pour éviter l'ouverture de tous les fichiers en simultané et donc potentiellement la présence de doublons.

3. Préciser le nom des fichiers s'ils ont été changés avec les arguments 'geonature' et 'taxref'. Si les noms des fichiers n'ont pas été modifiés il n'est pas nécessaire de préciser ces arguments et les noms par défaut des fichiers téléchargés seront pris en compte. Attention, les noms de fichiers ne doivent pas contenir d'accents ou de

caractères spéciaux. Le nom des fichiers peut être écrit avec ou sans l'extension (.csv), toutefois les fichiers doivent obligatoirement être des .csv (et non des .xls ou .xlsx). Si l'import ne marche pas, relancer la fonction peut fonctionner.

Exemples

Import par défaut (fichiers non renommés et présents dans le même dossier que le script R) import ()

Import avec modification du chemin d'accès

```
import(path = "~/Documents")
import(path = "~/Downloads")
```

```
Import avec modification des noms de fichiers (les fichiers doivent être des .csv)
import (geonature = "BDD ABAURA.csv", TaxRef = "TaxRefv16.csv")
```

Extraction des colonnes d'intérêt

La fonction **extract** permet d'extraire les colonnes d'intérêt, contenues dans les champs additionnels de la synthèse GéoNature. Les colonnes peuvent être : plante, caste, station, année de détermination et méthode de capture. Un tri des données de plantes pourra également être réalisé dans la fonction.

Marche à suivre

1. Sélectionner les colonnes à extraire (plante, caste, station, annee_determination, methode) à l'aide de l'argument 'col.' Il est possible de ne sélectionner qu'une colonne ou plusieurs, l'ordre n'ayant pas d'importance.

Si une seule colonne est sélectionnée, la fonction s'écrit sous la forme extract(col = "plante").

Dans le cas où plusieurs colonnes sont sélectionnées, la fonction prend la forme extract(col = c("plante", "caste", "annee_determination")) par exemple, c() permettant de combiner des valeurs.

Par défaut, si l'argument "col" n'est pas précisé, toutes les colonnes sont sélectionnées.

2. Sélectionner le degré de précision taxonomique choisie ("famille", "genre" ou "sp") à l'aide de l'argument "precision_taxo". Si un rang taxonomique plus grossier est sélectionné (famille ou genre), les rangs plus précis seront conservés. Par exemple, si on autorise de conserver une précision allant jusqu'à la famille, les observations allant jusqu'au genre ou à l'espèce seront conservées.

Par défaut, toutes les observations sont conservées et aucun tri n'est effectué.

La fonction extract peut simplement s'écrire extract(), dans ce cas toutes les colonnes utiles des champs additionnels seront extraites et toutes les données de plantes seront gardées (même les observations NA ou les données ne renvoyant pas à un cd nom dans TaxRef).

Il faut compter environ 2 minutes d'attente pour l'export de toutes les colonnes et pour une base de données d'environ 100 000 observations

Exemples

Extraction par défaut (toutes les colonnes des champs additionnels et sans mise en place d'un filtre sur la précision taxonomique)

```
extract()
```

Extraction avec sélection de colonnes

```
extract(col = "plante")
extract(col = c("plante", "caste", "station",
"annee_determination", "methode"))
```

Extraction avec filtre par précision taxonomique (la colonne 'plante' doit obligatoirement être sélectionnée pour préciser cet argument)

```
extract(col = "plante", precision taxo = "sp")
```

Export du fichier final

La fonction 'export' permet d'exporter la base de données finale, contenant les variables sélectionnées.

Par défaut, le fichier est appelé "export_final_GeoNature.xlsx" et est stocké au même endroit que le script R.

Il est possible de changer le nom du fichier à l'aide de l'argument 'fichier', en spécifiant l'extension .xlsx (par exemple : fichier.xlsx).

Il est également possible de changer le chemin d'accès à l'aide de l'argument 'path', qui doit être sous la forme «~/Documents» ou «~/Downloads», comme pour la fonction 'import'.

Exemples

Export par défaut (fichiers non renommés et présents dans le même dossier que le script R) export ()

Export avec modification du chemin d'accès

```
export (path = "~/Documents")
export (path = "~/Downloads")
```

Export avec modification des noms de fichiers (les fichiers doivent être des .csv)

```
export(fichier = "BDD_ABAURA.xlsx")
```